

Dataset S2. Primers used in this study.

Category	Primer name	Primer sequence (5'-3')*
Gene deletion	CME1-1F	GCAGGTCACACGATGGGTTTC
	CME1-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGCGTTGTGTTGTGTGCGTGA
	CME1-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTGCAATTGTTGATGATATGGAGCG
	CME1-4R	CCCTTCGACTTTTGCCACATC
	CME1-5F	CTCAATCCCCGAAAGACGTC
	CME1-6R	GGCCCTCAAGGACATCATAACAG
	CME1-7F	CAGTAACAGAACCGGCGATC
	CME1-8R	TACATCCCTCTTGCCTCACC
	CME1-TK2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCTAATTAAGCGAGGATGGATGCG
	CME1-TK3F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACCAACCATGGAAAAAGGCGTT
	CME3-1F	AGCTTCTGACCGCAATGCC
	CME3-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCCTTCAAGTGGCCGACAACG
	CME3-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTGCCTTTCTGCGTCATGATCAAG
	CME3-4R	CTAAGCCATGGAAGTGTAACTGTAC
	CME3-5F	CCTACCCGACGCGATCGTTAT
	CME3-6R	TTCTGCTTGAGCCTGTAATGC
	CME3-7F	ATCAGCCATATCGTCAGCGTG
	CME3-8R	GACATGGGCAAGCAAGGTCC
	CME5-1F	TTTTTCATCATAGCGTGGGTCATTGG
	CME5-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGACAGTTAGCGACTGGAGTGTTC
	CME5-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTATGGCGATGAGGTGACCTGTATAAT
	CME5-4R	GACTTCGTTTGGTTTGCATGGTT
	CME5-5F	GCTGTGGAAAGACGCATACCATTAC
	CME5-6R	TAGCAGAGTGCTCATAGGCTGTTCCG
	CME5-7F	ACACATTCTCAATAGTGCTCTATCC
	CME5-8R	CGTCTCGTCTTCTATCCAATCATCA
	CME5-TK2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCTCGGTGTTTACTCGTTATGCGGT
	CME5-TK3F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACGGTGACCTGTATAATAACGCTCGTG
	CME6-1F	GATGCGCAACATAGTCTGACAG
	CME6-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCCAATGGTGTGACAGTGAGAGAGATG
CME6-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTCGTAGCAGTAAACAGGGATGGAA	
CME6-4R	GTGTTGAGGGTCCAAGAACTC	
CME6-5F	CGATGGCCTTGAGGAACGTTAT	
CME6-6R	CAGCTCGCGTCGTCATCATC	

Category	Primer name	Primer sequence (5'-3')*
	CME6-7F	CAGCGTAGTAAC TTTGTGAATCAG
	CME6-8R	GTACTCCTGAGTCAGTGACAGATG
	CME6-TK2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCCAATGGTGTGAC AGTGAGAGAGATG
	CME6-TK3F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACCGTAGCAGTAACA GGGATGGAA
	CME7-1F	CGTAAGGAGAGTAGCCATCCCAAGT
	CME7-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCAGACTGATTCTC GGTCCCTTTGTTG
	CME7-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTTGCTCGTCGAA TGGTCTCAGGT
	CME7-4R	ACGGAGACTCTGAGGATGAGGAATG
	CME7-5F	CTTTGAAGCCCGCTATCAGATTGTT
	CME7-6R	GCCAACAAAAGTTTCGCCTTCTAC
	CME7-7F	CTCTCTCCTCCGCTGATAACAT
	CME7-8R	ATTCTGGATGGTAAGGACTACCTCG
	CME7-TK2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCAGACTGATTCTC GGTCCCTTTGTTG
	CME7-TK3F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACTGCTCGTCGAATG GTCTCAGGT
	CME8-1F	CTTCTGTAGCCAGGATCCCAAG
	CME8-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCCGAGGCGAAAA TTGCGAGTTAG
	CME8-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTGGAAGAGTCGA AACAGCATGAT
	CME8-4R	ATCTTCATCGTTCCATGGCGC
	CME8-5F	CATACGACAGTTGCCACATT
	CME8-6R	TTCTTGACTTCAGGTTCCCAAT
	CME8-7F	AGTGTGCAAGTCGGAGCG
	CME8-8R	CTTACCCGCCTCAGTCCAAC
	CME9-1F	GCCCTGCCATTTCTCTGGTC
	CME9-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGTTCTGTTGGCC CAGGTAGTTG
	CME9-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTGAAGCATGAGG CATCAGA ACTG
	CME9-4R	GTCTCATT CATCTGACCTCCTCG
	CME9-5F	CTCCTATTGCTGCCGATT CG
	CME9-6R	GAACCGCAAAGGCATCGTGT
	CME9-7F	GAGGGCCTCAGATATATGACACG
	CME9-8R	GTCCCCTATATGGTTTCAAGCACG
	CME10-1F	GATTCTGGGGCCTTGAGCTTC
	CME10-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGGTGTCTTTCTG GAGTGGT CG
	CME10-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTGGTTCTCATGT GGATGCTCTTG
	CME10-4R	GGTTTCACTGCTCTGCCAG
	CME10-5F	CCATGCCGAAGAGATTGATGAG

Category	Primer name	Primer sequence (5'-3')*
	CME10-6R	CACCCATTTTCGTTGGTTGCC
	CME10-7F	ATACGCCATGGCCTCTATCAG
	CME10-8R	GGATATCTCGACACTCCCTTTGG
	CME10-TK2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGGTGTCTTTCTG GAGTGGTCG
	CME10-TK3F	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGGTTCTCATGTG GATGCTCTTG
	CME11-1F	CTGAGACGATGGGTGGATGG
	CME11-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGAGATGGGCGA CGGATGTAA
	CME11-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTGGGCGAACATC ATTGGGCTTCA
	CME11-4R	AGAACCCAGGAGAAGCCAAC
	CME11-5F	AAGAGGATGACGATGACGACGAT
	CME11-6R	AAGACCACCAACCTTGCTGAAGT
	CME11-7F	ATGACAGACAGTGAATGAACGGA
	CME11-8R	GCTATTGAATCTGCAGCTACAG
	CME11-TK2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGAGATGGGCGA CGGATGTAA
	CME11-TK3F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACGGGCGAACATCAT TGGGCTTCA
	CME12-1F	CGTGATTGTCTGGAGGTTGTACAC
	CME12-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGAAAGAGAGTC GCAATCAGGAGA
	CME12-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTGGCTCGTTGCT TTCATTCCTAG
	CME12-4R	AGACGTGTCCCCGTTCCCTTC
	CME12-5F	GCCGAGGAGATGAAGGTTGTG
	CME12-6R	GCGTTTATCTATGGCGGTGAG
	CME12-7F	TGTCCTTTTTGGTGCGTGC
	CME12-8R	GTGCTGAATTGAAACGACAAATGC
	CME14-1F	ACACCGAACAATTGCTTTTTATGGG
	CME14-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCTACTTTTTGTCA TAGGGCTTCGTGC
	CME14-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTATCTAAGATGG CCTTGTTTCTTCCC
	CME14-4R	CAGGTTTCGCAATGATTCTGATGACG
	CME14-5F	TTGTTAACGGCAATGTCATATCAGC
	CME14-6R	ACACATCAAGGGCAAGACCACC
	CME14-7F	TCTCTATATTCCTTGCCCTGGT
	CME14-8R	GAGCGTCGATGATATTGAAAAGGTC
	CME15-1F	CCGAGTTGGTCTTGTTCTTCC
	CME15-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGGAACAAAGCC ACAAACAGGG
	CME15-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTGGAGACCACTT GAACACGTCG
	CME15-4R	GCCGATATGATGCCGTGTTG
	CME15-5F	GAACCATCGCCTCGATCGC

Category	Primer name	Primer sequence (5'-3')*
	CME15-6R	CTGCTGATGCTGGAAGGCTC
	CME15-7F	CAGGAAAAGAAGGCAACAGGAG
	CME15-8R	CATACCCTTTTCGTTTTGCGCC
	CME16-1F	AGGTGCTGGAGGAGTCAGGATTGG
	CME16-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGATTGTCTAACC AAACGGTCAGCG
	CME16-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTTGAGGTTCTC TGGAGAATGTTGTC
	CME16-4R	CTCACCATTTCGCAACGACGCC
	CME16-5F	CCAACGGTGTGTAATAATTGCTAGAG
	CME16-6R	ATCCTGGACTTTGCCGCTGTAAT
	CME16-7F	GATGAGCGTTGTTAGGTAGGC
	CME16-8R	TGAGCTTCCTTTCAAGTCTCAGATT
	CME19-1F	AGCCACACATTTGTTTGTTC
	CME19-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCCGTTGAAAGTAG TAGCGAAGGG
	CME19-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTGAGTATATCCC ACTGGCTCGG
	CME19-4R	CCGAGAACCACCGTAAGTACTC
	CME19-5F	GCCAAAGTTCTCGCTGATAAGG
	CME19-6R	GCCTTGGAGTTTCTTAGCGC
	CME19-7F	GCCAGGATACAGCACAAAGC
	CME19-8R	CAAAGAGCGCTGCTGGAGG
	CME21-1F	GCATACCCTGGTCGGACTTG
	CME21-2R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGTGACAACGAG ATGAGCTGAGG
	CME21-3F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGCGGGTTGTTTCTGTTAT TCATCTCGTCGTG
	CME21-4R	CTCATACGGCGTTTCACACTTCC
	CME21-5F	CATTCTGCCCATCGACTGTTATC
	CME21-6R	ATCTTCAAGCTTGTGCGAGTTCTTC
	CME21-7F	CTCATTCAACTACGCTTCAGTCATC
	CME21-8R	CCACGTCCTTCGATATCTCTCG
Common primers for gene deletion	HYG-F	GGCTTGGCTGGAGCTAGTGGAGGTCAA
	HY-R	GTATTGACCGATTCTTTCGGTCCGAA
	YG-F	GATGTAGGAGGGCGTGGATATGTCCT
	HT-R	GGTTCCCGGTCGGCATCTACTCTATTC
	H856R	ATCAGCCCCACTTGTAGCAGTAGC
	H855F	GTCGATGCGACGCAATCGT
	H850	TTCCTCCCTTTATTTTCAGATTCAA
	H852	ATGTTGGCGACCTCGTATTGG
	HT-detectF	GCCGATCTTAGCCAGACGAG
	HT-detectR	GCGGTGCGATGTGTCTGTCTCCTC

Category	Primer name	Primer sequence (5'-3')*
	HT-matchR	GGATGAGGGCCACGAACGCCAGCAC
	HT-matchF	TCGGTCAATACACTACATGGCGTG
	HT-856R	GCTACTGCTACAAGTGGGGCTGAT
	HT-855F	GCTAACTGAAGTAGATGCCGACCG
Under-edited mutation	CME1-e1F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACTTGGACCTGCAGC GTGAATG
	CME1-ue2R	GTCGCGGATCATCTCCATCG
	CME1-ue3F	CGATGGAGATGATCCGCGACGAGATTATTTCTCTCCAAG AGCACT
	CME1-e4R	GTTCGAAGCCAGAGTTCTGAC
	CME1-e5F	AAGGGTCTGATCTCTTTGGC
	CME1-e6R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGTCGCAGTCGT GTTTCTTTG
	CME1-e7F	GTGTCCTGCAACGTGCAAAG
	CME1-e8R	ATTCCAATTGCTGCTTCAGG
	CME1-detectF	TCTTGAAGACCAGGACCAGC
	CME2-e1F	GCCGGTAATCATGTGCGCTGG
	CME2-ue2R	AATAGCGCGAACCCCTAC
	CME2-ue3F	GTAGGGGGTTCGCGCTATTGTCATCTGGTCGCATGTTAC GCA
	CME2-e4R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCCTTTCGTGGCA TGCTGAGTC
	CME2-e5F	GAATAGAGTAGATGCCGACCGGGTTGCCTGTGCGTG CTGTAACCT
	CME2-e6R	GCAGCTGCATTACATATGGATGAG
	CME2-e7F	CCTTCCAATGTTATCTCGTCCATTC
	CME2-e8R	GGTGAGAGGAGCAAGGATCTTTGG
	CME2-detectF	CGTCTCTCATGTGCAACAAGCTT
	CME3-e1F	GCTTTGTTGACTTTTCGTGGG
	CME3-ue2R	GCACGTAGCACATTGTGCCA
	CME3-ue3F	TGGCACAATGTGCTACGTGCCATCAACATGGCATCTTGT ATG
	CME3-e4R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCTACCTTGGGCTA CTCTCTCG
	CME3-e5F	ACGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACCTTCAGTGAGGG TTTCTTTTCG
	CME3-e6R	ATGTTGGTGATGTGGAGGAG
	CME3-e7F	AATCTCGCGGGCAATGTCTC
	CME3-e8R	GACAACAGGGGTAAGGCTATC
	CME3-detectF	CGATGGACAGAAACGCGGTA
	CME5-e1F	GGCTCCTACAGACTGGCTTCACCG
	CME5-ue2R	CATGCGTCTCGCTTGACCTTGAGTC
	CME5-ue3F	GACTCAAGGTCAAGCGAGACGCATGAACATGAGCAGTA CTCGC
	CME5-e4R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGCAAAGGTAAAA GCCAATCCAACCG
	CME5-e5F	ACGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACCATAACTCTGAC TTTGATGGAGGCTTA
	CME5-e6R	GTAACCTGAGCAGGTCACGCCCTA
	CME5-e7F	AACCAAACAGCAGGTGCCAACATCT

Category	Primer name	Primer sequence (5'-3')*
	CME5-e8R	ATCAATTTGGGGAGAGGCCGAGTTT
	CME5-detectF	GACTGCTCTCCGCACAGCCATG
	CME6-e1F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACCGCTCTGCAACTT TGATTCCG
	CME6-ue2R	CGGCCCTCTTCTT C ACGACC
	CME6-ue3F	GGTCGT G AAGAAGAGGGCCGTAGTAGCGATCTCTATGC TTGCC
	CME6-e4R	GGATCGTCTTGCCCTTGAG
	CME6-e5F	CCCACTGAGTGACATTACCAAAC
	CME6-e6R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCACGGACAAAGC CATCATTAGAC
	CME6-e7F	GGCCGTCCAAC TAGAATTCT
	CME6-e8R	CAATCCTCCGTGCTGAACAG
	CME6-detectF	TTATAATCGCTCTGCCTCGC
	CME7-e1F	CCATCACACAGCAACAAGAC
	CME7-ue2R	CCTCCTCGTTCTT C GCGGCA
	CME7-ue3F	TGCCGC G AAGAACGAGGAGTTGCCCGTATCGCTGCTG AG
	CME7-e4R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCACAAGAAGTGAC GTCAAAACAAC
	CME7-e5F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACCAGTCTGAAGGTA TCAAAAGCC
	CME7-e6R	CTCTCCCAATTACTTCTCGC
	CME7-e7F	CACTAAGAACACGCCTATGGAG
	CME7-e8R	TCCAAATCCCCCGAGAAATC
	CME7-detectF	CCTAGAGGCGCTGATGGTAC
	CME10-1e1F	ACCGCGTTACTACTATGTTA
	CME10-1ue2R	ATTGCTGTACGTT C AGAAGAAT
	CME10-1ue3F	ATTCTTCT G AACGTGACAGCAATCGTTTTCGCAGCAACCT CAAC
	CME10-1e4R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGCAACTCCATT GCTGATTCTG
	CME10-1e5F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACTCGAATGTAGGCA CTGGTGT
	CME10-1e6R	CGCACCTCTCATCTTTACTGG
	CME10-e7F	ACTTAACCCTTCATTGGTGC
	CME10-e8R	GGAGGGCATTCTGGAATCG
	CME10-1detectF	CAGTGACTATGAGGATGACGAC
	CME10-2e1F	ACCGCGTTACTACTATGTTA
	CME10-2ue2R	CAAAACAAGAGGGACATAGTT C GA
	CME10-2ue3F	TC G AACTATGTCCCTCTTGTTTTG AACTATTTGCCCATCAAGATGT
	CME10-2e4R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCGCAACTCCATT GCTGATTCTG
	CME10-2e5F	TCGAATGTAGGCACTGGTGT
	CME10-2e6R	CGCACCTCTCATCTTTACTGG
	CME10-2edetectF	GTTTCGCAGCAACCTCAACA
	CME11-1F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACAATTGAATGTGCA GCGAGGC
	CME11-ue2R	CCTACGCGT G ATAGGCACATC
	CME11-ue3F	GATGTGCCTAT C ACGCGTAGGACTCGTGGAAGTCGCGC CAA
	CME11-e4R	GCACCAGCTCCATCGAGGTTT
	CME11-e5F	GGCCCAAGTGATTCTGTTTATG

Category	Primer name	Primer sequence (5'-3')*
	CME11-e6R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCCCTGATCACATT TCCACGTATTC
	CME11-e7F	CCATGAACCCGAACTGGTAC
	CME11-e8R	CTTGATTTTGCCGACGTTGG
	CME11-detectF	AGCGGAGGAATTCTATGAGC
	CME20-e1F	CGTCCGCAATGTGTTATTAAGTCGACGTACCAGTATTTT CCACCAGTGT
	CME20-ue2R	CTGCCCTCCTGCAGCACCTT
	CME20-ue3F	AAGGTGCTGCAGGAGGGCAGCTTGAAACGTCAGGTGGC GG
	CME20-e4R	GGTGTGCCTTTCTAATCTTGGTC
	CME20-e5F	GTACAGATGAAGCGCTCGGA
	CME20-e6R	TTGACCTCCACTAGCTCCAGCCAAGCCATCATGAGACAT TCTATTTGCCTTC
	CME20-e7F	CAATCCAACAACAGCAGCTC
	CME20-e8R	TCGATGAGTTCTCCGCCAAC
	CME20-detectF	CCTATTCTAGACGAGGTGGG
Over- edited mutation	CME1-oe2R	GTCGCGGATCAATCCATCG
	CME1-oe3F	CGATGGATGTGATCCGCGACGAGATTATTTCTCTCCAAG AGCACT
	CME3-oe2R	GCACGTAGCACATCATGCCA
	CME3-oe3F	TGGCATGATGTGCTACGTGCCATCAACATGGCATCTTGT ATG
	CME5-oe2R	CATGCGTCCAGCTTGACCTTGAGT
	CME5-oe3F	ACTCAAGGTCAAGCTGACGCATGAACATGAGCAGTACT CGC
	CME6-oe2R	CGGCCCTCTTCTGACGACC
	CME6-oe3F	GGTCGTCAAGAAGAGGGCCGTAGTAGCGATCTCTATGC TTGCC
	CME7-oe2R	CCTCCTCGTTCTCAGCGGCA
	CME7-oe3F	TGCCGCTGAGAACGAGGAGTTGCCCGTATCGCTGCTG AG
	CME10-1oe2R	ATTGCTGTCACGTCAAGAAGAAT
	CME10-1oe3F	ATTCTTCTTGACGTGACAGCAAT CGTTTCGCAGCAACCTCAAC
	CME10-2oe2R	CAAAACAAGAGGGACATAGTCAGA
	CME10-2oe3F	TCTGACTATGTCCCTCTTGTGTTTTG AAACTATTTGCCCATCAAGATGT
	CME11-oe2R	CCTACGCGCAATAGGCACATC
	CME11-oe3F	GATGTGCCTATTGCGCGTAGGACTCGTGGAAGTCGCGC CAA
	CME20-oe2R	CTGCCCTCCGGAGCAC
	CME20-oe3F	AAGGTGCTCCGGAGGGCAGCTTGAAACGTCAGGTGGC GG
<i>CME11</i> - GFP ectopic expressio n	CME11-pDL2/F	CAGATCTTGGCTTTCGTAGGAACCCAATCTTCAATGGTC AGCAAGCGGAAGAGAG
	CME11-pDL2/R	CACCACCCCGGTGAACAGCTCCTCGCCCTTGCTCACGT AGTCGCGAGCTTGGCTAGGC
	Insert/F	CAATAAGTGAGTTACTGCGCACAAAGC
	Insert/R	CGTGCTGCTTCATGTGGTCCG
Ectopic expressio n of over-	02422-L1AD/F	TCATATGGCCATGGAGGCCAGTGAACCTCGTTAGCATCTC AACCTTACTT
	02422-L1G418/R	ACGGCAGAGAAATCGCAACCTCCGGGATCCCGGAACTG GTCGCCTTGTTCATGAT

Category	Primer name	Primer sequence (5'-3')*
edited allele in <i>CME11^{ue}</i> mutants	G418-L1/F	ATCATGAAACAAGGCGACCAGTTCCGGGATCCCGGAGG TTGCGATTTCTCTGCCGT
	G418-L2/R	CGCATAAAGACGAGACACAAAATCAGCCAGCAGTAGAC ACTTGGAATCTAAAC
	02422-L2G418/F	GTTTAGATTCCAAGTGTCTACTGCTGGCTGATTTTGTGTC TCGTCTTTATGCG
	02422-L2AD/R	CATCTGCAGCTCGAGCTCGATGGAAAAGATTGTGTTCCC TGAGTGATGT
	CME11-3UTR/R	ACGGCAGAGAAATCGCAACCTCTGCTACTAGACGAAGA CTTCCTGC
	PCME11-L1/F	ATCATGAAACAAGGCGACCAGTTATGTGCAGCGAGGCT CGAGAT
	02422/5F	CACTGATTCAAATCCCGTATAAGAA
	02422/6R	AATCTCAGCAGGACAAGCCTCGT
	02422/7F	GTCGCAGAGCATAACATCTTCAAAG
	02422/8R	AAGAATGATAGCATGAGAACCCAGC
	qRT-PCR	CME5-qPCR/F
CME5-qPCR/R		AGATCGGGATGAAGTGGCGTTGG
CME11-qPCR/F		GCTACCCAACACACCACCTACTT
CME11-qPCR/R		ACCCTCGGCGTCATCCTCCTT
GzUBH/F		TCTTAGGGCGATGCAGCAA
GzUBH/R		CTTGGTCCGGTCGAGAATCC

*Mutated nucleotides are marked in red.