ERRATA

Revised Translation Start Site for *secM* Defines an Atypical Signal Peptide That Regulates *Escherichia coli secA* Expression

SHAMEEMA SARKER, KENNETH E. RUDD, AND DONALD OLIVER

Department of Molecular Biology and Biochemistry, Wesleyan University, Middletown, Connecticut 06459, and Department of Biochemistry and Molecular Biology, University of Miami School of Medicine, Miami, Florida 33101

Volume 182, no. 19, p. 5592–5595, 2000. Page 5594, Fig. 4B: The first bar in each series is for CG155 and should be white, and the second bar is for CG29 and should be black.

Pseudobactin Biogenesis in the Plant Growth-Promoting Rhizobacterium *Pseudomonas* Strain B10: Identification and Functional Analysis of the L-Ornithine N^5 -Oxygenase (*psbA*) Gene

C. AMBROSI, L. LEONI, L. PUTIGNANI, N. ORSI, AND P. VISCA

Istituto di Microbiologia, Università di Roma "La Sapienza," Dipartimento di Biologia, Università di Roma Tre, and Unità di Microbiologia Molecolare, I.R.C.C.S. "Lazzaro Spallanzani," 00100 Rome, Italy

Volume 182, no. 21, p. 6233-6238, 2000. Page 6235: Fig. 1 should appear as shown on the facing page.

IucD1	. 25 . 26 . 24 E E 40 E D 40 E D 40 E Q Q 70 . 82
lucD1 T T F E L D C L F F D E H P H F S WH P G M L V P D C H M Q T V F L K D L V S A V A P T N P Y S F V N Y L V K H K K F Y R F L T S R lucD2 L E E L N C L F F D E H P H F S WH P G M L V P D C H M Q T V F L K D L V S A V A P T N P Y S F V N Y L V K H K K F Y R F L T S R lucD2 L E E L N C L F F D E H P H F S WH P G M L V P D C H M Q T V F L K D L V S A V A P T N P Y S F V N Y L V K H K K F Y R F L T S R AlcA L R G V R T L F L D K K S G F D W H P G M L I E T S T L Q N P F E A D L V G L A D P R S E Y S Y L N Y C K L T N R I Y S Y Y M R E RhbE H E N L S N V F L E R K P A F R W H E G L I L P G T T L Q V P F M A D L V T M A D P T H R L S F L N Y L A V H D R L Y K F Y F Y E P'dA1	L R 22 L R 22 N II 23 N F 71 T F 146 Q G 125
lucD1 T Y S R E F S N A A E D N N L Y S H T Y S N N N N N Y Y S N N S N Y Y S N N N Y Y S N N Y S N Y Y S N N Y Y S N Y S N Y Y S N Y Y S N Y Y S N Y Y S N Y Y S N Y Y Y S N Y Y S N Y Y S N Y Y Y N N N Y Y S N Y Y Y N N N Y Y Y N N N N N N N <td>Q H 1.55 R · 135 · 155 · 156 · 156</td>	Q H 1.55 R · 135 · 155 · 156 · 156
lucD1 T.S. Q.G. E.Y. F.A. R.N. I.C. L.G. T.G. K. Q. P.Y.L. P.P. C. Y. K.H.M.T.Q.S.C. F. H.A. S.E.M. N.L. lucD2 T.S. R.G. E.Y. F.A. H.N. I.C. L.G. T.G. K. Q. P.Y.L. P.P. C. V. K. H.V.T.Q.S.C. F. H.A. S.E.M. N.L. lucD2 T.S. R.G. E.Y. F.A. H.N. I.C. L.G. T.G. K. Q. P.Y.L. P.P. C. V. K. H.V.T.Q.S.C. F. H.A. S.E.M. N.L. lucD2 T.S. R.G. E.Y. F.A. H.N. I.C. L.G. T.G. K. Q. P.Y.L. P.P. C. V. K. H.V.T.Q.S.C. F. H.A. S.E.M. N.L. AlcA. T.M. S. G.Q.R. F.M. F.R. C.R.K. L.Y.L.G. L.G.S. Q. P.Y.L. P.A. C. C. D. R. R.A.A. P.F. I.H.S. S.E.F. N.L. RhbE. S.A.S. G.G.K.Q.Q.Y.R. S.R.N. I.A. I.G.Y.G.T.A. P.F.T. P.K. WA.Q. I.K.T.L.A.P.L.M.H.S.S.E.F. G. R. PvdA1. L. V. R.T.T.R.A. L.Y.V.S.P.G.G.T.P.R.T.P.K. WA.Q. I.K.T.L.A.P.L.M.H.S.S.E.F. G.R. PvbAA. F. V.R.T.T.R.S.V.Y.V.S.A.G.G.T.P.R.T.P.K. WA.Q. I.K.T.L.A.P.L.M.H.S.S.E.F. G.R. PvbA2. R.O.Q.RV.T.R.A.L.S.V.G.Y.G.G.T.P.R.T.P.E.A.F.K.G.D. H.R.V.F.H.H.S.S.F.F. G.R.V.F.H.H.S.S.S.Y.L.E.H.M.A.K.Q. PvdA2. R.O.Q.RV.T.R.A.L.S.V.G.Y.G.G.T.P.R.T.P.E.A.F.K.G.D. H.R.V.F.H.H.S.S.S.Y.L.E.H.M.A.K.Q. H.R.V.F.H.H.S.S.S.Y.L.E.H.M.A.K.Q. PvdA2. R.O.Q.RV.T.R.A.L.S.V.G.Y.G.G.T.P.R.T.P.E.G.F.PQ.H.H. D.R.V.L.H.S.S.S.Y.L.T.D.I.D.R.L. H.R.V.H.S.G.F.Y.T.D.S.M.L.K.L.E.P.E.L.H.KAA.S.L.	• • 200
NADPH DOMAIN lucD1 P D L	F T 234 I S 242 F T 244 F A 258 F S 258 F S 258
lucD1 7 E Y I S G F S G L E E D I R H Q L L D E Q K M T . S D G I T A D S L L T I Y R E L Y H R F E V L R K	S V 296 E L 362 A V 365 - M 315 T L 316 A N 312 N H 361
IucD1 T <td></td>	
lucli j k N T F K V R D D T T L E W S G P K E N N I F V V N A S M Q T H G T A E P Q L S L M A W R S A R T L N R V M G R D L F D L S M P lucli j K N T F K V R D D T T L E W S G P K E N N I F V V N A S M Q T H G T A E P Q L S L M A W R S A R T L N R V M G R D L F D L S M P Alca A W N A D G S Y R I C R N Y A I D H E G S E T F V Q N T G L L S H G V T N P D L G F C Y R N S Q T L R E L T G T E H Y R I E T R RhbE E W G D L V Y G G D F R A R R S D G G K G H Y R V Q N A E T F H H G Y G A P D L G L G A F R N A V H V N Q L L G R E H Y R V N A S PdA1 G D H E T G R D Y R L Q P T S A A R . W	P A 417 T A 422 A S 429 S T 426 S L 425 S R 429
IucDI H. I Q WR S G T IucDZ T. I Q WR S G S R K N P Q P E A A S L T H Y T A N I Q E AlcA T Q R F S P P A D G V T K H R P A R R A E R R P T V A A R P L M D I H R A T L RhbE F Q K F G L P S S Q T A P S S I S G D F Y A H A S PvdA1 PsbA Y E H G K Q R G H S R S V A E L L L A T A S PvdA2 P R T M K A W P G P R T K N D Hydro Sid1 R L L P S K R W L A K T K P R T Y P K P R S T C W A A T R Q R T A C R T V C	445 _ 461 454 454 445 445