

	control					moderate					severe					Contrast test p value		
	Animal 1	Animal 2	Animal 3	Animal 4	Animal 5	Animal 1	Animal 2	Animal 3	Animal 4	Animal 5	Animal 1	Animal 2	Animal 3	Animal 4	Animal 5	con vs. mod	con vs. sev	mod vs. sev
P_Cyanobacteria/Chloroplast	0.0000	0.0230	36.0990	1.5464	0.0000	4.6244	0.0689	4.8682	0.0476	19.0207	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.6326	0.052	0.1354
F_Acidimicrobiaceae	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0591	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.048	1	0.048	
O_Coriobacteriales	0.1071	0.0197	0.0588	0.0763	0.0888	0.0711	0.0717	0.0000	0.0000	0.2601	0.0000	0.0210	0.0000	0.0000	0.0897	0.809	0.2708	0.1818
O_Gaiellales	0.0000	0.0000	0.0053	0.0000	0.0000	0.0784	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0563	0.886	0.0413
O_Actinomycetales	0.0197	0.0856	1.2216	0.2691	0.2186	1.3795	0.7501	0.0234	0.0693	1.3015	0.0960	0.0000	0.0216	0.0000	0.0000	0.054	0.0556	0.0003
F_Prevotellaceae	0.1493	0.4706	0.6896	6.2942	0.8541	1.1781	0.5502	0.0070	0.2815	0.9235	0.0120	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.4111	0.2115	0.6622
F_Rikenellaceae	0.0676	0.7668	0.4304	4.9406	0.5840	1.5821	0.5116	0.0000	0.3465	0.9646	0.0200	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.7052	0.4207	0.7052
G_Bacteroides	0.0310	0.3883	0.3475	3.7596	0.6421	1.4892	0.7570	0.0164	0.1992	0.7708	0.0000	2.5824	0.0000	0.0150	0.0256	0.802	0.7417	0.937
F_Marinilibacteriaceae	8.6085	4.6466	1.8417	3.5186	4.3239	0.0880	0.0993	0.0000	0.0217	0.0390	0.0000	7.2223	0.0000	0.0000	0.0897	<.0001	0.0018	0.1373
F_Porphyromonadaceae	14.7064	16.4407	4.4105	11.2588	12.2409	1.2432	0.8149	0.1337	0.1949	1.0562	0.0640	1.5396	0.0518	0.0100	0.0513	<.0001	<.0001	0.855
O_Bacteroidales_NA	44.2347	36.6395	10.0478	23.3893	29.2223	2.5106	1.0783	0.0000	0.4418	1.3110	0.0520	14.2697	0.0000	0.0100	0.0385	<.0001	<.0001	0.6506
O_Cytophagales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0711	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0408	1	0.0408
F_Flavobacteriaceae	0.0000	0.0000	0.0214	0.0000	0.0000	0.0675	0.3778	0.0000	0.0000	0.0906	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0036	0.8978	0.0026
G_Bacteroidetes_NA	0.7721	0.5825	0.2219	0.5784	0.6250	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0242	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1061	0.1031	0.9885
F_Bacillaceae	0.0000	0.0000	0.0321	0.0000	0.0000	0.0000	0.1227	0.0000	0.0000	0.0232	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.058	0.5845	0.0167
O_Bacillales div.	0.0000	0.0000	0.0080	0.0000	0.0000	0.1013	0.0000	0.0000	0.0000	0.0716	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0027	0.8766	0.0018
G_Staphylococcus	0.0000	0.0165	0.1577	0.0000	0.0000	2.4454	9.1644	0.4995	6.7524	0.3917	4.8958	0.3289	4.2574	4.3726	2.5643	0.0002	0.0013	0.5454
F_Carnobacteriaceae	0.0000	0.0000	0.0401	0.0000	0.0000	0.0000	0.0290	0.0000	0.0000	0.0621	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.15	0.255	0.0126
G_Lactobacillus	8.3296	7.9768	5.0520	0.4981	0.4782	2.6191	0.7501	2.2746	6.3236	5.1461	0.2240	0.5319	0.0647	5.3670	3.8272	0.5001	0.1167	0.3605
F_Leuconostocaceae	0.0000	0.0000	0.0267	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0916	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1579	0.5561	0.0491
G_Lactococcus	0.0000	0.0000	0.0722	0.0000	0.0000	0.0567	0.1200	0.0000	0.0000	0.0727	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0086	0.2649	0.0004
G_Streptococcus	0.0000	0.0263	0.1577	0.0321	0.0000	0.3171	0.0634	0.0000	0.0000	0.3643	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.012	0.2863	0.0007
G_Enterococcus	0.0000	0.0132	0.3715	0.0321	0.0000	1.6641	21.2603	43.1057	11.2699	0.7877	33.0227	6.3755	37.3248	24.5665	8.7954	0.0023	<.0001	0.1858
F_Clostridiales_Incertae_Sedis_XIII	0.0451	0.0658	0.0535	0.0844	0.0717	0.1821	0.1117	0.0000	0.0000	0.0130	0.1190	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.8999	0.7022	0.6118
O_Clostridiales_NA	1.5639	2.6359	0.1550	3.3299	5.5057	0.7259	0.2675	0.0000	0.1689	0.3475	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.7515	0.7207	0.9673
G_Acetatifactor	0.0141	0.0395	0.0428	0.1366	0.1298	0.0398	0.1200	0.0000	0.0000	0.0453	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.3986	0.0571	0.274
G_Acetitomaculum	0.1127	0.2304	0.0802	0.0763	0.2220	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	<.0001	<.0001	1
G_Anaerostipes	0.6227	0.5825	0.1016	0.2249	2.5547	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0080	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0006	0.0006	0.9942
G_Blaeutia	0.0113	0.0000	0.0160	0.0161	0.0683	0.0096	0.0000	0.0000	0.0000	0.0821	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.7975	0.1555	0.241
G_Butyriivibrio	0.0113	0.0165	0.1283	0.6668	0.0717	0.0350	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.2999	0.281	0.9661
G_Clostridium_XIVa/XIVb	0.5044	3.2579	0.2085	0.3093	1.0246	0.0772	0.0234	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0009	0.0007	0.9444
G_Eisenbergiella	0.8454	0.0625	1.0505	0.6306	1.2569	0.2026	0.0303	0.0000	0.0130	0.2232	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.6056	0.5578	0.9429
G_Hungatella	0.2198	0.0000	0.0000	0.0442	0.3245	0.0386	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.022	0.0148	0.8676
G_Marvinbryantia	0.1155	0.1382	0.1069	0.1888	0.0751	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0080	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1728	0.1782	0.9859
G_Roseburia	0.1014	0.0000	0.0374	0.0000	0.1913	0.0265	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1725	0.1389	0.9039
P_Lachnospiraceae div.	0.0000	0.0296	0.0000	0.0201	0.0581	0.0880	0.0000	0.0000	0.0000	0.0495	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.8446	0.4793	0.3678
F_Lachnospiraceae_NA	6.7628	8.5758	1.5263	15.3278	18.5355	1.1962	0.2744	0.0047	0.0347	1.0793	0.0120	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0002	0.8328
G_Acetanaerobacterium	0.1296	0.2896	0.0267	0.0442	0.1332	0.1435	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.035	0.0073	0.5166
G_Anaerotruncus	3.4800	3.9983	0.2887	1.3255	5.1026	0.1459	0.3047	0.0000	0.0130	0.0190	0.0000	0.0000	0.0000	0.0150	0.0000	0.0001	0.0001	0.8825
G_Butyricoccus	0.0451	0.7536	0.0241	0.0924	0.7002	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0003	0.0003	1
G_Flavonifractor	0.0845	0.2271	0.0347	0.1044	0.1298	0.0265	0.0483	0.0000	0.0000	0.0200	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.02	0.0062	0.6377
G_Intestinimonas	0.0592	0.1612	0.1149	0.5985	0.1469	0.6258	0.0248	0.0000	0.0000	0.0937	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.7162	0.2469	0.4228
G_Oscillibacter	0.2254	0.1580	0.1470	0.7069	0.4543	0.7657	0.0290	0.0000	0.0347	0.3149	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.7914	0.4157	0.581
G_Pseudoflavonifractor	0.0620	0.3686	0.0401	0.5503	0.7855	0.5860	0.0938	0.0000	0.0000	0.0432	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.4128	0.1756	0.5837
F_Ruminococcaceae div.	0.0564	0.0395	0.0454	0.5342	0.1571	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.6415	0.6415	1
F_Ruminococcaceae_NA	2.3473	2.2772	0.2780	4.7518	4.2966	0.7946	0.2716	0.0000	0.0390	0.2306	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0077	0.0036	0.7668
F_Erysipelotrichaceae	0.7214	0.7668	0.1711	0.4298	1.3286	1.3047	0.3640	0.0375	0.1256	0.5834	0.1040	0.3569	0.0302	0.7196	1.7245	0.8862	0.9451	0.9408
P_Firmicutes_NA	0.2705	0.7371	0.0882	0.1687	0.6387	0.0892	0.0152	0.0000	0.0000	0.0516	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.1269	0.0973	0.8898
O_Fusobacteriales	0.0000	0.0000	0.0000	0.0080	0.0000	0.1254	0.0124	0.0000	0.0217	0.0126	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0046	0.8833	0.0031
F_Caulobacteraceae	0.0000	0.0000	0.0053	0.0281	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0095	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0000	0.0865	0.0189	0.4908
O_Rhizobiales	0.0733	0.1711	3.6914	1.4299	0.2459	0.9972	1.4920	0.1735										