

Gene	Log10.Fdr.	Max_Log2FC	Cluster.1	Cluster.2	Cluster.3
IFI44L	55,86	4,06	6,03	9,12	10,09
RSAD2	55,66	3,4	6,94	9,45	10,34
IFIT1	48,21	3,12	7,29	9,42	10,41
OAS1	53,46	2,42	7,71	9,36	10,13
IFIT3	49,99	2,08	8,67	10,19	10,74
MX1	46,39	2,48	8,27	9,85	10,75
IFI6	47,08	2,02	8,18	9,75	10,2
EIF2AK2	46,4	1,58	8,43	9,47	10,01
DDX58	42,02	1,25	8,66	9,42	9,91
SAMD9L	34,34	1,2	8,72	9,38	9,92
TRIM22	41,75	1,21	8,53	9,25	9,73
UBE2L6	27,82	1,07	8,67	9,27	9,74
IFIT2	42,55	1,71	8,66	9,7	10,37
PARP12	40,12	1,04	8,36	8,92	9,4
IFI44	55,66	3,12	6,13	8,61	9,26
CMPK2	53,46	2,52	6,45	8,37	8,97
EPSTI1	51,5	2,45	6,87	8,82	9,32
OAS3	50,72	1,98	7,32	8,79	9,3
LY6E	45,74	1,94	7,46	8,73	9,39
DDX60	47,4	1,73	7,32	8,46	9,06
PLSCR1	38,51	1,66	7,37	8,31	9,02
ZCCHC2	40,12	1,45	7,27	8,1	8,72
TNFAIP6	10,44	1,02	7,56	8,31	8,59
IFIH1	43,97	1,54	6,98	7,9	8,52
IFIT5	39,78	1,45	6,84	7,78	8,29
OASL	36,26	1,12	7,2	7,89	8,32
XAF1	42,91	1,31	6,81	7,44	8,12
CCR1	26,38	1,2	7,76	8,2	8,96
IL1RN	17,35	1,09	6,67	7,07	7,76
HERC5	49,42	2,66	7,12	9,01	9,78
ZBP1	41,17	1,31	6,11	6,96	7,42
ISG15	34,55	1,2	6,25	7,24	7,45
IFI27	18,56	1,65	6,06	7,27	7,7
JCHAIN	4,52	1,16	7,15	6,76	7,92
OAS2	49,75	2,33	6,27	7,59	8,6
SPATS2L	43,21	2,35	5,12	6,51	7,48
RTP4	33,32	1,31	5,68	6,33	6,99
USP18	41,91	2,46	3,9	5,28	6,36
SERPING1	24,87	1,78	3,79	5,03	5,57