

	10	20	30	40	50	60	70	80	90
CPZ.GAB2 ptt	..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... .....								
CPZ.TAN3 pts	MGARASVLTGGKLDQWEKIYLRPGGKKKMMKHLVWASRELERFACNPGLMDTAEGCAQLLRQLEPALKTGSEGLRSLFNTLAVLYCVHN								
	100	110	120	130	140	150	160	170	180
CPZ.GAB2 ptt	..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... .....								
CPZ.TAN3 pts	NIKVQNTQEA---LE-KLREKMK--AEQKEPEPEQAAGAAAAPES-----SI--SRNYPLVQNAQQQMVHQPLSPRTLNAWVKV								
	190	200	210	220	230	240	250	260	270
CPZ.GAB2 ptt	..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... .....								
CPZ.TAN3 pts	VEEKAFNPEVIPMFMALESEGATPQDLNMTMLNTVGGHQAAMQMLKEVINEEAAEWDRGHPVHMGPVPPQVREPRGSDIAGTTSTLAEQVA								
	280	290	300	310	320	330	340	350	360
CPZ.GAB2 ptt	..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... .....								
CPZ.TAN3 pts	WM-T--ANPPVPVGDIIYRRWIVLGLNKIVRMYSASILDIKQGPKEFRDYVDRFYKTLRAEQATQEVKNWMTETLLVQANPDCCKNILR								
	370	380	390	400	410	420	430	440	450
CPZ.GAB2 ptt	..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... .....								
CPZ.TAN3 pts	ALPGASLEEMMTACQGVGGPAHKARVLAEAMTQAQTATSV-FMQRGNFK-GIRKTIKCFNCGKEGHLARNCKAPRKKGCWKCGQEGHQM								
	460	470	480	490	500	510	520	530	
CPZ.GAB2 ptt	..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... ..... .....								
CPZ.TAN3 pts	KDC--RSGERQA-NFLGKVVPLSKGRPGNFPQTTRKEPTAPPIESYGYQEEKTTQGTREEKEKETESSLYPPLT-SLKSLFGSDPSLQ								
	...TTKNNNSPGVN...RT..WGC...N.V.-----N-.--.EKGN-.QEQ.-.PAVVPSAPPMD.PLKDGF...I...QQ--								