

D. mel. AGTTGAGC CAAAGGTTTACCAGTTAATAGCAATAAAATGTGT TTTCCCCA ---GGAATAAA ---AAACCA ---AGAAATTAA ---HCAAGATGAGCGAAGCCCGAA TTGTT
D. pse. AGTTGAGTAAAAGTCTTTACCAGTTAATAGCAAGAAATGTGTTCCTCCCAAAAAGCAATCAAAGGTAACACAGGAGCAAACTCAAGTGATGTGCGACCGGTAAACAGAAATTCGAAATCAATATGAGCGAAGCAAGAACTCATG
D. vir.

D. pse. 5'

D. mel. ACCAACCTTTGGCATCC TGGCCATCC TGGTTTTCCTGTAUCCTCATATG CCGTATTGAAAATGTTCCGGCAAGTAGATGGT CTTAGGGCAGGA ---CCAARGC ---AGCAG
D. pse. ACCAACCTTTGGCATCC TGGCCCTTCCTGTTTCTGCGCTGTAUCCTCATATG CAGTATTGTAGATG CAG -GGCCACTAGGAGGCTCTT TGAAGCAGGAGCCAAAATTTAAGCTTAATTAAATTCGATTAATTTCCATTTGTAATCATTAGCAA
D. vir.

D. pse. 3'

D. mel. CCAA ---ATCGAATCAATCAAAATGAATGAGGCAAAAAGTTTGTTCACCACCTTCCCTGATCGTGGCCCTCTGTGTCTGTATGCGCTTTA GAAGCCGCTCTAGGCCACAGCCCTCAAGTCA CCGATGACCAT
D. pse. CCAA AAAAAAACA CAACCACTCAAAAATGAATGAAAGCCAGAAGTTTGTTCACCACCTCCCTGATCTCCGGCTCTTGTGTTTGTGTATGCGCTTTACGAAGCCGTTTCTTA ---ACAACCCA ---CCCATCAACCA
D. vir.

D. vir. 5'

D. mel. ACCAAACCAACCCACCAACCAACCGATCAGGATAGCTTACATGTTGAATTTCAATCCAGCCGCGCCATGCCATCATCTTGTGGTCCGTTGGAGCTTC TAGGACCCTAGCGCTTAAGATGTTTAGCATTTAATGGATTTCTAGTAG
D. pse. ATCAATCATCA ---ATCAATCAATCA ---AGGATAGCTTACATGTTGAATTTCAATCCAGCCN ---AATCATG ---AACAACTTGCGCCTAGGAGGAGTTTAGGACCTTAGCGCTTAAGATGTT -AGCATTTAATGGATTTCTAGTAG
D. vir.

D. mel. TAACCTAAGCCAG ---ATGACCTCAATG CCAACCAAGTTGCCAAA ---TGAAAGGCTCGGG ---ATCAGGATG
D. pse. TAACCTAAGCCAGGTGAGTCAATATAGTATTAACAAACTAAATCCCAATTGAGATGAGCTCAAAAGCCACAGGTGCCAAATGTAGGCCCGCGGATTAGTTAGCACAGTTCTTAGGGGGCTCGCGCTT CAGCATCAGCATA
D. vir.

D. vir. 3'

D. mel. GCATCTTGAT ---GGTAACCCCTG CCAATG ---GTGCTTGCACATTTTCATCTTTGAGCGGTGCAGGATCGATTTATTTGAAATAATGTGTGC CGCCCTTGGCGTCATCTGCTCTAATCATAAATATAGTTTGTGATC
D. pse. TCGTTCCGGTGATGATGATGATGATCACTGAAAGGGCTCGCCTAGATTTGTCCATCTTCGCGCGGTGAAAGTCGATTCCTCAAGGCT ---CTGTGGCCACCGGTCATCTGCTCTAATCATAAATTTAATTTATGAT
D. vir.

D. mel. TTTTATTATTATTGTTTGGTAATGAAACTACCTAGTTTGCAATCTAGACCATGATGTAAGTA ---TAAGCAAAATTAAGAAACA ---ATCA ---GTAAT ---CAATCTGACCACCGGATATAATTTCATTTGTTAAACAGCC
D. pse. TCTTTT ---GTTTTCTTTTGAATGAAATGACTTAATTTGCAATTTATAGACCATGATGACAGAG ---AAAGAACAACAGCCACAGC ---ATCA ---ATAAGA ---CATTAAGAATTGGTTAATTTGTTTAAACAGCA
D. vir.

D. mel. AGGTTTATTTCGCACCTCGTACATATTAAGACATGCATAATGTAACTGCATTTTACTGAGTTTTCTTAATAAATTTGTGAATAACAACCGCAAGAACH -GCAACAACA -AATTCAGGAAATAAAAACA AAAAACA AAAAACA
D. pse. A -ATTTATTTTCGCATTTCGATTTAGTAAGACCTACATAATGTATAACTGCATTTTACTTTCATTTCTTAATAATTTATTGTGAATAACAAGCAAAATGCACATGCAA CAACAACA AAAAAGAA CAACAACA CAGCAACCTACTGCAGGA
D. vir.

D. mel. AAAAA
D. pse. ATAAAAAATAGAAAAAA
D. vir. ACAAACAAGCAGGAATAAAA