

	210	377	379	387	388	424	425	453	463	519	534	536	552	553	557
<i>H. sapiens</i>	RG..163..GGHRDSW..5..DF..31..SWDAEEFGLLGST..20..DSS-IEGNYTL-R..55..ND..12..GR---ARY..14..YHSVY-ET														
<i>S. scrofa</i>	RG..163..GGHRDSW..5..DF..31..SWDAEEYGLGST..20..DSS-IEGNYTL-R..55..ND..12..GR---ARY..14..YHSVY-ET														
<i>M. musculus</i>	RG..163..GGHRDAW..5..DF..31..SWDAEEFGLLGST..20..DSS-IEGNYTL-R..55..ND..12..GR---ARY..14..YHSVY-ET														
<i>R. norvegicus</i>	RG..163..GGHRDAW..5..DF..31..SWDAEEFGLLGST..20..DSS-IEGNYTL-R..55..ND..12..GR---ARY..14..YHSVY-ET														
<i>D. rerio</i>	RG..162..GGHRDAW..5..DF..31..SWDAEEFGLQGST..20..DCA-IEGMYTL-R..54..SD..12..GR---ARY..14..YHSVY-ET														
<i>C. briggsae</i>	RG..166..GNHFDW..5..DF..32..AWDAEEFGLIGST..20..DCI-QGNAS-L-H..57..SD..12..IN---FNY..11..YHSMY-ET														
<i>A. thaliana</i>	RG..148..GNHRDAW..5..DF..31..NWDAEEYGLIGST..20..DCA-VSGPG-F-H..48..SD..12..VD---MSF..6..YHSMY-DD														
<i>M. grisea</i>	RG..166..GNHRDGW..6..DA..31..SWDAEEFGFMGST..20..DTA-VSGPR-T-A..48..SD..11..LD---ISG..10..YHSLY-DT														
<i>A. nidulans</i>	RG..165..GNHRDAW..6..DF..31..SWDGEYGLLGST..20..DVA-ASGTR-L-A..44..SD..12..YD---LGF..10..YHSNY-DS														
<i>N. crassa</i>	RA..170..GNHRDAW..6..DF..31..SWDGEYGLVGST..20..DVG-VRGKV-F-S..43..SD..12..LD---VGF..10..YHSNY-DS														
<i>G. zeae</i>	RG..165..GNHRDTW..6..DF..31..SWDAEEWGIIGST..20..DVA-VSGPR-P-N..48..SD..11..LD---TGS..10..YHSNY-DS														
NLD2	RG..163..GGHRDSW..5..DF..31..SWDAEEFGLLGST..20..DSS-IEGNYTL-R..55..SD..12..GR---ARY..14..YHTIY-ET														
NLDL	RG..167..GNHRDSW..5..DF..32..SWGAEFGLIGST..20..DIS-VFANATL-R..55..SD..12..MD---IAY..14..YHTAF-DT														
Sgap	GAHLDV..7..DN..28..WWGAEEELGLIGSK..20..DMIGS--PNPGYF..32..SD..12..GLFTGAGY..21..YHSSC-DS														
AAP	GGHLDST..15..DD..28..AYAAEEVGLRGSQ..19..DMTNYKGSAQDVV..36..SD..12..MPFE----..9..IHTQ-DT														
CPG ₂	MSHMDTV..24..DD..28..FNTDEEKGSFGSR..16..EPTSAG----DEK..152..TD..11..IE---S---..7..YHSDKAEY														
PepT	ISHVDTS..57..DD..27..FTPDEEVGKGAH..14..D--GGG---VGE..153..TD..12..PN-----..7..YHGK-HEF														
PepV	IGHMDVV..27..DD..28..LGTNEETNWWGID..15..DAEYPI----I---.232..TY..7..VA---F---.10..MHA-ANEF														
TfR1	FA..140..GAQRDAW..5..KS..32..SWSAGDFGSVGAT..20..DKA-VLGTSNF-K..43..NA..12..VS---FCF..8..LGTMT-DT														