

proton transport (GO:0015992) genes:

gene	gene_biotype	chr	external_gene_name	description	RR1044	RR1045
FBgn0010217	protein_coding	4	ATPsynbeta	ATP synthase, beta subunit	28843,4	28424,8
FBgn0010612	protein_coding	2L	ATPsynG	ATP synthase	2469,9	2540,3
FBgn0011211	protein_coding	2R	blw	bellwether	24277,9	23992,1
FBgn0014391	protein_coding	X	sun	stunted	2259,6	2213,5
FBgn0016119	protein_coding	3R	ATPsynCF6	ATP synthase, coupling factor 6	2532,9	2545,8
FBgn0016120	protein_coding	3R	ATPsynD	ATP synthase, subunit D	3126,4	3281,3
FBgn0016691	protein_coding	3R	ATPsynO	ATP synthase, oligomycin sensitivity conferring pr	3673,6	3635,8
FBgn0019644	protein_coding	3L	ATPsynB	ATP synthase, subunit B	3755,2	4137,4
FBgn0020235	protein_coding	3R	ATPsyngamma	ATP synthase, gamma subunit	5172,6	5073,8
FBgn0028342	protein_coding	X	ATPsyndelta	ATP synthase, delta subunit	3156,4	2836,0
FBgn0030872	protein_coding	X	Ucp4A		664,6	727,8
FBgn0031757	protein_coding	2L	Ucp4C		3,3	3,2
FBgn0031758	protein_coding	2L	Ucp4B	Uncoupling protein 4B	0,0	0,0
FBgn0034081	protein_coding	2R	CG10731		200,3	212,1
FBgn0035032	protein_coding	2R	ATPsynF	ATP synthase, subunit F	1845,1	2008,2
FBgn0036568	protein_coding	3L	ATPsynbetaL	ATP synthase, beta subunit-like	0,0	0,0
FBgn0038224	protein_coding	3R	ATPsynE	ATP synthase, subunit E	2441,0	2527,3
FBgn0039830	protein_coding	3R	ATPsynC	ATP synthase, subunit C	26798,2	26891,8
FBgn0051477	protein_coding	3R	ATPsynepsilonL	ATP synthase, epsilon subunit-like	0,0	0,0
FBgn0259111	protein_coding	2L	Ndae1	Na[+]-driven anion exchanger 1	193,6	533,8
FBgn0262511	protein_coding	2R	Vha44	Vacuolar H[+] ATPase 44kD subunit	5115,8	5355,5
FBgn0284252	protein_coding	2R	Letm1	Leucine zipper and EF-hand containing transmem	2948,4	2882,8

Gene ontology analysis of GO:0015992 genes :

	Overlap*	Adj.P.value	Significantly upregulated genes
upregulated in Pcif1^{M6stop}	13/23	3,45E-13	ATPsynbeta;Letm1;ATPsyndelta;Vha44;ATPsynCF6;ATPsyngamma;blw;ATPsynO;ATPsynD;ATPsynE
upregulated Pcif1^{F9ΔNLS}	12/23	2,88E-06	ATPsynD;ATPsynbeta;Letm1;ATPsyndelta;ATPsynC;ATPsynF;ATPsynE;ATPsynCF6;ATPsyngamma

* upregulated genes/all genes

								logFC (vs. control)		padj (vs. control)	
RR1046	RR1047	RR1048	RR1049	RR1050	RR1051	RR1052	baseMean	Pcif1 ^{M6stop}	Pcif1 ^{F9ΔNLS}	Pcif1 ^{M6stop}	Pcif1 ^{F9ΔNLS}
25709,5	34264,7	33979,5	38330,4	34238,7	33940,4	33496,3	32358,63	0,34	0,28	0,00	0,00
2257,3	2444,4	2603,1	2921,0	2669,0	2421,5	2579,0	2545,05	0,09	0,07	0,50	0,58
20817,4	29947,7	26832,3	28081,5	30412,1	28490,3	28122,4	26774,86	0,27	0,31	0,00	0,00
2444,1	2515,5	2442,4	2946,1	2564,3	2589,0	2459,4	2492,65	0,14	0,12	0,24	0,26
2395,1	2951,5	2890,4	3355,8	3306,6	2868,5	2979,6	2869,60	0,26	0,27	0,01	0,00
3097,1	3794,0	3894,7	4387,2	4420,6	4195,9	4116,4	3812,61	0,32	0,40	0,00	0,00
3415,9	3950,0	3953,3	4403,5	4028,1	3977,7	3893,0	3881,21	0,18	0,14	0,03	0,06
3514,5	4397,8	4460,3	5069,0	4627,5	4447,2	4396,3	4311,69	0,25	0,22	0,02	0,02
4697,2	5883,3	5749,2	6283,7	6270,5	6244,0	5716,8	5676,80	0,24	0,27	0,00	0,00
2871,7	3434,1	3338,0	3781,9	3502,2	3518,1	3342,9	3309,02	0,22	0,21	0,01	0,01
729,4	752,1	892,4	791,2	645,7	748,5	785,4	748,58	0,11	0,03	0,42	0,86
5,2	0,9	6,4	3,4	5,0	3,1	1,7	3,58	0,00	-0,01	0,98	0,90
0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,00	NA	NA	NA	NA
179,4	215,4	181,5	196,3	135,8	158,6	158,4	181,99	0,00	-0,30	0,99	0,07
1773,2	2378,9	2290,6	2610,3	2575,9	2498,3	2224,6	2245,02	0,33	0,35	0,00	0,00
0,0	0,0	1,3	0,0	0,8	0,0	0,8	0,33	0,00	0,01	NA	NA
2295,5	2550,9	2800,5	3014,5	3068,1	3009,8	3021,3	2747,67	0,16	0,32	0,10	0,00
26291,5	31745,0	31516,4	34832,4	35786,6	34329,6	32940,0	31236,83	0,28	0,36	0,00	0,00
1,2	0,0	2,3	0,0	4,2	0,0	1,5	1,01	0,00	0,01	NA	NA
244,7	311,8	911,7	684,7	324,5	454,7	531,2	465,64	0,06	0,10	0,24	0,54
4743,5	5447,7	6755,8	6699,9	5726,1	6322,6	5568,5	5748,37	0,25	0,19	0,04	0,11
2669,3	3323,7	3622,7	3307,0	3513,4	3411,6	3484,8	3240,43	0,25	0,28	0,00	0,00

ynC;ATPsynF;ATPsynE;ATPsynB

Δ;blw;ATPsynO;ATPsynB