

Gene	Log10.Fdr.	Max_Log2FC	Cluster.1	Cluster.2	Cluster.3	Cluster.4
OAS3	52,27	2,57	8,04	10,34	10,61	10,95
IFI44	44,94	2,94	7,88	10,83	10,8	10,76
XAF1	49,68	1,85	9,41	11,12	11,26	11,4
XAF1.1	26,28	1,75	9,41	11,12	11,26	11,4
EIF2AK2	39,37	1,52	9,64	10,89	11,16	11,22
ZBP1	35,96	1,27	9,99	11	11,25	11,45
MT2A	22,51	1,11	10,29	11,1	11,39	11,52
PRIC285	39,68	1	9,87	10,64	10,87	11,18
PARP12	44,8	1,19	9,27	10,38	10,46	10,54
PARP9	31,49	1,08	9,31	10,32	10,39	10,46
PARP9.1	21,13	1,04	9,31	10,32	10,39	10,46
PARP14	33,77	1,03	9,26	10,16	10,28	10,4
SCO2	29,98	1,09	9,21	10,12	10,3	10,28
HLA.DRB6.1	3,89	1,06	9,14	10	10,21	10,4
SAMD9L	40,43	1,44	8,9	10,07	10,34	10,45
TRIM22	30,86	1,3	8,93	10,23	10,11	10,14
IFI35	38,61	1,26	9,51	10,44	10,78	10,87
LAP3	30,08	1,23	8,74	9,75	9,97	10,15
TNFAIP6	12,03	1,22	9,49	10,58	10,72	10,15
TMEM123	13,75	1,08	9,87	10,95	10,72	10,39
OASL	43,47	2,08	8,76	10,5	10,83	10,93
OASL.1	32,63	1,02	8,76	10,5	10,83	10,93
OAS1	44,2	2,02	7,67	8,77	9,16	9,34
OAS1.1	41,67	2,05	7,67	8,77	9,16	9,34
OAS1.2	20,64	1,44	7,67	8,77	9,16	9,34
OAS1.3	16,11	1,49	7,67	8,77	9,16	9,34
IFIT3	43,33	2,24	7,32	9,12	8,99	9,34
IFIT3.1	34,41	1,82	7,32	9,12	8,99	9,34
IFIT3.2	33,85	1,8	7,32	9,12	8,99	9,34
HERC6	33,9	1,26	8	9,21	9,26	9,42
IFIH1	28,2	1,12	8,09	9,16	9,21	9,35
HES4	24,3	1,63	7,97	9,41	9,6	9,51
GBP1	19,9	1,22	8,3	9,48	9,43	9,45
GBP1.1	19,73	1,18	8,3	9,48	9,43	9,45
TIMM10	9,42	1,12	7,88	9	8,77	8,97
SAMD9	17,3	1,16	8,75	9,91	9,87	9,39
RSAD2	50,2	3,11	7,4	10,34	10,51	10,46
OAS2	49,7	1,81	9,9	11,47	11,72	12,1
OAS2.1	41,68	1,15	9,9	11,47	11,72	12,1
OAS2.2	33,18	1,28	9,9	11,47	11,72	12,1
HERC5	49,01	2,35	9,61	11,75	11,96	12
EPST11	48,91	2,41	9,47	11,7	11,89	12,01
LY6E	46,56	2,31	10,15	12,16	12,46	12,68
ISG15	43,77	2,76	9,84	12,6	12,5	12,59
IFIT2	35,59	1,7	10,45	12,01	12,15	12,18

IFI6	31,01	2,32	11,1	12,28	12,22	12
IFI6.1	11,92	1,18	11,1	12,28	12,22	12
SPATS2L	32,32	1,19	6,68	7,66	7,87	8,11
BATF2	19,51	1,07	6,83	7,46	7,9	7,93
USP18	30,76	1,31	6,36	7,52	7,67	7,92
RTP4	31,76	1,09	6,96	8,06	8,02	8,18
DDX60	30,09	1,18	7,05	8,23	8,17	8,21
OTOF	16,86	1,55	6,29	7,63	7,85	8,53
IFIT5	23,92	1,05	6,75	7,81	7,79	7,46
CHMP5	14,8	1,24	7,2	8,15	7,89	7,41
SERPING1	27,63	1,52	7,1	8,19	8,63	8,88
LOC10013051	5,6	1	7,94	8,14	7,51	7,67
MPP1	12,71	1,12	10,73	9,76	10,87	10,33
LOC650832	12,04	1,1	10,6	9,69	10,79	10,35
LOC440359	8,79	1,2	10,86	9,9	11,1	10,35
NRGN	7,1	1,08	10,72	9,75	10,83	10,64
FAM104A	11,11	1,03	10,55	10,06	11,09	10,17
MYL4	6,55	1,26	10,34	9,83	11,09	10,02
LOC388588	2,71	1,32	10,18	9,86	11,18	10,07
CARM1	8,29	1,11	10,72	10,07	11,18	10,78
FAM46C	8,13	1,32	10,93	10,18	11,5	10,21
EPB42	10,2	1,55	10,65	9,47	11,02	9,84
HBD	7,23	1,47	10,47	9,49	10,96	9,54
PI3	4,81	1,15	11,22	10,08	10,78	10,45
EPB49	9,38	1,56	10,22	9,31	10,87	10,09
C20orf108	12,02	1,4	10,08	9,1	10,49	9,34
RBM38	10	1,23	10,15	9,14	10,24	9,39
RBM38.1	8,85	1,11	10,15	9,14	10,24	9,39
SELENBP1	9,75	1,64	10,28	9,05	10,7	9,45
CDC34	8,86	1,01	9,83	9,14	10,15	9,38
LGALS3	5,47	1,01	9,69	9,15	10,16	9,26
TSPAN5	8,88	1,11	10,2	9,38	10,49	9,48
E2F2	8,16	1,15	9,99	9,22	10,36	9,86
PIP5K2A	11,41	1,24	9,1	8,17	9,41	8,62
C16orf35	5,19	1,05	8,67	8,09	9,14	8,81
TMEM158	4,46	1,14	8,81	8,18	9,32	8,67
SLC6A10P	10,08	1,56	9,02	8,11	9,68	8,97
IFIT1L	8,07	1,53	9,1	8,35	9,88	8,75
GYPE	7,4	1,35	9,04	8,41	9,77	8,4
IGF2BP2	9,8	1,11	9,4	8,6	9,72	8,93
GMPR	8,15	1,24	9,46	8,5	9,75	8,94
GRINA	8,43	1,22	8,96	8,45	9,38	8,98
RNF10	7,74	1,1	9,18	8,48	9,57	8,98
LCN2	3,7	1,05	9,1	8,7	9,75	8,91
PDZK1IP1	7,65	1,06	9,48	8,58	9,64	8,63
ST6GALNAC4	7,44	1,26	9,42	8,75	10,02	9,22

ST6GALNAC4	6,36	1,12	9,42	8,75	10,02	9,22
ALAS2	7,3	1,78	9,52	8,47	10,25	9,09
ALAS2.2	6,36	1,12	9,52	8,47	10,25	9,09
TMOD1	11,3	1,33	8,45	7,46	8,79	7,83
FECH	10,06	1,27	8,37	7,56	8,83	7,42
KRT1	7,27	1,38	8,36	7,37	8,75	7,6
GYPB	7,14	1,2	8,28	7,7	8,91	7,62
SLC4A1	7,06	1,09	8,32	7,38	8,46	7,66
OSBP2	10,44	1,42	8,74	7,42	8,84	7,99
TNS1	9,54	1,33	8,58	7,53	8,86	8,1
SMOX	6,97	1,03	8,36	7,65	8,67	8,33
SMOX.1	6,83	1,12	8,36	7,65	8,67	8,33
FKBP8	6,62	1,01	8,33	7,86	8,87	8,25
RAB3IL1	7,84	1,08	7,97	7,22	8,29	7,59
SLC6A8	8,71	1,18	7,66	6,94	8,12	7,57
RUNDC3A	6,5	1,02	7,63	7,01	8,03	7,4
TUBB2A	3,96	1,1	7,69	6,96	8,06	7,24
DPM2	9,9	1,11	8,73	7,96	9,07	8,25
VWCE	5,58	1,22	8,68	7,75	8,97	8,54
SESN3	11,32	1,1	8,82	8,3	9,4	8,19
HBZ	5,29	1,53	7,25	6,74	8,27	7,76
XK	11,15	1,29	7,73	7,27	8,56	7,19
CA1	10,29	1,61	9,58	8,7	10,3	8,42
GSPT1	11,71	1,04	12,02	11,24	12,28	11,52
ADIPOR1	11,29	1,35	11,91	11,05	12,26	11,56
ADIPOR1.1	11,23	1,21	11,91	11,05	12,26	11,56
WDR40A	10,88	1,23	12,05	11,14	12,38	11,32
STRADB	9,96	1,3	11,91	11,05	12,35	11,16
ASCC2	9,62	1,03	11,71	10,96	11,99	11,54
AHSP	8,59	1,2	11,91	11,35	12,56	11,08
SNCA	9,15	1,5	11,67	10,66	12,16	10,94
SNCA.1	8,59	1,39	11,67	10,66	12,16	10,94
LOC389599	10,78	1,47	11,31	10,36	11,83	10,71
BCL2L1	10,95	1,26	12,42	11,48	12,74	12,02
HBM	5,74	1,09	12,21	11,78	12,88	12,05
IFI44L	52,27	3,63	8,38	11,87	12	12,13
IFI27	28,73	4,44	7,77	11,16	12,2	12,02
LOC286444.1	5,39	1,1	12,74	12,75	12,41	12,49
RPS29.2	16,84	1,25	13,33	13,78	13,16	12,6
IFIT1	44,36	3,01	6,27	6,89	6,81	6,81
FBXO7	10,06	1,23	6,85	6,74	6,74	6,79
IRF7	39,68	1,36	6,11	6,14	6,16	6,2
IRF7.1	37,37	1,46	6,11	6,14	6,16	6,2
C5orf4	10,18	1,26	6,12	6,12	6,15	6,14
BPGM	6,56	1,09	6,11	6,13	6,2	6,1
MAP2K3	12,77	1,11	6,01	5,99	6,03	6,01

MBNL3	9,2	1,27	6,03	6,02	6,07	5,97
MBNL3.1	8,62	1,32	6,03	6,02	6,07	5,97
LOC10013111	9,43	1,59	5,92	5,94	5,98	5,95
BSG	6,09	1,04	5,97	5,98	5,95	5,96
ATP6V0C.1	9,25	1,01	6,28	6,32	6,32	6,28
ANKRD9	6,29	1,01	6,38	6,27	6,41	6,35
LOC728602	4,56	1,08	6,33	6,22	6,38	6,31
RPL26	14,07	1,06	8,59	9,53	8,48	7,67
MX1	48,07	2	11,31	13,05	13,31	13,59
IFITM3	23,57	1,73	11,66	13,27	13,39	13,6