

Supplemental Table 1: List of the 25 miRs studied by qPCR

miR	Forward Sequence	Reverse Sequence
hsa-miR-106a-5p.SpFwd2	CGCTGCGTAAAAGTGCTTACAG	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-1246.SpFwd1	GCTGTTCGAATGGATTTTTGG	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-152-3p.SpFwd2	GCTGTGTCAGTGCATGACA	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-15b-5p.SpFwd1	GCGTAGCAGCACATCAT	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-193b-3p.SpFwd2	GCGCAACTGGCCCTCAA	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-194-5p.SpFwd1	CGCTGCGTTGTAACAGCAACTC	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-200c-3p.SpFwd2	TGGTCGTAATACTGCCGGTA	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-23ab-3p.SpFwd1	GCGCATCACATTGCCAGGG	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-15b-3p.SpFwd1	CGCTGCGTCGAATCATTATTTG	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-147b-5p.SpFwd1	CGCTGCGTTGGAACATTTCTG	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-25-3p.SpFwd2	GCTGTGCGATTGCACTTGTCT	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-29b-3p.SpFwd3	GCGTAGCACCATTTGAAA	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-34a-3p.SpFwd1	CGCTGCGTCAATCAGCAAGTAT	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-365b-3p.SpFwd1	CGCTGCGTTAATGCCCTAAA	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-374a-5p.SpFwd2	GCGGCGTTTATAATAACAACCTGA	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-142-5p.SpFwd2	GCGGCGCATAAAGTAGAAAGC	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-454-3p.SpFwd1	CGCTGCGTTAGTGCAATATTG	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-511-3p.SpFwd1	CGCTGCGTAATGTGTAGCAA	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-7-1-3p.SpFwd1	TGGTCGGCAACAAATCACAGT	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-7706.SpFwd1	GCGTGAAGCGCCTGTGCTC	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-1-3p.SpFwd1	CGCTGCGTTGGAATGTAAGAA	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-206.SpFwd1	CGCTGCGTTGGAATGTAAGAA	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-374c-5p.SpFwd1	CGCTGCGTATAATAACAACCTGC	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-374a-3p.SpFwd2	CGCTGCGTCTTATCAGATTGTA	GTGCAGGGTCCGAGGT
hsa-miR-17-5p.SpFwd2	GCTGTGCGAAAGTGCTTACAGT	GTGCAGGGTCCGAGGT

housekeeping gene

small nuclear RNA U6 (snU6) GCTCGCTTCGGCAGCACATA ACGCTTCACGAATTGCGTGTC