

1 CGCGGGC
 8 TTCCTGTGCG CGGCCGAGCC CGGGCCAGC GCCGCCTGCA GCCTCGGGAA GGGAGCGGAT
 68 AGCGGAGCCC CGAGCCGCC GCAGAGCAAG CGCGGGAAAC CAAGGAGACG CTCCTGGCAC

Intron 1
 \ 7577 nt /

128 TGCAGATAAC TTGTCTGCAT TTCAGAACA ACCTACCAGA GACCTTACCT ^A→ GTCACCTTGG

Intron 2 B
 \ 3912 nt..ctgtcactccagctttataaccgc..35 nt /

188 CTCTCCCACC CAATGGAGAT GGCTCTAATG GTGGCACAAA CCAGGAAGGG GAAATCTGTG
 ⇐ ⇨

248 GTTTAAATTC TTTATGCCTC ATCCTCTGAG TGCTGAAGGC TTGCTGTAGG CTGTATGCTG

----- miR-155 -----

308 TTAATGCTAA TCGTGATAGG GGTTTTTGCC TCCAAGTAC TCCTACATAT TAGCATTAACT

368 AGTGTATGAT GCCTGTTACT AGCATTACACA TGGAACAAAT TGCTGCCGTG GGAGGATGAC

428 AAAGAAGCAT GAGTACCCT GCTGGATAAA CTTAGACTTC AGGCTTTATC ATTTTTCAAT

488 CTGTTAATCA TAATCTGGTC ACTGGGATGT TCAACCTTAA ACTAAGTTTT GAAAGTAAGG

548 TTATTTAAAA GATTTATCAG TAGTATCCTA AATGCAAACA TTTTCATTTA ^C← AATGTCAAGC

608 CCATGTTTGT TTTTATCATT AACAGAAA**AAAT** **ATA**TTTCATGT CATTCCTAAT TGCAGGTTTT
 ⇐

668 GGCTTGTTCA TTATAATGTT CATAAACACC TTTGATTCAA CTGTTAGAAA TGTGGGCTAA
 728 ACACAAATTT CTATAATATT TTTGTAGTTA AAAATTAGAA GGACTACTAA CCTCCAGTTA
 788 TATCATGGAT TGTCTGGCAA CGTTTTTTAA AAGATTTAGA AACTGGTACT TTCCCCCAGG
 848 TAACGATTTT CTGTTTCAGG AACTTCAGTT TAAAATTAAT ACTTTTATTT GACTCTTAAA
 908 GGGAAACTGA AAGGCTATGA AGCTGAATTT TTTTAATGAA ATATTTTTAA CAGTTAGCAG
 968 GGTAAATAAC ATCTGACAGC TAATGAGATA TTTTTCAT ACAAGATAAA **AAGATTTAAT**
 1028 **CAAAAATTT** ATATTTGAAA TGAAGTCCCA AATCTAGGTT CAA**GTT**CAAT AGCTTAGCCA
 1088 CATAATACGG TTGTGCGAGC AGAGAATCTA CCTTCCACT TCTAAGCCTG TTTCTTCCTC
 1148 CATAAATGG GGATAATACT TTACAAGGTT GTTGTGAGGC TTAGATGAGA TAGAGAATTA
 1208 TTCCATAAGA TAATCAAGTG CTACATTAAT GTTATAGTTA GATTAATCCA AGAACTAGTC
 1268 ACCCTACTTT ATTAGAGAAG AGAAAAGCTA ATGATTTGAT TTGCAGAATA TTTAAGGTTT
 1328 GGATTTCTAT GCAGTTTTTC TAAATAACCA TCACTTACAA ATATGTAACC AAACGTAATT
 1388 GTTAGTATAT TTAATGTAAA CTTGTTTTAA CAACTCTTCT CAACATTTTG TCCAGGTTAT
 1448 TCACTGTAAC CA**ATAAA**TC TCATGAGTCT TTAGTTGATT T

