

Supplementary table 1. Call rates of HLA alleles per gene, using xHLA, in controls and in cases with PR3-ANCA and MPO-ANCA, respectively.

HLA gene	Total no. of alleles	No. of called alleles	Controls		PR3-AAV		MPO-AAV		Call rate			
			Total no. of alleles	No. of called alleles	Total no. of alleles	No. of called alleles	Total no. of alleles	No. of called alleles	All	Controls	PR3-AAV	MPO-AAV
A	2168	2083	1595	1580	411	356	162	147	96.1%	99.1%	86.6%	90.7%
B	2168	2134	1595	1580	411	395	162	159	98.4%	99.1%	96.1%	98.1%
C	2168	2124	1595	1580	411	391	162	153	98.0%	99.1%	95.1%	94.4%
DPB1	2168	2139	1595	1580	411	399	162	160	98.7%	99.1%	97.1%	98.8%
DQB1	2168	2057	1595	1580	411	341	162	136	94.9%	99.1%	83.0%	84.0%
DRB1	2168	2121	1595	1580	411	386	162	155	97.8%	99.1%	93.9%	95.7%

PR3 = proteinase 3; MPO = myeloperoxidase; ANCA = anti-neutrophil cytoplasmic antibody; PR3-AAV = PR3-ANCA positive ANCA-associated vasculitis; MPO-AAV = MPO-ANCA positive AAV.

**Supplementary Table 2.** Association analysis of PR3-ANCA+ AAV patients versus controls, adjusting for sex and genetic structure (principal components 1-4).

Variant	position	OR	CI_lower	CI_upper	p	MAF	MAF_cases	MAF_controls	Type (SNP)
xHLA_2F8H DP81_04_01	33043767	3.32	2.78	4.00	7.07E-08	0.48	0.42	0.42	HLA(HLA)
chr6_33052958_C_T	33052958	0.09	0.06	0.13	6.30E-35	0.23	0.04	0.27	SNP
chr6_33052950_T_C	33052950	0.08	0.05	0.12	7.29E-35	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33052986_T_C	33052986	0.09	0.06	0.13	1.29E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053455_C_T	33053455	0.09	0.06	0.13	1.48E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054046_T_G	33054046	0.09	0.06	0.13	1.77E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054071_G_C	33054071	0.09	0.06	0.13	1.90E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053877_G_A	33053877	0.09	0.06	0.13	1.91E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053887_A_G	33053887	0.09	0.06	0.13	2.09E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053882_G_A	33053882	0.09	0.06	0.13	2.09E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054057_G_A	33054057	0.09	0.06	0.13	2.18E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053871_A_G	33053871	0.09	0.06	0.13	2.14E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053890_G_A	33053890	0.09	0.06	0.13	2.19E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054152_A_G	33054152	0.09	0.06	0.13	2.22E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053968_T_A	33053968	0.09	0.06	0.13	2.29E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053971_T_C	33053971	0.09	0.06	0.13	2.29E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053728_C_T	33053728	0.09	0.06	0.13	2.29E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054149_T_C	33054149	0.09	0.06	0.13	2.31E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053477_G_C	33053477	0.09	0.06	0.13	2.34E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053468_G_T	33053468	0.09	0.06	0.13	2.35E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33055009_C_A	33055009	0.09	0.06	0.13	2.36E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054235_T_G	33054235	0.09	0.06	0.13	2.40E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053772_G_A	33053772	0.09	0.06	0.13	2.40E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053982_G_C	33053982	0.09	0.06	0.13	2.41E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054353_G_A	33054353	0.09	0.06	0.13	2.43E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053868_A_G	33053868	0.09	0.06	0.13	2.44E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054148_C_T	33054148	0.09	0.06	0.13	2.45E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054142_G_C	33054142	0.09	0.06	0.13	2.48E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054656_A_C	33054656	0.09	0.06	0.13	2.50E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054675_C_G	33054675	0.09	0.06	0.13	2.50E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054683_A_G	33054683	0.09	0.06	0.13	2.50E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054687_G_A	33054687	0.09	0.06	0.13	2.50E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054091_C_T	33054091	0.09	0.06	0.13	2.50E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053780_T_A	33053780	0.09	0.06	0.13	2.51E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053723_T_C	33053723	0.09	0.06	0.13	2.51E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054711_G_T	33054711	0.09	0.06	0.13	2.57E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054721_C_T	33054721	0.09	0.06	0.13	2.57E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054141_T_C	33054141	0.09	0.06	0.13	2.58E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053789_A_G	33053789	0.09	0.06	0.13	2.61E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054457_A_G	33054457	0.09	0.06	0.13	2.61E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054579_C_T	33054579	0.09	0.06	0.13	2.61E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054595_C_T	33054595	0.09	0.06	0.13	2.61E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054619_G_A	33054619	0.09	0.06	0.13	2.61E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054890_C_T	33054890	0.09	0.06	0.13	2.61E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054342_T_A	33054342	0.09	0.06	0.13	2.63E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053902_A_G	33053902	0.09	0.06	0.13	2.63E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054355_A_C	33054355	0.09	0.06	0.13	2.64E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054586_A_G	33054586	0.09	0.06	0.13	2.65E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054155_C_T	33054155	0.09	0.06	0.13	2.67E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054156_A_G	33054156	0.09	0.06	0.13	2.67E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054400_T_C	33054400	0.09	0.06	0.13	2.67E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054404_A_G	33054404	0.09	0.06	0.13	2.67E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054410_A_C	33054410	0.09	0.06	0.13	2.67E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054331_T_C	33054331	0.09	0.06	0.13	2.68E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054550_G_C	33054550	0.09	0.06	0.13	2.68E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054386_C_T	33054386	0.09	0.06	0.13	2.75E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053906_G_T	33053906	0.09	0.06	0.13	2.77E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054381_C_T	33054381	0.09	0.06	0.13	2.80E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054807_A_G	33054807	0.09	0.06	0.13	2.86E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054373_C_T	33054373	0.09	0.06	0.13	2.88E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054325_G_C	33054325	0.09	0.06	0.13	2.91E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054302_T_C	33054302	0.09	0.06	0.13	2.95E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054413_T_G	33054413	0.09	0.06	0.13	3.04E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054414_T_A	33054414	0.09	0.06	0.13	3.04E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054231_C_T	33054231	0.09	0.06	0.13	3.16E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053399_T_C	33053399	0.09	0.06	0.13	3.19E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054268_C_A	33054268	0.09	0.06	0.13	3.20E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33047432_A_C	33047432	0.10	0.07	0.14	3.30E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054280_T_C	33054280	0.09	0.06	0.13	3.40E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33054281_G_A	33054281	0.09	0.06	0.13	4.03E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33049211_C_T	33049211	0.10	0.07	0.15	7.80E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33055047_A_G	33055047	0.09	0.06	0.13	9.98E-34	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33053167_A_C	33053167	0.09	0.06	0.13	1.31E-33	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33050125_G_A	33050125	0.09	0.06	0.14	1.43E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050078_A_G	33050078	0.09	0.06	0.14	1.48E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050089_G_C	33050089	0.09	0.06	0.14	1.54E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050107_G_A	33050107	0.09	0.06	0.14	1.58E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050079_C_G	33050079	0.09	0.06	0.14	1.60E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050118_C_T	33050118	0.09	0.06	0.14	1.85E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050148_T_C	33050148	0.09	0.06	0.14	1.97E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050168_C_A	33050168	0.10	0.07	0.14	2.47E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050024_C_A	33050024	0.10	0.07	0.14	2.62E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050179_A_G	33050179	0.10	0.07	0.14	2.69E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050203_C_G	33050203	0.10	0.07	0.15	2.76E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050196_G_C	33050196	0.10	0.07	0.15	2.86E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050045_T_C	33050045	0.10	0.07	0.15	2.88E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050185_C_A	33050185	0.10	0.07	0.14	2.99E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050186_T_C	33050186	0.10	0.07	0.14	2.99E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050179_A_G	33050179	0.10	0.07	0.14	3.72E-33	0.23	0.04	0.27	SNP
chr6_33050473_A_G	33050473	0.10	0.06	0.14	4.51E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33049979_A_G	33049979	0.11	0.07	0.15	4.70E-33	0.23	0.04	0.27	SNP
chr6_33049983_C_T	33049983	0.11	0.07	0.15	5.20E-33	0.23	0.04	0.27	SNP
chr6_33050499_A_G	33050499	0.10	0.06	0.14	5.22E-33	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33053307_C_T	33053307	0.09	0.06	0.14	1.27E-32	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33050525_T_C	33050525	0.10	0.07	0.14	1.40E-32	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33050526_C_T	33050526	0.10	0.06	0.14	1.60E-32	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33053270_T_A	33053270	0.08	0.05	0.12	1.78E-32	0.23	0.03	0.28	SNP
chr6_33055123_A_G	33055123	0.09	0.06	0.13	1.96E-32	0.23	0.04	0.28	SNP
chr6_33050521_G_T	33050521	0.10	0.07	0.14	2.16E-32	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33053271_T_C	33053271	0.08	0.05	0.12	2.59E-32	0.23	0.03	0.28	SNP
chr6_33053252_G_A	33053252	0.08	0.05	0.12	3.24E-32	0.23	0.03	0.28	SNP
chr6_33047031_T_C	33047031	0.10	0.07	0.15	3.39E-32	0.22	0.04	0.27	SNP
chr6_33054659_A_G	33054659	0.10	0.07	0.14	3.49E-32	0.22	0.04	0.26	SNP
chr6_33053248_A_G	33053248	0.08	0.05	0.12	3.59E-32	0.23	0.03	0.28	SNP
chr6_33055079_A_G	33055079	0.10	0.07	0.15	2.07E-31	0.21	0.04	0.26	SNP
chr6_33050232_T_A	33050232	0.11	0.07	0.15	8.33E-31	0.21	0.04	0.25	SNP
chr6_33050223_G_A	33050223	0.11	0.08	0.16	8.55E-31	0.21	0.04	0.25	SNP
chr6_33048459_T_G	33048459	0.11	0.07	0.15	2.68E-30	0.19	0.04	0.23	SNP
chr6_33048461_T_A	33048461	0.11	0.07	0.15	3.07E-30	0.19	0.04	0.23	SNP
chr6_33048457_C_G	33048457								

chr3_33048661_A_G	33048661	0.15	0.09	0.22	1.15E-18	0.16	0.04	0.19	SNP
chr3_33045255_T_C	33045255	0.41	0.33	0.50	1.18E-18	0.36	0.20	0.40	SNP
chr3_33095748_C_G	33095748	0.39	0.32	0.48	2.49E-18	0.32	0.19	0.35	SNP
chr3_33037419_G_A	33037419	0.11	0.06	0.17	6.66E-18	0.12	0.02	0.14	SNP
chr3_33037424_T_C	33037424	0.11	0.06	0.17	7.02E-18	0.12	0.02	0.14	SNP
chr3_33095516_G_A	33095516	0.37	0.29	0.46	1.23E-17	0.32	0.18	0.36	SNP
chr3_33037304_G_T	33037304	0.11	0.06	0.18	1.65E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33037279_A_G	33037279	0.11	0.07	0.18	1.91E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33037294_T_G	33037294	0.11	0.06	0.18	1.98E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33037187_C_G	33037187	0.12	0.07	0.19	2.10E-17	0.13	0.02	0.15	SNP
chr3_33033058_T_C	33033058	0.11	0.07	0.18	2.15E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33048450_A_G	33048450	0.22	0.15	0.31	2.33E-17	0.18	0.06	0.21	SNP
chr3_33036951_A_G	33036951	0.12	0.07	0.19	2.38E-17	0.12	0.02	0.14	SNP
chr3_33036959_G_A	33036959	0.12	0.07	0.19	2.43E-17	0.12	0.02	0.14	SNP
chr3_33036312_A_G	33036312	0.12	0.07	0.19	2.47E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036287_T_C	33036287	0.12	0.07	0.19	2.49E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036505_G_C	33036505	0.12	0.07	0.19	2.75E-17	0.13	0.02	0.15	SNP
chr3_33036286_G_A	33036288	0.12	0.07	0.19	2.82E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036233_A_G	33036233	0.12	0.07	0.19	2.86E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036242_T_C	33036242	0.12	0.07	0.19	2.86E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036617_C_T	33036617	0.12	0.07	0.19	2.91E-17	0.13	0.02	0.15	SNP
chr3_33036300_G_T	33036300	0.12	0.07	0.19	2.95E-17	0.13	0.02	0.15	SNP
chr3_33036631_A_C	33036631	0.12	0.07	0.19	2.95E-17	0.13	0.02	0.15	SNP
chr3_33036177_A_G	33036177	0.12	0.07	0.19	2.98E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036401_C_T	33036401	0.13	0.08	0.20	3.01E-17	0.13	0.02	0.15	SNP
chr3_33036210_G_C	33036210	0.12	0.07	0.19	3.03E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33033170_T_C	33033170	0.12	0.07	0.19	3.06E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33033202_C_T	33033202	0.12	0.07	0.19	3.09E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036717_C_G	33036717	0.12	0.07	0.19	3.22E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036394_G_A	33036394	0.12	0.07	0.19	3.31E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33033146_T_C	33033146	0.12	0.07	0.19	3.33E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33033235_G_C	33033235	0.12	0.07	0.19	3.35E-17	0.13	0.02	0.15	SNP
chr3_33037522_T_C	33037522	0.12	0.07	0.18	3.44E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33037142_A_G	33037142	0.12	0.07	0.19	3.46E-17	0.13	0.02	0.15	SNP
chr3_33037675_C_A	33037675	0.12	0.07	0.18	3.46E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036388_C_T	33036388	0.12	0.07	0.19	3.51E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33037690_C_T	33037690	0.12	0.07	0.18	3.57E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036853_A_C	33036853	0.12	0.07	0.19	3.57E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33033178_G_A	33033178	0.12	0.07	0.19	3.48E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33033188_C_T	33033188	0.12	0.07	0.19	3.59E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33037579_A_T	33037579	0.12	0.07	0.18	3.61E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33037580_T_G	33037580	0.12	0.07	0.18	3.61E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036971_C_T	33036971	0.12	0.07	0.19	3.62E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33142162_C_A	33142162	0.19	0.13	0.28	3.64E-17	0.13	0.04	0.16	SNP
chr3_33037080_G_A	33037080	0.12	0.07	0.19	3.66E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33037082_A_G	33037082	0.12	0.07	0.19	3.66E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33033177_G_A	33033177	0.12	0.07	0.19	3.68E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33048602_C_A	33048602	0.38	0.31	0.48	3.72E-17	0.37	0.21	0.40	SNP
chr3_33036999_T_C	33036999	0.12	0.07	0.19	3.79E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036708_C_T	33036708	0.12	0.07	0.19	3.88E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036709_G_A	33036709	0.12	0.07	0.19	3.88E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33037104_C_T	33037104	0.12	0.07	0.19	3.95E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036132_A_G	33036132	0.12	0.07	0.19	4.11E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036133_G_A	33036133	0.12	0.07	0.19	4.11E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33032822_G_A	33032822	0.12	0.07	0.19	4.14E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33032855_A_C	33032855	0.12	0.07	0.19	4.48E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33040715_G_A	33040715	0.10	0.06	0.17	4.70E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33040736_T_C	33040736	0.10	0.06	0.17	4.75E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33040596_A_G	33040596	0.12	0.07	0.19	4.91E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33040744_G_C	33040744	0.12	0.07	0.19	4.92E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33040781_A_G	33040781	0.12	0.07	0.19	4.95E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33040798_T_C	33040798	0.12	0.07	0.19	4.95E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33040835_A_G	33040835	0.12	0.07	0.19	4.95E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33040877_T_C	33040877	0.12	0.07	0.19	4.95E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33041034_A_G	33041034	0.12	0.07	0.19	4.95E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33041226_C_T	33041226	0.12	0.07	0.19	4.95E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33038606_C_T	33038606	0.12	0.07	0.19	4.95E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33039980_A_G	33039980	0.12	0.07	0.19	5.08E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33043930_A_G	33043930	0.12	0.07	0.19	5.39E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33032661_T_A	33032661	0.12	0.07	0.19	5.51E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33036085_C_G	33036085	0.12	0.07	0.20	5.56E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33039405_C_G	33039405	0.11	0.06	0.18	5.65E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33038116_T_G	33038116	0.12	0.07	0.20	5.84E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33039837_G_A	33039837	0.12	0.07	0.19	5.95E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33039767_A_G	33039767	0.12	0.07	0.19	6.03E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33039484_A_G	33039484	0.10	0.06	0.17	6.04E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33037768_G_C	33037768	0.12	0.07	0.19	6.07E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33041176_C_T	33041176	0.11	0.06	0.18	6.12E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33033287_G_C	33033287	0.12	0.07	0.20	6.29E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33039896_T_C	33039896	0.12	0.07	0.20	6.52E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33033267_G_A	33033267	0.12	0.07	0.20	7.04E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33039719_A_G	33039719	0.12	0.07	0.19	7.08E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33039503_C_T	33039503	0.10	0.06	0.17	7.10E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33039295_T_A	33039295	0.12	0.07	0.19	7.62E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33039729_T_G	33039729	0.12	0.07	0.19	8.21E-17	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33041186_G_A	33041186	0.11	0.06	0.18	1.13E-16	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33141161_G_A	33141161	0.18	0.15	0.24	1.38E-16	0.35	0.50	0.32	SNP
chr3_33033351_G_T	33033351	0.12	0.07	0.19	2.71E-16	0.13	0.02	0.15	SNP
chr3_33044257_T_C	33044257	0.12	0.07	0.20	3.74E-16	0.12	0.02	0.14	SNP
chr3_33158189_C_A	33158189	2.06	1.73	2.46	4.31E-16	0.36	0.50	0.32	SNP
chr3_33033357_C_G	33033357	0.12	0.07	0.19	4.84E-16	0.12	0.02	0.15	SNP
chr3_33145710_G_A	33145710	2.03	1.71	2.41	5.18E-16	0.35	0.49	0.32	SNP
chr3_33141280_G_A	33141280	0.20	0.13	0.29	5.94E-16	0.14	0.04	0.16	SNP
chr3_33154556_G_A	33154556	0.19	0.12	0.28	6.76E-16	0.12	0.03	0.15	SNP
chr3_33037866_A_G	33037866	0.12	0.07	0.20	7.60E-16	0.12	0.02	0.14	SNP
chr3_33146053_C_G	33146053	0.19	0.12	0.28	7.76E-16	0.12	0.03	0.15	SNP
chr3_33148878_C_T	33148878	0.19	0.13	0.28	8.10E-16	0.12	0.03	0.15	SNP
chr3_33037865_C_G	33037865	0.13	0.07	0.20	9.04E-16	0.12	0.02	0.14	SNP
chr3_33140983_G_A	33140983	2.05	1.72	2.44	9.86E-16	0.36	0.49	0.32	SNP
chr3_33137403_T_C	33137403	2.02	1.70	2.40	1.12E-15	0.36	0.50	0.32	SNP
chr3_33142153_G_T	33142153	2.01	1.69	2.39	1.53E-15	0.32	0.50	0.33	SNP
chr3_33048628_A_C	33048628	0.15	0.09	0.23	2.78E-15	0.13	0.03	0.15	SNP
chr3_33095762_G_A	33095762	0.12	0.07	0.20	3.68E-15	0.10	0.02	0.12	SNP
chr3_33048606_G_C	33048606	0.16	0.10	0.24	4.35E-15	0.12	0.03	0.14	SNP
chr3_33135392_G_A	33135392	2.20	1.81	2.69	5.28E-15	0.38	0.52	0.34	SNP
chr3_33139475_G_T	33139475	2.03	1.70	2.42	5.58E-15	0.36	0.49	0.32	SNP
chr3_33036003_G_C	33036003	0.12	0.07	0.20	5.72E-15	0.11	0.02	0.13	SNP
chr3_33162215_C_G	33162215	1.97	1.67	2.34	8.92E-15	0.26	0.49	0.33	SNP
chr3_33037878_G_A	33037878	0.13	0.07	0.21	6.89E-15	0.12	0.02	0.14	SNP
chr3_33035986_T_C	33035986	0.12	0.07	0.20	7.11E-15	0.11	0.02	0.13	SNP
chr3_33143136_G_A	33143136	1.99	1.12	0.28					

chr6_33036290_G_A	33036290	1.93	1.59	2.34	2.85E-11	0.18	0.27	0.16	SNP
chr6_33045346_G_A	33045346	0.14	0.08	0.25	5.04E-11	0.08	0.02	0.09	SNP
chr6_33045147_A_T	33045147	0.49	0.39	0.61	9.52E-11	0.30	0.18	0.33	SNP
chr6_33045500_T_C	33045500	0.13	0.07	0.23	1.28E-10	0.08	0.01	0.09	SNP
chr6_33045539_T_A	33045539	0.11	0.05	0.21	2.40E-10	0.07	0.01	0.09	SNP
chr6_33139328_C_T	33139328	0.56	0.47	0.67	3.20E-10	0.43	0.33	0.46	SNP
chr6_33049726_G_T	33049726	0.11	0.05	0.21	5.50E-10	0.07	0.01	0.08	SNP
chr6_33049727_A_T	33049727	0.11	0.05	0.21	5.50E-10	0.07	0.01	0.08	SNP
chr6_33047868_C_A	33047868	0.16	0.09	0.28	1.06E-09	0.07	0.02	0.08	SNP
chr6_33134392_A_C	33134392	1.67	1.41	1.98	3.82E-09	0.40	0.50	0.38	SNP
chr6_33132931_T_C	33132931	1.80	1.48	2.21	6.11E-09	0.42	0.52	0.39	SNP
chr6_33045320_C_G	33045320	0.37	0.26	0.63	7.75E-09	0.22	0.05	0.13	SNP
chr6_33037199_G_C	33037199	0.37	0.26	0.51	9.31E-09	0.12	0.05	0.13	SNP
chr6_33032851_T_C	33032851	0.37	0.26	0.51	9.43E-09	0.12	0.05	0.13	SNP
chr6_33134102_C_T	33134102	1.65	1.39	1.96	1.01E-08	0.41	0.51	0.38	SNP
chr6_33033274_C_T	33033274	0.37	0.26	0.52	1.39E-08	0.12	0.05	0.13	SNP
chr6_33136575_T_C	33136575	1.63	1.38	1.93	1.45E-08	0.44	0.53	0.41	SNP
chr6_33041734_T_C	33041734	0.37	0.25	0.51	1.73E-08	0.11	0.05	0.13	SNP
chr6_33131734_G_A	33131734	1.77	1.45	2.17	2.52E-08	0.53	0.52	0.39	SNP
chr6_33096003_G_C	33096003	0.58	0.48	0.70	2.66E-08	0.43	0.34	0.45	SNP
HLA_2Fhd_DPB1_03_01	33043767	0.23	0.13	0.37	4.11E-08	0.06	0.02	0.08	HLA (HLA)
chr6_33045902_T_A	33045902	0.17	0.09	0.37	5.15E-08	0.06	0.01	0.07	SNP
chr6_33050178_C_T	33050178	0.17	0.09	0.31	5.15E-08	0.06	0.01	0.07	SNP
chr6_33048354_A_T	33048354	0.15	0.07	0.28	6.92E-08	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33047173_T_C	33047173	0.15	0.07	0.28	7.25E-08	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33078581_C_A	33078581	0.24	0.14	0.44	1.13E-07	0.06	0.02	0.07	SNP
chr6_33096009_A_C	33096009	0.59	0.49	0.72	1.31E-07	0.42	0.34	0.44	SNP
chr6_33137727_T_C	33137727	1.53	1.30	1.81	6.42E-07	0.42	0.51	0.40	SNP
chr6_33123265_T_C	33123265	0.14	0.06	0.28	1.61E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_32555317_C_T	32555317	0.40	0.27	0.57	9.54E-07	0.09	0.05	0.10	SNP
chr6_33160906_G_T	33160906	0.16	0.07	0.31	1.18E-06	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33276019_G_T	33276019	0.44	0.31	0.61	1.55E-06	0.10	0.05	0.11	SNP
chr6_33078626_T_C	33078626	0.17	0.07	0.33	3.32E-06	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33239869_C_T	33239869	1.90	1.45	2.49	3.12E-06	0.09	0.13	0.08	SNP
chr6_33039804_C_T	33039804	1.55	1.29	1.86	3.40E-06	0.21	0.28	0.20	SNP
chr6_33045272_C_A	33045272	0.58	0.47	0.74	3.47E-06	0.21	0.15	0.25	SNP
HLA_2Fhd_DPB1_02_01	33043767	0.46	0.23	0.63	4.03E-06	0.11	0.06	0.12	HLA (HLA)
chr6_33132338_A_G	33132338	1.57	1.30	1.91	4.29E-06	0.41	0.50	0.39	SNP
chr6_33041091_G_T	33041091	0.17	0.08	0.33	5.84E-06	0.04	0.02	0.03	SNP
chr6_33044795_C_T	33044795	2.31	1.60	3.32	7.12E-06	0.04	0.08	0.03	SNP
chr6_32412809_T_A	32412809	0.51	0.38	0.68	7.56E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32409060_G_A	32409060	0.50	0.37	0.67	7.82E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32412592_G_T	32412592	0.51	0.38	0.68	8.45E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32632777_C_T	32632777	0.47	0.34	0.65	7.71E-06	0.14	0.08	0.15	SNP
chr6_33384473_C_T	33384473	2.01	1.48	2.73	7.99E-06	0.06	0.11	0.05	SNP
chr6_33095584_G_T	33095584	1.74	1.36	2.11	8.09E-06	0.11	0.16	0.10	SNP
chr6_32187202_C_T	32187202	1.61	1.31	1.99	8.20E-06	0.43	0.49	0.42	SNP
chr6_32406611_C_A	32406611	0.50	0.37	0.68	8.35E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32623509_T_C	32623509	0.22	0.10	0.41	8.46E-06	0.04	0.01	0.05	SNP
chr6_32411307_C_T	32411307	0.51	0.38	0.68	8.62E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32412566_T_A	32412566	0.51	0.38	0.68	8.62E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32408842_A_G	32408842	0.51	0.37	0.68	9.59E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_33048195_C_T	33048195	0.21	0.15	0.44	1.15E-05	0.04	0.08	0.03	SNP
HLA_2Fhd_C_07_01	31236526	2.02	1.48	2.76	1.01E-05	0.15	0.17	0.14	HLA (HLA)
chr6_32411376_T_C	32411376	0.51	0.38	0.68	1.03E-05	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32410215_T_C	32410215	0.51	0.38	0.68	1.10E-05	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32410210_T_C	32410210	0.51	0.38	0.69	1.24E-05	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32973263_T_A	32973263	1.43	1.22	1.69	1.71E-05	0.46	0.52	0.44	SNP
chr6_32609216_T_G	32609216	0.61	0.48	0.76	1.85E-05	0.50	0.42	0.52	SNP
chr6_33190390_T_C	33190390	1.61	1.29	2.01	1.97E-05	0.47	0.43	0.32	SNP
chr6_33095865_C_T	33095865	1.68	1.32	2.13	2.38E-05	0.11	0.15	0.10	SNP
chr6_33235505_G_A	33235505	1.76	1.35	2.28	2.44E-05	0.21	0.24	0.21	SNP
chr6_33260207_T_C	33260207	1.62	1.49	2.17	2.69E-05	0.50	0.42	0.52	SNP
chr6_33250900_T_C	33250900	1.69	1.32	2.17	2.75E-05	0.37	0.41	0.36	SNP
chr6_33235869_T_C	33235869	1.73	1.34	2.25	3.34E-05	0.22	0.24	0.21	SNP
chr6_32628953_G_T	32628953	0.62	0.49	0.78	3.76E-05	0.48	0.41	0.50	SNP
chr6_32601522_A_G	32601522	1.70	1.32	2.20	4.35E-05	0.44	0.39	0.23	SNP
chr6_32610769_C_A	32610769	0.61	0.48	0.77	4.39E-05	0.33	0.28	0.34	SNP
chr6_33647936_C_T	33647936	0.21	0.09	0.42	4.92E-05	0.04	0.01	0.05	SNP
chr6_32408917_C_T	32408917	0.15	0.06	0.44	5.46E-05	0.03	0.03	0.25	SNP
chr6_32631029_T_C	32631029	0.36	0.21	0.58	5.53E-05	0.06	0.03	0.07	SNP
chr6_32611968_T_C	32611968	0.62	0.49	0.78	6.03E-05	0.47	0.40	0.49	SNP
HLA_2Fhd_DPB1_13_02	32545655	0.36	0.21	0.57	6.33E-05	0.05	0.02	0.06	HLA (HLA)
chr6_33049881_G_A	33049881	0.54	0.40	0.73	6.78E-05	0.11	0.07	0.12	SNP
chr6_32973303_T_C	32973303	0.50	0.35	0.70	7.27E-05	0.10	0.06	0.11	SNP
chr6_32556491_A_G	32556491	0.47	0.33	0.68	7.64E-05	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32559709_C_T	32559709	0.46	0.33	0.61	8.67E-05	0.44	0.38	0.46	SNP
chr6_32610704_C_T	32610704	0.62	0.48	0.78	7.98E-05	0.32	0.28	0.34	SNP
chr6_32628967_T_C	32628967	0.64	0.51	0.80	8.98E-05	0.49	0.41	0.51	SNP
chr6_32606701_A_G	32606701	0.62	0.48	0.79	9.00E-05	0.17	0.12	0.18	SNP
chr6_32438696_T_G	32438696	0.39	0.23	0.61	0.000122	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_31112737_C_A	31112737	1.82	1.34	2.47	0.000126	0.20	0.23	0.19	SNP
chr6_32976909_C_A	32976909	0.72	0.61	0.85	0.000126	0.48	0.43	0.49	SNP
chr6_32628921_C_T	32628921	0.65	0.52	0.81	0.000133	0.44	0.37	0.46	SNP
chr6_32408735_A_C	32408735	0.65	0.52	0.81	0.000135	0.33	0.26	0.35	SNP
chr6_32192436_A_G	32192436	0.44	0.28	0.66	0.000137	0.06	0.03	0.07	SNP
chr6_32611723_T_C	32611723	1.71	1.24	2.19	0.000137	0.47	0.40	0.49	SNP
chr6_32608880_G_A	32608880	1.56	1.24	1.95	0.000141	0.33	0.40	0.31	SNP
chr6_32603277_G_T	32603277	0.40	0.24	0.63	0.000145	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32609009_T_C	32609009	0.40	0.24	0.63	0.000147	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32606376_T_C	32606376	0.39	0.24	0.62	0.000152	0.02	0.06	0.06	SNP
chr6_31243828_A_G	31243828	0.67	0.54	0.82	0.000155	0.32	0.28	0.33	SNP
chr6_32606682_C_G	32606682	0.40	0.24	0.63	0.000158	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32609047_C_T	32609047	0.40	0.24	0.63	0.000160	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32603896_T_C	32603896	0.40	0.24	0.63	0.000160	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32604166_A_G	32604166	0.40	0.24	0.63	0.000161	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32606691_T_C	32606691	0.40	0.24	0.63	0.000162	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32441129_G_A	32441129	0.40	0.24	0.63	0.000162	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32188383_T_C	32188383	1.46	1.20	1.78	0.000167	0.42	0.48	0.41	SNP
chr6_32608435_T_C	32608435	0.40	0.24	0.63	0.000171	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32441046_G_A	32441046	0.40	0.24	0.63	0.000172	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32628606_C_A	32628606	0.40	0.24	0.63	0.000180	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32553418_T_G	32553418	0.66	0.53	0.82	0.000181	0.41	0.35	0.42	SNP
chr6_33010947_A_G	33010947	1.62	1.26	2.16	0.000185	0.06	0.03	0.06	SNP
chr6_32501459_T_C	32501459	0.68	0.55	0.83	0.000192	0.39	0.33	0.41	SNP
chr6_31248382_C_T	31248382	0.51	0.36	0.72	0.000193	0.10	0.06	0.11	SNP
chr6_32407302_A_G	32407302	0.65	0.52	0.81	0.000202	0.33	0.26	0.34	SNP
chr6_32442703_G_A	32442703	0.59	0.23	0.63	0.000209	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_32972903_G_A	32972903	1.49	1.21	1.84	0.000209	0.14	0.19	0.13	SNP
chr6_32636040_C_T	32636040	0.63	0.49	0.80	0.000217	0.31	0.26	0.32	SNP
chr6_32917042_A_C	32917042	1.11	1.31	2.48	0.000223	0.06			

chr6_32500957_A_T	32500957	0.54	0.39	0.70	0.000395	0.19	0.15	0.30	SNP
chr6_29855331_G_A	29855331	1.49	1.19	1.86	0.000397	0.19	0.22	0.19	SNP
chr6_32407440_T_C	32407440	0.67	0.53	0.83	0.000407	0.32	0.26	0.34	SNP
chr6_32631039_G_A	32631039	0.63	0.49	0.81	0.000408	0.36	0.31	0.38	SNP
chr6_32782018_C_T	32782018	0.76	0.59	1.06	0.000410	0.10	0.06	0.10	SNP
chr6_32188603_C_T	32188603	1.43	1.17	1.75	0.000409	0.29	0.34	0.28	SNP
chr6_31325526_A_G	31325526	1.61	1.24	2.10	0.000412	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_31127562_C_T	31127562	1.66	1.25	2.19	0.000415	0.20	0.22	0.19	SNP
chr6_32627747_G_A	32627747	0.64	0.50	0.82	0.000421	0.30	0.26	0.32	SNP
chr6_32521117_T_C	32521117	0.68	0.55	0.84	0.000437	0.49	0.41	0.51	SNP
chr6_32185796_C_T	32185796	2.16	1.40	3.30	0.000438	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32111725_G_A	32111725	0.66	0.53	0.84	0.000441	0.47	0.40	0.49	SNP
chr6_31122500_G_A	31122500	1.78	1.29	2.46	0.000443	0.19	0.23	0.18	SNP
chr6_32407433_C_T	32407433	0.67	0.53	0.83	0.000447	0.32	0.26	0.34	SNP
chr6_32521951_A_G	32521951	0.69	0.56	0.85	0.000449	0.37	0.31	0.39	SNP
chr6_32603488_G_A	32603488	0.68	0.55	0.84	0.000450	0.27	0.20	0.29	SNP
chr6_32164587_C_T	32164587	0.39	0.22	0.64	0.000464	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32633665_T_C	32633665	0.65	0.51	0.82	0.000470	0.31	0.27	0.32	SNP
chr6_32408597_G_A	32408597	0.67	0.53	0.84	0.000482	0.42	0.35	0.44	SNP
chr6_32339498_C_G	32339498	0.40	0.24	0.65	0.000479	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32408012_G_A	32408012	0.67	0.53	0.84	0.000487	0.33	0.26	0.34	SNP
chr6_32636494_C_T	32636494	0.67	0.54	0.84	0.000492	0.42	0.35	0.44	SNP
chr6_32184094_G_A	32184094	1.40	1.16	1.69	0.000497	0.43	0.48	0.41	SNP
chr6_32410137_C_T	32410137	1.45	1.17	1.78	0.000501	0.29	0.32	0.28	SNP
chr6_32374595_A_G	32374595	0.54	0.38	0.76	0.000503	0.18	0.15	0.19	SNP
chr6_3235529_G_A	3235529	0.54	0.38	0.76	0.000503	0.18	0.15	0.19	SNP
chr6_31325529_C_T	31325529	1.60	1.23	2.08	0.000507	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_31325521_C_G	31325521	1.60	1.23	2.08	0.000509	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_32171400_T_G	32171400	1.86	1.21	2.64	0.000511	0.20	0.22	0.19	SNP
chr6_32501296_G_A	32501296	0.70	0.57	0.85	0.000513	0.39	0.33	0.40	SNP
HLA_2F6d_DRB1_04_01	32546552	1.61	1.23	2.11	0.000513	0.13	0.20	0.11	HLA (HLA)
chr6_31373445_T_C	31373445	2.33	1.43	3.73	0.000525	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_31336629_T_C	31336629	1.56	1.21	2.01	0.000530	0.35	0.38	0.34	SNP
chr6_32634010_G_A	32634010	0.65	0.51	0.83	0.000540	0.31	0.26	0.32	SNP
chr6_32184221_G_A	32184221	1.40	1.16	1.69	0.000559	0.43	0.48	0.41	SNP
chr6_32645558_G_A	32645558	0.70	0.57	0.85	0.000561	0.35	0.38	0.34	SNP
chr6_32192617_T_C	32192617	0.44	0.27	0.69	0.000570	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32501301_G_C	32501301	0.70	0.57	0.85	0.000576	0.39	0.33	0.40	SNP
chr6_32780914_G_A	32780914	0.67	0.54	0.84	0.000578	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32604968_A_C	32604968	0.62	0.48	0.81	0.000592	0.25	0.21	0.26	SNP
chr6_32409056_G_A	32409056	1.44	1.17	1.77	0.000602	0.29	0.32	0.28	SNP
chr6_32188297_G_A	32188297	1.42	1.16	1.73	0.000608	0.29	0.34	0.28	SNP
chr6_32613996_T_C	32613996	0.66	0.52	0.86	0.000613	0.38	0.35	0.34	SNP
chr6_32604538_G_A	32604538	1.51	1.19	1.91	0.000624	0.33	0.40	0.31	SNP
chr6_32149816_T_C	32149816	1.76	1.27	2.43	0.000639	0.16	0.18	0.16	SNP
chr6_32181076_C_A	32181076	0.57	0.41	0.74	0.000646	0.05	0.06	0.10	SNP
chr6_32149537_C_G	32149537	1.74	1.26	2.40	0.000643	0.17	0.19	0.16	SNP
chr6_32627494_T_C	32627494	1.48	1.18	1.85	0.000645	0.25	0.31	0.23	SNP
chr6_32611931_T_A	32611931	0.67	0.54	0.84	0.000650	0.46	0.40	0.48	SNP
chr6_32709964_T_C	32709964	0.69	0.55	0.85	0.000660	0.31	0.26	0.33	SNP
chr6_32550591_G_A	32550591	0.44	0.27	0.69	0.000677	0.06	0.03	0.06	SNP
chr6_32520595_G_A	32520595	0.70	0.57	0.86	0.000680	0.38	0.32	0.39	SNP
chr6_32559045_T_C	32559045	1.1	0.8	1.18	0.000686	0.43	0.37	0.44	SNP
chr6_32609514_T_C	32609514	0.68	0.54	0.85	0.000756	0.46	0.39	0.47	SNP
chr6_31321267_A_G	31321267	2.26	1.40	3.64	0.000766	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32152142_A_G	32152142	1.73	1.25	2.35	0.000768	0.17	0.19	0.16	SNP
chr6_32633906_C_A	32633906	0.66	0.52	0.84	0.000784	0.33	0.28	0.34	SNP
chr6_29910189_T_A	29910189	1.38	1.14	1.67	0.000794	0.37	0.40	0.36	SNP
chr6_32439753_T_A	32439753	0.66	0.51	0.84	0.000796	0.31	0.26	0.32	SNP
chr6_32622784_A_G	32622784	0.68	0.54	0.85	0.000806	0.47	0.41	0.49	SNP
chr6_29891850_A_G	29891850	1.34	1.13	1.60	0.000827	0.43	0.46	0.42	SNP
chr6_32709990_C_T	32709990	0.69	0.56	0.86	0.000837	0.31	0.26	0.33	SNP
chr6_32441696_C_A	32441696	1.2	0.84	1.34	0.000844	0.07	0.04	0.07	SNP
chr6_32487677_T_C	32487677	1.66	1.23	2.23	0.000857	0.16	0.22	0.14	SNP
chr6_32636221_G_T	32636221	0.68	0.54	0.85	0.000870	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_32619940_G_C	32619940	0.42	0.24	0.68	0.000883	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32406132_G_A	32406132	1.59	1.31	2.06	0.000909	0.33	0.35	0.33	SNP
chr6_32501311_C_T	32501311	0.71	0.58	0.87	0.000930	0.38	0.33	0.40	SNP
chr6_32408932_G_A	32408932	1.98	1.31	2.96	0.000946	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32411573_C_T	32411573	0.68	0.54	0.85	0.000943	0.35	0.38	0.34	SNP
chr6_32628098_G_C	32628098	0.44	0.27	0.70	0.000949	0.05	0.03	0.05	SNP
chr6_32628751_T_C	32628751	0.68	0.55	0.86	0.000953	0.47	0.41	0.49	SNP
chr6_29910358_G_A	29910358	1.39	1.14	1.70	0.000967	0.46	0.49	0.45	SNP
chr6_32147696_G_A	32147696	1.72	1.24	2.37	0.000975	0.17	0.18	0.16	SNP
chr6_31323116_C_T	31323116	2.04	1.33	3.11	0.000984	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32136029_A_G	32136029	2.15	1.35	3.37	0.000992	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32170222_C_A	32170222	0.43	0.25	0.69	0.000998	0.06	0.03	0.05	SNP
chr6_32783365_T_C	32783365	0.59	0.43	0.80	0.001020	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32629409_G_A	32629409	0.67	0.52	0.85	0.001030	0.32	0.27	0.33	SNP
chr6_32148031_A_G	32148031	1.71	1.24	2.35	0.001078	0.17	0.18	0.16	SNP
chr6_31321108_T_G	31321108	2.11	1.33	3.27	0.001097	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32634387_T_C	32634387	0.67	0.52	0.85	0.001113	0.31	0.27	0.32	SNP
chr6_32629582_T_C	32629582	0.67	0.52	0.85	0.001124	0.31	0.26	0.32	SNP
chr6_32628737_G_A	32628737	0.69	0.55	0.86	0.001129	0.47	0.41	0.49	SNP
chr6_32628776_A_C	32628776	0.69	0.55	0.86	0.001131	0.47	0.41	0.49	SNP
chr6_32785029_T_C	32785029	0.59	0.43	0.80	0.001146	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32322071_G_A	32322071	2.09	1.33	3.20	0.001153	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32710010_G_T	32710010	0.70	0.56	0.87	0.001159	0.31	0.26	0.33	SNP
chr6_32785035_A_G	32785035	0.59	0.43	0.81	0.001203	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32148256_C_T	32148256	0.43	0.25	0.70	0.001207	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_29893293_A_G	29893293	1.34	1.12	1.68	0.001209	0.43	0.51	0.47	SNP
chr6_32786516_C_T	32786516	0.55	0.38	0.78	0.001226	0.07	0.05	0.08	SNP
chr6_32550947_A_G	32550947	1.49	1.17	1.89	0.001229	0.22	0.29	0.20	SNP
chr6_32495578_T_C	32495578	1.40	1.14	1.72	0.001246	0.16	0.21	0.15	SNP
chr6_31323116_C_T	31323116	2.09	1.32	3.24	0.001245	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_31323455_A_G	31323455	2.09	1.32	3.24	0.001245	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32489960_A_G	32489960	1.70	1.23	2.34	0.001248	0.06	0.09	0.06	SNP
chr6_32783406_G_A	32783406	0.55	0.38	0.78	0.001251	0.07	0.05	0.08	SNP
chr6_32783450_C_G	32783450	0.55	0.38	0.78	0.001251	0.07	0.05	0.08	SNP
chr6_31378257_G_A	31378257	2.09	1.32	3.24	0.001256	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_31322987_C_T	31322987	2.09	1.32	3.24	0.001256	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32171075_A_G	32171075	1.62	1.21	2.17	0.001285	0.18	0.20	0.18	SNP
chr6_3112482_G_A	3112482	1.70	1.23	2.34	0.001308	0.19	0.23	0.19	SNP
HLA_2F6d_DRB1_06_04	32623744	0.42	0.24	0.70	0.001329	0.05	0.02	0.05	HLA (HLA)
chr6_32303160_G_T	32303160	0.44	0.26	0.71	0.001342	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32551568_C_G	32551568	0.71	0.58	0.88	0.001350	0.38	0.33	0.40	SNP
chr6_32611971_G_A	32611971	1.46	1.16	1.85	0.001353	0.28	0.35	0.26	SNP
chr6_31430900_G_C	31430900	2.10	1.32	3.29	0.001354	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32154998_C_T	32154998	1.64	1.21	2.21	0.001369	0.18	0.21	0.18	SNP
chr6_32634834_T_C	32634834	0.69	0.55	0.87	0.001392	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_29893167_A_G	29893167	1.35	1.12	1.63	0.001415	0.48	0.51		

chr6_32873794_C_T	32873794	137	1.12	1.68	0.002033	0.16	0.21	0.15	SNP
chr6_32629802_G_A	32629802	0.70	0.56	0.88	0.002033	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_31324375_G_T	31324375	0.55	0.37	0.80	0.002044	0.09	0.06	0.09	SNP
chr6_32607174_C_T	32607174	1.42	1.14	1.77	0.002046	0.35	0.41	0.33	SNP
chr6_31237918_G_C	31237918	0.59	0.36	0.87	0.002046	0.78	0.04	0.09	SNP
chr6_32612397_A_G	32612397	1.41	1.13	1.76	0.002049	0.47	0.54	0.45	SNP
chr6_32627489_G_A	32627489	0.68	0.54	0.87	0.002052	0.43	0.37	0.45	SNP
chr6_32186050_G_A	32186050	1.49	1.13	1.76	0.002071	0.41	0.46	0.40	SNP
chr6_32628439_G_A	32628439	1.37	1.12	1.68	0.002075	0.40	0.46	0.39	SNP
chr6_32628736_T_C	32628736	0.70	0.56	0.88	0.002089	0.47	0.41	0.49	SNP
chr6_31321776_T_C	31321776	2.03	1.28	3.17	0.002096	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_29893131_T_C	29893131	0.65	0.17	0.65	0.002123	0.03	0.01	0.04	SNP
chr6_32520774_C_T	32520774	1.42	1.14	1.78	0.002140	0.30	0.37	0.29	SNP
chr6_33590009_A_T	33590009	0.51	0.33	0.77	0.002145	0.06	0.03	0.06	SNP
chr6_32605705_T_G	32605705	0.71	0.57	0.88	0.002186	0.46	0.40	0.47	SNP
chr6_32607031_G_T	32607031	1.44	1.14	1.82	0.002189	0.32	0.40	0.30	SNP
chr6_32605708_A_G	32605708	0.71	0.57	0.88	0.002219	0.46	0.40	0.47	SNP
chr6_32607221_C_G	32607221	0.57	0.40	0.81	0.002235	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_31542661_G_C	31542661	0.60	0.60	0.89	0.002261	0.25	0.21	0.27	SNP
chr6_29895973_G_C	29895973	1.42	1.13	1.79	0.002277	0.18	0.20	0.17	SNP
chr6_31322690_A_G	31322690	2.02	1.27	3.15	0.002291	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_29944670_G_C	29944670	1.37	1.12	1.69	0.002294	0.47	0.50	0.46	SNP
chr6_32605274_C_T	32605274	0.71	0.57	0.88	0.002311	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_31324750_G_A	31324750	0.56	0.39	0.81	0.002318	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32633285_T_C	32633285	0.72	0.58	0.89	0.002330	0.36	0.31	0.37	SNP
chr6_32608467_G_C	32608467	1.42	1.13	1.78	0.002331	0.29	0.36	0.27	SNP
chr6_32604000_T_G	32604000	0.71	0.56	0.88	0.002358	0.46	0.39	0.47	SNP
chr6_32618774_T_C	32618774	0.68	0.53	0.87	0.002389	0.17	0.14	0.18	SNP
chr6_32603098_T_C	32603098	1.35	1.12	1.66	0.002417	0.46	0.55	0.46	SNP
chr6_33548493_C_T	33548493	0.73	0.60	0.89	0.002424	0.33	0.27	0.35	SNP
chr6_32406704_G_T	32406704	1.49	1.15	1.92	0.002467	0.21	0.24	0.21	SNP
chr6_29944706_G_A	29944706	1.51	1.15	1.97	0.002484	0.15	0.17	0.14	SNP
chr6_31365640_C_T	31365640	1.44	1.14	1.82	0.002484	0.13	0.16	0.12	SNP
chr6_33639760_C_G	33639760	0.75	0.62	0.90	0.002493	0.33	0.28	0.35	SNP
chr6_32606085_T_A	32606085	0.71	0.57	0.89	0.002512	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_32604564_C_T	32604564	1.43	1.13	1.83	0.002531	0.31	0.40	0.31	SNP
chr6_31371071_C_A	31371071	2.09	1.28	3.36	0.002531	0.03	0.05	0.02	SNP
chr6_32635226_G_T	32635226	0.71	0.56	0.89	0.002609	0.46	0.40	0.48	SNP
chr6_31326703_T_C	31326703	0.89	0.29	0.97	0.002621	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31566507_G_A	31566507	0.50	0.31	0.77	0.002648	0.05	0.03	0.05	SNP
chr6_32627535_T_G	32627535	0.70	0.56	0.88	0.002659	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_29908838_C_G	29908838	1.33	1.10	1.59	0.002672	0.37	0.40	0.37	SNP
chr6_32602412_T_C	32602412	1.46	1.13	1.78	0.002688	0.48	0.56	0.46	SNP
chr6_31910938_G_T	31910938	0.59	0.41	0.82	0.002688	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32627714_G_T	32627714	0.71	0.57	0.89	0.002701	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_31326074_A_T	31326074	2.09	1.29	3.37	0.002750	0.15	0.17	0.11	SNP
chr6_32629314_A_G	32629314	0.71	0.56	0.89	0.002756	0.47	0.41	0.49	SNP
chr6_32520465_A_G	32520465	0.73	0.59	0.90	0.002765	0.38	0.33	0.39	SNP
chr6_32609105_A_G	32609105	0.71	0.57	0.89	0.002767	0.46	0.40	0.48	SNP
chr6_32634990_G_A	32634990	0.59	0.42	0.83	0.002768	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32362447_C_T	32362447	1.89	1.23	2.85	0.002776	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32373796_A_G	32373796	1.89	1.23	2.85	0.002776	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_29912368_T_C	29912368	1.33	1.10	1.60	0.002798	0.38	0.40	0.37	SNP
chr6_32603968_G_A	32603968	0.71	0.57	0.89	0.002796	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_29908954_A_G	29908954	1.33	1.10	1.60	0.002805	0.37	0.40	0.37	SNP
chr6_31325116_T_C	31325116	1.51	1.15	1.97	0.002847	0.34	0.37	0.33	SNP
chr6_29909807_G_T	29909807	1.41	1.12	1.76	0.002886	0.18	0.20	0.17	SNP
chr6_29909840_A_G	29909840	1.31	1.10	1.57	0.002889	0.46	0.48	0.45	SNP
chr6_32634103_C_T	32634103	0.71	0.57	0.89	0.002895	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_29909153_T_G	29909153	1.32	1.10	1.59	0.002900	0.37	0.40	0.37	SNP
chr6_31935464_C_G	31935464	0.43	0.23	0.72	0.002915	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32611958_C_G	32611958	1.43	1.13	1.81	0.002927	0.28	0.34	0.27	SNP
chr6_31326471_C_T	31326471	1.51	1.15	1.97	0.002925	0.13	0.16	0.12	SNP
chr6_29909745_G_A	29909745	1.32	1.10	1.59	0.002978	0.37	0.40	0.37	SNP
chr6_32605754_A_T	32605754	0.71	0.57	0.89	0.002982	0.46	0.40	0.47	SNP
chr6_31180159_T_C	31180159	1.44	1.13	1.84	0.002993	0.26	0.27	0.26	SNP
chr6_29913542_G_A	29913542	1.40	1.12	1.75	0.002993	0.18	0.20	0.18	SNP
chr6_31910929_G_A	31910929	0.59	0.41	0.83	0.003023	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32713267_A_G	32713267	1.52	1.15	1.99	0.003040	0.09	0.11	0.08	SNP
chr6_29912802_C_G	29912802	1.46	1.13	1.80	0.003088	0.38	0.40	0.37	SNP
chr6_31248324_C_T	31248324	0.45	0.26	0.75	0.003091	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32611243_C_T	32611243	1.41	1.12	1.77	0.003092	0.28	0.35	0.27	SNP
chr6_29912830_C_T	29912830	1.39	1.12	1.73	0.003110	0.19	0.21	0.18	SNP
chr6_32607008_T_G	32607008	0.72	0.57	0.89	0.003122	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_31244332_C_T	31244332	0.48	0.29	0.76	0.003127	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32627600_T_C	32627600	0.71	0.57	0.89	0.003132	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_32636289_T_C	32636289	1.40	1.12	1.75	0.003139	0.23	0.29	0.22	SNP
chr6_31326080_T_C	31326080	0.61	0.44	0.84	0.003199	0.09	0.07	0.09	SNP
chr6_33545340_G_A	33545340	0.72	0.57	0.89	0.003214	0.26	0.20	0.27	SNP
chr6_32520665_A_C	32520665	0.73	0.60	0.90	0.003220	0.37	0.32	0.39	SNP
chr6_29909616_C_T	29909616	1.32	1.10	1.59	0.003223	0.37	0.40	0.37	SNP
chr6_31248091_G_A	31248091	0.45	0.25	0.74	0.003235	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_29909033_G_A	29909033	1.32	1.10	1.59	0.003241	0.37	0.39	0.36	SNP
chr6_32163274_G_A	32163274	1.83	1.21	2.72	0.003260	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32166380_C_G	32166380	1.83	1.21	2.72	0.003260	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32134828_C_T	32134828	0.42	0.22	0.72	0.003264	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_31321211_C_G	31321211	1.36	1.03	1.63	0.003275	0.41	0.37	0.42	SNP
chr6_33039535_A_T	33039535	1.45	1.13	1.85	0.003298	0.12	0.13	0.11	SNP
chr6_33543409_A_C	33543409	1.30	1.09	1.55	0.003314	0.40	0.47	0.39	SNP
chr6_32627517_G_T	32627517	0.71	0.56	0.89	0.003327	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_29892615_C_T	29892615	0.78	0.66	0.92	0.003348	0.56	0.47	0.50	SNP
chr6_32628941_G_C	32628941	1.39	1.12	1.74	0.003344	0.23	0.29	0.22	SNP
chr6_32442296_C_T	32442296	0.69	0.54	0.88	0.003356	0.29	0.25	0.30	SNP
chr6_31241933_A_G	31241933	1.56	1.16	2.10	0.003388	0.08	0.11	0.07	SNP
chr6_32611373_A_G	32611373	0.71	0.56	0.89	0.003388	0.49	0.43	0.51	SNP
chr6_32605943_A_G	32605943	0.72	0.57	0.89	0.003392	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_29798610_C_T	29798610	1.40	1.12	1.75	0.003399	0.18	0.20	0.17	SNP
chr6_31325115_G_A	31325115	1.50	1.14	1.86	0.003418	0.38	0.37	0.34	SNP
chr6_33382943_T_G	33382943	1.52	1.14	2.00	0.003434	0.10	0.12	0.09	SNP
chr6_31326201_G_A	31326201	1.48	1.13	1.91	0.003440	0.10	0.12	0.09	SNP
chr6_29909472_C_G	29909472	1.32	1.10	1.58	0.003440	0.37	0.40	0.37	SNP
chr6_33136076_G_A	33136076	1.49	1.14	1.95	0.003466	0.11	0.12	0.10	SNP
chr6_32490732_G_A	32490732	2.14	1.27	3.54	0.003479	0.02	0.04	0.02	SNP
chr6_33610059_G_T	33610059	0.72	0.57	0.90	0.003485	0.45	0.39	0.47	SNP
chr6_29909751_C_T	29909751	1.30	1.09	1.56	0.003512	0.46	0.48	0.45	SNP
chr6_31116142_G_A	31116142	1.45	1.13	1.86	0.003538	0.26	0.27	0.26	SNP
chr6_32526540_A_G	32526540	0.74	0.61	0.91	0.003551	0.41	0.36	0.42	SNP
chr6_31241207_C_T	31241207	1.44	1.10	1.80	0.003560	0.29	0.26	0.29	SNP
chr6_31430065_C_T	31430065	2.09	1.27	3.44	0.003604	0.12	0.13	0.11	SNP
chr6_32627485_C_T	32627485	0.70	0.55	0.89	0.003609	0.43	0.37	0.45	SNP
chr6_32977044_G_A	32977044	1.49	1.14	1.95	0.003619	0.09	0.10	0.09	SNP

chr3_31507160_A_G	31507160	0.40	0.20	0.72	0.004484	0.03	0.02	0.04	SNP
chr3_31511420_C_C	31511420	0.58	0.39	0.83	0.004490	0.06	0.04	0.07	SNP
chr3_31902289_C_G	31902289	0.54	0.34	0.81	0.004546	0.05	0.03	0.06	SNP
chr3_32628916_G_A	32628916	1.38	1.10	1.71	0.004548	0.23	0.29	0.22	SNP
chr3_32608967_A_G	32608967	0.61	0.43	0.85	0.004555	0.09	0.10	0.06	SNP
chr3_32636280_G_T	32636280	1.38	1.10	1.73	0.004573	0.23	0.29	0.22	SNP
chr3_32612161_C_A	32612161	1.39	1.11	1.74	0.004593	0.29	0.36	0.27	SNP
chr3_32627777_G_C	32627777	1.37	1.10	1.70	0.004603	0.24	0.29	0.22	SNP
chr3_32605825_G_A	32605825	1.51	1.13	1.99	0.004637	0.08	0.10	0.07	SNP
chr3_32605920_A_G	32605920	0.72	0.58	0.90	0.004677	0.45	0.39	0.47	SNP
chr3_32628571_C_T	32628571	1.39	1.11	1.75	0.004686	0.23	0.28	0.21	SNP
chr3_32606176_T_A	32606176	0.72	0.58	0.90	0.004692	0.45	0.39	0.47	SNP
chr3_32976185_G_C	32976185	0.39	0.20	0.72	0.004702	0.03	0.01	0.03	SNP
chr3_31248114_C_T	31248114	0.48	0.28	0.78	0.004709	0.04	0.03	0.05	SNP
HLA_2_Hd_B_08_D1	31321552	0.63	0.45	0.86	0.004740	0.09	0.07	0.09	HLA (HLA)
chr3_32604394_T_C	32604394	1.39	1.11	1.74	0.004742	0.29	0.36	0.28	SNP
chr3_32611234_C_T	32611234	1.38	1.10	1.74	0.004761	0.28	0.35	0.27	SNP
chr3_32612166_C_T	32612166	1.39	1.10	1.74	0.004773	0.29	0.35	0.27	SNP
chr3_29912935_C_T	29912935	1.39	1.10	1.75	0.004789	0.17	0.19	0.17	SNP
chr3_32526702_C_T	32526702	0.60	0.42	0.85	0.004865	0.08	0.05	0.09	SNP
chr3_32628944_C_G	32628944	1.39	1.10	1.75	0.004869	0.36	0.42	0.34	SNP
chr3_32605067_C_A	32605067	1.50	1.13	1.98	0.004874	0.08	0.10	0.08	SNP
chr3_31323506_C_T	31323506	1.94	1.22	3.08	0.004894	0.12	0.13	0.12	SNP
chr3_32409530_A_G	32409530	1.31	1.08	1.57	0.004957	0.40	0.43	0.39	SNP
chr3_32604395_A_G	32604395	1.50	1.13	1.99	0.004957	0.08	0.10	0.07	SNP
chr3_29852955_T_C	29852955	1.39	1.10	1.75	0.004993	0.18	0.20	0.17	SNP
chr3_33596664_A_C	33596664	0.55	0.35	0.82	0.005004	0.05	0.03	0.06	SNP
chr3_32604431_A_T	32604431	1.50	1.13	1.99	0.005029	0.08	0.10	0.07	SNP
chr3_32611759_T_C	32611759	0.62	0.44	0.86	0.005050	0.12	0.06	0.09	SNP
chr3_32605326_A_G	32605326	1.50	1.12	1.98	0.005128	0.08	0.10	0.08	SNP
chr3_31321919_G_T	31321919	1.72	1.17	2.49	0.005130	0.04	0.06	0.04	SNP
chr3_32604974_C_T	32604974	1.50	1.12	1.99	0.005153	0.08	0.10	0.07	SNP
chr3_32608417_G_A	32608417	1.38	1.10	1.73	0.005190	0.02	0.36	0.27	SNP
chr3_29913638_C_G	29913638	1.37	1.10	1.71	0.005215	0.19	0.21	0.18	SNP
chr3_32609126_C_T	32609126	0.73	0.58	0.91	0.005224	0.46	0.40	0.48	SNP
chr3_29913727_C_T	29913727	1.37	1.10	1.70	0.005225	0.10	0.21	0.19	SNP
chr3_32793721_G_C	32793721	1.63	1.15	2.29	0.005273	0.06	0.10	0.05	SNP
chr3_32609476_T_C	32609476	1.50	1.12	1.99	0.005289	0.08	0.10	0.07	SNP
chr3_29918726_G_A	29918726	1.37	1.10	1.73	0.005292	0.19	0.21	0.18	SNP
chr3_32611510_C_G	32611510	0.73	0.58	0.91	0.005342	0.47	0.41	0.48	SNP
chr3_32629755_G_A	32629755	1.36	1.10	1.70	0.005343	0.24	0.29	0.22	SNP
chr3_3112602_G_C	3112602	1.41	1.11	1.80	0.005418	0.26	0.27	0.26	SNP
chr3_3284876_C_T	3284876	1.39	1.14	1.75	0.005420	0.06	0.10	0.05	SNP
chr3_32628506_C_A	32628506	1.38	1.10	1.73	0.005430	0.23	0.28	0.21	SNP
chr3_32793534_T_C	32793534	1.62	1.15	2.28	0.005434	0.06	0.10	0.05	SNP
chr3_32626221_G_A	32626221	1.36	1.10	1.69	0.005472	0.31	0.38	0.29	SNP
chr3_31924880_G_A	31924880	0.61	0.43	0.86	0.005474	0.09	0.06	0.09	SNP
chr3_33219142_A_C	33219142	0.76	0.63	0.92	0.005501	0.34	0.28	0.35	SNP
chr3_31868827_G_T	31868827	1.48	1.12	1.95	0.005513	0.33	0.35	0.33	SNP
chr3_32609427_C_T	32609427	0.73	0.58	0.91	0.005566	0.46	0.39	0.47	SNP
chr3_32628760_C_A	32628760	1.37	1.10	1.71	0.005609	0.23	0.29	0.22	SNP
chr3_32634007_A_G	32634007	1.36	1.09	1.70	0.005629	0.24	0.29	0.22	SNP
chr3_32376788_C_T	32376788	1.36	1.09	1.68	0.005657	0.45	0.49	0.44	SNP
chr3_31245534_A_C	31245534	1.45	1.11	1.88	0.005668	0.10	0.12	0.09	SNP
chr3_32559674_T_A	32559674	1.52	1.12	2.03	0.005681	0.08	0.10	0.07	SNP
chr3_29915117_G_A	29915117	1.37	1.09	1.71	0.005692	0.19	0.21	0.19	SNP
chr3_31606756_A_T	31606756	0.66	0.48	0.88	0.005702	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32610300_C_T	32610300	0.62	0.44	0.86	0.005708	0.08	0.06	0.09	SNP
chr3_3121360_G_A	3121360	1.58	1.14	2.18	0.005742	0.19	0.21	0.18	SNP
chr3_29897759_A_G	29897759	1.37	1.09	1.70	0.005743	0.20	0.22	0.19	SNP
chr3_32559124_T_C	32559124	1.39	1.10	1.75	0.005762	0.28	0.35	0.26	SNP
chr3_29896268_C_T	29896268	1.29	1.08	1.54	0.005789	0.44	0.46	0.43	SNP
chr3_29910286_T_C	29910286	1.37	1.10	1.72	0.005797	0.10	0.12	0.19	SNP
chr3_32608483_T_C	32608483	1.37	1.10	1.72	0.005798	0.29	0.36	0.27	SNP
chr3_29910176_T_C	29910176	1.31	1.08	1.58	0.005807	0.39	0.41	0.38	SNP
chr3_32612241_A_T	32612241	1.37	1.10	1.72	0.005811	0.29	0.35	0.27	SNP
chr3_31326948_C_A	31326948	0.66	0.49	0.88	0.005813	0.11	0.08	0.11	SNP
chr3_32605759_A_T	32605759	0.73	0.59	0.91	0.005825	0.46	0.40	0.47	SNP
chr3_32605689_C_A	32605689	1.49	1.12	1.97	0.005851	0.08	0.10	0.07	SNP
chr3_32825378_A_G	32825378	1.41	1.05	1.65	0.005855	0.45	0.41	0.46	SNP
chr3_32520664_G_A	32520664	1.36	1.09	1.69	0.005863	0.31	0.38	0.29	SNP
chr3_32636351_T_C	32636351	1.36	1.09	1.70	0.005867	0.24	0.29	0.22	SNP
chr3_32611769_G_C	32611769	1.40	1.10	1.77	0.005873	0.31	0.38	0.29	SNP
chr3_32629639_T_C	32629639	1.36	1.09	1.69	0.005879	0.24	0.29	0.22	SNP
chr3_31110391_G_C	31110391	1.40	1.10	1.79	0.005884	0.26	0.27	0.26	SNP
chr3_32412580_C_T	32412580	1.41	1.10	1.79	0.005890	0.23	0.25	0.22	SNP
chr3_32606960_A_G	32606960	0.62	0.43	0.86	0.005907	0.06	0.05	0.09	SNP
chr3_32636217_G_A	32636217	1.36	1.09	1.70	0.006017	0.23	0.29	0.22	SNP
chr3_32605861_A_G	32605861	0.62	0.44	0.86	0.006018	0.08	0.05	0.09	SNP
chr3_29896680_G_A	29896680	1.28	1.07	1.53	0.006022	0.49	0.51	0.49	SNP
chr3_32611265_C_T	32611265	1.37	1.09	1.72	0.006044	0.29	0.35	0.27	SNP
chr3_31326683_G_A	31326683	0.67	0.50	0.89	0.006064	0.11	0.08	0.11	SNP
chr3_32085278_C_T	32085278	1.92	1.19	3.03	0.006069	0.03	0.04	0.03	SNP
chr3_32335230_G_A	32335230	1.37	1.09	1.73	0.006100	0.23	0.28	0.22	SNP
chr3_32976147_A_T	32976147	0.39	0.19	0.73	0.006103	0.03	0.01	0.03	SNP
chr3_32633415_C_T	32633415	1.48	1.12	1.95	0.006119	0.16	0.18	0.16	SNP
chr3_31323416_G_A	31323416	0.62	0.44	0.86	0.006142	0.11	0.13	0.12	SNP
chr3_32612096_G_A	32612096	0.62	0.44	0.87	0.006158	0.08	0.06	0.09	SNP
chr3_32550819_C_A	32550819	1.37	1.09	1.72	0.006201	0.29	0.35	0.27	SNP
chr3_32481150_C_T	32481150	1.37	1.09	1.72	0.006211	0.30	0.36	0.28	SNP
chr3_32605950_C_T	32605950	0.62	0.44	0.86	0.006222	0.06	0.05	0.09	SNP
chr3_32781112_C_T	32781112	1.62	1.14	2.28	0.006237	0.06	0.09	0.05	SNP
chr3_29855120_T_G	29855120	1.30	1.08	1.57	0.006252	0.31	0.33	0.31	SNP
chr3_32559212_A_G	32559212	1.38	1.10	1.74	0.006262	0.29	0.35	0.27	SNP
chr3_32817130_A_G	32817130	0.73	0.58	0.91	0.006278	0.18	0.15	0.19	SNP
chr3_31473247_C_T	31473247	0.46	0.26	0.78	0.006313	0.03	0.02	0.04	SNP
chr3_31932209_G_A	31932209	0.43	0.23	0.76	0.006316	0.04	0.02	0.04	SNP
chr3_32638819_A_G	32638819	0.73	0.58	0.91	0.006322	0.50	0.54	0.49	SNP
chr3_32610105_A_G	32610105	1.50	1.12	1.99	0.006322	0.08	0.10	0.07	SNP
chr3_32608946_G_A	32608946	0.63	0.44	0.87	0.006340	0.08	0.06	0.09	SNP
chr3_31373025_G_A	31373025	1.32	1.08	1.60	0.006383	0.21	0.25	0.20	SNP
chr3_31934372_C_T	31934372	0.64	0.46	0.88	0.006404	0.12	0.08	0.12	SNP
chr3_32610330_A_T	32610330	1.48	1.11	1.96	0.006416	0.08	0.10	0.07	SNP
chr3_32611215_C_C	32611215	0.63	0.45	0.87	0.006422	0.08	0.06	0.09	SNP
chr3_31244082_C_T	31244082	1.45	1.10	1.88	0.006520	0.10	0.12	0.09	SNP
chr3_31540957_T_C	31540957	0.46	0.26	0.78	0.006525	0.03	0.02	0.04	SNP
chr3_31538277_G_A	31538277	0.46	0.26	0.78	0.006565	0.03	0.02	0.04	SNP
chr3_31619596_T_G	31619596	1.62	1.14	2.48	0.006566	0.08	0.06	0.09	SNP
chr3_32611650_G_A	32611650	1.38	1.09	1.74	0.006573	0.28	0.34	0.27	SNP
chr3_32171279_C_T	32171279	1.74	1.16	2.58	0.006582	0.03	0.05	0.03	SNP
chr3_32171288_C_T	32171288	1.74	1.16	2.58	0.006582	0.03	0.05	0.03	SNP
HLA_2_Hd_B_0									



chr6_32612279_T_C	32612279	136	1.09	1.71	0.007200	0.39	0.35	0.37	SNP
chr6_32608531_A_C	32608531	136	1.09	1.71	0.007212	0.29	0.36	0.27	SNP
xHLA_2Hidd_C_06_02	31236526	1.54	1.12	2.11	0.007240	0.06	0.08	0.06	HLA (xHLA)
chr6_32604384_G_A	32604384	0.62	0.44	0.87	0.007265	0.08	0.06	0.09	SNP
chr6_32610696_G_T	32610696	0.63	0.45	0.83	0.007271	0.08	0.06	0.09	SNP
xHLA_2Hidd_A_03_01	29910309	1.39	1.09	1.76	0.007285	0.18	0.19	0.17	HLA (xHLA)
chr6_32635033_T_G	32635033	1.35	1.08	1.67	0.007310	0.24	0.29	0.22	SNP
chr6_32633899_T_C	32633899	1.34	1.08	1.66	0.007354	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_31930351_A_G	31930351	0.54	0.33	0.83	0.007368	0.05	0.03	0.05	SNP
chr6_31237449_C_T	31237449	1.45	1.10	1.90	0.007397	0.32	0.35	0.31	SNP
chr6_32559444_C_T	32559444	0.65	0.47	0.88	0.007430	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32645094_T_G	32645094	1.35	1.08	1.68	0.007431	0.24	0.29	0.22	SNP
chr6_31901773_G_A	31901773	0.47	0.26	0.80	0.007438	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_29913074_G_A	29913074	1.35	1.08	1.68	0.007479	0.19	0.21	0.19	SNP
chr6_32629398_G_C	32629398	1.35	1.08	1.68	0.007491	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_32614403_G_A	32614403	1.37	1.09	1.71	0.007514	0.27	0.33	0.25	SNP
chr6_32635949_G_A	32635949	1.32	1.08	1.61	0.007608	0.29	0.34	0.27	SNP
chr6_32633636_G_A	32633636	1.34	1.08	1.67	0.007629	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_31325117_C_T	31325117	0.67	0.50	0.92	0.007634	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32550931_C_A	32550931	1.38	1.09	1.74	0.007703	0.23	0.29	0.21	SNP
chr6_30879987_C_T	30879987	1.74	1.16	2.62	0.007815	0.12	0.13	0.11	SNP
chr6_32185142_G_A	32185142	1.58	1.12	2.20	0.007836	0.06	0.10	0.05	SNP
chr6_32633781_C_T	32633781	1.34	1.08	1.67	0.007880	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_33546498_C_T	33546498	1.29	1.07	1.56	0.007890	0.22	0.25	0.21	SNP
chr6_32823257_T_C	32823257	0.79	0.67	0.94	0.007907	0.45	0.41	0.46	SNP
chr6_32606779_G_A	32606779	1.47	1.10	1.95	0.007920	0.08	0.10	0.08	SNP
chr6_29913078_G_A	29913078	1.35	1.08	1.68	0.007983	0.19	0.21	0.19	SNP
chr6_32629530_C_T	32629530	1.34	1.08	1.67	0.007986	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_32635724_A_G	32635724	0.62	0.43	0.87	0.007987	0.02	0.05	0.08	SNP
chr6_31321407_C_T	31321407	0.68	0.51	0.90	0.008000	0.11	0.08	0.12	SNP
chr6_32804381_A_T	32804381	0.57	0.37	0.85	0.008012	0.06	0.04	0.06	SNP
chr6_32822975_T_A	32822975	0.79	0.66	0.94	0.008013	0.43	0.40	0.44	SNP
chr6_32633767_G_T	32633767	1.34	1.08	1.67	0.008015	0.46	0.29	0.22	SNP
chr6_32605724_A_G	32605724	1.36	1.08	1.70	0.008023	0.29	0.35	0.27	SNP
chr6_32340596_T_A	32340596	0.53	0.32	0.83	0.008097	0.04	0.03	0.05	SNP
chr6_32634098_C_T	32634098	1.32	1.08	1.67	0.008132	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_32611709_T_C	32611709	0.64	0.45	0.88	0.008141	0.08	0.06	0.09	SNP
chr6_32944094_G_C	32944094	1.43	1.09	1.87	0.008163	0.09	0.12	0.08	SNP
chr6_31645495_G_A	31645495	1.31	1.16	1.85	0.008171	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_32612251_T_G	32612251	1.36	1.08	1.70	0.008178	0.29	0.35	0.27	SNP
chr6_31560565_C_T	31560565	0.47	0.26	0.80	0.008271	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_31242064_T_A	31242064	0.61	0.42	0.87	0.008278	0.09	0.07	0.09	SNP
chr6_30029694_A_G	30029694	1.42	1.16	1.92	0.008287	0.15	0.14	0.10	SNP
chr6_29854703_G_A	29854703	1.33	1.07	1.73	0.008421	0.19	0.21	0.18	SNP
chr6_32612326_T_G	32612326	1.36	1.08	1.70	0.008451	0.29	0.35	0.27	SNP
chr6_32611760_G_A	32611760	1.36	1.08	1.71	0.008486	0.39	0.35	0.27	SNP
chr6_32627635_T_C	32627635	0.74	0.59	0.92	0.008514	0.45	0.39	0.46	SNP
chr6_32610968_A_G	32610968	1.36	1.08	1.71	0.008519	0.27	0.32	0.25	SNP
chr6_31928306_A_G	31928306	0.83	0.45	0.88	0.008539	0.08	0.06	0.09	SNP
chr6_31509880_G_T	31509880	1.88	1.16	2.98	0.008549	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_32822907_T_C	32822907	0.79	0.67	0.94	0.008557	0.45	0.41	0.46	SNP
chr6_30857894_G_A	30857894	1.72	1.15	2.58	0.008583	0.12	0.13	0.11	SNP
chr6_32606757_T_C	32606757	1.72	1.15	2.58	0.008583	0.12	0.13	0.11	SNP
chr6_32611260_A_G	32611260	1.36	1.08	1.70	0.008586	0.29	0.35	0.27	SNP
chr6_32804798_G_A	32804798	1.31	1.07	1.59	0.008592	0.27	0.34	0.26	SNP
chr6_32603729_A_G	32603729	0.67	0.10	1.94	0.008620	0.08	0.10	0.08	SNP
chr6_32628787_C_T	32628787	1.35	1.08	1.69	0.008628	0.23	0.29	0.22	SNP
chr6_32607270_A_G	32607270	0.63	0.44	0.84	0.008690	0.08	0.06	0.09	SNP
chr6_31488393_C_G	31488393	0.47	0.26	0.81	0.008738	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_31608320_T_C	31608320	0.67	0.59	0.87	0.008787	0.46	0.40	0.48	SNP
chr6_32635172_C_T	32635172	1.34	1.08	1.66	0.008799	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_32635266_T_G	32635266	1.35	1.08	1.70	0.008808	0.23	0.28	0.21	SNP
chr6_32622858_G_C	32622858	1.39	1.07	1.67	0.008938	0.43	0.40	0.44	SNP
chr6_29913948_T_G	29913948	1.29	1.07	1.55	0.008921	0.38	0.40	0.38	SNP
chr6_31830593_A_C	31830593	0.47	0.26	0.80	0.008935	0.04	0.03	0.05	SNP
chr6_29913944_C_T	29913944	1.29	1.06	1.55	0.008938	0.38	0.40	0.38	SNP
chr6_31609341_T_C	31609341	0.74	0.58	0.93	0.009074	0.48	0.43	0.49	SNP
chr6_31930462_G_A	31930462	0.70	0.54	0.91	0.009077	0.14	0.11	0.14	SNP
chr6_32634556_G_A	32634556	1.35	1.08	1.68	0.009078	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_32376471_A_G	32376471	1.35	1.08	1.67	0.009080	0.19	0.24	0.19	SNP
chr6_31238522_C_T	31238522	1.31	1.07	1.61	0.009084	0.21	0.24	0.20	SNP
chr6_32629859_G_A	32629859	0.74	0.59	0.93	0.009089	0.49	0.44	0.50	SNP
chr6_32607047_T_C	32607047	1.36	1.08	1.71	0.009086	0.31	0.38	0.30	SNP
xHLA_2Hidd_B_57_01	31321652	1.87	1.16	2.98	0.009110	0.03	0.04	0.02	HLA (xHLA)
chr6_32606266_C_T	32606266	1.46	1.09	1.94	0.009144	0.08	0.10	0.08	SNP
chr6_30879636_C_T	30879636	1.75	1.15	2.66	0.009151	0.11	0.13	0.11	SNP
chr6_32522498_G_C	32522498	0.75	0.61	0.93	0.009153	0.43	0.37	0.42	SNP
chr6_31751071_T_A	31751071	1.84	1.15	2.89	0.009162	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_31084684_G_A	31084684	0.77	0.63	0.94	0.009181	0.49	0.45	0.50	SNP
chr6_31634057_C_T	31634057	1.44	1.07	1.67	0.009326	0.24	0.29	0.22	SNP
chr6_31325764_C_G	31325764	0.69	0.51	0.91	0.009341	0.11	0.09	0.12	SNP
chr6_32013500_T_C	32013500	0.64	0.46	0.89	0.009438	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32604059_A_G	32604059	1.34	1.07	1.68	0.009442	0.29	0.36	0.28	SNP
chr6_32344593_G_C	32344593	1.34	1.07	1.66	0.009489	0.24	0.28	0.22	SNP
chr6_32407537_C_T	32407537	0.53	0.32	0.84	0.009508	0.04	0.03	0.05	SNP
chr6_32798647_A_T	32798647	0.50	0.29	0.82	0.009527	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_31281303_C_C	31281303	1.51	1.10	2.05	0.009767	0.06	0.09	0.08	SNP
chr6_32712666_T_C	32712666	1.49	1.10	2.02	0.009712	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_32191457_G_A	32191457	0.74	0.59	0.93	0.009809	0.18	0.15	0.19	SNP
chr6_32634355_G_A	32634355	1.34	1.07	1.67	0.009901	0.24	0.29	0.22	SNP
chr6_33046462_T_C	33046462	0.76	0.62	0.93	0.010127	0.33	0.34	0.32	SNP
chr6_32634646_T_C	32634646	1.33	1.07	1.66	0.010012	0.24	0.29	0.22	SNP
chr6_32783405_C_T	32783405	1.55	1.11	2.15	0.010109	0.06	0.10	0.05	SNP
chr6_31707526_G_A	31707526	1.82	1.14	2.85	0.010123	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_31240060_G_A	31240060	1.43	1.09	1.88	0.010177	0.33	0.35	0.32	SNP
chr6_29857890_C_T	29857890	1.29	1.06	1.56	0.010197	0.24	0.26	0.23	SNP
chr6_32632041_A_G	32632041	1.35	1.07	1.70	0.010204	0.29	0.35	0.27	SNP
chr6_32603939_G_C	32603939	1.33	1.07	1.64	0.010217	0.33	0.35	0.32	SNP
chr6_32629066_T_C	32629066	1.34	1.07	1.68	0.010227	0.23	0.28	0.22	SNP
chr6_32604259_C_T	32604259	1.35	1.07	1.69	0.010272	0.29	0.36	0.28	SNP
chr6_32604544_C_T	32604544	1.35	1.07	1.69	0.010300	0.13	0.14	0.11	SNP
chr6_32635713_C_T	32635713	0.75	0.60	0.93	0.010334	0.48	0.42	0.49	SNP
chr6_32612008_T_C	32612008	1.35	1.07	1.71	0.010360	0.28	0.34	0.27	SNP
chr6_32610976_A_C	32610976	0.65	0.46	0.89	0.010455	0.08	0.06	0.09	SNP
chr6_29914034_A_G	29914034	1.29	1.06	1.57	0.010501	0.39	0.41	0.39	SNP
chr6_32785841_C_T	32785841	1.54	1.10	2.15	0.010574	0.06	0.10	0.05	SNP
chr6_31244230_C_A	31244230	1.57	1.11	2.21	0.010617	0.18	0.20	0.17	SNP
chr6_32633317_A_G	32633317	0.75	0.60	0.93	0.010623	0.49	0.39	0.46	SNP
chr6_32604108_T_C	32604108	1.34	1.07	1.68	0.010723	0.29	0.36	0.28	SNP
chr6_32490708_A_C	32490708	2.21	1.18	4.02	0.010748	0.02	0.03	0.01	SNP
chr6_32155581_A_G	32155581	1.37	1.07	1.75	0.010839	0.23	0.2		



Table with columns: chr#, ID, chr#, chr#, chr#, chr#, chr#, chr#, chr#. Contains genomic coordinates for various chromosomes and bands (e.g., chr1\_21408933\_C\_A, chr2\_31324051\_C\_A, etc.).

chr6_29720604_G_A	29720604	135	1.05	1.75	0.019866	0.20	0.21	0.30	SNP
chr6_31275560_T_C	31275560	064	0.43	0.92	0.019866	0.07	0.05	0.07	SNP
chr6_31778272_A_G	31778272	140	1.05	1.86	0.019910	0.22	0.23	0.21	SNP
chr6_31241092_G_C	31241092	130	1.04	1.61	0.019992	0.38	0.40	0.38	SNP
chr6_30030114_G_C	30030114	133	1.04	1.69	0.020007	0.15	0.17	0.14	SNP
chr6_32490766_G_T	32490766	186	1.09	3.12	0.020174	0.02	0.03	0.02	SNP
chr6_29895913_G_A	29895913	081	0.68	0.97	0.020272	0.44	0.43	0.45	SNP
chr6_32181735_G_C	32181735	125	1.03	1.50	0.020310	0.39	0.43	0.38	SNP
chr6_32187514_T_C	32187514	129	1.04	1.60	0.020329	0.21	0.22	0.21	SNP
chr6_30796545_T_C	30796545	156	1.07	2.28	0.020356	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31948400_T_G	31948400	055	0.33	0.89	0.020511	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_31935567_G_A	31935567	058	0.36	0.96	0.020754	0.04	0.03	0.05	SNP
chr6_32707551_A_G	32707551	124	1.03	1.49	0.020767	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_32628845_G_A	32628845	131	1.04	1.64	0.020859	0.36	0.42	0.35	SNP
chr6_31127037_C_T	31127037	060	0.38	0.91	0.020902	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32610314_T_C	32610314	129	1.04	1.60	0.020958	0.33	0.35	0.32	SNP
chr6_32707558_G_A	32707558	124	1.03	1.49	0.020944	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_29768705_C_A	29768705	129	1.04	1.59	0.020944	0.25	0.26	0.25	SNP
chr6_3206331_A_C	3206331	074	0.18	0.56	0.020957	0.33	0.30	0.34	SNP
chr6_32187722_T_C	32187722	079	0.64	0.96	0.021023	0.45	0.40	0.46	SNP
chr6_32377061_C_T	32377061	130	1.04	1.62	0.021162	0.48	0.52	0.47	SNP
chr6_32107565_C_T	32107565	124	1.03	1.48	0.021224	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_32707566_G_A	32707566	124	1.03	1.48	0.021224	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_31629995_G_A	31629995	064	0.43	0.92	0.021263	0.06	0.04	0.07	SNP
chr6_32521591_C_T	32521591	131	1.04	1.64	0.021306	0.52	0.38	0.30	SNP
chr6_31238986_T_C	31238986	076	0.60	0.96	0.021622	0.21	0.21	0.21	SNP
chr6_32636385_A_T	32636385	126	1.03	1.53	0.021788	0.37	0.40	0.36	SNP
chr6_32629328_G_A	32629328	130	1.04	1.64	0.021864	0.23	0.28	0.22	SNP
HLA_Zifed_C_07_D1	31232067	041	1.18	1.88	0.021876	0.19	0.15	0.02	HLA (HLA)
chr6_32559702_A_G	32559702	139	1.05	1.84	0.021929	0.21	0.27	0.19	SNP
HLA_Zifed_DRB1_13_01	32546552	067	0.47	0.93	0.022054	0.08	0.06	0.09	HLA (HLA)
chr6_32608856_T_C	32608856	131	1.04	1.65	0.022504	0.28	0.34	0.27	SNP
chr6_32197466_G_A	32197466	145	1.05	2.00	0.022543	0.08	0.11	0.07	SNP
chr6_29795720_G_A	29795720	135	1.04	1.74	0.022588	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_29693011_T_C	29693011	129	1.03	1.60	0.022887	0.20	0.21	0.20	SNP
chr6_32626033_T_C	32626033	129	1.04	1.62	0.022957	0.21	0.28	0.22	SNP
chr6_29893403_C_G	29893403	137	1.04	1.78	0.022954	0.15	0.17	0.15	SNP
chr6_32627652_C_G	32627652	130	1.04	1.62	0.023014	0.37	0.43	0.36	SNP
chr6_29913668_G_T	29913668	138	1.03	1.97	0.023119	0.39	0.24	0.22	SNP
chr6_32636138_A_G	32636138	129	1.03	1.61	0.023494	0.23	0.28	0.22	SNP
chr6_29897736_C_T	29897736	128	1.03	1.58	0.023590	0.21	0.22	0.20	SNP
chr6_3124531_T_C	3124531	135	1.04	1.75	0.023656	0.31	0.33	0.31	SNP
chr6_3244258_G_A	3244258	127	1.03	1.65	0.023656	0.26	0.40	0.40	SNP
chr6_32411726_A_G	32411726	130	1.03	1.63	0.023686	0.25	0.27	0.24	SNP
chr6_29944314_C_T	29944314	123	1.03	1.47	0.023797	0.46	0.47	0.46	SNP
chr6_32629535_C_A	32629535	129	1.03	1.62	0.023868	0.37	0.43	0.35	SNP
chr6_31558702_C_T	31558702	179	1.08	2.96	0.023902	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_33280505_C_A	33280505	121	1.03	1.43	0.024091	0.35	0.40	0.34	SNP
chr6_32629400_A_G	32629400	129	1.03	1.62	0.024102	0.57	0.43	0.35	SNP
chr6_32608909_T_C	32608909	131	1.04	1.65	0.024103	0.27	0.33	0.25	SNP
chr6_29893235_C_T	29893235	082	0.69	0.97	0.024105	0.45	0.44	0.45	SNP
chr6_29895944_G_A	29895944	082	0.68	0.97	0.024147	0.45	0.44	0.45	SNP
chr6_32610994_C_A	32610994	131	1.04	1.66	0.024151	0.26	0.31	0.25	SNP
chr6_32609456_C_T	32609456	130	1.03	1.63	0.024178	0.29	0.35	0.28	SNP
chr6_32555432_G_A	32555432	142	1.04	1.91	0.024297	0.08	0.09	0.07	SNP
chr6_32713867_C_T	32713867	133	1.05	2.17	0.024306	0.20	0.17	0.20	SNP
chr6_31085382_C_A	31085382	081	0.67	0.97	0.024408	0.48	0.46	0.49	SNP
chr6_32527162_C_T	32527162	132	1.03	1.69	0.024408	0.13	0.16	0.13	SNP
chr6_29893195_G_A	29893195	122	1.03	1.45	0.024428	0.48	0.49	0.47	SNP
chr6_32614659_A_G	32614659	077	0.61	1.02	0.024452	0.16	0.13	0.16	SNP
chr6_32498208_T_C	32498208	130	1.03	1.64	0.024508	0.30	0.37	0.28	SNP
chr6_31601344_C_T	31601344	073	0.55	0.96	0.024515	0.29	0.26	0.30	SNP
chr6_32608576_C_A	32608576	126	1.03	1.55	0.024581	0.42	0.48	0.41	SNP
chr6_32629347_T_C	32629347	130	1.03	1.63	0.024583	0.36	0.42	0.35	SNP
chr6_32709965_G_T	32709965	073	0.55	0.96	0.024668	0.20	0.17	0.21	SNP
chr6_29857410_C_T	29857410	123	1.03	1.47	0.024811	0.29	0.30	0.29	SNP
chr6_32440987_G_A	32440987	146	1.05	2.02	0.024820	0.12	0.19	0.17	SNP
chr6_32707806_T_C	32707806	123	1.03	1.47	0.025269	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_32611860_G_A	32611860	143	1.04	1.96	0.025381	0.18	0.20	0.18	SNP
chr6_31240353_C_A	31240353	129	1.03	1.65	0.025392	0.28	0.30	0.27	SNP
chr6_31240663_A_T	31240663	147	1.05	2.05	0.025392	0.18	0.20	0.17	SNP
chr6_32313667_G_A	32313667	056	0.33	0.91	0.025430	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32615581_A_G	32615581	123	1.03	1.70	0.025441	0.26	0.32	0.25	SNP
chr6_31275657_T_C	31275657	044	0.20	0.86	0.025629	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_32975014_T_C	32975014	122	1.02	1.45	0.025701	0.48	0.53	0.47	SNP
chr6_29895945_A_T	29895945	205	1.06	3.79	0.025741	0.01	0.02	0.01	SNP
chr6_29854082_T_A	29854082	124	1.03	1.62	0.025762	0.24	0.25	0.24	SNP
chr6_32636444_A_C	32636444	129	1.03	1.61	0.026152	0.23	0.28	0.22	SNP
chr6_32627367_G_A	32627367	058	0.36	0.92	0.026226	0.05	0.03	0.05	SNP
chr6_32707282_A_G	32707282	123	1.02	1.47	0.026352	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_31121208_G_T	31121208	132	1.03	1.68	0.026377	0.27	0.27	0.27	SNP
chr6_31239681_T_A	31239681	134	1.03	1.74	0.026382	0.41	0.44	0.40	SNP
chr6_32006317_T_C	32006317	071	0.53	0.96	0.026441	0.26	0.23	0.27	SNP
chr6_32010977_C_G	32010977	130	1.03	1.65	0.026466	0.26	0.31	0.25	SNP
chr6_32636154_C_G	32636154	128	1.03	1.60	0.026586	0.23	0.28	0.22	SNP
chr6_31235056_C_T	31235056	147	1.04	2.05	0.026587	0.15	0.16	0.15	SNP
chr6_3193945_G_A	3193945	124	1.03	1.62	0.026662	0.16	0.14	0.17	SNP
chr6_31702710_C_T	31702710	065	0.44	0.94	0.026785	0.06	0.04	0.06	SNP
chr6_32636063_G_A	32636063	128	1.03	1.59	0.026977	0.24	0.29	0.22	SNP
chr6_32806673_T_C	32806673	058	0.35	0.92	0.027296	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32709346_T_C	32709346	123	1.02	1.47	0.027411	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_30228416_T_C	30228416	076	0.59	0.97	0.027434	0.20	0.15	0.21	SNP
chr6_32731313_T_A	32731313	074	0.56	0.96	0.027635	0.20	0.17	0.21	SNP
chr6_30515043_T_C	30515043	151	1.04	2.17	0.027702	0.11	0.12	0.11	SNP
chr6_31906828_C_A	31906828	058	0.35	0.92	0.027861	0.04	0.03	0.04	SNP
chr6_32500941_C_A	32500941	141	1.04	1.91	0.027915	0.18	0.20	0.18	SNP
chr6_3242127_T_C	3242127	135	1.03	1.76	0.027978	0.10	0.11	0.09	SNP
chr6_32625907_C_A	32625907	081	0.66	0.98	0.028006	0.36	0.32	0.37	SNP
chr6_32029183_C_T	32029183	070	0.51	0.96	0.028110	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_31495556_T_C	31495556	154	1.04	2.24	0.028217	0.04	0.05	0.04	SNP
chr6_31162128_A_T	31162128	131	1.03	1.67	0.028241	0.13	0.13	0.12	SNP
chr6_29895469_G_A	29895469	137	1.03	1.81	0.028273	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_31367882_G_A	31367882	156	1.05	2.32	0.028274	0.17	0.19	0.17	SNP
chr6_32063996_G_A	32063996	053	0.29	0.91	0.028406	0.04	0.02	0.04	SNP
HLA_Zifed_DRB1_07_01	32546552	139	1.03	1.86	0.028839	0.08	0.10	0.08	HLA (HLA)
chr6_31275663_C_A	31275663	074	0.56	0.97	0.029038	0.19	0.14	0.20	SNP
chr6_32629509_A_C	32629509	128	1.03	1.60	0.029208	0.37	0.42	0.36	SNP
chr6_31281310_C_T	31281310	166	1.05	2.63	0.029217	0.13	0.13	0.12	SNP
chr6_32604642_A_G	32604642	130	1.03	1.66	0.029374	0.28	0.34	0.26	SNP
chr6_29896114_G_A	29896114	082	0.69	0.98	0.029410	0.48	0.47	0.48	SNP
chr6_31236879_T_C	31236879	078	0.63	0.97	0.029441	0.41	0.39	0.41	SNP
chr6_32520460_C_T	32520460	128	1.02	1.59	0.029452	0.31	0.37	0.30	SN

chr3_31326960_G_A	31326960	0.81	0.67	0.98	0.032073	0.38	0.34	0.39	SNP
chr3_33268737_C_A	33268737	1.20	1.01	1.42	0.032630	0.35	0.40	0.34	SNP
chr3_32409058_C_T	32409058	1.43	1.03	1.97	0.032671	0.18	0.19	0.17	SNP
chr3_29895604_C_G	29895604	0.83	0.70	0.98	0.032799	0.45	0.44	0.45	SNP
chr3_33268799_T_C	33268799	1.26	1.03	1.60	0.032923	0.37	0.35	0.03	SNP
chr3_29896084_G_A	29896084	0.83	0.69	0.98	0.033017	0.46	0.45	0.46	SNP
chr3_31730568_A_G	31730568	0.68	0.48	0.96	0.033018	0.07	0.05	0.08	SNP
chr3_31543101_G_A	31543101	1.57	1.03	2.17	0.033208	0.04	0.05	0.03	SNP
chr3_31880075_C_A	31880075	1.20	1.01	1.41	0.033684	0.35	0.40	0.34	SNP
chr3_33545125_A_G	33545125	1.25	1.02	1.53	0.033760	0.21	0.24	0.20	SNP
chr3_32605646_T_G	32605646	1.27	1.02	1.59	0.033804	0.30	0.36	0.29	SNP
chr3_32526994_G_A	32526994	1.69	1.02	2.72	0.033838	0.09	0.03	0.02	SNP
chr3_31084792_C_T	31084792	0.81	0.67	0.98	0.034131	0.48	0.45	0.48	SNP
chr3_33382241_T_C	33382241	1.19	1.01	1.40	0.034350	0.41	0.45	0.40	SNP
chr3_33288271_A_G	33288271	1.20	1.01	1.41	0.034849	0.35	0.40	0.34	SNP
chr3_3189192_G_A	3189192	0.59	0.36	0.94	0.035050	0.04	0.03	0.04	SNP
chr3_32441008_C_T	32441008	1.28	1.02	1.61	0.035110	0.31	0.36	0.29	SNP
chr3_32627700_A_G	32627700	0.77	0.61	0.98	0.035172	0.19	0.15	0.20	SNP
chr3_32134510_G_A	32134510	1.03	1.01	1.03	0.035172	0.22	0.23	0.22	SNP
chr3_31133677_G_A	31133677	0.51	0.26	0.92	0.035352	0.02	0.01	0.03	SNP
chr3_32725271_G_A	32725271	0.75	0.57	0.98	0.035398	0.21	0.18	0.22	SNP
chr3_29891229_T_C	29891229	1.24	1.01	1.52	0.035477	0.22	0.23	0.22	SNP
chr3_29854399_G_A	29854399	1.24	1.01	1.52	0.035498	0.23	0.24	0.23	SNP
chr3_32975257_C_T	32975257	1.20	1.01	1.43	0.035528	0.47	0.52	0.46	SNP
chr3_32606217_G_A	32606217	1.27	1.02	1.59	0.035601	0.30	0.36	0.29	SNP
chr3_29924889_C_A	29924889	0.81	0.67	0.99	0.035647	0.40	0.39	0.40	SNP
chr3_31241537_T_C	31241537	1.25	1.01	1.54	0.035672	0.29	0.33	0.29	SNP
chr3_32814975_T_C	32814975	0.78	0.61	0.98	0.035700	0.15	0.13	0.16	SNP
chr3_31211948_T_G	31211948	1.40	1.02	2.01	0.035763	0.04	0.09	0.09	SNP
chr3_29892732_G_C	29892732	1.27	1.01	1.59	0.035824	0.20	0.22	0.20	SNP
chr3_29855706_G_C	29855706	1.28	1.01	1.62	0.035971	0.24	0.24	0.23	SNP
chr3_32356557_A_G	32356557	1.50	1.02	2.17	0.036030	0.04	0.05	0.03	SNP
chr3_32629330_C_A	32629330	1.27	1.01	1.60	0.036436	0.23	0.27	0.22	SNP
chr3_31837277_A_C	31837277	1.25	1.01	1.55	0.036450	0.49	0.49	0.49	SNP
chr3_31477324_A_C	31477324	0.45	0.19	0.90	0.036457	0.02	0.01	0.03	SNP
chr3_31250301_C_A	31250301	1.43	1.02	2.01	0.036560	0.19	0.20	0.18	SNP
chr3_30228230_A_C	30228230	0.75	0.57	0.98	0.037202	0.20	0.15	0.21	SNP
chr3_32377053_C_T	32377053	1.69	1.01	2.74	0.037666	0.02	0.03	0.02	SNP
chr3_29943400_G_A	29943400	1.24	1.01	1.49	0.038108	0.21	0.23	0.21	SNP
chr3_31238029_C_T	31238029	1.31	1.01	1.69	0.038137	0.36	0.39	0.35	SNP
chr3_31238632_C_T	31238632	0.78	0.62	0.99	0.038292	0.21	0.21	0.21	SNP
chr3_29896772_C_T	29896772	1.26	1.01	1.57	0.038366	0.23	0.25	0.23	SNP
chr3_31240614_C_T	31240614	0.80	0.25	0.99	0.038617	0.02	0.01	0.02	SNP
chr3_31236862_C_T	31236862	0.65	0.42	0.96	0.038710	0.06	0.04	0.06	SNP
chr3_31237040_A_C	31237040	0.65	0.42	0.96	0.038710	0.06	0.04	0.06	SNP
chr3_31237254_C_T	31237254	0.65	0.42	0.96	0.038710	0.06	0.04	0.06	SNP
chr3_32014456_C_T	32014456	1.43	1.01	2.00	0.038965	0.05	0.07	0.05	SNP
chr3_29911207_G_A	29911207	0.80	0.65	0.99	0.039427	0.41	0.40	0.41	SNP
chr3_32032421_C_T	32032421	0.72	0.52	0.98	0.039537	0.11	0.08	0.12	SNP
chr3_3182338_G_A	3182338	0.79	0.62	0.99	0.039541	0.17	0.15	0.18	SNP
chr3_32603177_A_G	32603177	1.28	1.01	1.62	0.039594	0.19	0.19	0.19	SNP
chr3_29864478_G_A	29864478	1.22	1.01	1.48	0.039613	0.29	0.31	0.29	SNP
chr3_31189031_C_A	31189031	0.52	0.26	0.99	0.039711	0.02	0.01	0.03	SNP
chr3_32710695_T_G	32710695	0.74	0.55	0.98	0.039804	0.11	0.08	0.11	SNP
chr3_30226123_C_T	30226123	1.37	1.01	1.84	0.040458	0.13	0.14	0.12	SNP
chr3_31641194_C_A	31641194	1.17	1.01	1.49	0.040493	0.29	0.33	0.28	SNP
chr3_31134033_A_T	31134033	0.51	0.26	0.94	0.040591	0.02	0.02	0.03	SNP
chr3_31860156_C_T	31860156	1.43	1.01	2.00	0.040596	0.08	0.07	0.08	SNP
chr3_31864304_G_A	31864304	1.30	1.01	1.66	0.040676	0.37	0.39	0.37	SNP
chr3_32050338_G_A	32050338	1.44	1.01	2.05	0.040766	0.17	0.18	0.16	SNP
chr3_31244262_A_G	31244262	0.51	0.25	0.93	0.040836	0.02	0.01	0.03	SNP
chr3_33138677_G_A	33138677	1.21	1.01	1.45	0.041083	0.25	0.28	0.25	SNP
chr3_31202833_C_A	31202833	1.43	1.28	0.99	0.041160	0.03	0.02	0.03	SNP
chr3_32029849_G_A	32029849	0.71	0.51	0.98	0.041379	0.09	0.07	0.10	SNP
chr3_32806391_C_T	32806391	1.25	1.01	1.54	0.041527	0.45	0.50	0.43	SNP
chr3_32945843_T_C	32945843	1.83	1.00	3.21	0.041586	0.02	0.02	0.01	SNP
chr3_29944427_T_C	29944427	1.25	1.01	1.55	0.041863	0.20	0.21	0.20	SNP
chr3_31631531_G_A	31631531	1.97	1.00	3.71	0.041978	0.02	0.02	0.02	SNP
chr3_29858253_G_A	29858253	1.33	1.01	1.75	0.042224	0.15	0.16	0.14	SNP
chr3_31235644_C_T	31235644	0.83	0.64	0.99	0.042244	0.22	0.17	0.22	SNP
chr3_32340176_C_T	32340176	0.77	0.59	0.99	0.042664	0.24	0.21	0.24	SNP
chr3_32608844_A_G	32608844	1.27	1.01	1.60	0.042824	0.28	0.33	0.26	SNP
chr3_3127745_C_A	3127745	0.64	0.40	0.97	0.042927	0.05	0.03	0.03	SNP
chr3_31246969_A_G	31246969	0.72	0.52	0.98	0.043043	0.11	0.08	0.12	SNP
chr3_31113149_A_T	31113149	0.64	0.41	0.97	0.043176	0.05	0.03	0.06	SNP
chr3_32411846_G_A	32411846	1.27	1.01	1.59	0.043377	0.25	0.27	0.25	SNP
chr3_32707508_T_C	32707508	0.75	0.56	0.99	0.043610	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32707569_G_A	32707569	0.75	0.56	0.99	0.043616	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32603660_T_C	32603660	0.82	0.67	0.99	0.043631	0.38	0.37	0.38	SNP
chr3_32708890_A_G	32708890	0.75	0.56	0.99	0.043641	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32708413_G_A	32708413	0.75	0.56	0.99	0.043688	0.11	0.08	0.11	SNP
chr3_32035427_T_C	32035427	0.72	0.52	0.98	0.043743	0.09	0.07	0.10	SNP
chr3_32412571_A_C	32412571	1.26	1.00	1.58	0.043756	0.25	0.27	0.25	SNP
chr3_29969658_C_T	29969658	0.83	0.70	0.98	0.043782	0.45	0.44	0.45	SNP
chr3_29911069_A_T	29911069	0.69	0.48	0.98	0.043874	0.09	0.06	0.09	SNP
chr3_30864927_C_T	30864927	1.45	1.00	2.06	0.043990	0.05	0.06	0.05	SNP
chr3_32707614_A_G	32707614	0.75	0.56	0.99	0.044021	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32707638_C_T	32707638	0.75	0.56	0.99	0.044013	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32707641_C_A	32707641	0.75	0.56	0.99	0.044013	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32707740_C_T	32707740	0.75	0.56	0.99	0.044013	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32707783_A_G	32707783	0.75	0.56	0.99	0.044013	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32708798_C_T	32708798	0.75	0.56	0.99	0.044013	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32709179_A_G	32709179	0.75	0.56	0.99	0.044013	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32709586_G_A	32709586	0.75	0.56	0.99	0.044013	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_32709738_A_G	32709738	0.75	0.56	0.99	0.044013	0.10	0.08	0.11	SNP
chr3_31245911_G_A	31245911	0.66	0.43	0.97	0.044234	0.06	0.04	0.06	SNP
chr3_29972884_G_A	29972884	1.23	1.00	1.51	0.044415	0.28	0.28	0.28	SNP
chr3_30246811_C_G	30246811	0.79	0.62	0.99	0.044440	0.10	0.15	0.20	SNP
chr3_32321554_G_T	32321554	1.48	1.00	2.16	0.044524	0.04	0.05	0.03	SNP
chr3_32781954_A_C	32781954	0.47	0.21	0.93	0.044565	0.02	0.01	0.02	SNP
chr3_32551662_A_G	32551662	0.81	0.65	0.99	0.044810	0.39	0.35	0.40	SNP
chr3_32974081_C_T	32974081	1.19	1.00	1.41	0.044820	0.48	0.53	0.47	SNP
chr3_32411362_A_C	32411362	1.31	1.00	1.71	0.044869	0.14	0.14	0.14	SNP
chr3_32412435_G_A	32412435	1.31	1.00	1.71	0.044869	0.14	0.14	0.14	SNP
chr3_32707360_G_A	32707360	0.75	0.56	0.99	0.045113	0.10	0.08	0.11	SNP
HLA_2Hfd_DQB1_06_03	32627244	0.69	0.48	0.98	0.045192	0.08	0.06	0.09	HLA (HLA)
chr3_30228879_C_T	30228879	0.78	0.62	0.99	0.045265	0.19	0.15	0.20	SNP
chr3_32373378_A_T	32373378	1.41	1.00	1.97	0.045343	0.07	0.10	0.06	SNP
chr3_29942324_C_T	29942324	0.83	0.69	1.00	0.045405	0.49	0.48	0.50	SNP
chr3_31727897_C_T	31727897	1.69	1.01	2.83	0.045470	0.12	0.12	0.12	SNP
chr3_32710221_C_T	32710221	1.20	1.00	1.44	0.045662	0.39	0.41		

**Supplementary Table 3.** Association analysis of patients with GPA versus controls, adjusting for sex and genetic structure (principal components 1-4).

Variant	position	OR	CI lower	CI upper	p	MAF	MAF cases	MAF controls	Type (SNP, HLA)
HLA-DPB1_D4_D1	33043767	2.97	2.51	3.54	3.47E-35	0.48	0.72	0.42	HLA (HLA)
chr6_33052950_C_T	33052950	0.14	0.10	0.19	1.36E-34	0.23	0.05	0.27	SNP
chr6_33052958_C_T	33052958	0.14	0.10	0.18	2.26E-34	0.23	0.05	0.27	SNP
chr6_33052986_T_C	33052986	0.13	0.10	0.18	2.37E-34	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33053455_C_T	33053455	0.14	0.10	0.19	3.42E-34	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33053728_C_T	33053728	0.14	0.10	0.18	3.99E-34	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33053723_T_C	33053723	0.14	0.10	0.19	4.64E-34	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33053468_C_T	33053468	0.14	0.10	0.19	5.81E-34	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33053477_G_C	33053477	0.14	0.10	0.19	6.00E-34	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33053399_T_C	33053399	0.14	0.10	0.19	6.58E-34	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33053477_G_A	33053477	0.14	0.10	0.19	8.21E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053682_G_A	33053682	0.14	0.10	0.19	8.84E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054046_T_G	33054046	0.14	0.10	0.19	9.06E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054047_A_G	33054047	0.14	0.10	0.19	9.27E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053982_G_C	33053982	0.14	0.10	0.19	9.27E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053871_A_G	33053871	0.14	0.10	0.19	9.33E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054352_G_A	33054352	0.14	0.10	0.19	9.63E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053772_G_A	33053772	0.14	0.10	0.19	9.66E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054656_A_C	33054656	0.14	0.10	0.19	9.72E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054675_C_G	33054675	0.14	0.10	0.19	9.72E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054683_A_G	33054683	0.14	0.10	0.19	9.72E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054687_G_A	33054687	0.14	0.10	0.19	9.72E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053890_G_A	33053890	0.14	0.10	0.19	9.81E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054152_A_G	33054152	0.14	0.10	0.19	9.81E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33055009_C_A	33055009	0.14	0.10	0.19	9.97E-34	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054711_G_C	33054711	0.14	0.10	0.19	1.02E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054721_C_T	33054721	0.14	0.10	0.19	1.02E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054149_T_C	33054149	0.14	0.10	0.19	1.02E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053780_T_A	33053780	0.14	0.10	0.19	1.02E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_3305457_A_G	3305457	0.14	0.10	0.19	1.03E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054579_T_C	33054579	0.14	0.10	0.19	1.03E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054595_C_T	33054595	0.14	0.10	0.19	1.03E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054519_G_A	33054519	0.14	0.10	0.19	1.03E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054890_C_T	33054890	0.14	0.10	0.19	1.03E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054091_C_T	33054091	0.14	0.10	0.19	1.04E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054295_C_G	33054295	0.14	0.10	0.19	1.04E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054586_A_G	33054586	0.14	0.10	0.19	1.06E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054342_T_A	33054342	0.14	0.10	0.19	1.07E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_3305355_A_G	3305355	0.14	0.10	0.19	1.07E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053868_A_G	33053868	0.14	0.10	0.19	1.07E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053789_A_G	33053789	0.14	0.10	0.19	1.07E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054331_T_C	33054331	0.14	0.10	0.19	1.08E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054550_G_A	33054550	0.14	0.10	0.19	1.08E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054142_G_C	33054142	0.14	0.10	0.19	1.08E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053968_T_A	33053968	0.14	0.10	0.19	1.08E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053971_T_C	33053971	0.14	0.10	0.19	1.08E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054141_T_C	33054141	0.14	0.10	0.19	1.11E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054148_C_T	33054148	0.14	0.10	0.19	1.11E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054400_T_C	33054400	0.14	0.10	0.19	1.12E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054404_A_G	33054404	0.14	0.10	0.19	1.12E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054410_A_G	33054410	0.14	0.10	0.19	1.12E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054057_G_A	33054057	0.14	0.10	0.19	1.12E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054386_C_T	33054386	0.14	0.10	0.19	1.14E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054302_T_C	33054302	0.14	0.10	0.19	1.15E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054807_A_G	33054807	0.14	0.10	0.19	1.15E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054381_T_C	33054381	0.14	0.10	0.19	1.16E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_3305471_G_C	3305471	0.14	0.10	0.19	1.17E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053902_A_G	33053902	0.14	0.10	0.19	1.18E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054373_C_T	33054373	0.14	0.10	0.19	1.22E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054325_G_C	33054325	0.14	0.10	0.19	1.24E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054155_C_T	33054155	0.14	0.10	0.19	1.24E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054156_A_G	33054156	0.14	0.10	0.19	1.26E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054268_C_A	33054268	0.14	0.10	0.19	1.28E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33053906_G_T	33053906	0.14	0.10	0.19	1.29E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054413_T_G	33054413	0.14	0.10	0.19	1.36E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054414_T_A	33054414	0.14	0.10	0.19	1.36E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054231_C_T	33054231	0.14	0.10	0.19	1.45E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054280_T_C	33054280	0.14	0.10	0.20	1.85E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054281_G_A	33054281	0.14	0.10	0.20	1.85E-33	0.23	0.06	0.28	SNP
chr6_33054332_A_C	33054332	0.15	0.11	0.21	1.66E-33	0.22	0.06	0.28	SNP
chr6_33050125_G_A	33050125	0.14	0.10	0.19	1.64E-33	0.22	0.05	0.27	SNP
chr6_33055047_A_G	33055047	0.15	0.10	0.20	5.67E-33	0.22	0.06	0.28	SNP
chr6_33050118_C_T	33050118	0.14	0.10	0.19	6.11E-33	0.22	0.05	0.27	SNP
chr6_33050148_T_C	33050148	0.14	0.10	0.19	6.99E-33	0.22	0.05	0.27	SNP
chr6_33049211_C_T	33049211	0.15	0.11	0.21	8.70E-33	0.22	0.06	0.28	SNP
chr6_3305167_A_G	3305167	0.15	0.11	0.20	1.22E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050078_A_G	33050078	0.15	0.11	0.20	1.43E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050089_G_A	33050089	0.15	0.11	0.20	1.48E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050079_C_G	33050079	0.15	0.11	0.20	1.50E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050107_G_A	33050107	0.15	0.11	0.20	1.58E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050499_A_G	33050499	0.14	0.10	0.19	1.79E-32	0.22	0.05	0.27	SNP
chr6_33050473_G_C	33050473	0.15	0.10	0.20	1.98E-32	0.22	0.05	0.27	SNP
chr6_33053270_T_A	33053270	0.13	0.09	0.18	2.37E-32	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33050024_C_A	33050024	0.15	0.11	0.20	2.73E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050168_C_A	33050168	0.15	0.11	0.20	3.10E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050045_T_C	33050045	0.15	0.11	0.20	3.23E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050279_A_G	33050279	0.15	0.11	0.21	3.26E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050179_A_G	33050179	0.15	0.11	0.20	3.48E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33053271_T_C	33053271	0.13	0.09	0.18	3.81E-32	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33050185_C_A	33050185	0.15	0.11	0.20	3.97E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050196_T_C	33050196	0.15	0.11	0.20	3.97E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050525_T_C	33050525	0.14	0.10	0.20	5.34E-32	0.22	0.05	0.27	SNP
chr6_33050303_C_T	33050303	0.16	0.11	0.21	5.97E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33050526_C_T	33050526	0.14	0.10	0.20	6.26E-32	0.22	0.05	0.27	SNP
chr6_33050196_G_C	33050196	0.16	0.11	0.21	6.36E-32	0.22	0.06	0.27	SNP
chr6_33049979_A_G	33049979	0.16	0.12	0.21	8.29E-32	0.23	0.06	0.27	SNP
chr6_33050129_A_G	33050129	0.14	0.10	0.20	8.49E-32	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33050521_G_T	33050521	0.15	0.10	0.20	9.38E-32	0.22	0.05	0.27	SNP
chr6_33049983_C_T	33049983	0.16	0.12	0.21	9.52E-32	0.23	0.06	0.27	SNP
chr6_33051248_A_G	33051248	0.13	0.09	0.18	9.54E-32	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33053252_G_A	33053252	0.13	0.09	0.18	9.83E-32	0.23	0.05	0.28	SNP
chr6_33054659_A_G	33054659	0.15	0.11	0.21	4.33E-31	0.22	0.06	0.26	SNP
chr6_33047031_T_C	33047031	0.16	0.11	0.21	4.91E-31	0.22	0.06	0.26	SNP
chr6_33055079_A_G	33055079	0.16	0.11	0.21	4.61E-30	0.22	0.06	0.26	SNP
chr6_33050232_T_C	33050232	0.17	0.12	0.22	3.52E-29	0.21	0.06	0.25	SNP
chr6_33050132_G_A	33050132	0.17	0.12	0.22	3.44E-29	0.21	0.06	0.25	SNP
chr6_33048459_T_G	33048459	0.16	0.11	0.22	1.23E-28	0.19	0.05	0.23	SNP
chr6_33048461_T_A	33048461	0.16	0.11	0.22	1.46E-28	0.19	0.05	0.23	SNP
chr6_33048457_A_G	33048457	0.16	0.11	0.22	2.05E-28	0.19	0.05	0.23	SNP
chr6_33071754_C_A	33071754	0.15	0.10	0.21	1.10E-26	0.19			

Table with 10 columns: Chromosome, Position (bp), RefSeq ID, R-squared, P-value, and SNP ID. The table lists genomic data for various SNPs across chromosomes 3 to 10, including coordinates and associated identifiers.

Table with 10 columns: Chromosome, Position (bp), RefSeq ID, R-squared, P-value, and SNP ID. This table continues the list of SNPs from the previous table, covering positions from approximately 140,000,000 to 140,000,000 on chromosome 10.

chr6_33048975_G_A	33048975	0.16	0.08	0.30	7.33E-08	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_32978587_C_A	32978587	0.25	0.14	0.40	7.74E-08	0.06	0.02	0.07	SNP
chr6_33053577_G_A	33053577	0.16	0.08	0.30	7.86E-08	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33054378_G_A	33054378	0.16	0.08	0.30	7.96E-08	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33054559_T_C	33054559	0.16	0.08	0.30	7.96E-08	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33134392_G_A	33134392	1.57	1.33	1.85	7.92E-08	0.40	0.49	0.38	SNP
chr6_33048354_A_T	33048354	0.18	0.09	0.32	8.72E-08	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33041173_T_C	33041173	0.18	0.09	0.32	9.06E-08	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33033274_T_C	33033274	0.42	0.30	0.57	9.55E-08	0.12	0.06	0.13	SNP
chr6_33041734_T_C	33041734	0.42	0.30	0.57	1.20E-07	0.11	0.05	0.13	SNP
HLA_2F_H08_D1_D1	33045699	0.15	0.07	0.29	1.33E-07	0.05	0.01	0.06	HLA (HLA)
chr6_33045699_T_C	33045699	0.15	0.07	0.29	1.41E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33050083_C_A	33050083	0.15	0.07	0.29	1.41E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33255317_C_T	33255317	0.27	0.25	0.35	1.47E-07	0.09	0.05	0.10	SNP
chr6_32376019_G_T	32376019	0.41	0.29	0.57	1.86E-07	0.10	0.05	0.11	SNP
chr6_33144466_C_A	33144466	0.16	0.07	0.30	2.20E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33158912_G_A	33158912	0.16	0.07	0.30	2.20E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33134102_C_T	33134102	1.55	1.31	1.83	2.21E-07	0.41	0.49	0.38	SNP
chr6_33138015_T_C	33138015	0.16	0.07	0.30	2.34E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33125180_C_A	33125180	0.16	0.07	0.30	2.36E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33136575_T_C	33136575	1.52	1.29	1.79	4.43E-07	0.43	0.51	0.41	SNP
chr6_33132931_T_C	33132931	1.64	1.35	1.99	4.68E-07	0.41	0.50	0.39	SNP
chr6_331609216_T_G	331609216	0.56	0.45	0.70	4.73E-07	0.49	0.40	0.52	SNP
chr6_33132314_G_A	33132314	0.15	0.07	0.29	4.99E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_32627777_C_T	32627777	0.43	0.31	0.59	5.17E-07	0.14	0.07	0.15	SNP
chr6_33096003_G_C	33096003	0.62	0.51	0.75	6.23E-07	0.23	0.35	0.45	SNP
chr6_33131734_G_A	33131734	1.64	1.35	1.99	6.92E-07	0.41	0.51	0.39	SNP
chr6_32609207_T_C	32609207	0.57	0.46	0.71	6.99E-07	0.50	0.41	0.52	SNP
chr6_33122365_T_C	33122365	0.15	0.07	0.29	7.26E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33137570_C_T	33137570	0.21	0.10	0.37	8.15E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33158898_C_T	33158898	0.21	0.11	0.37	8.37E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33138021_G_A	33138021	0.11	0.13	0.25	9.33E-07	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_32628953_G_C	32628953	0.57	0.46	0.72	1.06E-06	0.48	0.39	0.50	SNP
chr6_33160906_G_T	33160906	0.17	0.08	0.33	1.21E-06	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33095009_G_C	33095009	0.63	0.53	0.76	1.68E-06	0.41	0.35	0.44	SNP
chr6_33079626_T_C	33079626	0.18	0.08	0.35	2.20E-06	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33045272_C_A	33045272	0.60	0.48	0.74	2.32E-06	0.22	0.15	0.25	SNP
chr6_32627494_T_C	32627494	1.67	1.35	2.08	3.04E-06	0.25	0.34	0.23	SNP
chr6_32608880_G_A	32608880	1.69	1.35	2.11	3.35E-06	0.24	0.42	0.31	SNP
chr6_32410691_G_A	32410691	0.50	0.37	0.66	3.37E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32628967_T_C	32628967	0.54	0.47	0.74	3.60E-06	0.48	0.40	0.51	SNP
chr6_3307193_T_C	3307193	1.68	1.35	2.10	3.79E-06	0.23	0.43	0.32	SNP
HLA_2F_H08_D1_D3	33043767	0.37	0.23	0.55	4.18E-06	0.27	0.03	0.08	HLA (HLA)
chr6_32412809_T_A	32412809	0.51	0.38	0.68	4.93E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32412592_G_A	32412592	0.52	0.38	0.68	5.01E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32409060_G_A	32409060	0.50	0.37	0.67	5.10E-06	0.21	0.17	0.23	SNP
chr6_32411908_T_C	32411908	0.59	0.47	0.74	5.30E-06	0.47	0.39	0.49	SNP
chr6_32411307_C_T	32411307	0.51	0.38	0.68	5.60E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32412566_T_A	32412566	0.51	0.38	0.68	5.60E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32406701_G_A	32406701	0.57	0.44	0.72	5.67E-06	0.17	0.11	0.18	SNP
chr6_33137727_T_C	33137727	1.44	1.24	2.11	5.86E-06	0.42	0.50	0.40	SNP
chr6_32406611_C_A	32406611	0.51	0.38	0.68	6.07E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32408842_G_A	32408842	0.51	0.38	0.68	6.40E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32411376_G_A	32411376	0.51	0.38	0.68	6.86E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32611723_T_G	32611723	0.60	0.48	0.75	7.16E-06	0.47	0.39	0.49	SNP
chr6_32501459_T_C	32501459	0.63	0.51	0.77	7.24E-06	0.39	0.32	0.41	SNP
chr6_32410215_T_C	32410215	0.51	0.38	0.68	7.32E-06	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32501522_A_G	32501522	1.76	1.37	2.25	7.78E-06	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_33384473_C_T	33384473	1.97	1.46	2.66	7.85E-06	0.06	0.11	0.05	SNP
chr6_32511215_T_C	32511215	1.62	1.38	2.09	8.29E-06	0.27	0.17	0.23	SNP
chr6_32521117_T_C	32521117	0.63	0.51	0.77	8.52E-06	0.48	0.40	0.51	SNP
chr6_32559709_C_T	32559709	0.63	0.51	0.77	8.57E-06	0.44	0.37	0.46	SNP
chr6_33032029_G_C	33032029	0.65	0.50	0.82	8.61E-06	0.31	0.25	0.29	SNP
HLA_2F_H08_C_07_D1	31236526	2.00	1.47	2.71	8.98E-06	0.14	0.17	0.14	HLA (HLA)
chr6_32610769_C_A	32610769	0.59	0.46	0.74	9.19E-06	0.33	0.27	0.34	SNP
chr6_33215080_G_A	33215080	0.16	0.07	0.29	1.02E-05	0.05	0.01	0.06	SNP
chr6_33039804_C_T	33039804	1.50	1.25	1.79	1.05E-05	0.21	0.28	0.20	SNP
chr6_32559708_G_A	32559708	1.68	1.34	2.12	1.06E-05	0.28	0.36	0.25	SNP
chr6_33033255_T_C	33033255	0.63	0.51	0.77	1.11E-05	0.43	0.31	0.39	SNP
chr6_32628030_G_A	32628030	1.55	1.27	1.88	1.11E-05	0.43	0.50	0.41	SNP
chr6_32623509_T_C	32623509	0.25	0.13	0.45	1.42E-05	0.04	0.01	0.05	SNP
chr6_32603488_G_C	32603488	0.59	0.47	0.74	1.44E-05	0.27	0.19	0.29	SNP
chr6_32627833_A_G	32627833	1.53	1.26	1.86	1.53E-05	0.42	0.49	0.40	SNP
chr6_33095890_A_T	33095890	0.22	0.10	0.42	1.75E-05	0.04	0.01	0.05	SNP
chr6_32612003_T_C	32612003	0.63	0.49	0.77	1.89E-05	0.47	0.33	0.49	SNP
chr6_33238869_C_T	33238869	1.78	1.36	2.22	2.02E-05	0.09	0.12	0.08	SNP
chr6_32604538_G_A	32604538	1.64	1.31	2.06	2.08E-05	0.33	0.41	0.31	SNP
chr6_32501296_G_A	32501296	0.65	0.53	0.79	2.09E-05	0.38	0.31	0.40	SNP
chr6_33044795_C_T	33044795	2.17	1.51	3.10	2.22E-05	0.45	0.08	0.03	SNP
chr6_32628765_C_T	32628765	1.53	1.26	1.86	2.33E-05	0.40	0.47	0.38	SNP
chr6_32611725_G_A	32611725	0.62	0.49	0.77	2.37E-05	0.46	0.39	0.49	SNP
chr6_32501301_G_C	32501301	0.65	0.51	0.79	2.37E-05	0.38	0.31	0.40	SNP
chr6_33095584_G_C	33095584	1.67	1.31	2.11	2.46E-05	0.11	0.15	0.10	SNP
chr6_32610704_C_T	32610704	0.60	0.48	0.76	2.49E-05	0.32	0.27	0.34	SNP
chr6_33123505_G_A	33123505	1.72	1.34	2.22	2.58E-05	0.24	0.24	0.21	SNP
chr6_32628439_G_A	32628439	1.52	1.25	1.85	2.61E-05	0.40	0.48	0.39	SNP
HLA_2F_H08_D1_D2	33043767	0.52	0.38	0.70	2.64E-05	0.11	0.06	0.12	HLA (HLA)
chr6_32628571_C_T	32628571	1.61	1.29	2.00	2.75E-05	0.24	0.30	0.21	SNP
chr6_33123869_T_C	33123869	1.71	1.33	2.20	2.77E-05	0.22	0.24	0.21	SNP
chr6_32521951_A_C	32521951	0.64	0.52	0.79	2.82E-05	0.37	0.30	0.39	SNP
chr6_32628916_G_A	32628916	1.57	1.27	1.94	2.85E-05	0.44	0.34	0.32	SNP
chr6_32553418_T_G	32553418	0.64	0.51	0.79	2.87E-05	0.40	0.34	0.42	SNP
chr6_32612050_T_A	32612050	0.63	0.50	0.78	2.94E-05	0.46	0.39	0.49	SNP
chr6_32636040_C_T	32636040	0.60	0.47	0.76	2.99E-05	0.31	0.25	0.32	SNP
chr6_32628941_G_C	32628941	1.58	1.27	1.95	3.00E-05	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32627777_G_C	32627777	1.56	1.27	1.92	3.08E-05	0.24	0.32	0.22	SNP
chr6_32502995_G_A	32502995	0.66	0.54	0.80	3.15E-05	0.38	0.31	0.39	SNP
chr6_32636289_T_C	32636289	1.58	1.27	1.96	3.30E-05	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32408735_A_C	32408735	0.63	0.51	0.78	3.52E-05	0.33	0.26	0.35	SNP
chr6_32628605_T_C	32628605	1.59	1.27	1.98	3.63E-05	0.27	0.35	0.26	SNP
chr6_32559714_G_A	32559714	0.65	0.52	0.79	3.77E-05	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32628506_C_A	32628506	1.58	1.27	1.97	3.96E-05	0.23	0.30	0.21	SNP
chr6_32624007_G_A	32624007	1.55	1.26	1.92	4.18E-05	0.24	0.31	0.22	SNP
HLA_2F_H08_D1_D3_D2	32546552	0.36	0.21	0.57	4.27E-05	0.05	0.02	0.06	HLA (HLA)
chr6_32629639_T_C	32629639	1.55	1.26	1.91	4.28E-05	0.24	0.32	0.22	SNP
chr6_32501211_C_T	32501211	0.66	0.54	0.80	4.29E-05	0.43	0.32	0.40	SNP
chr6_32187202_T_C	32187202	1.52	1.25	1.87	4.35E-05	0.43	0.49	0.42	SNP
chr6_32629398_G_C	32629398	1.55	1.25	1.91	4.49E-05	0.24	0.32	0.23	SNP
chr6_33048119_C_T	33048119	2.05	1.45	2.40	4.62E-05	0.04	0.07	0.03	SNP
chr6_32607031_G_T	32607031	1.60	1.27	2.00	4.67E-05	0.32	0.42	0.30	SNP
chr6_32634556_G_A	32634556	1.57	1.26	1.94	4.68E-05	0.25			

chr6_33603277_G_T	33603277	0.40	0.24	0.62	9.11E-05	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32636494_C	32636494	0.65	0.52	0.80	9.35E-05	0.42	0.34	0.44	SNP
chr6_32634646_T_C	32634646	1.52	1.23	1.87	9.39E-05	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32606376_T_C	32606376	0.39	0.24	0.61	9.47E-05	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_32633330_G_A	32633330	1.55	1.24	1.93	9.45E-05	0.23	0.30	0.22	SNP
chr6_32628787_C_T	32628787	1.54	1.24	1.91	9.65E-05	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32609009_T_G	32609009	0.40	0.25	0.62	9.66E-05	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32606682_C_G	32606682	0.40	0.25	0.62	9.86E-05	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32804570_G_A	32804570	1.44	1.20	1.74	0.00010	0.37	0.45	0.35	SNP
chr6_32628617_A_C	32628617	1.53	1.24	1.90	0.00010	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32606691_T_G	32606691	0.40	0.25	0.62	0.00010	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32609047_C_T	32609047	0.40	0.25	0.62	0.00010	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32603896_T_C	32603896	0.40	0.25	0.62	0.00010	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32604166_A_G	32604166	0.40	0.25	0.62	0.00011	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32406412_C_G	32406412	0.65	0.52	0.80	0.00011	0.32	0.25	0.34	SNP
chr6_32609312_C_A	32609312	0.64	0.51	0.80	0.00011	0.46	0.38	0.48	SNP
chr6_32441129_G_A	32441129	0.40	0.25	0.62	0.00011	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_31325529_C_T	31325529	1.66	1.28	2.14	0.00011	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_31325521_C_G	31325521	1.66	1.28	2.14	0.00011	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_32441046_G_A	32441046	0.40	0.25	0.62	0.00011	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32520774_C_T	32520774	1.53	1.24	1.91	0.00011	0.31	0.39	0.29	SNP
chr6_32611964_C_T	32611964	1.56	1.25	1.96	0.00011	0.29	0.36	0.27	SNP
chr6_32609453_C_T	32609453	1.55	1.24	1.93	0.00011	0.34	0.42	0.32	SNP
chr6_32608435_T_C	32608435	0.40	0.25	0.63	0.00012	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32559045_T_C	32559045	0.68	0.55	0.82	0.00012	0.43	0.37	0.44	SNP
chr6_32409484_C_T	32409484	0.65	0.52	0.81	0.00012	0.32	0.25	0.34	SNP
chr6_32633767_G_T	32633767	1.51	1.22	1.86	0.00012	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32628606_C_A	32628606	0.40	0.25	0.63	0.00012	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32592920_G_A	32592920	0.63	0.50	0.80	0.00013	0.24	0.27	0.34	SNP
chr6_32634545_C_A	32634545	1.51	1.22	1.86	0.00013	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32629549_G_A	32629549	1.51	1.22	1.86	0.00013	0.24	0.31	0.23	SNP
chr6_32611450_T_G	32611450	0.65	0.52	0.81	0.00013	0.47	0.40	0.49	SNP
chr6_32628737_G_A	32628737	0.65	0.52	0.81	0.00013	0.47	0.39	0.49	SNP
chr6_32628776_A_C	32628776	0.65	0.52	0.81	0.00013	0.47	0.40	0.49	SNP
chr6_32634091_G_C	32634091	1.51	1.22	1.87	0.00013	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32442703_G_A	32442703	0.39	0.24	0.62	0.00013	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_32605705_T_G	32605705	0.66	0.53	0.81	0.00014	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32634967_T_A	32634967	1.50	1.22	1.85	0.00014	0.24	0.31	0.23	SNP
chr6_32634090_T_C	32634090	1.51	1.22	1.86	0.00014	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32634057_C_T	32634057	1.51	1.22	1.86	0.00014	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32605708_A_G	32605708	0.66	0.53	0.81	0.00014	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32607433_C_G	32607433	0.65	0.52	0.81	0.00014	0.32	0.25	0.34	SNP
chr6_32634485_C_A	32634485	0.63	0.50	0.80	0.00014	0.32	0.27	0.33	SNP
chr6_32634593_G_C	32634593	1.50	1.22	1.86	0.00014	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32604564_C_T	32604564	1.51	1.24	1.94	0.00014	0.33	0.41	0.31	SNP
chr6_32636434_G_A	32636434	0.65	0.53	0.81	0.00014	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32610947_A_C	32610947	0.42	0.26	0.64	0.00014	0.06	0.03	0.06	SNP
chr6_32520665_A_C	32520665	0.49	0.30	0.58	0.00014	0.32	0.31	0.39	SNP
chr6_32408012_G_A	32408012	0.65	0.52	0.81	0.00014	0.32	0.25	0.34	SNP
chr6_31243828_A_G	31243828	0.68	0.55	0.83	0.00015	0.32	0.29	0.33	SNP
chr6_32604372_G_C	32604372	0.65	0.52	0.81	0.00015	0.43	0.38	0.48	SNP
chr6_32633959_T_C	32633959	1.50	1.22	1.85	0.00015	0.24	0.31	0.23	SNP
chr6_32640597_G_C	32640597	0.65	0.52	0.81	0.00015	0.32	0.25	0.34	SNP
chr6_32632096_G_A	32632096	1.52	1.22	1.89	0.00015	0.23	0.30	0.22	SNP
chr6_32629802_G_A	32629802	0.66	0.53	0.82	0.00015	0.45	0.37	0.47	SNP
chr6_32520465_A_G	32520465	0.68	0.55	0.83	0.00016	0.38	0.31	0.39	SNP
chr6_32609425_C_G	32609425	0.43	0.27	0.65	0.00016	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32627489_G_A	32627489	1.50	1.22	1.86	0.00016	0.43	0.36	0.45	SNP
chr6_32628751_T_C	32628751	0.66	0.53	0.82	0.00016	0.47	0.40	0.49	SNP
chr6_32604931_C_A	32604931	1.51	1.22	1.87	0.00016	0.30	0.39	0.28	SNP
chr6_32604908_A_G	32604908	1.49	1.24	1.86	0.00016	0.24	0.31	0.26	SNP
chr6_32604000_T_G	32604000	0.66	0.53	0.82	0.00016	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32629545_T_C	32629545	0.41	0.25	0.64	0.00016	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32636506_C_T	32636506	1.49	1.21	1.84	0.00017	0.25	0.31	0.23	SNP
chr6_32633775_T_G	32633775	0.66	0.53	0.82	0.00017	0.35	0.29	0.37	SNP
chr6_32609105_A_G	32609105	0.66	0.53	0.82	0.00017	0.46	0.39	0.48	SNP
chr6_32605274_C_T	32605274	0.66	0.53	0.82	0.00017	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32628843_C_T	32628843	0.41	0.26	0.64	0.00017	0.07	0.03	0.06	SNP
chr6_32633909_T_A	32633909	0.64	0.51	0.81	0.00017	0.33	0.27	0.34	SNP
chr6_32634098_C_G	32634098	1.50	1.21	1.85	0.00017	0.24	0.31	0.23	SNP
chr6_32627714_G_T	32627714	0.66	0.53	0.82	0.00017	0.43	0.37	0.47	SNP
chr6_32629409_G_A	32629409	0.63	0.50	0.80	0.00017	0.31	0.26	0.33	SNP
chr6_32604394_T_C	32604394	1.52	1.22	1.90	0.00017	0.30	0.38	0.28	SNP
chr6_32633393_G_A	32633393	1.50	1.21	1.86	0.00018	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32606085_T_A	32606085	0.66	0.53	0.82	0.00018	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32611243_C_T	32611243	1.52	1.22	1.90	0.00019	0.29	0.36	0.27	SNP
chr6_32602955_C_T	32602955	1.48	1.21	1.83	0.00019	0.33	0.41	0.30	SNP
chr6_32629582_T_C	32629582	0.64	0.50	0.80	0.00019	0.30	0.25	0.32	SNP
chr6_32635949_G_A	32635949	1.45	1.19	1.77	0.00019	0.29	0.36	0.27	SNP
chr6_32637303_T_C	32637303	0.54	0.38	0.74	0.00019	0.10	0.06	0.11	SNP
chr6_32709964_T_C	32709964	0.67	0.54	0.83	0.00020	0.31	0.25	0.33	SNP
chr6_32607008_T_C	32607008	0.66	0.53	0.82	0.00020	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32601968_G_A	32601968	0.66	0.53	0.82	0.00020	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32605754_A_T	32605754	0.66	0.53	0.82	0.00020	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32392436_A_G	32392436	0.46	0.30	0.69	0.00020	0.06	0.03	0.07	SNP
chr6_32611650_G_A	32611650	1.53	1.22	1.91	0.00020	0.29	0.36	0.27	SNP
chr6_32608467_G_A	32608467	1.52	1.22	1.89	0.00020	0.29	0.37	0.27	SNP
chr6_32610395_G_A	32610395	0.63	0.49	0.80	0.00020	0.36	0.31	0.38	SNP
chr6_32634261_C_T	32634261	1.49	1.21	1.84	0.00021	0.24	0.31	0.23	SNP
chr6_32634262_T_G	32634262	1.49	1.21	1.84	0.00021	0.24	0.31	0.23	SNP
chr6_32633467_G_A	32633467	0.52	0.36	0.72	0.00021	0.09	0.05	0.10	SNP
chr6_32634287_T_C	32634287	0.64	0.50	0.81	0.00021	0.31	0.26	0.33	SNP
chr6_31836827_G_T	31836827	1.66	1.27	2.17	0.00021	0.33	0.35	0.33	SNP
chr6_32634010_A_G	32634010	0.64	0.50	0.81	0.00022	0.31	0.26	0.32	SNP
chr6_32634755_C_T	32634755	1.48	1.20	1.82	0.00022	0.24	0.30	0.22	SNP
chr6_32628633_T_C	32628633	1.50	1.21	1.85	0.00022	0.24	0.30	0.22	SNP
chr6_32635266_T_C	32635266	1.51	1.21	1.88	0.00022	0.23	0.30	0.21	SNP
chr6_32633906_A_C	32633906	0.64	0.51	0.81	0.00022	0.34	0.28	0.34	SNP
chr6_32610059_G_T	32610059	0.67	0.53	0.83	0.00023	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32188383_T_C	32188383	1.44	1.19	1.74	0.00023	0.42	0.48	0.41	SNP
chr6_32326230_C_T	32326230	1.58	1.24	2.03	0.00024	0.35	0.37	0.34	SNP
chr6_32611504_C_T	32611504	0.66	0.53	0.83	0.00025	0.47	0.40	0.49	SNP
chr6_32520639_G_A	32520639	1.49	1.20	1.85	0.00025	0.31	0.40	0.29	SNP
chr6_32634139_C_T	32634139	1.48	1.20	1.83	0.00025	0.24	0.31	0.23	SNP
chr6_32709990_T_C	32709990	0.67	0.55	0.83	0.00025	0.31	0.25	0.33	SNP
chr6_32634137_A_C	32634137	1.48	1.20	1.83	0.00025	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32605943_A_G	32605943	0.67	0.54	0.83	0.00026	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32628736_T_C	32628736	0.67	0.54	0.83	0.00026	0.47	0.39	0.49	SNP
chr6_32611474_G_A	32611474	1.52	1.21	1.90	0.00026	0.27	0.35	0.25	SNP
chr6_32611474_G_A	32611474	1.52	1.21	1.90	0.00028	0.29	0.36	0.27	SNP
chr6_32608473_G_A	32608473	1.50	1.21	1.87	0.00028	0.30	0.37	0.28	SNP
chr6_32628283_G_A	32628283	1.53	1.22	1.92	0.00027	0.23	0.30	0.21	



chr6_31910929_G_A	31910929	0.53	0.37	0.74	0.00038	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32606176_T_A	32606176	0.67	0.54	0.84	0.00038	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_31903121_G_A	31903121	0.44	0.28	0.68	0.00039	0.06	0.03	0.06	SNP
chr6_32441330_C_G	32441330	1.48	1.19	1.85	0.00039	0.30	0.38	0.28	SNP
chr6_32634990_G_T	32634990	0.53	0.37	0.75	0.00039	0.05	0.05	0.09	SNP
chr6_32559124_T_C	32559124	1.50	1.20	1.88	0.00040	0.20	0.36	0.26	SNP
chr6_32917042_A_C	32917042	1.75	1.28	2.38	0.00041	0.06	0.09	0.05	SNP
chr6_32636172_C_T	32636172	1.47	1.19	1.81	0.00041	0.45	0.30	0.22	SNP
chr6_32636138_A_G	32636138	1.47	1.19	1.82	0.00041	0.24	0.30	0.22	SNP
chr6_32559212_A_G	32559212	1.49	1.20	1.87	0.00041	0.29	0.36	0.27	SNP
chr6_32609427_C_G	32609427	0.68	0.55	0.84	0.00041	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32604558_G_A	32604558	0.70	0.57	0.85	0.00041	0.25	0.18	0.27	SNP
chr6_32152442_A_G	32152442	1.75	1.28	2.39	0.00042	0.17	0.19	0.16	SNP
chr6_32610008_C_T	32610008	1.48	1.19	1.81	0.00042	0.30	0.38	0.28	SNP
chr6_31325792_G_A	31325792	1.53	1.21	1.94	0.00043	0.36	0.38	0.35	SNP
chr6_32628944_C_G	32628944	1.49	1.19	1.87	0.00043	0.36	0.44	0.34	SNP
chr6_32605759_A_T	32605759	0.68	0.55	0.84	0.00043	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32439753_T_A	32439753	0.65	0.51	0.82	0.00045	0.30	0.26	0.32	SNP
chr6_32550591_G_A	32550591	0.44	0.27	0.68	0.00046	0.06	0.03	0.06	SNP
chr6_32610968_G_A	32610968	1.49	1.19	1.85	0.00047	0.27	0.34	0.25	SNP
chr6_31326703_T_C	31326703	2.30	1.44	3.66	0.00047	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32607221_C_G	32607221	0.53	0.37	0.75	0.00048	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32612326_C_G	32612326	1.48	1.19	1.84	0.00049	0.29	0.37	0.27	SNP
chr6_32611373_A_G	32611373	0.67	0.53	0.84	0.00049	0.49	0.42	0.51	SNP
chr6_31326074_A_T	31326074	2.29	1.44	3.65	0.00050	0.12	0.13	0.11	SNP
chr6_32612069_C_T	32612069	1.49	1.19	1.85	0.00051	0.27	0.34	0.25	SNP
chr6_32612161_C_A	32612161	1.48	1.19	1.84	0.00051	0.29	0.37	0.27	SNP
chr6_32147696_G_A	32147696	1.74	1.27	2.38	0.00051	0.17	0.18	0.16	SNP
chr6_32634103_C_G	32634103	0.68	0.54	0.84	0.00052	0.45	0.38	0.47	SNP
chr6_32608967_A_G	32608967	0.54	0.38	0.76	0.00052	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32604108_T_C	32604108	1.47	1.18	1.82	0.00052	0.30	0.38	0.28	SNP
chr6_32612166_C_T	32612166	1.48	1.19	1.84	0.00053	0.29	0.37	0.27	SNP
chr6_32611769_G_C	32611769	1.50	1.19	1.89	0.00053	0.31	0.39	0.29	SNP
chr6_32609195_G_A	32609195	0.55	0.38	0.76	0.00053	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32611472_C_G	32611472	0.68	0.58	0.85	0.00054	0.46	0.39	0.48	SNP
chr6_32606732_G_A	32606732	1.46	1.18	1.81	0.00056	0.30	0.38	0.28	SNP
chr6_32611510_C_G	32611510	0.68	0.55	0.85	0.00056	0.46	0.40	0.48	SNP
chr6_31430065_C_T	31430065	2.33	1.44	3.78	0.00057	0.12	0.13	0.11	SNP
chr6_32611265_C_T	32611265	1.47	1.18	1.83	0.00057	0.29	0.36	0.27	SNP
chr6_32184066_G_T	32184066	1.39	1.15	1.67	0.00058	0.42	0.47	0.41	SNP
chr6_32148031_A_G	32148031	1.73	1.26	2.36	0.00058	0.17	0.18	0.16	SNP
chr6_32612179_T_C	32612179	1.47	1.18	1.82	0.00058	0.29	0.37	0.27	SNP
chr6_32261940_G_C	32261940	0.42	0.24	0.67	0.00059	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32500957_A_T	32500957	0.57	0.41	0.78	0.00060	0.19	0.15	0.20	SNP
chr6_32611403_G_A	32611403	1.47	1.18	1.83	0.00061	0.23	0.29	0.22	SNP
chr6_32710407_T_C	32710407	1.81	1.29	2.54	0.00061	0.06	0.10	0.05	SNP
chr6_32611759_T_C	32611759	0.55	0.39	0.77	0.00061	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_31464587_C_T	31464587	0.42	0.25	0.67	0.00062	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32604059_A_G	32604059	1.46	1.17	1.81	0.00062	0.30	0.37	0.28	SNP
chr6_32192617_T_C	32192617	0.46	0.29	0.70	0.00063	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32521591_C_T	32521591	1.47	1.18	1.82	0.00063	0.32	0.40	0.30	SNP
chr6_32610300_C_T	32610300	0.55	0.38	0.77	0.00063	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_31324375_G_T	31324375	0.53	0.36	0.75	0.00066	0.09	0.06	0.09	SNP
chr6_32636063_G_A	32636063	1.44	1.17	1.78	0.00066	0.24	0.31	0.22	SNP
chr6_32612041_A_G	32612041	1.47	1.18	1.83	0.00067	0.29	0.37	0.27	SNP
chr6_31127562_C_T	31127562	1.60	1.22	2.10	0.00069	0.20	0.21	0.19	SNP
chr6_32606942_G_A	32606942	1.45	1.17	1.80	0.00070	0.30	0.38	0.28	SNP
chr6_32973263_T_A	32973263	1.32	1.12	1.55	0.00070	0.46	0.50	0.44	SNP
chr6_31236051_A_G	31236051	1.37	1.14	1.65	0.00071	0.49	0.51	0.48	SNP
chr6_31600756_A_T	31600756	0.60	0.44	0.80	0.00071	0.06	0.07	0.11	SNP
chr6_32604151_C_T	32604151	1.46	1.17	1.81	0.00072	0.30	0.37	0.28	SNP
chr6_32270222_C_A	32270222	0.43	0.26	0.69	0.00072	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32636154_G_A	32636154	1.44	1.17	1.79	0.00072	0.30	0.38	0.28	SNP
chr6_32611760_T_C	32611760	1.47	1.17	1.83	0.00073	0.29	0.37	0.27	SNP
chr6_32612241_A_T	32612241	1.46	1.17	1.82	0.00073	0.29	0.37	0.27	SNP
chr6_32559702_G_A	32559702	1.60	1.22	1.90	0.00073	0.28	0.35	0.19	SNP
chr6_32550819_C_A	32550819	1.46	1.17	1.82	0.00074	0.29	0.37	0.27	SNP
chr6_31112737_C_A	31112737	1.67	1.24	2.25	0.00074	0.19	0.22	0.19	SNP
chr6_32410137_C_G	32410137	1.43	1.16	1.73	0.00075	0.22	0.31	0.23	SNP
chr6_31902645_A_G	31902645	0.47	0.30	0.72	0.00075	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_31324750_G_A	31324750	0.54	0.37	0.76	0.00075	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32627635_G_A	32627635	0.68	0.59	0.86	0.00076	0.45	0.38	0.46	SNP
chr6_32972903_G_A	32972903	1.43	1.16	1.76	0.00076	0.34	0.41	0.13	SNP
chr6_31924880_G_A	31924880	0.55	0.39	0.77	0.00076	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32608946_G_A	32608946	0.56	0.39	0.77	0.00076	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32633816_C_G	32633816	1.39	1.15	1.69	0.00076	0.38	0.42	0.36	SNP
chr6_32612096_A_G	32612096	0.56	0.39	0.77	0.00076	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32374595_A_G	32374595	0.57	0.40	0.78	0.00077	0.18	0.15	0.19	SNP
chr6_32375796_A_T	32375796	0.57	0.40	0.78	0.00077	0.18	0.15	0.19	SNP
chr6_32145205_C_T	32145205	1.72	1.25	2.35	0.00077	0.18	0.21	0.17	SNP
chr6_32604239_C_G	32604239	1.46	1.17	1.81	0.00077	0.30	0.37	0.28	SNP
chr6_32638098_G_A	32638098	0.45	0.27	0.70	0.00078	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_31373445_T_C	31373445	2.21	1.38	3.51	0.00079	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32609874_T_G	32609874	0.56	0.39	0.78	0.00079	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32610075_A_G	32610075	0.56	0.39	0.78	0.00079	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32610313_C_G	32610313	0.56	0.39	0.78	0.00079	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32608934_A_T	32608934	0.56	0.39	0.78	0.00080	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_31248382_C_T	31248382	0.57	0.40	0.78	0.00080	0.08	0.06	0.11	SNP
chr6_32612008_T_C	32612008	1.47	1.17	1.84	0.00081	0.29	0.36	0.27	SNP
chr6_32605336_G_A	32605336	1.44	1.16	1.79	0.00081	0.30	0.38	0.28	SNP
chr6_32605419_G_A	32605419	1.44	1.17	1.79	0.00081	0.30	0.38	0.28	SNP
chr6_32612251_T_G	32612251	1.45	1.17	1.81	0.00082	0.29	0.37	0.27	SNP
chr6_32605101_A_G	32605101	1.44	1.16	1.79	0.00083	0.30	0.38	0.28	SNP
chr6_32611215_C_T	32611215	0.56	0.39	0.78	0.00083	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32610688_C_G	32610688	0.56	0.39	0.78	0.00083	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32184094_G_A	32184094	1.37	1.14	1.64	0.00084	0.43	0.48	0.41	SNP
chr6_32556605_C_C	32556605	0.69	0.55	0.86	0.00084	0.22	0.16	0.22	SNP
chr6_32611260_A_G	32611260	1.45	1.17	1.81	0.00085	0.29	0.36	0.27	SNP
chr6_32610696_G_A	32610696	0.56	0.39	0.78	0.00085	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32609300_C_T	32609300	1.52	1.19	1.94	0.00085	0.36	0.43	0.34	SNP
chr6_32609341_T_C	32609341	0.68	0.55	0.85	0.00089	0.47	0.41	0.49	SNP
chr6_32188297_G_C	32188297	1.38	1.14	1.68	0.00090	0.29	0.35	0.28	SNP
chr6_32606960_A_T	32606960	0.56	0.39	0.78	0.00091	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32633617_A_G	32633617	0.69	0.55	0.86	0.00091	0.44	0.38	0.46	SNP
chr6_31902289_C_G	31902289	0.48	0.30	0.73	0.00093	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32184221_G_A	32184221	1.36	1.13	1.64	0.00093	0.43	0.48	0.41	SNP
chr6_31919956_T_C	31919956	0.56	0.39	0.78	0.00094	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_31916951_T_C	31916951	0.56	0.40	0.78	0.00095	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_31919117_T_C	31919117	0.56	0.40	0.78	0.00095	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32409056_G_A	32409056	1.41	1.15	1.72	0.00095	0.29	0.32	0.28	SNP
chr6_32785275_G_A	32785275	0.59	0.43	0.80	0.00097	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32605861_G_A	32605861	0.56	0.39	0.78	0.00097	0.08	0.05	0.09	

chr6_32406122_G_A	32406122	1.80	1.27	2.81	0.00146	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_31325092_G_A	31325092	1.53	1.18	1.98	0.00147	0.34	0.36	0.33	SNP
chr6_31915532_C_T	31915532	0.40	0.22	0.69	0.00149	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32136029_A_G	32136029	2.05	1.31	3.17	0.00149	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_31485796_C_T	31485796	1.98	1.29	3.00	0.00149	0.00	0.05	0.03	SNP
chr6_31238851_C_T	31238851	1.58	1.19	2.10	0.00150	0.22	0.33	0.31	SNP
chr6_31232116_C_T	31232116	1.96	1.28	2.95	0.00150	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32408932_G_A	32408932	1.90	1.27	2.80	0.00151	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32411573_C_T	32411573	1.90	1.27	2.80	0.00151	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32406473_G_A	32406473	1.49	1.16	1.90	0.00153	0.21	0.24	0.21	SNP
chr6_32782018_C_T	32782018	0.59	0.44	0.82	0.00155	0.00	0.07	0.10	SNP
chr6_32557301_C_T	32557301	0.40	0.22	0.69	0.00156	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_32610994_C_A	32610994	1.44	1.15	1.80	0.00157	0.27	0.33	0.25	SNP
chr6_31322500_G_A	31322500	1.67	1.12	2.36	0.00159	0.19	0.22	0.18	SNP
chr6_32782112_C_T	32782112	2.07	1.31	3.24	0.00160	0.02	0.04	0.02	SNP
chr6_32633819_A_G	32633819	0.70	0.56	0.87	0.00161	0.50	0.45	0.51	SNP
chr6_32607170_A_G	32607170	0.57	0.40	0.80	0.00162	0.09	0.05	0.09	SNP
chr6_31465047_G_T	31465047	2.15	1.33	3.46	0.00163	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_3116210_G_A	3116210	1.49	1.16	1.92	0.00163	0.24	0.25	0.24	SNP
chr6_32789400_G_A	32789400	0.44	0.26	0.72	0.00168	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32628913_G_T	32628913	1.55	1.18	2.04	0.00169	0.18	0.24	0.16	SNP
chr6_32188603_C_T	32188603	1.36	1.12	1.65	0.00169	0.29	0.34	0.28	SNP
chr6_32611229_C_T	32611229	0.71	0.57	0.88	0.00175	0.45	0.39	0.48	SNP
chr6_32608809_T_C	32608809	1.43	1.14	1.79	0.00176	0.27	0.35	0.25	SNP
chr6_32610997_C_G	32610997	1.43	1.14	1.79	0.00176	0.27	0.33	0.25	SNP
chr6_31232149_C_T	31232149	1.53	1.17	1.99	0.00177	0.32	0.34	0.31	SNP
chr6_31914180_G_A	31914180	0.58	0.41	0.81	0.00178	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_31326948_C_A	31326948	0.64	0.48	0.84	0.00179	0.11	0.08	0.11	SNP
chr6_31905372_C_T	31905372	0.60	0.40	0.82	0.00182	0.13	0.07	0.10	SNP
chr6_32559444_C_T	32559444	0.61	0.44	0.82	0.00185	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32628184_A_T	32628184	1.33	1.11	1.59	0.00186	0.34	0.39	0.32	SNP
chr6_31906505_C_T	31906505	0.58	0.41	0.81	0.00187	0.04	0.05	0.09	SNP
chr6_32520460_C_T	32520460	1.40	1.13	1.73	0.00187	0.32	0.39	0.30	SNP
chr6_32629764_C_T	32629764	1.41	1.13	1.75	0.00188	0.38	0.45	0.36	SNP
chr6_31905130_G_A	31905130	0.58	0.41	0.81	0.00188	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_31905328_G_T	31905328	0.58	0.41	0.81	0.00188	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_31907147_T_C	31907147	0.58	0.41	0.81	0.00188	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_31907168_C_T	31907168	0.58	0.41	0.81	0.00188	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_32781076_G_A	32781076	0.61	0.45	0.83	0.00190	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32633971_A_G	32633971	1.43	1.14	1.78	0.00190	0.19	0.25	0.18	SNP
chr6_31326682_G_A	31326682	0.64	0.48	0.83	0.00191	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_31931177_C_T	31931177	0.61	0.44	0.83	0.00196	0.07	0.12	0.09	SNP
chr6_29893131_C_T	29893131	0.37	0.19	0.66	0.00196	0.03	0.01	0.04	SNP
chr6_31326080_T_C	31326080	0.61	0.44	0.83	0.00205	0.09	0.07	0.09	SNP
chr6_31326939_A_G	31326939	0.66	0.48	0.85	0.00207	0.11	0.08	0.11	SNP
chr6_31321211_C_T	31321211	0.75	0.63	0.90	0.00208	0.41	0.37	0.42	SNP
chr6_32410576_C_T	32410576	1.37	1.12	1.68	0.00209	0.28	0.31	0.28	SNP
chr6_32608956_T_C	32608956	1.42	1.13	1.77	0.00213	0.28	0.35	0.27	SNP
chr6_31947086_G_A	31947086	0.63	0.46	0.84	0.00214	0.11	0.07	0.12	SNP
chr6_31125705_C_G	31125705	1.54	1.17	2.02	0.00215	0.20	0.21	0.19	SNP
chr6_31473746_G_A	31473746	2.12	1.31	2.43	0.00223	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32629859_G_A	32629859	0.71	0.57	0.88	0.00225	0.48	0.43	0.50	SNP
chr6_31322108_T_C	31322108	1.98	1.27	3.05	0.00226	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_31325745_C_T	31325745	1.33	1.11	1.58	0.00228	0.47	0.52	0.45	SNP
HLA_2Fhd8_B_08_01	31321652	2.07	1.30	3.31	0.00229	0.12	0.13	0.11	HLA (HLA)
chr6_32505931_C_A	32505931	1.42	1.13	1.79	0.00227	0.23	0.30	0.21	SNP
chr6_32505946_T_C	32505946	1.40	1.13	1.73	0.00241	0.73	0.38	0.29	SNP
chr6_31325317_C_T	31325317	0.64	0.48	0.85	0.00243	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32975381_G_A	32975381	0.76	0.64	0.91	0.00243	0.40	0.35	0.41	SNP
chr6_313281842_C_T	31328184	1.32	1.10	1.58	0.00248	0.34	0.39	0.32	SNP
chr6_32804798_G_A	32804798	1.35	1.11	1.63	0.00249	0.28	0.35	0.26	SNP
chr6_31935311_C_T	31935311	0.62	0.45	0.84	0.00252	0.11	0.07	0.12	SNP
chr6_31635713_C_T	31635713	0.72	0.58	0.89	0.00253	0.07	0.05	0.09	SNP
chr6_32604660_C_T	32604660	0.60	0.43	0.83	0.00258	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_31864304_G_A	31864304	1.45	1.14	1.84	0.00260	0.37	0.39	0.37	SNP
chr6_31322611_C_T	31322611	0.96	0.25	1.02	0.00261	0.04	0.04	0.02	SNP
chr6_31323455_A_G	31323455	1.96	1.25	3.02	0.00261	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32629347_T_C	32629347	1.40	1.13	1.75	0.00262	0.37	0.44	0.35	SNP
chr6_31321537_C_T	31321537	1.96	1.25	3.02	0.00263	0.04	0.04	0.02	SNP
chr6_31322987_C_T	31322987	1.96	1.25	3.02	0.00263	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32627652_C_G	32627652	1.39	1.12	1.73	0.00267	0.38	0.45	0.36	SNP
chr6_31141247_G_A	31141247	1.93	1.29	3.12	0.00268	0.07	0.13	0.12	SNP
chr6_32629400_A_G	32629400	1.40	1.12	1.74	0.00269	0.37	0.44	0.35	SNP
chr6_32783365_C_T	32783365	0.63	0.46	0.85	0.00269	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32629535_C_A	32629535	1.40	1.12	1.73	0.00272	0.37	0.44	0.35	SNP
chr6_31932109_G_A	31932109	0.39	0.20	0.69	0.00273	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_31240060_G_A	31240060	1.50	1.15	1.95	0.00278	0.33	0.34	0.32	SNP
chr6_31430010_G_A	31430010	2.06	1.28	3.32	0.00283	0.14	0.13	0.12	SNP
chr6_32803576_A_G	32803576	1.55	1.16	2.05	0.00283	0.08	0.12	0.06	SNP
chr6_31325764_C_G	31325764	0.66	0.49	0.86	0.00289	0.11	0.09	0.12	SNP
chr6_31930042_G_A	31930042	0.67	0.52	0.87	0.00290	0.13	0.10	0.14	SNP
chr6_31490704_G_T	31490704	1.46	1.14	1.88	0.00291	0.33	0.38	0.21	SNP
chr6_32608350_G_A	32608350	0.58	0.40	0.82	0.00292	0.10	0.06	0.10	SNP
chr6_32628845_G_A	32628845	1.40	1.12	1.74	0.00292	0.37	0.44	0.35	SNP
chr6_32609848_G_A	32609848	1.41	1.12	1.77	0.00295	0.17	0.19	0.13	SNP
chr6_31901773_G_A	31901773	0.43	0.23	0.73	0.00295	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_32190620_T_C	32190620	0.75	0.61	0.90	0.00298	0.26	0.21	0.27	SNP
chr6_29891850_A_G	29891850	1.29	0.96	1.53	0.00298	0.04	0.05	0.42	SNP
chr6_32606217_G_A	32606217	1.39	1.12	1.73	0.00299	0.31	0.38	0.29	SNP
chr6_29855331_G_A	29855331	1.39	1.12	1.73	0.00305	0.19	0.21	0.19	SNP
chr6_31365724_G_A	31365724	0.59	0.41	0.83	0.00309	0.07	0.05	0.08	SNP
chr6_32629331_A_G	32629331	1.39	1.12	1.74	0.00311	0.36	0.44	0.34	SNP
chr6_32785029_T_C	32785029	0.63	0.47	0.85	0.00313	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_3240596_T_A	3240596	0.49	0.29	0.77	0.00316	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32976909_G_A	32976909	0.79	0.67	0.92	0.00317	0.48	0.45	0.49	SNP
chr6_32374382_C_A	32374382	0.51	0.32	0.78	0.00317	0.05	0.03	0.05	SNP
chr6_32374437_G_A	32374437	0.51	0.32	0.78	0.00317	0.05	0.03	0.05	SNP
chr6_32374640_G_A	32374640	0.51	0.32	0.78	0.00317	0.05	0.03	0.05	SNP
chr6_32713267_G_A	32713267	1.49	1.14	1.94	0.00319	0.09	0.11	0.08	SNP
HLA_2Fhd8_B_40_01	32321652	0.62	0.45	0.85	0.00321	0.05	0.07	0.10	HLA (HLA)
chr6_32785035_A_G	32785035	0.64	0.47	0.85	0.00328	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32609286_T_C	32609286	0.73	0.59	0.90	0.00331	0.49	0.56	0.47	SNP
chr6_3212142_A_G	3212142	0.75	0.62	0.91	0.00331	0.34	0.35	0.26	SNP
chr6_32604642_G_A	32604642	1.42	1.12	1.78	0.00333	0.28	0.35	0.26	SNP
chr6_32629509_A_G	32629509	1.39	1.11	1.72	0.00335	0.37	0.44	0.36	SNP
chr6_32793721_G_A	32793721	1.64	1.17	2.27	0.00359	0.73	0.04	0.03	SNP
chr6_32550587_T_G	32550587	0.50	0.31	0.78	0.00341	0.05	0.03	0.05	SNP
HLA_2Fhd8_Dfhd1_04_01	32546552	1.48	1.14	1.92	0.00341	0.13	0.20	0.11	HLA (HLA)
chr6_31121482_G_A	31121482	1.60	1.16	2.19	0.00342	0.15	0.22	0.19	SNP
chr6_32793534_C_T	32793534	1.63	1.17	2.27	0.00349	0.06	0.10	0.05	SNP
chr6_33693760_C_G	33693760	0.76	0.63	0.91	0.00350	0.33	0.28	0.35	SNP
chr6_33627818_C_A	33627818	1.39	1.11	1.73	0.00352	0.20	0.26</		

chr6_31473957_C_G	31473957	1.86	1.23	3.13	0.00467	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31860337_C_T	31860337	1.42	1.11	1.81	0.00469	0.37	0.39	0.37	SNP
chr6_31322790_T_A	31322790	1.90	1.22	2.97	0.00469	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32491581_A_C	32491581	1.41	1.11	1.80	0.00472	0.26	0.33	0.25	SNP
chr6_31499318_C_T	31499318	1.38	1.10	1.73	0.00481	0.27	0.35	0.27	SNP
chr6_31244230_C_A	31244230	1.62	1.16	2.27	0.00482	0.18	0.20	0.17	SNP
chr6_33052981_C_A	33052981	1.42	1.11	1.81	0.00482	0.11	0.13	0.11	SNP
chr6_31590009_A_T	31590009	0.56	0.37	0.83	0.00484	0.06	0.07	0.06	SNP
chr6_31507160_A_G	31507160	0.42	0.22	0.74	0.00484	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_31558702_C_T	31558702	2.02	1.23	3.29	0.00486	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32161274_G_A	32161274	1.75	1.17	2.61	0.00504	0.16	0.02	0.16	SNP
chr6_32488960_A_G	32488960	1.58	1.14	2.16	0.00505	0.06	0.09	0.06	SNP
chr6_30879897_C_T	30879897	1.76	1.18	2.60	0.00508	0.12	0.13	0.11	SNP
chr6_31245131_C_G	31245131	1.43	1.15	1.85	0.00517	0.31	0.33	0.31	SNP
chr6_32151420_G_C	32151420	0.60	0.41	0.85	0.00523	0.06	0.04	0.07	SNP
chr6_32412580_C_T	32412580	1.40	1.10	1.78	0.00524	0.23	0.25	0.22	SNP
chr6_32161274_G_A	32161274	1.75	1.17	2.61	0.00528	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32166380_C_G	32166380	1.75	1.17	2.57	0.00528	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_31837491_G_A	31837491	1.40	1.11	1.77	0.00529	0.49	0.50	0.49	SNP
chr6_31420060_G_T	31420060	1.89	1.20	2.94	0.00529	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32340593_G_C	32340593	0.51	0.31	0.80	0.00529	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_33625696_T_C	33625696	1.35	1.09	1.67	0.00531	0.26	0.31	0.25	SNP
chr6_31500925_A_C	31500925	0.74	0.60	0.91	0.00531	0.29	0.15	0.20	SNP
chr6_31248256_C_T	31248256	0.51	0.31	0.80	0.00534	0.04	0.03	0.05	SNP
chr6_32785142_G_A	32785142	1.58	1.14	2.19	0.00538	0.06	0.10	0.05	SNP
chr6_29892196_T_C	29892196	1.28	1.08	1.53	0.00539	0.47	0.48	0.47	SNP
chr6_32826985_C_T	32826985	0.78	0.66	0.93	0.00545	0.43	0.39	0.44	SNP
chr6_32627480_G_A	32627480	1.38	1.10	1.72	0.00548	0.38	0.44	0.37	SNP
chr6_32490746_C_A	32490746	2.00	1.21	3.22	0.00549	0.02	0.02	0.02	SNP
chr6_33542523_T_C	33542523	1.29	1.08	1.55	0.00550	0.22	0.25	0.21	SNP
chr6_31084288_T_C	31084288	0.76	0.62	0.92	0.00560	0.48	0.45	0.49	SNP
chr6_31243935_T_C	31243935	1.13	1.09	1.67	0.00560	0.39	0.41	0.38	SNP
chr6_32134828_C_T	32134828	0.46	0.26	0.78	0.00564	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32188713_C_G	32188713	0.48	0.28	0.79	0.00571	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32080383_C_T	32080383	1.42	1.08	2.44	0.00574	0.28	0.86	0.29	SNP
chr6_32627446_C_T	32627446	1.70	1.16	2.47	0.00576	0.04	0.06	0.04	SNP
chr6_32611467_A_C	32611467	1.44	1.11	1.86	0.00576	0.19	0.26	0.17	SNP
chr6_32306922_T_C	32306922	1.77	1.17	2.64	0.00580	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32012755_G_A	32012755	0.60	0.41	0.86	0.00587	0.03	0.05	0.09	SNP
chr6_32490747_T_A	32490747	1.98	1.21	3.20	0.00592	0.02	0.04	0.02	SNP
chr6_31243971_G_A	31243971	1.46	1.12	1.92	0.00592	0.32	0.33	0.32	SNP
chr6_30855211_T_G	30855211	1.73	1.17	2.60	0.00601	0.15	0.13	0.11	SNP
chr6_31243830_G_A	31243830	1.35	1.09	1.67	0.00603	0.39	0.41	0.38	SNP
HLA_2rfe4_D081_06_03	32627244	0.60	0.41	0.85	0.00617	0.08	0.05	0.09	HLA (HLA)
chr6_32761447_T_A	32761447	0.41	0.20	0.74	0.00620	0.03	0.01	0.03	SNP
chr6_31730568_A_G	31730568	0.61	0.42	0.86	0.00623	0.07	0.05	0.08	SNP
chr6_32975478_T_C	32975478	1.32	1.08	1.62	0.00624	0.16	0.20	0.15	SNP
chr6_31161442_G_A	31161442	1.40	1.10	1.79	0.00625	0.10	0.09	0.27	SNP
chr6_32036357_G_A	32036357	0.65	0.47	0.88	0.00625	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_32409530_A_G	32409530	1.29	1.07	1.54	0.00629	0.40	0.42	0.39	SNP
chr6_31546498_C_T	31546498	1.29	1.07	1.55	0.00636	0.22	0.25	0.21	SNP
chr6_32375347_T_G	32375347	0.51	0.30	0.81	0.00638	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32186050_G_A	32186050	1.34	1.09	1.66	0.00643	0.41	0.46	0.40	SNP
chr6_31894355_C_T	31894355	0.87	0.49	0.89	0.00659	0.10	0.08	0.10	SNP
chr6_32405671_C_A	32405671	1.31	1.08	1.59	0.00659	0.32	0.34	0.31	SNP
chr6_32825379_A_G	32825379	0.79	0.66	0.94	0.00663	0.45	0.42	0.46	SNP
chr6_32077380_C_T	32077380	1.79	1.45	2.87	0.00666	0.05	0.05	0.09	SNP
chr6_31324051_C_A	31324051	0.61	0.43	0.87	0.00667	0.09	0.07	0.09	SNP
chr6_32785841_C_T	32785841	1.56	1.13	2.14	0.00682	0.06	0.10	0.05	SNP
chr6_31709204_G_C	31709204	0.70	0.53	0.90	0.00683	0.12	0.17	0.22	SNP
chr6_3118942_T_C	3118942	1.39	1.09	1.77	0.00687	0.26	0.26	0.26	SNP
chr6_32369601_T_C	32369601	0.51	0.30	0.81	0.00689	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32154385_A_G	32154385	0.66	0.49	0.88	0.00691	0.11	0.10	0.11	SNP
chr6_32489964_G_A	32489964	1.54	1.12	2.10	0.00695	0.06	0.09	0.06	SNP
chr6_29892615_C_T	29892615	0.80	0.68	0.94	0.00697	0.50	0.48	0.50	SNP
chr6_31115602_G_A	31115602	1.38	1.09	1.65	0.00699	0.12	0.13	0.26	SNP
chr6_32783405_C_T	32783405	1.55	1.13	2.14	0.00704	0.06	0.10	0.05	SNP
chr6_32304466_T_A	32304466	0.51	0.31	0.81	0.00707	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32909980_C_T	32909980	1.28	1.07	1.54	0.00712	0.36	0.37	0.36	SNP
chr6_33596664_A_C	33596664	0.57	0.38	0.85	0.00717	0.05	0.04	0.06	SNP
chr6_30878857_G_A	30878857	1.54	1.12	2.10	0.00718	0.07	0.10	0.06	SNP
chr6_31804313_A_T	31804313	0.87	0.49	0.89	0.00719	0.06	0.04	0.06	SNP
chr6_33545340_G_A	33545340	0.75	0.60	0.92	0.00720	0.26	0.21	0.27	SNP
chr6_31324953_T_C	31324953	1.41	1.10	1.81	0.00736	0.37	0.40	0.37	SNP
chr6_31243979_A_T	31243979	1.45	1.10	1.90	0.00739	0.32	0.33	0.32	SNP
chr6_31127918_G_A	31127918	0.61	0.42	0.87	0.00741	0.08	0.05	0.09	SNP
chr6_31930351_A_G	31930351	0.55	0.35	0.84	0.00744	0.05	0.03	0.05	SNP
chr6_32052983_C_T	32052983	0.65	0.47	0.89	0.00745	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_31638811_C_T	31638811	1.63	1.13	2.32	0.00750	0.04	0.06	0.04	SNP
chr6_31110391_G_C	31110391	1.38	1.09	1.74	0.00751	0.26	0.26	0.26	SNP
chr6_29912308_T_C	29912308	1.28	1.07	1.54	0.00758	0.37	0.39	0.37	SNP
chr6_32200337_A_G	32200337	1.38	1.09	1.89	0.00759	0.10	0.12	0.30	SNP
chr6_31316076_G_A	31316076	1.43	1.10	1.85	0.00769	0.11	0.12	0.10	SNP
HLA_2rfe4_C08_04	31286256	0.71	0.55	0.91	0.00769	0.15	0.14	0.15	HLA (HLA)
chr6_31085356_C_T	31085356	1.79	1.16	2.74	0.00772	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32611034_T_A	32611034	1.35	1.08	1.68	0.00775	0.27	0.33	0.26	SNP
chr6_32007625_C_T	32007625	0.66	0.48	0.89	0.00791	0.10	0.07	0.10	SNP
chr6_31381459_A_G	31381459	0.50	0.28	0.81	0.00792	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32323905_C_A	32323905	0.52	0.31	0.82	0.00795	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32707585_G_A	32707585	0.70	0.54	0.91	0.00805	0.21	0.17	0.22	SNP
chr6_32553662_A_G	32553662	0.76	0.62	0.93	0.00812	0.38	0.34	0.40	SNP
chr6_32558284_T_C	32558284	0.64	0.45	0.88	0.00831	0.08	0.06	0.08	SNP
chr6_31248324_C_T	31248324	0.52	0.31	0.83	0.00833	0.04	0.03	0.05	SNP
chr6_31428927_T_C	31428927	1.51	1.11	2.05	0.00837	0.17	0.18	0.16	SNP
chr6_32604644_G_A	32604644	1.36	1.08	1.72	0.00840	0.28	0.35	0.27	SNP
chr6_31707526_G_A	31707526	1.80	1.15	2.78	0.00850	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_30796545_C_T	30796545	1.62	1.13	2.81	0.00862	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_29913099_G_A	29913099	0.48	0.27	0.81	0.00862	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_31236853_G_A	31236853	1.55	1.12	2.15	0.00878	0.18	0.19	0.17	SNP
chr6_32822975_C_T	32822975	0.80	0.67	0.94	0.00885	0.43	0.40	0.44	SNP
chr6_32974843_C_T	32974843	1.30	1.07	1.59	0.00893	0.16	0.20	0.15	SNP
chr6_3252698_G_T	3252698	0.76	0.61	0.93	0.00901	0.41	0.37	0.42	SNP
chr6_31267882_G_A	31267882	1.67	1.14	2.46	0.00904	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32973599_C_T	32973599	1.30	1.07	1.59	0.00908	0.16	0.20	0.15	SNP
chr6_32823257_T_C	32823257	0.80	0.68	0.95	0.00908	0.45	0.42	0.46	SNP
chr6_29908338_C_T	29908338	1.21	1.06	1.62	0.00909	0.37	0.38	0.37	SNP
chr6_32085278_C_T	32085278	1.82	1.15	2.84	0.00916	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_32975257_C_T	32975257	1.25	1.06	1.48	0.00917	0.48	0.53	0.46	SNP
chr6_29895973_G_A	29895973	1.35	1.07	1.68	0.00918	0.12	0.13	0.17	SNP
chr6_32826450_T_C	32826450	0.79	0.66	0.94	0.00920	0.45	0.42	0.46	SNP
chr6_29896268_C_T	29896268	1.26	1.06	1.50	0.00921	0.44	0.46	0.43	SNP
HLA_2rfe4_D081_13_01	32545552	0.64	0.45	0.89	0.00921	0.08	0.06</		

chr6_31712196_G_A	31712196	1.91	1.16	3.14	0.01093	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31725230_G_A	31725230	1.91	1.16	3.14	0.01093	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31726794_T_C	31726794	1.91	1.16	3.14	0.01093	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32017522_G_A	32017522	0.49	0.27	0.83	0.01105	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32052326_A_G	32052326	1.43	1.08	1.87	0.01114	0.06	0.04	0.08	SNP
chr6_31795345_G_A	31795345	0.52	0.31	0.84	0.01115	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_31546495_G_C	31546495	1.76	1.13	2.70	0.01118	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_31726523_T_C	31726523	1.90	1.16	3.13	0.01119	0.13	0.11	0.12	SNP
chr6_32822296_C_G	32822296	0.80	0.67	0.95	0.01122	0.43	0.39	0.44	SNP
chr6_32609476_T_C	32609476	1.43	1.08	1.88	0.01124	0.08	0.10	0.07	SNP
chr6_32541661_C_T	32541661	1.26	1.05	1.51	0.01126	0.26	0.22	0.27	SNP
chr6_29909472_C_G	29909472	1.26	1.05	1.51	0.01127	0.37	0.38	0.37	SNP
chr6_31113214_C_A	31113214	0.77	0.63	0.94	0.01128	0.25	0.24	0.26	SNP
chr6_31236989_T_C	31236989	1.53	1.10	2.12	0.01129	0.18	0.19	0.17	SNP
chr6_29910358_G_C	29910358	1.28	1.06	1.55	0.01138	0.46	0.48	0.45	SNP
chr6_32604974_C_T	32604974	1.43	1.08	1.88	0.01140	0.08	0.10	0.07	SNP
chr6_31712103_G_A	31712103	1.93	1.16	3.21	0.01156	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_33039535_A_T	33039535	1.37	1.07	1.74	0.01158	0.11	0.12	0.11	SNP
chr6_33046662_T_C	33046662	0.77	0.63	0.94	0.01159	0.23	0.18	0.25	SNP
chr6_31745464_G_A	31745464	1.94	1.16	3.26	0.01168	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31248114_C_T	31248114	0.54	0.33	0.86	0.01170	0.04	0.03	0.05	SNP
chr6_31725285_A_G	31725285	1.90	1.15	3.12	0.01170	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31085382_C_A	31085382	0.79	0.66	0.95	0.01175	0.48	0.46	0.49	SNP
chr6_32817008_C_T	32817008	0.53	0.31	0.85	0.01177	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_31593265_G_T	31593265	0.62	0.42	0.89	0.01181	0.06	0.04	0.06	SNP
chr6_31275560_T_C	31275560	0.62	0.42	0.89	0.01193	0.07	0.05	0.07	SNP
chr6_31601735_G_A	31601735	0.60	0.40	0.88	0.01200	0.06	0.04	0.06	SNP
chr6_31275691_A_C	31275691	0.62	0.42	0.89	0.01203	0.07	0.05	0.07	SNP
chr6_32974081_C_T	32974081	1.23	1.05	1.45	0.01205	0.45	0.54	0.47	SNP
chr6_31325056_C_T	31325056	1.52	1.09	2.10	0.01211	0.15	0.16	0.15	SNP
chr6_32606695_T_C	32606695	0.70	0.52	0.92	0.01211	0.11	0.08	0.12	SNP
chr6_32805505_C_A	32805505	1.23	1.05	1.45	0.01217	0.36	0.40	0.34	SNP
chr6_31110671_G_C	31110671	0.77	0.63	0.94	0.01220	0.25	0.24	0.26	SNP
chr6_31560565_C_T	31560565	0.51	0.29	0.84	0.01227	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_31632287_C_T	31632287	1.33	1.06	1.66	0.01232	0.31	0.28	0.30	SNP
chr6_31837277_A_C	31837277	1.30	1.06	1.60	0.01232	0.49	0.49	0.49	SNP
chr6_32707023_C_T	32707023	0.70	0.52	0.92	0.01235	0.21	0.17	0.22	SNP
chr6_29910383_G_A	29910383	1.23	1.06	1.66	0.01238	0.18	0.19	0.17	SNP
chr6_33548493_C_T	33548493	0.78	1.64	0.95	0.01240	0.03	0.28	0.35	SNP
chr6_32605689_G_A	32605689	1.42	1.07	1.87	0.01250	0.08	0.10	0.07	SNP
chr6_32707040_G_A	32707040	0.70	0.58	0.92	0.01256	0.21	0.17	0.22	SNP
chr6_32029183_C_T	32029183	0.67	0.49	0.91	0.01261	0.59	0.07	0.10	SNP
chr6_29913171_A_G	29913171	1.26	1.05	1.51	0.01261	0.37	0.39	0.37	SNP
chr6_32711050_C_T	32711050	0.71	0.54	0.93	0.01267	0.21	0.17	0.21	SNP
chr6_33548499_A_G	33548499	1.24	1.05	1.47	0.01267	0.07	0.46	0.38	SNP
chr6_29897759_A_G	29897759	1.32	1.06	1.64	0.01274	0.20	0.21	0.19	SNP
chr6_29868253_G_A	29868253	1.40	1.07	1.82	0.01275	0.15	0.17	0.14	SNP
chr6_31555381_A_G	31555381	1.35	1.07	1.71	0.01278	0.21	0.26	0.22	SNP
chr6_31236201_G_A	31236201	1.38	1.07	1.78	0.01285	0.10	0.11	0.09	SNP
chr6_32977044_G_A	32977044	1.40	1.07	1.82	0.01287	0.09	0.10	0.09	SNP
chr6_32610105_G_A	32610105	1.43	1.07	1.89	0.01295	0.08	0.10	0.07	SNP
chr6_32712666_T_C	32712666	1.46	1.08	1.96	0.01299	0.14	0.15	0.14	SNP
chr6_30229267_G_C	30229267	1.58	1.10	2.27	0.01300	0.10	0.12	0.10	SNP
chr6_29909153_T_C	29909153	1.26	1.05	1.51	0.01306	0.37	0.38	0.37	SNP
chr6_29909840_A_G	29909840	1.25	1.05	1.48	0.01313	0.46	0.47	0.45	SNP
chr6_29944706_G_A	29944706	1.39	1.07	1.81	0.01329	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_32785714_T_C	32785714	1.20	1.06	1.61	0.01334	0.16	0.12	0.21	SNP
chr6_29893403_C_G	29893403	1.39	1.07	1.80	0.01340	0.15	0.17	0.15	SNP
chr6_29758117_G_A	29758117	1.32	1.06	1.64	0.01345	0.19	0.20	0.19	SNP
chr6_32376882_T_C	32376882	1.31	1.06	1.61	0.01347	0.48	0.53	0.47	SNP
chr6_31751071_C_T	31751071	1.75	1.11	2.71	0.01347	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_31237950_C_T	31237950	1.37	1.07	1.75	0.01354	0.36	0.38	0.36	SNP
chr6_31627456_G_A	31627456	1.39	1.06	1.61	0.01362	0.31	0.31	0.31	SNP
chr6_31765984_G_A	31765984	1.94	1.15	3.28	0.01362	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_29896112_C_T	29896112	1.40	1.07	1.83	0.01383	0.16	0.18	0.15	SNP
chr6_32818130_G_A	32818130	0.76	0.61	0.94	0.01384	0.19	0.19	0.19	SNP
chr6_32819865_T_C	32819865	0.73	0.57	0.93	0.01391	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_33256471_C_T	33256471	1.34	1.06	1.69	0.01392	0.13	0.15	0.12	SNP
chr6_31205484_A_G	31205484	1.29	1.06	1.61	0.01395	0.09	0.06	0.09	SNP
chr6_31611777_C_T	31611777	1.54	1.09	2.16	0.01403	0.19	0.20	0.19	SNP
chr6_32375745_G_A	32375745	1.30	1.06	1.61	0.01404	0.49	0.53	0.47	SNP
chr6_32375618_C_T	32375618	1.30	1.06	1.61	0.01404	0.49	0.53	0.47	SNP
chr6_32627700_G_A	32627700	0.75	0.59	0.94	0.01407	0.19	0.14	0.20	SNP
chr6_33268737_C_A	33268737	1.22	1.04	1.44	0.01419	0.36	0.41	0.34	SNP
chr6_31607050_T_C	31607050	1.53	1.09	2.13	0.01425	0.15	0.20	0.19	SNP
chr6_32610330_A_T	32610330	1.41	1.07	1.86	0.01425	0.08	0.10	0.07	SNP
chr6_29768705_C_A	29768705	1.30	1.05	1.60	0.01429	0.25	0.26	0.25	SNP
chr6_29893040_T_C	29893040	1.31	1.05	1.62	0.01430	0.15	0.21	0.19	SNP
chr6_29852855_T_C	29852855	1.33	1.06	1.66	0.01430	0.18	0.19	0.17	SNP
chr6_32085317_C_G	32085317	0.53	0.31	0.86	0.01438	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32559674_T_A	32559674	1.43	1.07	1.91	0.01440	0.08	0.10	0.07	SNP
chr6_32376471_A_C	32376471	1.33	1.06	1.67	0.01444	0.16	0.12	0.12	SNP
chr6_31636742_A_G	31636742	1.87	1.13	3.10	0.01444	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32410987_G_A	32410987	1.49	1.08	2.05	0.01445	0.17	0.18	0.17	SNP
chr6_33365440_C_T	33365440	1.34	1.06	1.69	0.01448	0.12	0.15	0.12	SNP
chr6_32376932_C_T	32376932	1.30	1.05	1.61	0.01469	0.49	0.53	0.47	SNP
chr6_32976654_G_A	32976654	1.39	1.06	1.81	0.01473	0.09	0.10	0.09	SNP
chr6_29786510_T_C	29786510	1.32	1.05	1.64	0.01487	0.19	0.19	0.17	SNP
chr6_32636521_G_A	32636521	1.34	1.06	1.69	0.01489	0.17	0.22	0.16	SNP
chr6_30851909_C_A	30851909	1.72	1.11	2.65	0.01493	0.13	0.15	0.12	SNP
chr6_29933750_G_T	29933750	1.39	1.06	1.81	0.01494	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_31240353_C_A	31240353	1.50	1.08	2.08	0.01494	0.18	0.19	0.17	SNP
chr6_31240663_A_T	31240663	1.50	1.08	2.08	0.01494	0.18	0.19	0.17	SNP
chr6_32362408_G_A	32362408	0.72	0.54	0.93	0.01502	0.15	0.11	0.16	SNP
chr6_29712866_C_T	29712866	1.37	1.06	1.75	0.01526	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_31727474_A_G	31727474	1.86	1.12	3.08	0.01547	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_29909751_C_T	29909751	1.24	1.04	1.61	0.01552	0.46	0.47	0.46	SNP
chr6_32559216_G_A	32559216	1.29	1.05	1.58	0.01555	0.38	0.38	0.38	SNP
chr6_29720604_G_A	29720604	1.36	1.06	1.74	0.01556	0.20	0.21	0.20	SNP
chr6_31702710_C_T	31702710	0.63	0.43	0.86	0.01574	0.06	0.04	0.06	SNP
chr6_31830593_A_C	31830593	0.52	0.29	0.86	0.01576	0.04	0.03	0.05	SNP
chr6_29945949_G_A	29945949	1.47	1.07	2.00	0.01586	0.11	0.12	0.11	SNP
chr6_32821861_G_G	32821861	0.54	0.32	0.87	0.01586	0.68	0.02	0.04	SNP
chr6_33382241_T_C	33382241	1.21	1.04	1.42	0.01590	0.41	0.46	0.40	SNP
chr6_32974401_G_T	32974401	1.22	1.04	1.44	0.01594	0.48	0.54	0.47	SNP
chr6_29972384_G_A	29972384	1.27	1.05	1.55	0.01596	0.28	0.28	0.28	SNP
chr6_32603729_A_G	32603729	1.41	1.06	1.85	0.01602	0.08	0.10	0.08	SNP
chr6_32501211_G_A	32501211	1.41	1.07	1.87	0.01606	0.19	0.21	0.19	SNP
chr6_29906800_C_A	29906800	1.42	1.04	1.47	0.01612	0.49	0.50	0.49	SNP
chr6_31462135_G_A	31462135	1.93	1.13	3.29	0.01616	0.13	0.14	0.12	SNP
chr6_31851354_G_A	31851354	0.54	0.32	0.87	0.01617	0.04	0.03	0.05	SNP
chr6_31521596_T_C	31521596	1.23	1.05	1.47	0.01623	0.36	0.43	0.34	SNP
chr6_31624864_A_G	31624864	1.91	1.13	3.23	0.01626	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_319									

chr6_32825507_C_T	32825507	0.80	0.66	0.96	0.01931	0.36	0.32	0.37	SNP
chr6_3173650_G_A	3173650	0.63	0.42	0.92	0.01935	0.06	0.04	0.06	SNP
chr6_32606266_T_C	32606266	1.39	1.05	1.83	0.01937	0.08	0.10	0.08	SNP
chr6_32522703_T_G	32522703	0.78	0.63	0.96	0.01965	0.40	0.37	0.41	SNP
chr6_32911830_C_T	32911830	1.29	1.04	1.60	0.01972	0.10	0.20	0.18	SNP
chr6_32973281_C_T	32973281	1.21	1.03	1.42	0.01990	0.48	0.50	0.47	SNP
chr6_31918860_A_G	31918860	1.80	1.10	2.94	0.01992	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32857730_C_G	32857730	1.29	1.04	1.59	0.01992	0.18	0.18	0.18	SNP
chr6_32052444_C_T	32052444	0.57	0.34	0.90	0.01993	0.04	0.03	0.04	SNP
chr6_32359142_A_G	32359142	1.24	1.03	1.50	0.02005	0.40	0.45	0.39	SNP
chr6_32725932_A_G	32725932	1.24	1.03	1.50	0.02009	0.37	0.39	0.36	SNP
chr6_32710466_G_T	32710466	1.24	1.03	1.50	0.02009	0.37	0.39	0.36	SNP
chr6_31607952_G_A	31607952	0.64	0.44	0.92	0.02017	0.06	0.04	0.06	SNP
chr6_31546825_C_T	31546825	1.22	1.03	1.45	0.02023	0.40	0.45	0.39	SNP
chr6_31248995_C_T	31248995	0.57	0.35	0.90	0.02034	0.05	0.03	0.05	SNP
chr6_32035427_T_C	32035427	0.69	0.50	0.94	0.02042	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32005048_C_G	32005048	0.57	0.34	0.90	0.02050	0.04	0.03	0.04	SNP
chr6_32633415_C_T	32633415	1.38	1.05	1.80	0.02061	0.16	0.17	0.16	SNP
chr6_32725271_G_A	32725271	0.73	0.56	0.95	0.02062	0.21	0.18	0.22	SNP
chr6_32782605_C_T	32782605	1.25	1.04	1.52	0.02062	0.37	0.40	0.36	SNP
chr6_32032421_C_T	32032421	0.69	0.50	0.94	0.02066	0.11	0.08	0.12	SNP
chr6_31241933_A_C	31241933	1.42	1.05	1.89	0.02068	0.07	0.10	0.07	SNP
chr6_31465917_G_T	31465917	1.68	1.07	2.58	0.02087	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_32362741_C_T	32362741	0.72	0.55	0.95	0.02094	0.15	0.11	0.16	SNP
chr6_32362745_G_A	32362745	0.72	0.55	0.95	0.02094	0.15	0.11	0.16	SNP
chr6_31181511_T_G	31181511	0.79	0.64	0.96	0.02097	0.25	0.24	0.25	SNP
chr6_32803408_T_A	32803408	1.70	1.07	2.65	0.02117	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_31238632_C_T	31238632	0.77	0.61	0.96	0.02119	0.21	0.21	0.21	SNP
chr6_32895626_G_A	32895626	1.23	1.04	1.74	0.02176	0.04	0.03	0.04	SNP
chr6_29943039_G_T	29943039	0.57	0.35	0.90	0.02155	0.04	0.03	0.04	SNP
chr6_32382943_T_G	32382943	1.38	1.05	1.82	0.02155	0.10	0.11	0.09	SNP
chr6_32060791_G_A	32060791	0.57	0.34	0.90	0.02176	0.04	0.03	0.04	SNP
chr6_32806673_T_C	32806673	0.57	0.35	0.90	0.02185	0.04	0.02	0.04	SNP
HLA_DPB1_02	33043767	1.33	1.04	1.70	0.02199	0.11	0.12	0.11	HLA (HLA)
chr6_31658393_C_G	31658393	1.25	1.04	1.65	0.02203	0.13	0.11	0.11	SNP
chr6_29909440_A_G	29909440	0.71	0.52	0.94	0.02209	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32412395_A_C	32412395	1.29	1.04	1.61	0.02218	0.25	0.26	0.24	SNP
chr6_32611860_G_A	32611860	1.43	1.05	1.94	0.02238	0.18	0.19	0.18	SNP
chr6_31260193_A_G	31260193	1.65	1.06	2.53	0.02246	0.04	0.04	0.03	SNP
chr6_29909916_T_A	29909916	1.24	1.03	1.99	0.02256	0.39	0.40	0.39	SNP
chr6_31919578_G_A	31919578	0.77	0.62	0.96	0.02258	0.48	0.44	0.49	SNP
chr6_32797466_G_A	32797466	1.44	1.05	1.95	0.02261	0.08	0.12	0.07	SNP
chr6_29909454_T_C	29909454	0.71	0.52	0.95	0.02261	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32063896_G_A	32063896	0.52	0.28	0.89	0.02279	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_31559153_G_A	31559153	1.52	1.06	2.17	0.02280	0.18	0.19	0.17	SNP
chr6_31601344_C_T	31601344	0.73	0.55	0.95	0.02281	0.29	0.25	0.30	SNP
chr6_32029849_G_A	32029849	0.69	0.49	0.94	0.02282	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32029849_G_A	32029849	0.69	0.49	0.94	0.02282	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32362702_T_C	32362702	0.73	0.55	0.95	0.02314	0.15	0.11	0.16	SNP
chr6_32362703_G_T	32362703	0.73	0.55	0.95	0.02314	0.15	0.11	0.16	SNP
chr6_29909197_C_G	29909197	1.29	1.03	1.61	0.02316	0.18	0.19	0.18	SNP
chr6_32974934_G_A	32974934	1.23	1.03	1.47	0.02317	0.28	0.32	0.27	SNP
chr6_31244068_A_G	31244068	1.47	1.05	2.05	0.02332	0.18	0.19	0.18	SNP
chr6_32608217_T_C	32608217	1.53	1.05	2.20	0.02338	0.04	0.06	0.04	SNP
chr6_32604924_C_T	32604924	1.37	1.04	1.80	0.02349	0.08	0.10	0.07	SNP
chr6_32490708_A_C	32490708	2.01	1.08	3.63	0.02350	0.02	0.03	0.01	SNP
chr6_32603897_G_A	32603897	1.28	1.04	1.82	0.02365	0.08	0.10	0.07	SNP
chr6_29908667_G_A	29908667	1.28	1.03	1.59	0.02370	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_29892104_A_G	29892104	1.21	1.03	1.44	0.02378	0.48	0.49	0.48	SNP
chr6_29913042_T_G	29913042	1.29	1.03	1.61	0.02380	0.16	0.19	0.18	SNP
chr6_31321238_G_C	31321238	1.54	1.05	2.23	0.02396	0.04	0.05	0.04	SNP
chr6_32802807_C_T	32802807	0.74	0.56	0.96	0.02404	0.15	0.11	0.16	SNP
chr6_31935657_G_A	31935657	1.60	1.08	2.17	0.02407	0.03	0.03	0.05	SNP
HLA_HME_C_02_02	31236526	0.62	0.40	0.92	0.02411	0.06	0.04	0.06	HLA (HLA)
chr6_29913672_A_G	29913672	1.28	1.03	1.59	0.02407	0.19	0.20	0.19	SNP
chr6_31856178_T_C	31856178	1.23	1.04	1.71	0.02418	0.18	0.18	0.18	SNP
chr6_31837250_A_G	31837250	1.27	1.03	1.56	0.02426	0.49	0.49	0.49	SNP
chr6_31244181_T_C	31244181	1.47	1.05	2.07	0.02429	0.18	0.19	0.17	SNP
chr6_31232131_C_T	31232131	0.80	0.66	0.97	0.02432	0.27	0.23	0.28	SNP
chr6_31600106_C_A	31600106	0.52	0.28	0.89	0.02434	0.03	0.02	0.03	SNP
chr6_29909181_C_A	29909181	1.28	1.03	1.59	0.02439	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_29909179_G_A	29909179	1.21	1.02	1.43	0.02460	0.47	0.48	0.46	SNP
chr6_32975511_G_A	32975511	0.81	0.67	0.97	0.02464	0.32	0.29	0.33	SNP
chr6_31112108_G_T	31112108	1.31	1.03	1.67	0.02469	0.27	0.27	0.27	SNP
chr6_3269520_C_A	3269520	1.28	1.04	1.82	0.02475	0.08	0.10	0.08	SNP
chr6_32362669_T_C	32362669	0.74	0.56	0.96	0.02479	0.05	0.11	0.16	SNP
chr6_32710695_T_G	32710695	0.72	0.54	0.95	0.02485	0.11	0.08	0.11	SNP
chr6_32444094_G_C	32444094	1.35	1.04	1.74	0.02498	0.09	0.12	0.08	SNP
chr6_29856194_G_C	29856194	1.42	1.04	1.92	0.02500	0.15	0.19	0.14	SNP
chr6_32056580_A_C	32056580	0.70	0.50	0.95	0.02509	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32638046_G_A	32638046	0.73	0.55	0.96	0.02515	0.14	0.12	0.15	SNP
chr6_32627795_G_G	32627795	1.24	1.03	1.73	0.02528	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32814244_A_T	32814244	0.74	0.56	0.96	0.02538	0.10	0.09	0.11	SNP
chr6_32707508_T_C	32707508	0.73	0.55	0.96	0.02548	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32707509_G_A	32707509	0.73	0.55	0.96	0.02548	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32708890_A_G	32708890	0.73	0.55	0.96	0.02550	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32708413_G_A	32708413	0.73	0.55	0.96	0.02552	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_31231430_G_A	31231430	1.24	1.03	1.50	0.02559	0.46	0.51	0.47	SNP
chr6_31237917_C_T	31237917	0.77	0.61	0.97	0.02562	0.21	0.21	0.21	SNP
chr6_29910721_G_C	29910721	0.69	0.49	0.95	0.02571	0.11	0.08	0.11	SNP
chr6_31464091_G_A	31464091	1.65	1.05	2.54	0.02572	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_31474820_C_T	31474820	1.65	1.05	2.54	0.02572	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_31244082_C_T	31244082	1.35	1.03	1.74	0.02572	0.10	0.11	0.09	SNP
chr6_32707644_G_A	32707644	0.73	0.55	0.96	0.02575	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32707638_C_T	32707638	0.73	0.55	0.96	0.02575	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32707641_C_A	32707641	0.73	0.55	0.96	0.02575	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32707740_T_C	32707740	0.73	0.55	0.96	0.02575	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32707783_A_G	32707783	0.73	0.55	0.96	0.02575	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32708798_T_C	32708798	0.73	0.55	0.96	0.02575	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32709179_G_A	32709179	0.73	0.55	0.96	0.02575	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32709586_G_A	32709586	0.73	0.55	0.96	0.02575	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32709738_A_G	32709738	0.73	0.55	0.96	0.02575	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_29911727_C_G	29911727	1.28	1.03	1.65	0.02575	0.19	0.20	0.19	SNP
chr6_32604544_C_T	32604544	1.29	1.03	1.60	0.02580	0.32	0.33	0.31	SNP
chr6_31239681_T_A	31239681	1.33	1.03	1.71	0.02585	0.41	0.43	0.40	SNP
chr6_32377061_C_T	32377061	1.28	1.02	1.59	0.02592	0.48	0.52	0.47	SNP
chr6_31948400_T_G	31948400	0.58	0.35	0.92	0.02595	0.04	0.03	0.04	SNP
chr6_32811629_G_C	32811629	1.32	1.03	1.69	0.02595	0.14	0.19	0.13	SNP
HLA_HME_C_07_04	31238520	0.44	0.20	0.86	0.02595	0.02	0.03	0.02	HLA (HLA)
chr6_29913948_T_G	29913948	1.23	1.03	1.48	0.02601	0.38	0.39	0.38	SNP
chr6_29913944_C_T	29913944	1.23	1.02	1.48	0.02624	0.38	0.39	0.38	SNP
chr6_29929305_C_G	29929305	1.27	1.03	1.57	0.02628	0.20	0.21	0.20	SNP
chr6_313250									

chr6_33480044_C_A	33480044	0.79	0.64	0.98	0.03163	0.50	0.44	0.51	SNP
chr6_31675501_G_C	31675501	0.69	0.48	0.96	0.03182	0.07	0.05	0.07	SNP
chr6_32707173_T_G	32707173	0.74	0.55	0.97	0.03221	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_31906828_G_A	31906828	0.60	0.37	0.94	0.03223	0.04	0.03	0.04	SNP
chr6_32170706_T_C	32170706	1.21	1.02	1.45	0.03238	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_32501245_A_G	32501245	0.80	0.65	0.98	0.03243	0.19	0.16	0.20	SNP
chr6_29855802_A_G	29855802	1.36	1.02	1.81	0.03261	0.15	0.16	0.14	SNP
chr6_29244889_C_A	29244889	0.81	0.67	0.98	0.03265	0.40	0.40	0.40	SNP
chr6_32945843_T_A	32945843	1.85	1.03	3.22	0.03268	0.02	0.02	0.01	SNP
chr6_29895913_G_A	29895913	0.83	0.70	0.98	0.03273	0.45	0.44	0.45	SNP
chr6_29510286_T_C	29510286	1.27	1.02	1.54	0.03278	0.19	0.20	0.19	SNP
chr6_32797309_T_G	32797309	1.38	1.02	1.85	0.03280	0.08	0.12	0.07	SNP
chr6_32300470_T_G	32300470	0.79	0.63	0.98	0.03280	0.40	0.40	0.40	SNP
chr6_29857852_G_A	29857852	1.25	1.02	1.54	0.03288	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_33272677_C_T	33272677	1.35	1.02	1.78	0.03299	0.08	0.09	0.07	SNP
chr6_32549259_A_G	32549259	1.39	1.03	1.89	0.03327	0.18	0.19	0.18	SNP
chr6_31613991_C_A	31613991	1.45	1.03	2.03	0.03328	0.20	0.20	0.19	SNP
chr6_32707282_C_T	32707282	1.21	1.02	1.45	0.03342	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_32556030_T_C	32556030	1.41	1.03	1.94	0.03346	0.17	0.18	0.17	SNP
chr6_31594628_A_T	31594628	1.49	1.03	2.15	0.03404	0.18	0.19	0.18	SNP
chr6_29796768_C_T	29796768	1.25	1.02	1.52	0.03412	0.22	0.23	0.21	SNP
chr6_32094314_C_T	29945214	1.21	1.01	1.44	0.03413	0.46	0.47	0.46	SNP
chr6_31240041_T_C	31240041	1.26	1.02	1.57	0.03415	0.41	0.41	0.41	SNP
chr6_29891825_T_C	29891825	1.20	1.01	1.42	0.03417	0.48	0.48	0.48	SNP
chr6_32362433_C_A	32362433	0.75	0.57	0.98	0.03435	0.15	0.11	0.16	SNP
chr6_29914034_A_G	29914034	1.23	1.02	1.49	0.03437	0.39	0.40	0.39	SNP
chr6_31709778_A_G	31709778	1.21	1.04	1.80	0.03438	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31947460_T_G	31947460	1.35	1.02	1.79	0.03456	0.34	0.34	0.34	SNP
chr6_31320562_C_T	31320562	1.36	1.02	1.82	0.03461	0.19	0.21	0.19	SNP
chr6_32362453_A_G	32362453	0.75	0.57	0.98	0.03468	0.15	0.11	0.16	SNP
chr6_32362639_G_A	32362639	0.75	0.57	0.98	0.03471	0.15	0.11	0.16	SNP
chr6_32709346_T_C	32709346	1.21	1.01	1.44	0.03493	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_32550761_G_A	32550761	0.80	0.65	0.98	0.03519	0.34	0.31	0.35	SNP
chr6_31241002_A_G	31241002	1.32	1.02	1.69	0.03535	0.10	0.11	0.10	SNP
chr6_32134656_T_C	32134656	1.43	1.02	2.00	0.03548	0.19	0.21	0.18	SNP
chr6_29908676_T_A	29908676	1.36	1.02	1.82	0.03554	0.14	0.15	0.14	SNP
chr6_31240871_G_C	31240871	0.81	0.66	0.99	0.03555	0.09	0.36	0.35	SNP
chr6_29854703_G_A	29854703	1.25	1.01	1.53	0.03565	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_29689164_T_A	29689164	1.25	1.01	1.53	0.03568	0.20	0.21	0.20	SNP
chr6_31929014_C_A	31929014	1.33	1.02	1.74	0.03579	0.24	0.24	0.24	SNP
chr6_31604894_C_T	31604894	1.70	1.02	2.76	0.03587	0.02	0.03	0.02	SNP
chr6_31803130_C_T	31803130	0.60	0.37	0.95	0.03588	0.04	0.03	0.04	SNP
chr6_31203138_G_A	31203138	1.44	1.02	2.03	0.03600	0.17	0.18	0.16	SNP
chr6_31366472_C_T	31366472	1.47	1.02	2.10	0.03615	0.18	0.18	0.18	SNP
chr6_31237087_C_A	31237087	1.31	1.01	1.69	0.03626	0.10	0.11	0.10	SNP
chr6_31850913_T_C	31850913	0.63	0.40	0.96	0.03674	0.09	0.03	0.05	SNP
chr6_33545125_A_G	33545125	1.23	1.01	1.50	0.03679	0.21	0.24	0.20	SNP
HLA_2H6E_C06_02	31236526	1.39	1.01	1.90	0.03694	0.06	0.08	0.06	HLA (HLA)
chr6_30515043_T_C	30515043	1.41	1.02	1.92	0.03697	0.11	0.12	0.11	SNP
chr6_31478960_G_A	31478960	1.61	1.02	2.51	0.03705	0.03	0.04	0.03	SNP
chr6_29692634_G_A	29692634	1.25	1.01	1.54	0.03713	0.20	0.21	0.20	SNP
chr6_32062487_G_A	32062487	1.25	1.01	1.55	0.03728	0.34	0.39	0.32	SNP
chr6_31240771_T_C	31240771	1.31	1.01	1.69	0.03741	0.10	0.11	0.10	SNP
chr6_31240932_C_A	31240932	1.31	1.01	1.69	0.03741	0.10	0.11	0.10	SNP
chr6_32042177_A_G	32042177	1.32	1.02	1.85	0.03752	0.02	0.02	0.01	SNP
chr6_32558183_G_T	32558183	1.23	1.01	1.49	0.03754	0.49	0.53	0.48	SNP
HLA_2H6E_A03_01	29910309	1.28	1.01	1.62	0.03766	0.17	0.18	0.17	HLA (HLA)
chr6_31232154_G_C	31232154	1.48	1.01	1.14	0.03772	0.04	0.05	0.03	SNP
chr6_32168771_G_T	32168771	1.54	1.02	2.31	0.03775	0.13	0.14	0.13	SNP
chr6_32080191_G_C	32080191	1.74	1.03	2.95	0.03776	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31380341_G_C	31380341	1.44	1.02	2.05	0.03794	0.34	0.34	0.34	SNP
chr6_31236679_T_C	31236679	0.79	0.63	0.99	0.03814	0.41	0.39	0.41	SNP
chr6_33633527_A_G	33633527	1.21	1.01	1.44	0.03821	0.30	0.34	0.29	SNP
chr6_32020238_G_A	32020238	1.82	1.02	3.12	0.03822	0.16	0.16	0.16	SNP
chr6_29977145_G_C	29977145	1.24	1.01	1.52	0.03837	0.25	0.26	0.25	SNP
chr6_30029651_G_C	30029651	1.24	1.01	1.53	0.03862	0.25	0.26	0.25	SNP
chr6_31237605_G_A	31237605	1.49	1.01	2.49	0.03871	0.21	0.24	0.20	SNP
chr6_29635928_C_T	29635928	1.25	1.01	1.54	0.03927	0.22	0.22	0.21	SNP
chr6_31333020_T_C	31333020	0.75	0.56	0.98	0.03951	0.14	0.10	0.14	SNP
chr6_32377116_G_C	32377116	1.27	1.01	1.59	0.03955	0.48	0.52	0.47	SNP
chr6_31237592_C_A	31237592	1.30	1.01	1.67	0.03976	0.34	0.35	0.34	SNP
chr6_32605578_G_A	32605578	1.25	1.01	1.53	0.03979	0.33	0.35	0.33	SNP
chr6_30461194_C_T	30461194	1.32	1.01	1.48	0.03984	0.29	0.32	0.28	SNP
chr6_30025503_G_A	30025503	1.22	1.01	1.47	0.04002	0.30	0.31	0.29	SNP
HLA_2H6E_D081_06_02	33627244	1.43	1.01	2.02	0.04035	0.17	0.17	0.17	HLA (HLA)
chr6_29942324_T_C	29942324	0.83	0.69	0.99	0.04037	0.49	0.50	0.49	SNP
chr6_32555956_T_C	32555956	0.81	0.66	0.99	0.04049	0.46	0.40	0.44	SNP
chr6_32555965_G_T	32555965	1.39	1.01	1.91	0.04051	0.17	0.18	0.17	SNP
HLA_2H6E_D081_11_01	32546552	0.60	0.36	0.96	0.04052	0.04	0.02	0.04	HLA (HLA)
chr6_29913074_G_C	29913074	1.25	1.01	1.56	0.04075	0.19	0.20	0.19	SNP
chr6_31325270_C_G	31325270	1.22	1.01	1.48	0.04087	0.48	0.51	0.48	SNP
chr6_32193945_G_C	32193945	0.80	0.64	0.99	0.04116	0.16	0.14	0.17	SNP
chr6_29890206_T_C	29890206	0.74	0.55	0.98	0.04118	0.10	0.08	0.10	SNP
chr6_32629403_C_T	32629403	1.30	1.01	1.67	0.04194	0.15	0.20	0.14	SNP
chr6_32184024_C_T	32184024	0.78	0.61	0.99	0.04205	0.14	0.13	0.14	SNP
chr6_32605078_A_G	32605078	1.30	1.01	1.66	0.04236	0.21	0.27	0.19	SNP
chr6_29858840_A_C	29858840	1.32	1.01	1.71	0.04243	0.15	0.16	0.14	SNP
chr6_31383848_G_A	31383848	0.73	0.53	0.98	0.04245	0.09	0.07	0.09	SNP
chr6_31237048_G_C	31237048	1.29	1.01	1.65	0.04261	0.34	0.35	0.34	SNP
chr6_31239937_C_T	31239937	0.79	0.63	0.99	0.04262	0.21	0.21	0.21	SNP
chr6_31237463_G_C	31237463	1.29	1.01	1.65	0.04268	0.34	0.36	0.34	SNP
chr6_32796793_G_A	32796793	0.73	0.53	0.98	0.04278	0.08	0.07	0.09	SNP
chr6_29913078_G_A	29913078	1.25	1.01	1.55	0.04281	0.19	0.20	0.19	SNP
chr6_32014828_G_A	32014828	1.72	1.02	2.92	0.04302	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31232055_G_A	31232055	0.83	0.69	0.99	0.04306	0.33	0.29	0.34	SNP
chr6_29691097_A_T	29691097	0.74	0.55	0.98	0.04308	0.10	0.08	0.10	SNP
chr6_31240614_C_T	31240614	0.53	0.27	0.94	0.04309	0.02	0.01	0.02	SNP
chr6_29979310_G_C	29979310	1.24	1.01	1.51	0.04313	0.25	0.26	0.25	SNP
chr6_29855063_C_G	29855063	1.22	1.01	1.47	0.04317	0.31	0.32	0.31	SNP
chr6_31236341_C_T	31236341	0.80	0.64	0.99	0.04325	0.21	0.21	0.21	SNP
chr6_32797876_G_A	32797876	0.83	0.68	0.99	0.04329	0.41	0.35	0.42	SNP
chr6_31237353_C_T	31237353	1.29	1.01	1.65	0.04342	0.34	0.36	0.34	SNP
chr6_32193564_C_T	32193564	0.81	0.65	0.99	0.04370	0.21	0.18	0.22	SNP
chr6_32612301_C_T	32612301	1.38	1.01	1.90	0.04422	0.18	0.18	0.17	SNP
chr6_29857890_C_T	29857890	1.21	1.00	1.46	0.04442	0.23	0.24	0.23	SNP
chr6_32798647_A_T	32798647	0.62	0.38	0.97	0.04458	0.04	0.03	0.04	SNP
chr6_29897018_G_A	29897018	1.26	1.00	1.58	0.04480	0.18	0.19	0.18	SNP
chr6_32021355_G_A	32021355	1.89	0.99	3.47	0.04491	0.01	0.02	0.01	SNP
chr6_31528130_C_T	31528130	1.37	1.00	1.85	0.04512	0.08	0.09	0.08	SNP
chr6_31244102_A_G	31244102	0.53	0.27	0.95	0.04545	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_32806576_C_T	32806576	1.22	1.00	1.49	0.04553	0.42	0.47	0.41	SNP
chr6_33547287_C_G	33547287	0.58	0.33	0.96	0.04561	0.03			

**Supplementary Table 4.** Association analysis of MPO-ANCA+ AAV patients versus controls, adjusting for sex and genetic structure (principal components 1-4).

Variant	position	OR	CI_lower	CI_upper	p	MAF	MAF_cases	MAF_controls	Type (SNP, HLA)
xHLA_2field_DQB1_04_D4	32546552	4.5	3.1	6.4	4.51E-16	0.07	0.22	0.06	HLA (HLA)
chr6_32609479_C_A	32609479	3.8	2.7	5.5	4.17E-13	0.22	0.44	0.20	SNP
chr6_32635954_G_A	32635954	3.6	2.5	5.1	1.89E-12	0.16	0.35	0.14	SNP
chr6_32559648_G_T	32559648	3.9	2.7	5.7	2.12E-12	0.20	0.41	0.18	SNP
chr6_32605987_T_G	32605987	3.5	2.5	5.0	2.87E-12	0.23	0.44	0.21	SNP
chr6_32604585_A_T	32604585	3.8	2.6	5.5	4.75E-12	0.23	0.44	0.21	SNP
chr6_32603798_A_T	32603798	3.5	2.4	5.0	6.46E-12	0.22	0.43	0.20	SNP
chr6_32605696_G_T	32605696	3.5	2.5	5.1	6.80E-12	0.23	0.43	0.21	SNP
chr6_32605555_T_A	32605555	3.5	2.4	5.0	7.00E-12	0.23	0.43	0.21	SNP
chr6_32605609_G_A	32605609	3.5	2.4	4.9	8.77E-12	0.23	0.43	0.21	SNP
chr6_32629403_C_T	32629403	3.4	2.4	4.8	1.00E-11	0.16	0.35	0.14	SNP
chr6_32559191_A_G	32559191	3.5	2.4	5.0	1.22E-11	0.21	0.42	0.19	SNP
chr6_32629259_T_C	32629259	3.4	2.4	4.9	1.35E-11	0.16	0.34	0.14	SNP
chr6_32608478_T_C	32608478	3.4	2.4	4.9	1.71E-11	0.22	0.43	0.20	SNP
chr6_32607126_A_G	32607126	3.3	2.3	4.7	3.07E-11	0.23	0.43	0.21	SNP
chr6_32605078_A_G	32605078	3.4	2.4	4.9	3.64E-11	0.21	0.42	0.19	SNP
chr6_32605178_T_C	32605178	3.3	1.8	4.7	4.21E-11	0.23	0.43	0.21	SNP
xHLA_2field_DQB1_03_02	32627244	4.4	2.3	4.8	4.82E-11	0.16	0.36	0.14	HLA (HLA)
chr6_32559213_A_T	32559213	3.5	2.4	5.0	4.85E-11	0.21	0.40	0.19	SNP
chr6_32628571_C_T	32628571	2.9	2.1	4.0	5.78E-11	0.23	0.42	0.21	SNP
chr6_32628913_G_T	32628913	3.5	2.4	5.1	5.93E-11	0.18	0.37	0.16	SNP
chr6_32605132_T_C	32605132	3.1	2.2	4.5	6.47E-11	0.27	0.48	0.25	SNP
chr6_32559702_A_G	32559702	3.6	2.5	5.4	8.45E-11	0.21	0.42	0.19	SNP
chr6_32610401_G_A	32610401	3.4	2.3	4.9	8.76E-11	0.22	0.41	0.20	SNP
chr6_32608286_T_C	32608286	3.6	2.4	5.3	1.07E-10	0.22	0.43	0.19	SNP
chr6_32628148_C_T	32628148	3.4	2.3	5.0	1.23E-10	0.16	0.34	0.14	SNP
chr6_32611467_A_C	32611467	3.4	2.3	4.9	1.60E-10	0.19	0.39	0.17	SNP
chr6_32628605_T_C	32628605	2.0	1.6	3.0	2.44E-10	0.23	0.42	0.22	SNP
chr6_32559710_C_T	32559710	3.4	2.4	5.1	2.54E-10	0.21	0.41	0.19	SNP
chr6_32627480_G_A	32627480	2.9	2.1	4.1	5.58E-10	0.39	0.57	0.37	SNP
chr6_32629500_C_A	32629500	2.7	2.0	3.7	6.47E-10	0.20	0.38	0.18	SNP
chr6_32628617_A_G	32628617	2.6	1.9	3.6	6.96E-10	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32634556_G_A	32634556	2.7	2.0	3.7	7.04E-10	0.25	0.44	0.23	SNP
chr6_32628506_C_A	32628506	2.7	2.0	3.7	7.90E-10	0.23	0.41	0.21	SNP
chr6_32551665_A_G	32551665	3.1	2.1	4.4	9.66E-10	0.20	0.39	0.18	SNP
chr6_32633971_A_G	32633971	2.6	1.9	3.6	1.17E-09	0.20	0.38	0.18	SNP
chr6_32607031_G_T	32607031	2.8	2.0	3.9	1.47E-09	0.32	0.52	0.30	SNP
chr6_32627818_C_A	32627818	2.7	1.9	3.7	1.87E-09	0.21	0.39	0.19	SNP
chr6_32628283_G_A	32628283	2.8	2.0	3.9	1.90E-09	0.23	0.42	0.21	SNP
chr6_32604931_C_A	32604931	2.6	1.9	3.6	2.36E-09	0.30	0.51	0.28	SNP
chr6_32629328_G_A	32629328	2.6	1.9	3.6	2.39E-09	0.23	0.41	0.22	SNP
chr6_32551700_T_G	32551700	3.3	2.2	4.9	2.59E-09	0.16	0.36	0.14	SNP
chr6_32635974_A_G	32635974	2.5	1.9	3.4	2.61E-09	0.24	0.43	0.22	SNP
chr6_32628633_T_C	32628633	2.5	1.9	3.4	2.91E-09	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32629639_T_C	32629639	2.5	1.8	3.4	2.96E-09	0.24	0.43	0.22	SNP
chr6_32635293_C_G	32635293	2.5	1.9	3.5	3.25E-09	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32629269_C_T	32629269	2.6	1.9	3.5	3.33E-09	0.23	0.41	0.22	SNP
chr6_32634007_A_G	32634007	2.5	1.8	3.4	3.43E-09	0.24	0.43	0.22	SNP
chr6_32629330_C_T	32629330	2.6	1.9	3.5	3.72E-09	0.23	0.41	0.22	SNP
chr6_32634545_C_A	32634545	2.5	1.8	3.4	3.92E-09	0.24	0.43	0.22	SNP
chr6_32634425_C_T	32634425	2.5	1.8	3.4	3.98E-09	0.24	0.43	0.22	SNP
chr6_32629066_G_A	32629066	2.6	1.9	3.5	4.02E-09	0.23	0.41	0.22	SNP
chr6_32627777_G_C	32627777	2.5	1.8	3.4	4.26E-09	0.24	0.43	0.22	SNP
chr6_32635230_G_A	32635230	2.6	1.9	3.6	4.92E-09	0.23	0.41	0.22	SNP
chr6_32634646_T_C	32634646	2.6	1.9	3.5	5.06E-09	0.24	0.43	0.22	SNP
chr6_32628760_C_A	32628760	2.5	1.9	3.4	5.20E-09	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32628916_G_A	32628916	2.5	1.8	3.4	5.39E-09	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32606616_A_T	32606616	2.9	2.0	4.2	5.83E-09	0.28	0.45	0.26	SNP
chr6_32633172_C_T	32633172	2.4	1.8	3.3	5.95E-09	0.24	0.43	0.23	SNP
chr6_32633636_G_A	32633636	2.4	1.8	3.3	6.36E-09	0.24	0.43	0.23	SNP
chr6_32634967_T_A	32634967	2.4	1.8	3.3	7.12E-09	0.24	0.43	0.23	SNP
chr6_32627494_T_C	32627494	2.5	1.8	3.4	7.35E-09	0.25	0.44	0.23	SNP
chr6_32629399_G_A	32629399	2.5	1.8	3.4	7.39E-09	0.24	0.43	0.23	SNP
chr6_32628765_C_T	32628765	2.4	1.8	3.2	7.43E-09	0.40	0.57	0.38	SNP
chr6_32628030_G_A	32628030	2.4	1.8	3.2	7.90E-09	0.43	0.60	0.41	SNP
chr6_32629549_G_A	32629549	2.4	1.8	3.3	8.24E-09	0.24	0.43	0.23	SNP
chr6_32610008_C_T	32610008	2.5	1.9	3.5	8.56E-09	0.30	0.49	0.28	SNP
chr6_32636443_A_C	32636443	2.4	1.8	3.3	8.90E-09	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32633899_T_C	32633899	2.4	1.8	3.3	9.13E-09	0.25	0.43	0.23	SNP
chr6_32636521_G_A	32636521	2.6	1.9	3.7	9.48E-09	0.18	0.35	0.16	SNP
chr6_32633781_C_T	32633781	2.4	1.8	3.3	9.54E-09	0.24	0.43	0.23	SNP
chr6_32629531_A_G	32629531	2.4	1.8	3.3	9.67E-09	0.24	0.43	0.23	SNP
chr6_32634057_C_T	32634057	2.4	1.8	3.3	9.77E-09	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32636351_T_C	32636351	2.4	1.8	3.3	1.04E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32621591_C_T	32621591	2.6	1.9	3.5	1.08E-08	0.32	0.50	0.30	SNP
chr6_32635248_A_T	32635248	2.5	1.8	3.5	1.10E-08	0.23	0.40	0.21	SNP
chr6_32559708_G_A	32559708	2.7	1.9	3.8	1.12E-08	0.27	0.47	0.25	SNP
chr6_32628787_C_T	32628787	2.5	1.8	3.4	1.15E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32629755_G_A	32629755	2.4	1.8	3.3	1.18E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32605724_A_G	32605724	2.5	1.8	3.5	1.18E-08	0.29	0.48	0.27	SNP
chr6_32628439_G_A	32628439	2.4	1.8	3.2	1.18E-08	0.40	0.57	0.39	SNP
chr6_32634355_G_A	32634355	2.4	1.8	3.3	1.19E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32629543_T_C	32629543	2.4	1.8	3.2	1.20E-08	0.24	0.43	0.23	SNP
chr6_32634506_C_T	32634506	2.4	1.8	3.2	1.22E-08	0.25	0.43	0.23	SNP
chr6_32634755_C_T	32634755	2.4	1.8	3.3	1.29E-08	0.24	0.43	0.23	SNP
chr6_32604394_T_C	32604394	2.5	1.8	3.5	1.38E-08	0.30	0.49	0.28	SNP
chr6_32607047_T_G	32607047	2.6	1.9	3.6	1.38E-08	0.32	0.51	0.30	SNP
chr6_32629530_C_T	32629530	2.4	1.8	3.2	1.40E-08	0.25	0.43	0.23	SNP
chr6_32629422_T_C	32629422	2.4	1.8	3.3	1.43E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32633266_T_G	32633266	2.5	1.8	3.4	1.57E-08	0.23	0.40	0.21	SNP
chr6_32609456_C_T	32609456	2.5	1.8	3.5	1.60E-08	0.30	0.49	0.28	SNP
chr6_32612326_C_T	32612326	2.5	1.8	3.5	1.63E-08	0.29	0.48	0.27	SNP
chr6_32604108_T_C	32604108	2.5	1.8	3.4	1.71E-08	0.30	0.49	0.28	SNP
chr6_32608537_A_C	32608537	2.5	1.8	3.4	1.72E-08	0.29	0.49	0.28	SNP
chr6_32627833_A_G	32627833	2.3	1.7	3.1	1.73E-08	0.42	0.58	0.40	SNP
chr6_32635033_T_G	32635033	2.4	1.8	3.2	2.01E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32634094_T_C	32634094	2.4	1.8	3.2	2.13E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32636138_A_G	32636138	2.4	1.8	3.2	2.28E-08	0.24	0.41	0.22	SNP
chr6_32633767_G_T	32633767	2.4	1.8	3.2	2.36E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32634593_C_G	32634593	2.4	1.8	3.2	2.39E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32634098_C_G	32634098	2.4	1.8	3.2	2.61E-08	0.24	0.42	0.23	SNP
chr6_32606732_G_A	32606732	2.4	1.8	3.4	2.77E-08	0.30	0.49	0.28	SNP
chr6_32559124_T_C	32559124	2.5	1.8	3.5	2.87E-08	0.28	0.47	0.26	SNP
chr6_32634137_A_C	32634137	2.4	1.7	3.2	2.92E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32634091_G_C	32634091	2.4	1.7	3.2	2.95E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32634090_C_T	32634090	2.4	1.7	3.2	3.00E-08	0.24	0.42	0.22	SNP
chr6_32628189_A_G	32628189	2.6	1.9	3.6	3.07E-08	0.21	0.38	0.19	SNP
chr6_32636217_G_A	32636217	2.4	1.8	3.2	3.12E-08	0.24	0.41	0.22	SNP
chr6_32635154_C_T	32635154	2.4	1.7	3.2	3.14E-08	0.24	0.41	0.22	SNP
chr6_32633959_T_C	32633959	2.3	1.7	3.2	3.24E-08	0.24	0.42	0.23	SNP
chr6_32606942_G_A	32606942	2.4	1.8	3.3	3.86E-08	0.30	0.49	0.28	SNP
chr6_32604151_C_T	32604151	2.5	1.8	3.4	4.01E-08	0.30	0.49	0.28	SNP
chr6_32636061_G_A	32636061	2							



chr6_32520460_C_T	32520460	2.4	1.7	3.3	1.17E-07	0.32	0.51	0.30	SNP
chr6_32520953_G_C	32520953	0.4	0.3	0.6	1.18E-07	0.42	0.49	0.32	SNP
chr6_32520639_G_A	32520639	2.4	1.7	3.3	1.21E-07	0.31	0.51	0.29	SNP
chr6_32611650_G_A	32611650	2.4	1.8	3.4	1.23E-07	0.28	0.46	0.27	SNP
chr6_32607193_T_C	32607193	2.5	1.8	3.4	1.25E-07	0.34	0.53	0.32	SNP
chr6_32559875_A_G	32559875	2.7	1.9	3.9	1.27E-07	0.20	0.36	0.18	SNP
chr6_32612397_A_G	32612397	2.5	1.8	3.5	1.29E-07	0.47	0.66	0.45	SNP
chr6_32611243_C_T	32611243	2.4	1.7	3.3	1.46E-07	0.28	0.46	0.27	SNP
chr6_32609207_T_C	32609207	0.4	0.3	0.6	1.47E-07	0.50	0.66	0.48	SNP
chr6_32611723_G_A	32611723	0.4	0.3	0.6	1.49E-07	0.47	0.61	0.49	SNP
chr6_32608880_G_A	32608880	2.4	1.7	3.4	1.65E-07	0.33	0.51	0.31	SNP
chr6_32628195_A_G	32628195	3.5	2.2	5.6	1.66E-07	0.04	0.11	0.03	SNP
chr6_32612241_A_T	32612241	2.4	1.7	3.3	1.67E-07	0.29	0.47	0.27	SNP
chr6_32636221_T_C	32636221	0.4	0.3	0.6	1.68E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32376517_C_T	32376517	2.6	1.8	3.7	1.89E-07	0.09	0.18	0.08	SNP
chr6_32609453_C_T	32609453	2.4	1.7	3.3	1.92E-07	0.33	0.52	0.32	SNP
chr6_32528967_T_C	32528967	0.4	0.3	0.6	1.92E-07	0.49	0.33	0.51	SNP
chr6_32604538_G_A	32604538	2.5	1.8	3.5	2.04E-07	0.33	0.50	0.31	SNP
chr6_32608856_T_C	32608856	2.4	1.7	3.3	2.22E-07	0.28	0.46	0.27	SNP
chr6_32605274_C_T	32605274	0.4	0.3	0.6	2.55E-07	0.45	0.29	0.47	SNP
chr6_32611725_G_A	32611725	0.4	0.3	0.6	2.80E-07	0.47	0.31	0.49	SNP
chr6_32611234_T_C	32611234	2.3	1.7	3.2	2.87E-07	0.29	0.46	0.27	SNP
chr6_32605759_A_T	32605759	0.4	0.3	0.6	3.10E-07	0.46	0.30	0.47	SNP
chr6_32610968_A_G	32610968	2.4	1.7	3.3	3.12E-07	0.27	0.45	0.25	SNP
chr6_32604000_T_G	32604000	0.4	0.3	0.6	3.20E-07	0.46	0.30	0.47	SNP
chr6_32635949_G_A	32635949	2.1	1.6	2.9	3.23E-07	0.29	0.46	0.27	SNP
chr6_32521596_T_G	32521596	2.4	1.7	3.4	3.91E-07	0.36	0.54	0.34	SNP
chr6_32603968_G_A	32603968	0.4	0.3	0.6	3.95E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32604564_C_T	32604564	2.4	1.7	3.3	4.02E-07	0.33	0.51	0.31	SNP
chr6_32611760_G_T	32611760	2.3	1.7	3.3	4.09E-07	0.29	0.47	0.27	SNP
chr6_32609126_C_T	32609126	0.4	0.3	0.6	4.28E-07	0.46	0.31	0.48	SNP
chr6_32611260_A_G	32611260	2.3	1.7	3.2	4.38E-07	0.29	0.46	0.27	SNP
chr6_32606217_G_A	32606217	2.3	1.7	3.1	4.43E-07	0.31	0.48	0.28	SNP
chr6_32634838_C_A	32634838	0.4	0.3	0.6	4.56E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32612041_A_G	32612041	2.3	1.7	3.2	4.70E-07	0.29	0.47	0.27	SNP
chr6_32629802_G_A	32629802	0.4	0.3	0.6	4.78E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32636280_T_C	32636280	2.3	1.7	3.1	4.88E-07	0.23	0.39	0.22	SNP
chr6_32607174_C_T	32607174	2.3	1.7	3.2	4.96E-07	0.35	0.52	0.33	SNP
chr6_32607008_T_G	32607008	0.4	0.3	0.6	5.06E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32501301_G_C	32501301	0.4	0.3	0.6	5.07E-07	0.39	0.23	0.40	SNP
chr6_32520774_C_T	32520774	2.3	1.7	3.2	5.17E-07	0.30	0.49	0.29	SNP
chr6_32605754_A_T	32605754	0.4	0.3	0.6	5.24E-07	0.46	0.30	0.47	SNP
chr6_32612050_A_G	32612050	0.4	0.3	0.6	5.31E-07	0.47	0.32	0.49	SNP
chr6_32501296_G_A	32501296	0.4	0.3	0.6	5.36E-07	0.39	0.23	0.40	SNP
chr6_32604124_G_C	32604124	0.4	0.3	0.6	5.37E-07	0.50	0.66	0.48	SNP
chr6_32608417_G_A	32608417	2.3	1.7	3.2	5.46E-07	0.29	0.47	0.27	SNP
chr6_32610994_C_A	32610994	2.3	1.7	3.2	5.54E-07	0.27	0.44	0.25	SNP
chr6_32634834_T_C	32634834	0.4	0.3	0.6	5.57E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32608809_T_C	32608809	2.3	1.7	3.2	5.66E-07	0.27	0.44	0.25	SNP
chr6_32610059_G_T	32610059	0.4	0.3	0.6	5.92E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32601459_C_T	32601459	0.4	0.3	0.6	5.99E-07	0.39	0.24	0.41	SNP
chr6_32610997_T_G	32610997	2.3	1.7	3.2	6.00E-07	0.27	0.44	0.25	SNP
chr6_32559709_C_T	32559709	0.4	0.3	0.6	6.04E-07	0.44	0.28	0.46	SNP
chr6_32612166_C_T	32612166	2.3	1.7	3.2	6.08E-07	0.29	0.47	0.27	SNP
chr6_32604372_A_G	32604372	0.4	0.3	0.6	6.17E-07	0.46	0.31	0.48	SNP
chr6_32604152_A_G	32604152	2.2	1.6	3.1	6.67E-07	0.46	0.62	0.44	SNP
chr6_32612008_T_C	32612008	2.3	1.7	3.2	6.74E-07	0.29	0.46	0.27	SNP
chr6_32609105_A_G	32609105	0.4	0.3	0.6	6.78E-07	0.46	0.31	0.48	SNP
chr6_32612161_C_A	32612161	2.3	1.7	3.2	6.89E-07	0.29	0.47	0.27	SNP
chr6_32609200_T_C	32609200	0.4	0.3	0.6	6.99E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32612111_G_A	32612111	2.3	1.7	3.2	7.02E-07	0.29	0.46	0.27	SNP
chr6_32559714_G_A	32559714	0.4	0.3	0.6	7.19E-07	0.45	0.29	0.47	SNP
chr6_32603412_T_C	32603412	2.1	1.6	2.9	7.21E-07	0.48	0.66	0.46	SNP
chr6_32605943_A_G	32605943	0.4	0.3	0.6	7.95E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32612104_C_T	32612104	2.3	1.6	3.2	7.54E-07	0.29	0.46	0.27	SNP
chr6_32636434_G_A	32636434	0.4	0.3	0.6	7.71E-07	0.46	0.30	0.47	SNP
chr6_32627714_G_C	32627714	0.4	0.3	0.6	8.87E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32606176_A_G	32606176	0.4	0.3	0.6	8.14E-07	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32611964_C_T	32611964	2.3	1.7	3.3	8.56E-07	0.28	0.45	0.27	SNP
chr6_32605705_G_A	32605705	0.4	0.3	0.6	8.94E-07	0.46	0.31	0.47	SNP
chr6_32605708_A_G	32605708	0.4	0.3	0.6	9.08E-07	0.46	0.31	0.47	SNP
chr6_32602886_T_C	32602886	0.4	0.3	0.6	9.88E-07	0.49	0.65	0.47	SNP
chr6_32603487_C_T	32603487	0.4	0.3	0.6	1.02E-06	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32636280_G_T	32636280	2.2	1.6	3.1	1.04E-06	0.23	0.39	0.22	SNP
chr6_32644008_C_T	32644008	2.2	1.6	3.1	1.05E-06	0.21	0.48	0.29	SNP
chr6_32629314_A_G	32629314	0.4	0.3	0.6	1.13E-06	0.47	0.32	0.49	SNP
chr6_32603098_T_C	32603098	2.1	1.6	2.8	1.13E-06	0.48	0.66	0.46	SNP
chr6_32601311_C_T	32601311	0.4	0.3	0.6	1.14E-06	0.38	0.23	0.40	SNP
chr6_32617600_T_G	32617600	0.4	0.3	0.6	1.18E-06	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32606085_T_A	32606085	0.4	0.3	0.6	1.19E-06	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32633617_A_G	32633617	0.4	0.3	0.6	1.19E-06	0.44	0.30	0.46	SNP
chr6_32550819_C_A	32550819	2.2	1.6	3.1	1.20E-06	0.29	0.47	0.27	SNP
chr6_32610860_G_T	32610860	2.2	1.6	3.1	1.21E-06	0.29	0.46	0.27	SNP
chr6_32627635_G_T	32627635	0.4	0.3	0.6	1.28E-06	0.45	0.30	0.46	SNP
chr6_32627489_A_G	32627489	0.4	0.3	0.6	1.32E-06	0.43	0.28	0.45	SNP
chr6_32627535_T_G	32627535	0.4	0.3	0.6	1.37E-06	0.46	0.30	0.47	SNP
chr6_32609514_C_T	32609514	0.4	0.3	0.6	1.46E-06	0.46	0.31	0.47	SNP
chr6_32627646_G_A	32627646	0.4	0.3	0.6	1.51E-06	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32520665_A_C	32520665	0.4	0.3	0.6	1.52E-06	0.37	0.23	0.39	SNP
chr6_32520595_G_A	32520595	0.4	0.3	0.6	1.56E-06	0.38	0.23	0.39	SNP
chr6_32609112_C_A	32609112	0.4	0.3	0.6	1.74E-06	0.46	0.30	0.48	SNP
chr6_32611229_T_G	32611229	0.4	0.3	0.6	1.80E-06	0.46	0.31	0.48	SNP
chr6_32611034_T_A	32611034	2.2	1.6	3.0	1.86E-06	0.27	0.44	0.26	SNP
chr6_32635226_G_T	32635226	0.4	0.3	0.6	1.88E-06	0.46	0.32	0.48	SNP
chr6_32629347_T_C	32629347	2.2	1.6	3.1	2.09E-06	0.37	0.50	0.35	SNP
chr6_32604642_A_G	32604642	2.3	1.6	3.2	2.09E-06	0.28	0.45	0.26	SNP
chr6_32611769_G_C	32611769	2.3	1.6	3.2	2.16E-06	0.31	0.47	0.29	SNP
chr6_32627485_C_T	32627485	0.4	0.3	0.6	2.16E-06	0.43	0.28	0.45	SNP
chr6_32520337_A_G	32520337	2.4	1.7	3.4	2.17E-06	0.32	0.51	0.30	SNP
chr6_32628784_A_C	32628784	0.4	0.3	0.6	2.26E-06	0.48	0.32	0.49	SNP
chr6_32612003_C_T	32612003	0.4	0.3	0.6	2.27E-06	0.47	0.33	0.49	SNP
chr6_32611261_C_T	32611261	2.2	1.6	3.0	2.44E-06	0.29	0.45	0.27	SNP
chr6_32550947_A_G	32550947	2.2	1.6	3.1	2.54E-06	0.22	0.42	0.20	SNP
chr6_32611958_C_G	32611958	2.3	1.6	3.2	2.70E-06	0.28	0.44	0.27	SNP
chr6_32634103_C_T	32634103	0.4	0.3	0.6	2.71E-06	0.45	0.30	0.47	SNP
chr6_32639467_G_A	32639467	2.2	1.6	3.0	2.87E-06	0.37	0.54	0.35	SNP
chr6_32636385_A_T	32636385	2.0	1.5	2.6	3.02E-06	0.38	0.51	0.36	SNP
chr6_32551568_C_G	32551568	0.4	0.3	0.6	3.05E-06	0.38	0.24	0.40	SNP
chr6_32610934_A_G	32610934	2.3	1.6	3.2	3.15E-06	0.31	0.47	0.29	SNP
chr6_32606701_A_G	32606701	0.3	0.2	0.5	3.24E-06	0.17	0.07	0.18	SNP
chr6_32627517_G_T	32627517	0.4	0.3	0.6	3.33E-06	0.45	0.31	0.47	SNP
chr6_32628776_A_C	32628776	0.4	0.3	0.6	3.40E-06	0.48	0.33	0.49	SNP
chr6_32611931_T_A	32611931	0.4	0.3	0.6	3.44E-06	0.47	0.32	0.48	SNP
chr6_32611873_C_T	32611873	0.4	0.3	0.6	3.48E-06	0.47	0.32	0.48	SNP

chr6_31473746_G_A	31473746	4.6	2.3	9.0	9.76E-06	0.12	0.14	0.12	SNP
chr6_32629582_T_C	32629582	0.3	0.3	0.6	1.02E-01	0.31	0.21	0.32	SNP
chr6_32550931_C_A	32550931	2.1	1.5	3.0	1.09E-05	0.23	0.42	0.21	SNP
chr6_32521951_A_C	32521951	0.5	0.3	0.6	1.10E-05	0.37	0.23	0.39	SNP
chr6_32633816_C_G	32633816	1.9	1.4	2.5	1.13E-05	0.38	0.50	0.36	SNP
chr6_31329416_G_C	31329416	4.1	2.2	7.6	1.14E-05	0.12	0.14	0.12	SNP
HLA_Hfield_C_D7_D1	31296526	2.7	1.7	4.2	1.20E-05	0.14	0.18	0.14	HLA (HLA)
chr6_32629535_C_A	32629535	2.1	1.5	2.9	1.23E-05	0.37	0.53	0.35	SNP
chr6_32633865_T_C	32633865	0.4	0.3	0.6	1.24E-05	0.31	0.21	0.32	SNP
chr6_32629751_T_C	32629751	0.5	0.3	0.7	1.26E-05	0.47	0.33	0.49	SNP
chr6_31326703_T_C	31326703	4.4	2.2	8.5	1.37E-05	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32629297_C_T	32629297	0.5	0.3	0.7	1.42E-05	0.45	0.30	0.46	SNP
chr6_32630706_C_T	32630706	0.4	0.3	0.6	1.49E-05	0.33	0.22	0.34	SNP
chr6_32796310_A_G	32796310	2.9	1.8	4.8	1.58E-05	0.03	0.09	0.03	SNP
chr6_32627561_C_T	32627561	0.4	0.3	0.6	1.59E-05	0.32	0.22	0.33	SNP
chr6_32629764_C_T	32629764	2.0	1.5	2.8	1.90E-05	0.37	0.54	0.36	SNP
chr6_32611427_T_A	32611427	2.1	1.5	3.0	1.93E-05	0.27	0.43	0.26	SNP
chr6_32628420_C_T	32628420	2.1	1.5	2.9	1.94E-05	0.36	0.52	0.34	SNP
chr6_32634010_A_G	32634010	0.4	0.3	0.6	1.94E-05	0.31	0.21	0.32	SNP
chr6_32629320_G_A	32629320	0.4	0.3	0.6	1.95E-05	0.33	0.22	0.34	SNP
chr6_31326074_A_T	31326074	4.3	2.2	8.4	2.03E-05	0.12	0.13	0.11	SNP
chr6_32629409_G_A	32629409	0.4	0.3	0.6	2.08E-05	0.32	0.21	0.33	SNP
chr6_32553418_T_G	32553418	0.5	0.3	0.7	2.22E-05	0.41	0.27	0.42	SNP
chr6_32629400_G_A	32629400	2.0	1.5	2.9	2.26E-05	0.37	0.53	0.35	SNP
chr6_31323506_C_T	31323506	3.9	2.1	7.4	2.38E-05	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32633906_A_C	32633906	0.5	0.3	0.6	2.46E-05	0.33	0.23	0.34	SNP
HLA_Hfield_B_D8_D1	31321652	4.0	2.1	7.7	2.49E-05	0.12	0.14	0.11	HLA (HLA)
chr6_32632777_C_T	32632777	0.4	0.3	0.6	2.53E-05	0.14	0.04	0.15	SNP
chr6_32611403_G_A	32611403	2.0	1.5	2.8	2.71E-05	0.27	0.44	0.25	SNP
chr6_32628845_G_A	32628845	2.0	1.5	2.8	2.72E-05	0.37	0.53	0.35	SNP
chr6_32611418_A_C	32611418	2.1	1.5	2.9	2.79E-05	0.27	0.43	0.26	SNP
chr6_31129310_C_T	31129310	3.9	2.0	7.3	3.62E-05	0.12	0.14	0.12	SNP
chr6_32636494_C_T	32636494	0.5	0.3	0.7	3.77E-05	0.43	0.29	0.44	SNP
chr6_31322790_T_A	31322790	3.8	2.0	7.0	3.87E-05	0.12	0.14	0.12	SNP
chr6_31558702_C_T	31558702	4.3	2.1	8.5	4.00E-05	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32611510_C_G	32611510	0.5	0.3	0.7	4.05E-05	0.47	0.34	0.48	SNP
chr6_32634485_C_A	32634485	0.5	0.3	0.7	4.41E-05	0.32	0.22	0.33	SNP
chr6_32797488_T_C	32797488	1.8	1.4	2.5	4.51E-05	0.31	0.41	0.30	SNP
chr6_32605583_A_G	32605583	1.8	1.4	2.4	4.61E-05	0.39	0.53	0.37	SNP
chr6_31465047_C_T	31465047	4.1	2.1	8.1	4.69E-05	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32627652_C_G	32627652	2.0	1.4	2.7	4.90E-05	0.37	0.53	0.36	SNP
chr6_32611504_C_A	32611504	0.5	0.4	0.7	5.40E-05	0.47	0.34	0.49	SNP
chr6_32636591_G_A	32636591	0.4	0.3	0.7	5.56E-05	0.46	0.30	0.47	SNP
chr6_31243895_T_C	31243895	1.9	1.4	2.5	5.82E-05	0.39	0.43	0.38	SNP
chr6_32628944_C_G	32628944	2.0	1.4	2.8	6.52E-05	0.35	0.51	0.34	SNP
chr6_31243830_G_A	31243830	1.9	1.4	2.5	6.81E-05	0.39	0.44	0.38	SNP
chr6_32603660_T_C	32603660	1.8	1.4	2.4	7.23E-05	0.39	0.53	0.38	SNP
chr6_32340070_C_T	32340070	1.8	1.4	2.5	7.68E-05	0.39	0.53	0.38	SNP
chr6_31708463_C_A	31708463	4.6	2.2	9.9	7.90E-05	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32611472_G_A	32611472	0.5	0.4	0.7	8.27E-05	0.47	0.33	0.48	SNP
chr6_31514247_A_G	31514247	4.0	2.0	8.1	8.82E-05	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31244021_A_G	31244021	2.2	1.5	3.3	9.23E-05	0.32	0.35	0.31	SNP
chr6_31240060_G_A	31240060	2.2	1.5	3.2	0.000104	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_31721033_G_A	31721033	4.5	2.1	9.7	0.000107	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32627456_A_G	32627456	0.5	0.3	0.7	0.000108	0.36	0.25	0.37	SNP
chr6_31085356_C_T	31085356	3.3	1.8	6.1	0.000109	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32629859_G_A	32629859	0.5	0.4	0.7	0.000109	0.48	0.36	0.50	SNP
chr6_31921486_A_G	31921486	3.8	1.9	7.3	0.000111	0.01	0.04	0.01	SNP
chr6_32609094_C_T	32609094	1.9	1.4	2.6	0.000114	0.25	0.50	0.34	SNP
chr6_31243884_G_A	31243884	1.9	1.4	2.6	0.000119	0.21	0.25	0.21	SNP
chr6_31430065_C_T	31430065	3.9	1.9	7.8	0.000142	0.12	0.13	0.11	SNP
chr6_31237048_G_A	31237048	2.0	1.4	2.8	0.000157	0.34	0.38	0.34	SNP
chr6_31473957_C_G	31473957	3.6	1.8	6.9	0.000160	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32407068_G_A	32407068	3.0	1.7	5.1	0.000161	0.02	0.06	0.02	SNP
chr6_32405821_T_C	32405821	1.9	1.4	2.7	0.000187	0.24	0.39	0.23	SNP
chr6_31636742_A_G	31636742	4.1	1.9	8.0	0.000187	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32184705_G_A	32184705	1.7	1.3	2.3	0.000188	0.33	0.39	0.33	SNP
chr6_32635713_C_T	32635713	0.5	0.4	0.7	0.000194	0.48	0.34	0.49	SNP
chr6_31238029_C_T	31238029	2.0	1.4	2.8	0.000194	0.36	0.39	0.35	SNP
chr6_31430010_G_A	31430010	3.7	1.8	7.3	0.000206	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31237323_G_A	31237323	2.0	1.4	2.8	0.000211	0.35	0.38	0.34	SNP
chr6_31243979_A_T	31243979	2.1	1.4	3.2	0.000218	0.32	0.35	0.32	SNP
chr6_31705864_C_T	31705864	4.0	1.9	8.4	0.000227	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31712196_G_A	31712196	4.0	1.9	8.4	0.000227	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31725230_G_A	31725230	4.0	1.9	8.4	0.000227	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31726794_C_T	31726794	4.0	1.9	8.4	0.000227	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31727474_A_G	31727474	4.0	1.9	8.4	0.000227	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31725285_A_G	31725285	4.0	1.9	8.3	0.000236	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31765984_G_A	31765984	4.5	2.0	9.9	0.000243	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31237233_G_A	31237233	2.0	1.4	2.8	0.000264	0.35	0.39	0.35	SNP
chr6_32606995_T_C	32606995	0.3	0.2	0.6	0.000270	0.11	0.04	0.12	SNP
chr6_31237333_A_T	31237333	2.0	1.4	2.8	0.000282	0.35	0.38	0.34	SNP
chr6_32190969_C_T	32190969	3.5	1.7	6.7	0.000308	0.01	0.04	0.01	SNP
chr6_31237449_C_T	31237449	2.0	1.4	3.0	0.000312	0.32	0.35	0.31	SNP
chr6_32376019_G_T	32376019	0.3	0.2	0.6	0.000312	0.11	0.04	0.11	SNP
chr6_32609341_T_C	32609341	0.4	0.3	0.6	0.000314	0.48	0.35	0.49	SNP
chr6_31237353_C_T	31237353	1.9	1.3	2.8	0.000317	0.34	0.37	0.34	SNP
chr6_32370684_G_A	32370684	1.8	1.3	2.5	0.000320	0.27	0.42	0.26	SNP
chr6_31241664_G_A	31241664	2.3	1.5	3.7	0.000321	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_31237061_T_C	31237061	1.9	1.3	2.7	0.000327	0.36	0.39	0.35	SNP
chr6_31243971_G_A	31243971	2.1	1.4	3.1	0.000327	0.32	0.35	0.32	SNP
chr6_32553662_A_G	32553662	0.6	0.4	0.8	0.000338	0.38	0.28	0.40	SNP
chr6_31237405_T_C	31237405	1.9	1.3	2.8	0.000348	0.34	0.37	0.34	SNP
chr6_31237230_G_A	31237230	1.9	1.3	2.8	0.000356	0.35	0.38	0.35	SNP
chr6_31239227_T_C	31239227	2.1	1.4	3.2	0.000356	0.37	0.42	0.37	SNP
chr6_32553317_C_T	32553317	0.3	0.2	0.6	0.000363	0.10	0.04	0.10	SNP
chr6_31237592_C_T	31237592	1.9	1.3	2.8	0.000363	0.34	0.37	0.34	SNP
chr6_31462135_G_A	31462135	4.1	1.9	9.0	0.000366	0.13	0.14	0.12	SNP
chr6_31237950_C_T	31237950	1.9	1.3	2.8	0.000368	0.36	0.40	0.36	SNP
chr6_32631039_G_A	32631039	0.5	0.3	0.7	0.000370	0.37	0.27	0.38	SNP
chr6_31705776_A_G	31705776	3.9	1.8	8.4	0.000374	0.30	0.12	0.12	SNP
chr6_31241092_G_C	31241092	1.7	1.3	2.4	0.000379	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_31239868_C_G	31239868	1.9	1.3	2.8	0.000422	0.35	0.39	0.35	SNP
chr6_31241311_G_A	31241311	2.3	1.4	3.6	0.000433	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_31611373_A_G	31611373	0.5	0.4	0.7	0.000442	0.49	0.36	0.51	SNP
chr6_32605508_G_T	32605508	1.8	1.3	2.4	0.000445	0.38	0.53	0.36	SNP
chr6_31238613_G_A	31238613	1.9	1.3	2.7	0.000476	0.35	0.37	0.34	SNP
chr6_31237162_G_C	31237162	1.9	1.3	2.7	0.000479	0.34	0.37	0.34	SNP
chr6_31237124_C_T	31237124	1.9	1.3	2.7	0.000487	0.34	0.37	0.34	SNP
chr6_31240041_T_C	31240041	1.8	1.3	2.5	0.000489	0.41	0.43	0.41	SNP
chr6_31246324_A_C	31246324	2.3	1.4	3.7	0.000490	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_32364356_G_A	32364356	1.8	1.3	2.5	0.000495	0.28	0.42	0.26	SNP
chr6_32376746_C_T	32376746	1.8	1.3	2.4	0.000500	0.28	0.42	0.26	SNP
chr6_32375352_A_C	32375352	1.8	1.3	2.4	0.000510	0.29	0.43	0.27	SNP

chr6_31325341_C_G	31325341	1.9	1.3	2.7	0.000915	0.32	0.35	0.32	SNP
chr6_31237424_G_A	31237424	1.1	1.2	2.3	0.000917	0.21	0.29	0.43	SNP
chr6_31243859_C_T	31243859	1.8	1.3	2.4	0.000932	0.21	0.25	0.21	SNP
chr6_32096001_C_A	32096001	3.7	1.7	7.8	0.000942	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32089142_G_T	32089142	0.2	0.1	0.5	0.000946	0.09	0.02	0.09	SNP
chr6_31246523_G_A	31246523	1.8	1.3	2.6	0.000955	0.35	0.37	0.35	SNP
chr6_31324599_T_G	31324599	0.5	0.3	0.7	0.000959	0.14	0.11	0.14	SNP
chr6_32633467_A_G	32633467	0.3	0.1	0.6	0.000967	0.09	0.03	0.10	SNP
chr6_31726253_T_C	31726253	3.5	1.7	7.5	0.000981	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32409656_G_A	32409656	1.7	1.2	2.3	0.000984	0.35	0.50	0.34	SNP
chr6_31325494_C_T	31325494	1.9	1.3	2.7	0.001013	0.32	0.35	0.32	SNP
chr6_32080383_C_T	32080383	0.3	0.1	0.6	0.001035	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31374131_C_G	31374131	1.7	1.2	2.4	0.001047	0.28	0.42	0.26	SNP
chr6_29695180_G_A	29695180	1.6	1.2	2.2	0.001058	0.23	0.28	0.22	SNP
chr6_31325513_G_C	31325513	1.9	1.3	2.7	0.001066	0.32	0.35	0.32	SNP
chr6_31918860_G_A	31918860	3.4	1.6	6.9	0.001072	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31237463_G_C	31237463	1.8	1.3	2.6	0.001089	0.34	0.37	0.34	SNP
chr6_32611152_G_A	32611152	1.7	1.2	2.3	0.001097	0.21	0.35	0.20	SNP
chr6_31237664_T_C	31237664	1.8	1.3	2.6	0.001104	0.35	0.37	0.35	SNP
chr6_31506854_T_C	31506854	1.9	1.3	2.7	0.001107	0.23	0.29	0.23	SNP
chr6_31378111_C_T	31378111	0.4	0.3	0.7	0.001111	0.09	0.07	0.09	SNP
chr6_32363844_C_T	32363844	1.7	1.2	2.4	0.001114	0.28	0.41	0.26	SNP
chr6_31325504_C_T	31325504	1.9	1.3	2.7	0.001118	0.32	0.35	0.32	SNP
chr6_31325380_T_C	31325380	1.9	1.3	2.7	0.001125	0.32	0.35	0.32	SNP
chr6_32552824_T_C	32552824	0.3	0.1	0.6	0.001126	0.08	0.03	0.08	SNP
chr6_32604213_A_C	32604213	0.6	0.4	0.8	0.001135	0.40	0.28	0.41	SNP
chr6_31236175_C_T	31236175	0.6	0.5	0.8	0.001174	0.43	0.41	0.44	SNP
chr6_32341473_T_C	32341473	1.7	1.2	2.3	0.001176	0.28	0.42	0.26	SNP
chr6_31924880_G_A	31924880	0.3	0.1	0.6	0.001185	0.03	0.03	0.09	SNP
chr6_32603825_C_T	32603825	1.7	1.2	2.3	0.001213	0.40	0.55	0.39	SNP
chr6_32375695_G_A	32375695	1.7	1.2	2.3	0.001225	0.28	0.42	0.27	SNP
chr6_32375280_T_C	32375280	1.7	1.2	2.3	0.001227	0.29	0.43	0.27	SNP
chr6_32607222_C_G	32607222	0.3	0.1	0.6	0.001252	0.10	0.03	0.11	SNP
chr6_31245821_A_G	31245821	2.2	1.3	3.4	0.001275	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_31239449_C_G	31239449	2.0	1.3	3.1	0.001307	0.17	0.20	0.16	SNP
chr6_31919956_T_C	31919956	0.3	0.2	0.6	0.001307	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31916951_T_C	31916951	0.3	0.2	0.6	0.001321	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31919917_T_C	31919917	0.3	0.2	0.6	0.001321	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31910938_G_T	31910938	0.3	0.2	0.6	0.001322	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31910929_G_A	31910929	0.3	0.2	0.6	0.001331	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31237802_G_A	31237802	1.8	1.3	2.6	0.001343	0.35	0.37	0.35	SNP
chr6_31928306_G_A	31928306	0.3	0.2	0.6	0.001349	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32634990_G_T	32634990	0.3	0.2	0.6	0.001364	0.09	0.03	0.09	SNP
chr6_32603321_C_T	32603321	0.4	0.4	0.6	0.001376	0.22	0.11	0.23	SNP
chr6_31429927_C_T	31429927	2.0	1.3	3.2	0.001383	0.16	0.18	0.16	SNP
chr6_31325532_A_G	31325532	1.8	1.3	2.7	0.001395	0.32	0.35	0.32	SNP
chr6_31325526_A_G	31325526	1.8	1.3	2.7	0.001414	0.33	0.35	0.32	SNP
chr6_31325529_G_A	31325529	1.8	1.3	2.7	0.001414	0.33	0.35	0.32	SNP
chr6_32607221_C_G	32607221	0.3	0.1	0.6	0.001418	0.09	0.03	0.10	SNP
chr6_31325521_C_G	31325521	1.8	1.3	2.7	0.001420	0.33	0.35	0.32	SNP
chr6_32020238_A_G	32020238	2.2	1.3	3.5	0.001451	0.17	0.23	0.16	SNP
chr6_31782030_A_G	32027038	1.7	1.2	2.3	0.001485	0.18	0.22	0.18	SNP
chr6_32491581_A_C	32491581	1.7	1.2	2.5	0.001488	0.26	0.41	0.25	SNP
chr6_31906865_C_T	31906865	0.3	0.2	0.6	0.001493	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31905130_G_A	31905130	0.3	0.2	0.6	0.001502	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31905326_G_T	31905326	0.3	0.2	0.6	0.001502	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31907147_T_C	31907147	0.3	0.2	0.6	0.001502	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31907168_C_T	31907168	0.3	0.2	0.6	0.001502	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31322694_T_C	31322694	0.5	0.3	0.8	0.001578	0.12	0.10	0.12	SNP
chr6_31237460_G_A	31237460	1.8	1.2	2.6	0.001585	0.35	0.37	0.35	SNP
chr6_31502861_G_A	31502861	1.9	1.3	2.7	0.001591	0.23	0.29	0.22	SNP
chr6_32406530_G_A	32406530	1.6	1.2	2.2	0.001618	0.35	0.50	0.34	SNP
chr6_32609874_T_G	32609874	0.3	0.2	0.6	0.001640	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32610075_G_A	32610075	0.3	0.2	0.6	0.001640	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32610313_C_G	32610313	0.3	0.2	0.6	0.001640	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31238535_C_T	31238535	1.8	1.2	2.5	0.001686	0.36	0.38	0.36	SNP
chr6_31325506_C_T	31325506	1.8	1.3	3.3	0.001696	0.15	0.17	0.15	SNP
chr6_32611759_G_C	32611759	0.3	0.2	0.6	0.001698	0.09	0.03	0.09	SNP
chr6_29693969_C_T	29693969	1.6	1.2	2.2	0.001754	0.23	0.28	0.23	SNP
chr6_32408527_C_G	32408527	1.6	1.2	2.2	0.001754	0.35	0.50	0.34	SNP
xHLA_2field_DB11_08_03	32427444	0.3	0.1	0.6	0.001756	0.08	0.02	0.09	HLA (HLA)
chr6_29892815_A_G	29892815	1.8	1.2	2.7	0.001762	0.15	0.18	0.14	SNP
chr6_32078373_A_C	32078373	1.8	1.2	2.5	0.001787	0.11	0.16	0.11	SNP
chr6_32608934_A_T	32608934	0.3	0.2	0.6	0.001788	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32077380_C_T	32077380	0.3	0.2	0.6	0.001791	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31931137_C_T	31931137	0.5	0.3	0.7	0.001821	0.12	0.06	0.13	SNP
chr6_32608946_G_A	32608946	0.3	0.2	0.6	0.001831	0.09	0.03	0.09	SNP
chr6_32411833_C_T	32411833	1.6	1.2	2.2	0.001834	0.40	0.54	0.38	SNP
chr6_31238814_C_T	31238814	1.8	1.2	2.5	0.001837	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_32526702_C_T	32526702	0.3	0.2	0.6	0.001840	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32610300_C_T	32610300	0.3	0.2	0.6	0.001851	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32610688_G_C	32610688	0.3	0.2	0.6	0.001858	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32611096_G_A	32611096	0.3	0.2	0.6	0.001860	0.09	0.03	0.09	SNP
chr6_29893960_T_C	29893960	1.7	1.2	2.4	0.001871	0.20	0.25	0.19	SNP
chr6_32610976_A_C	32610976	0.3	0.2	0.6	0.001876	0.09	0.03	0.09	SNP
chr6_32610996_G_A	32610996	0.3	0.2	0.6	0.001889	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32607251_T_C	32607251	0.3	0.4	0.8	0.001927	0.37	0.27	0.38	SNP
chr6_32410941_C_T	32410941	0.6	0.4	0.8	0.001922	0.50	0.39	0.51	SNP
chr6_31914180_G_A	31914180	0.3	0.2	0.6	0.001927	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32032421_C_T	32032421	0.4	0.2	0.7	0.001939	0.11	0.04	0.12	SNP
chr6_32410745_G_A	32410745	1.8	1.2	2.2	0.001956	0.39	0.53	0.38	SNP
chr6_32606912_A_G	32606912	0.5	0.3	0.8	0.001971	0.16	0.08	0.16	SNP
chr6_31506624_C_T	31506624	1.8	1.2	2.6	0.002000	0.23	0.29	0.23	SNP
chr6_32603405_C_T	32603405	0.3	0.2	0.6	0.002021	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32606960_A_T	32606960	0.3	0.2	0.6	0.002021	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32608967_A_G	32608967	0.3	0.2	0.6	0.002025	0.09	0.03	0.10	SNP
chr6_32611709_C_T	32611709	0.3	0.2	0.6	0.002044	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31922254_C_A	31922254	1.8	1.2	2.6	0.002050	0.35	0.36	0.34	SNP
chr6_32606742_A_G	32606742	0.3	0.2	0.6	0.002081	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32607270_A_G	32607270	0.3	0.1	0.6	0.002111	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_3241318_A_G	3241318	1.7	1.2	2.3	0.002113	0.28	0.41	0.26	SNP
chr6_31605861_A_G	31605861	0.3	0.2	0.6	0.002125	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32609195_G_A	32609195	0.3	0.2	0.6	0.002158	0.09	0.03	0.09	SNP
chr6_32611215_C_T	32611215	0.3	0.2	0.6	0.002158	0.09	0.03	0.09	SNP
chr6_32606676_T_C	32606676	0.3	0.2	0.6	0.002180	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32603500_C_T	32603500	0.3	0.2	0.6	0.002190	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32604384_G_A	32604384	0.3	0.2	0.6	0.002200	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_32411035_C_A	32411035	0.6	0.4	0.8	0.002222	0.50	0.39	0.51	SNP
chr6_32441696_C_T	32441696	0.3	0.1	0.6	0.002324	0.07	0.03	0.07	SNP
chr6_32029205_G_A	32029205	3.3	1.5	7.0	0.002380	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31248204_G_A	31248204	0.6	0.4	0.8	0.002402	0.32	0.33	0.32	SNP
chr6_30879636_C_T	30879636	2.5	1.4	4.5	0.002448	0.11	0.13	0.11	SNP
chr6_32607177_T_A	32607177	0.3	0.2	0.7	0.002464	0.08	0.03	0.09	SNP
chr6_31322487_G_A	31322487	0.5	0.3	0.8	0.002505	0.10	0.09	0.11	SNP

chr6_32005649_A_G	32005649	0.5	0.3	0.8	0.003499	0.11	0.05	0.12	SNP
chr6_31328293_A_G	31328293	0.5	0.3	0.8	0.003511	0.10	0.10	0.09	SNP
chr6_31370367_G_A	31370367	0.5	0.3	0.8	0.003515	0.10	0.09	0.11	SNP
chr6_29638434_A_G	29638434	0.6	0.4	0.8	0.003620	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_32610349_C_A	32610349	1.6	1.2	2.1	0.003664	0.45	0.55	0.43	SNP
chr6_32522698_G_T	32522698	0.6	0.4	0.8	0.003693	0.41	0.33	0.42	SNP
chr6_31508761_T_C	31508761	1.7	1.2	2.5	0.003696	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_32604660_C_T	32604660	0.4	0.2	0.7	0.003711	0.09	0.03	0.10	SNP
chr6_31370329_C_A	31370329	0.5	0.3	0.8	0.003722	0.10	0.09	0.10	SNP
chr6_32409305_A_G	32409305	1.9	1.2	2.1	0.003822	0.39	0.53	0.38	SNP
chr6_32559520_C_T	32559520	1.6	1.2	2.1	0.003909	0.33	0.48	0.31	SNP
chr6_31321268_G_T	31321268	0.6	0.4	0.8	0.003922	0.20	0.15	0.20	SNP
chr6_31540429_G_A	31540429	1.5	1.1	2.0	0.003923	0.38	0.44	0.37	SNP
chr6_29907740_A_G	29907740	0.6	0.5	0.9	0.003949	0.47	0.45	0.47	SNP
chr6_32441100_C_A	32441100	0.6	0.4	0.8	0.003958	0.28	0.21	0.28	SNP
chr6_31464992_G_A	31464992	1.6	1.2	2.3	0.003982	0.29	0.32	0.28	SNP
chr6_32603277_G_T	32603277	0.3	0.1	0.6	0.004029	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_31561211_G_T	31561211	1.7	1.2	2.3	0.004047	0.26	0.31	0.26	SNP
chr6_32610947_A_C	32610947	0.3	0.1	0.6	0.004064	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_31734345_G_T	31734345	3.6	1.5	8.4	0.004080	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31320849_T_C	31320849	0.5	0.3	0.8	0.004091	0.10	0.09	0.10	SNP
chr6_32606682_C_G	32606682	0.3	0.1	0.6	0.004123	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_31601735_G_A	31601735	0.3	0.1	0.6	0.004128	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_32406807_G_A	32406807	1.7	1.2	2.4	0.004157	0.37	0.55	0.36	SNP
chr6_32606691_T_G	32606691	0.3	0.1	0.6	0.004167	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_30796545_T_C	30796545	2.1	1.3	3.5	0.004215	0.12	0.14	0.12	SNP
chr6_32609047_C_T	32609047	0.3	0.1	0.6	0.004245	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_31324955_C_T	31324955	0.5	0.3	0.8	0.004281	0.10	0.09	0.10	SNP
chr6_31281722_T_C	31281722	1.1	0.7	1.5	0.004313	0.47	0.51	0.46	SNP
chr6_31947086_G_A	31947086	0.5	0.3	0.8	0.004307	0.11	0.05	0.12	SNP
chr6_32709990_C_T	32709990	0.6	0.4	0.9	0.004351	0.32	0.22	0.33	SNP
chr6_32604166_A_G	32604166	0.3	0.1	0.6	0.004369	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_32441129_G_A	32441129	0.3	0.1	0.6	0.004455	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_32609009_T_G	32609009	0.3	0.1	0.6	0.004475	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_32710010_G_T	32710010	0.6	0.4	0.9	0.004497	0.32	0.22	0.33	SNP
chr6_32709964_T_C	32709964	0.6	0.4	0.9	0.004555	0.32	0.22	0.33	SNP
chr6_32559076_A_G	32559076	0.6	0.4	0.9	0.004591	0.34	0.25	0.35	SNP
chr6_32609425_C_G	32609425	0.3	0.1	0.6	0.004607	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_32603896_T_C	32603896	0.3	0.1	0.6	0.004610	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_32608350_G_A	32608350	0.7	0.2	0.7	0.004621	0.10	0.03	0.10	SNP
chr6_29856774_G_T	29856774	1.7	1.2	2.5	0.004622	0.15	0.17	0.14	SNP
chr6_31366295_C_A	31366295	0.5	0.3	0.8	0.004639	0.11	0.10	0.11	SNP
chr6_32013500_C_A	32013500	0.4	0.2	0.7	0.004664	0.10	0.04	0.10	SNP
chr6_32338299_A_G	32338299	0.9	0.1	0.6	0.004676	0.05	0.01	0.05	SNP
chr6_31464571_T_C	31464571	1.6	1.2	2.2	0.004678	0.29	0.32	0.28	SNP
chr6_32606376_C_G	32606376	0.3	0.1	0.6	0.004706	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_31325115_G_A	31325115	1.7	1.2	2.5	0.004722	0.34	0.35	0.34	SNP
chr6_31498407_A_C	31498407	1.2	0.7	1.2	0.004755	0.23	0.28	0.22	SNP
chr6_32441046_G_A	32441046	0.3	0.1	0.6	0.004820	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_32608435_T_C	32608435	0.3	0.1	0.6	0.004870	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_32797809_C_T	32797809	1.6	1.1	2.2	0.004900	0.11	0.17	0.11	SNP
chr6_32310863_T_C	32310863	1.7	1.3	2.3	0.004931	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31624864_A_G	31624864	3.1	1.4	6.9	0.004941	0.12	0.11	0.12	SNP
chr6_32628606_C_A	32628606	0.3	0.1	0.6	0.004965	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_32439696_T_G	32439696	0.3	0.1	0.6	0.004985	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_31513864_A_G	31513864	1.7	1.2	2.5	0.004991	0.23	0.28	0.23	SNP
chr6_31326629_T_C	31326629	1.7	1.2	2.4	0.005001	0.34	0.35	0.34	SNP
chr6_31540556_T_C	31540556	0.6	0.4	0.9	0.005017	0.23	0.19	0.24	SNP
chr6_29693938_G_A	29693938	0.6	0.4	0.8	0.005019	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_31320164_G_A	31320164	0.6	0.4	0.8	0.005049	0.23	0.22	0.22	SNP
chr6_31324891_C_T	31324891	0.5	0.3	0.8	0.005054	0.11	0.09	0.11	SNP
chr6_31325792_G_A	31325792	1.6	1.2	2.3	0.005141	0.35	0.37	0.35	SNP
chr6_32080191_G_C	32080191	3.1	1.4	6.8	0.005149	0.12	0.11	0.12	SNP
chr6_32942302_A_G	32942302	0.7	0.5	0.9	0.005158	0.41	0.33	0.41	SNP
chr6_31634193_A_G	31634193	1.5	1.1	2.0	0.005161	0.38	0.43	0.38	SNP
chr6_32187605_G_A	32187605	1.5	1.1	2.0	0.005167	0.50	0.54	0.49	SNP
chr6_29691019_G_T	29691019	0.7	0.5	0.9	0.005191	0.44	0.41	0.44	SNP
chr6_31248169_C_T	31248169	2.1	1.2	3.5	0.005243	0.14	0.15	0.14	SNP
chr6_31463680_A_G	31463680	1.6	1.1	2.2	0.005272	0.29	0.32	0.29	SNP
chr6_32442703_G_A	32442703	0.3	0.1	0.6	0.005280	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_31927342_G_A	31927342	1.2	0.7	1.2	0.005291	0.34	0.35	0.34	SNP
chr6_31430143_C_G	31430143	0.6	0.4	0.8	0.005346	0.18	0.14	0.19	SNP
chr6_32164869_G_C	32164869	0.7	0.5	0.9	0.005578	0.29	0.26	0.29	SNP
chr6_32086427_C_G	32086427	2.2	1.3	3.9	0.005638	0.11	0.12	0.11	SNP
chr6_32465402_C_G	32465402	0.3	0.1	0.6	0.005640	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_31322703_C_T	31322703	0.5	0.3	0.8	0.005680	0.11	0.10	0.11	SNP
chr6_31325092_G_A	31325092	1.7	1.2	2.5	0.005695	0.33	0.35	0.33	SNP
chr6_32782387_G_A	32782387	1.5	1.1	2.1	0.005743	0.21	0.25	0.21	SNP
chr6_29901806_C_T	29901806	0.6	0.4	0.9	0.005740	0.22	0.26	0.21	SNP
chr6_31528326_C_G	31528326	1.5	1.1	2.0	0.005806	0.38	0.44	0.38	SNP
chr6_32153409_A_C	32153409	1.5	1.1	2.1	0.005849	0.39	0.50	0.38	SNP
chr6_31324595_C_G	31324595	0.6	0.4	0.9	0.005923	0.31	0.25	0.31	SNP
chr6_32628545_T_C	32628545	0.3	0.1	0.6	0.005927	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_32340068_T_C	32340068	0.7	0.5	0.9	0.005932	0.50	0.39	0.51	SNP
chr6_32628843_C_T	32628843	0.3	0.1	0.7	0.005988	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_31324348_G_T	31324348	0.5	0.3	0.8	0.006022	0.11	0.09	0.11	SNP
chr6_29891137_A_G	29891137	1.5	1.1	2.0	0.006023	0.34	0.38	0.23	SNP
chr6_32056580_A_C	32056580	0.4	0.2	0.8	0.006146	0.09	0.04	0.10	SNP
chr6_32633273_T_G	32633273	0.6	0.5	0.9	0.006197	0.36	0.27	0.37	SNP
chr6_32551638_C_T	32551638	0.4	0.2	0.7	0.006201	0.07	0.03	0.08	SNP
chr6_31301891_T_A	31301891	2.6	1.3	5.2	0.006329	2.6	1.2	1.2	SNP
chr6_32724857_C_T	32724857	1.6	1.1	2.3	0.006340	0.09	0.14	0.09	SNP
chr6_32169574_T_C	32169574	0.7	0.5	0.9	0.006368	0.30	0.26	0.30	SNP
chr6_32727222_C_A	32727222	0.3	0.1	0.6	0.006368	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_29858253_T_C	29858253	1.7	1.2	2.5	0.006458	0.14	0.17	0.14	SNP
chr6_31629995_G_C	31629995	0.3	0.1	0.7	0.006529	0.06	0.02	0.07	SNP
chr6_29896108_A_T	29896108	1.7	1.1	2.5	0.006630	0.16	0.18	0.15	SNP
chr6_31473844_C_T	31473844	1.6	1.1	2.2	0.006730	0.29	0.32	0.29	SNP
chr6_32498208_G_T	32498208	1.5	1.1	2.1	0.006844	0.30	0.43	0.28	SNP
chr6_32409242_C_A	32409242	0.7	0.5	0.9	0.006866	0.43	0.31	0.45	SNP
chr6_29896713_G_A	29896713	1.5	1.1	2.1	0.006922	0.23	0.27	0.23	SNP
chr6_32035427_T_C	32035427	0.4	0.2	0.8	0.007011	0.09	0.04	0.10	SNP
chr6_31236115_T_C	31236115	1.5	1.1	2.0	0.007055	0.40	0.43	0.40	SNP
chr6_32556677_C_A	32556677	1.7	1.2	2.6	0.007158	0.10	0.17	0.10	SNP
chr6_32303160_G_T	32303160	0.3	0.1	0.6	0.007170	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_31463621_G_A	31463621	1.6	1.1	2.2	0.007209	0.29	0.33	0.29	SNP
chr6_31238851_C_T	31238851	1.8	1.2	2.7	0.007239	0.31	0.32	0.31	SNP
chr6_32261940_G_C	32261940	0.3	0.1	0.6	0.007242	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_29893922_A_T	29893922	1.6	1.1	2.2	0.007249	0.20	0.24	0.20	SNP
chr6_31379752_C_T	31379752	1.8	1.2	2.8	0.007318	0.07	0.10	0.07	SNP
chr6_32261252_T_G	32261252	2.6	1.3	5.1	0.007322	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32290208_C_T	32290208	2.6	1.3	5.1	0.007322	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32786833_C_G	32786833	0.7	0.5	0.9	0.007547	0.38	0.31	0.39	SNP
chr6_32627244_G_T	32627244	2.2	1.2	4.0	0.007565	0.13	0.14	0.12	SNP
chr6_3154									

chr6_29893982_C_T	29893982	1.6	1.1	2.3	0.010033	0.19	0.22	0.19	SNP
chr6_33036717_C_G	33036717	0.4	0.4	0.5	0.010044	0.14	0.14	0.15	SNP
chr6_32339498_C_G	32339498	0.3	0.1	0.7	0.010052	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_29858840_A_C	29858840	1.7	1.1	2.4	0.010096	0.15	0.17	0.14	SNP
chr6_32412539_G_A	32412539	0.7	0.5	0.9	0.010172	0.47	0.37	0.48	SNP
chr6_30851409_C_A	30851409	2.3	1.2	4.3	0.010176	0.12	0.14	0.12	SNP
chr6_33036708_C_T	33036708	0.6	0.4	0.9	0.010255	0.14	0.08	0.15	SNP
chr6_33036709_A_G	33036709	0.6	0.4	0.9	0.010255	0.14	0.08	0.15	SNP
chr6_32796793_G_A	32796793	1.6	1.1	2.4	0.010277	0.09	0.15	0.09	SNP
chr6_32400781_C_T	32400781	1.5	1.1	2.0	0.010284	0.39	0.52	0.38	SNP
chr6_32410215_T_C	32410215	0.6	0.4	0.9	0.010357	0.22	0.15	0.23	SNP
chr6_32178773_T_C	32178773	0.7	0.5	0.9	0.010362	0.48	0.42	0.48	SNP
chr6_31616365_G_A	31616365	1.4	1.1	1.9	0.010400	0.39	0.41	0.38	SNP
chr6_32339348_C_T	32339348	0.6	0.5	0.9	0.010524	0.34	0.27	0.35	SNP
chr6_32303848_G_A	32303848	1.6	1.1	2.2	0.010601	0.24	0.35	0.23	SNP
chr6_32410210_T_C	32410210	0.6	0.4	0.9	0.010617	0.22	0.15	0.23	SNP
chr6_32442296_C_T	32442296	0.6	0.4	0.9	0.010619	0.29	0.21	0.30	SNP
chr6_32725271_G_A	32725271	0.6	0.4	0.9	0.010660	0.21	0.14	0.22	SNP
chr6_32796751_T_C	32796751	0.6	0.4	0.9	0.010697	0.23	0.14	0.24	SNP
chr6_31607952_G_A	31607952	0.4	0.2	0.8	0.010751	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_32498205_G_T	32498205	1.5	1.1	2.0	0.010891	0.30	0.43	0.28	SNP
chr6_31934372_T_T	31934372	0.5	0.3	0.8	0.010942	0.12	0.06	0.12	SNP
chr6_32633519_A_G	32633519	0.6	0.4	0.9	0.010943	0.15	0.12	0.15	SNP
chr6_32014575_A_G	32014575	0.7	0.5	0.9	0.010958	0.48	0.48	0.48	SNP
chr6_31627445_C_G	31627445	1.5	1.1	2.0	0.010979	0.18	0.23	0.18	SNP
chr6_32035603_C_T	32035603	0.4	0.2	0.8	0.011296	0.09	0.04	0.10	SNP
chr6_31996524_C_A	31996524	0.4	0.2	0.8	0.011320	0.07	0.03	0.08	SNP
chr6_31473286_T_C	31473286	1.6	1.1	2.2	0.011321	0.28	0.31	0.28	SNP
chr6_31414480_A_G	31414480	0.5	0.5	0.9	0.011461	0.47	0.37	0.46	SNP
chr6_31542308_T_C	31542308	0.6	0.5	0.9	0.011480	0.19	0.17	0.19	SNP
chr6_32409060_G_A	32409060	0.6	0.4	0.9	0.011493	0.22	0.16	0.23	SNP
chr6_3252703_T_G	3252703	0.6	0.4	0.9	0.011652	0.40	0.33	0.41	SNP
chr6_32408497_A_G	32408497	2.5	1.2	4.9	0.011767	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32375745_A_G	32375745	1.5	1.1	2.1	0.011789	0.48	0.58	0.47	SNP
chr6_32376618_C_T	32376618	1.5	1.1	2.1	0.011789	0.48	0.58	0.47	SNP
chr6_32498206_T_C	32498206	1.5	1.1	2.0	0.011970	0.30	0.43	0.28	SNP
chr6_30229267_G_C	30229267	2.0	1.2	3.4	0.012015	2.0	1.0	2.1	SNP
chr6_32025870_C_T	32025870	0.4	0.2	0.8	0.012305	0.09	0.04	0.10	SNP
chr6_29895626_T_A	29895626	1.6	1.1	2.4	0.012496	0.15	0.17	0.15	SNP
chr6_32604968_A_C	32604968	0.6	0.4	0.9	0.012615	0.25	0.18	0.26	SNP
chr6_32628098_G_C	32628098	0.3	0.1	0.7	0.012715	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_32340871_C_T	32340871	2.5	1.2	4.9	0.012763	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32409787_T_C	32409787	1.5	1.1	2.0	0.012816	0.39	0.52	0.38	SNP
chr6_32348426_C_T	32348426	0.5	0.3	0.6	0.012847	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_29691857_C_G	29691857	0.7	0.5	0.9	0.012888	0.46	0.43	0.46	SNP
xHLA_rfield_C_03_04		0.6	0.4	0.9	0.013371	0.15	0.15	0.15	HLA (xHLA)
chr6_32011369_G_T	32011369	0.4	0.2	0.8	0.013430	0.09	0.04	0.10	SNP
chr6_31929014_C_A	31929014	1.1	0.8	1.4	0.013501	0.34	0.34	0.34	SNP
chr6_32410691_G_A	32410691	0.6	0.4	0.9	0.013679	0.22	0.16	0.23	SNP
chr6_32709204_G_C	32709204	0.6	0.4	0.9	0.013727	0.21	0.14	0.22	SNP
chr6_29924889_C_A	29924889	0.7	0.5	0.9	0.014018	0.40	0.40	0.40	SNP
chr6_31349921_C_T	31349921	2.0	1.2	3.4	0.014098	0.12	0.11	0.12	SNP
chr6_29901865_G_C	29901865	1.4	1.1	1.9	0.014103	0.28	0.31	0.28	SNP
chr6_32373698_G_T	32373698	1.5	1.1	2.0	0.014302	0.38	0.50	0.36	SNP
chr6_32412809_T_A	32412809	0.6	0.4	0.9	0.014616	0.22	0.16	0.23	SNP
chr6_32812528_C_T	32812528	1.4	1.1	2.0	0.014622	0.16	0.20	0.16	SNP
chr6_32164587_C_T	32164587	0.4	0.1	0.7	0.014657	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32412592_G_A	32412592	0.6	0.4	0.9	0.014718	0.22	0.16	0.23	SNP
chr6_32412398_T_C	32412398	0.7	0.5	0.9	0.014887	0.47	0.38	0.48	SNP
chr6_32707985_G_A	32707985	0.6	0.4	0.9	0.014911	0.21	0.14	0.22	SNP
chr6_31607050_T_C	31607050	1.8	1.1	2.9	0.015074	0.19	0.21	0.19	SNP
chr6_31657701_C_A	31657701	1.5	1.1	2.2	0.015108	0.15	0.21	0.14	SNP
chr6_31844884_A_G	31844884	0.4	0.2	0.8	0.015162	0.07	0.03	0.07	SNP
chr6_32411307_C_T	32411307	0.6	0.4	0.9	0.015170	0.22	0.16	0.23	SNP
chr6_32412566_T_A	32412566	0.6	0.4	0.9	0.015170	0.22	0.16	0.23	SNP
chr6_32192436_A_G	32192436	0.5	0.2	0.8	0.015187	0.07	0.03	0.07	SNP
chr6_31498737_G_A	31498737	0.6	0.5	0.9	0.015255	0.16	0.15	0.16	SNP
chr6_29892732_G_A	29892732	1.5	1.1	2.0	0.015280	0.20	0.24	0.20	SNP
chr6_32550591_G_A	32550591	0.4	0.2	0.8	0.015354	0.06	0.03	0.06	SNP
chr6_32376882_T_G	32376882	1.5	1.1	2.0	0.015539	0.48	0.57	0.47	SNP
chr6_31539768_G_C	31539768	0.4	0.1	1.9	0.015562	0.35	0.40	0.34	SNP
chr6_32822186_T_G	32822186	0.4	0.2	0.8	0.015701	0.05	0.03	0.06	SNP
chr6_32184024_C_T	32184024	0.6	0.4	0.9	0.015792	0.14	0.11	0.14	SNP
chr6_32192617_T_C	32192617	0.4	0.2	0.8	0.015815	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_31601513_A_G	31601513	1.4	1.1	1.9	0.015916	0.39	0.41	0.38	SNP
chr6_31506801_G_A	31506801	0.7	0.5	0.9	0.015920	0.16	0.15	0.16	SNP
chr6_29912188_T_C	29912188	0.7	0.5	0.9	0.015978	0.43	0.42	0.43	SNP
chr6_32604551_C_T	32604551	2.2	1.1	4.0	0.016171	0.13	0.13	0.13	SNP
chr6_32943345_C_T	32943345	0.7	0.5	0.9	0.016185	0.46	0.39	0.46	SNP
chr6_32973281_C_T	32973281	0.7	0.6	0.9	0.016295	0.46	0.39	0.47	SNP
chr6_31324953_T_C	31324953	1.6	1.1	2.3	0.016349	0.37	0.39	0.37	SNP
chr6_31465915_C_G	31465915	1.5	1.1	2.1	0.016358	0.29	0.31	0.28	SNP
chr6_29910378_C_T	29910378	0.7	0.5	0.9	0.016482	0.35	0.34	0.35	SNP
chr6_32189921_A_G	32189921	2.1	1.1	3.6	0.016550	0.13	0.13	0.13	SNP
chr6_32634893_G_A	32634893	0.6	0.4	0.9	0.016586	0.14	0.11	0.14	SNP
chr6_32559516_T_C	32559516	0.7	0.5	0.9	0.016659	0.44	0.35	0.44	SNP
chr6_31321883_G_A	31321883	0.4	0.2	0.9	0.016660	0.14	0.13	0.14	SNP
chr6_31477461_T_C	31477461	1.5	1.1	2.1	0.016904	0.28	0.31	0.28	SNP
chr6_30878857_G_A	30878857	0.5	0.3	0.9	0.016906	0.06	0.06	0.06	SNP
chr6_33037660_G_A	33037660	0.6	0.3	0.9	0.017036	0.12	0.06	0.12	SNP
chr6_32376932_T_C	32376932	1.5	1.1	2.0	0.017080	0.48	0.57	0.47	SNP
chr6_33036401_C_T	33036401	0.6	0.4	0.9	0.017225	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_31930462_G_A	31930462	0.6	0.4	0.9	0.017454	0.14	0.09	0.14	SNP
chr6_31837277_T_A	31837277	1.5	1.1	2.0	0.017540	0.49	0.49	0.49	SNP
chr6_29892107_C_T	29892107	1.5	1.1	2.0	0.017712	0.21	0.24	0.20	SNP
chr6_31675765_G_A	31675765	1.5	1.1	2.1	0.018018	0.19	0.24	0.19	SNP
chr6_31321425_T_C	31321425	0.7	0.5	0.9	0.018040	0.21	0.18	0.21	SNP
chr6_31320241_G_A	31320241	1.5	1.1	2.1	0.018040	0.21	0.25	0.21	SNP
chr6_31239827_T_C	31239827	1.6	1.1	2.3	0.018078	0.37	0.38	0.37	SNP
chr6_29912595_G_A	29912595	0.7	0.6	0.9	0.018124	0.41	0.40	0.41	SNP
chr6_31245080_G_A	31245080	1.9	1.1	3.2	0.018316	0.04	0.06	0.04	SNP
chr6_32370835_T_C	32370835	1.4	1.1	2.0	0.018546	0.17	0.37	0.49	SNP
chr6_31239869_T_C	31239869	0.7	0.5	0.9	0.018724	0.30	0.24	0.30	SNP
chr6_32559400_A_T	32559400	1.5	1.1	2.0	0.018801	0.50	0.57	0.49	SNP
chr6_32814244_A_T	32814244	0.6	0.4	0.9	0.018846	0.11	0.06	0.11	SNP
chr6_33045698_G_A	33045698	0.3	0.1	0.8	0.018906	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_32306480_A_T	32306480	0.4	0.2	0.8	0.018981	0.07	0.03	0.07	SNP
chr6_32813279_G_A	32813279	0.6	0.4	0.9	0.019003	0.11	0.06	0.11	SNP
chr6_31639689_C_T	31639689	1.5	1.1	2.1	0.019196	0.18	0.22	0.18	SNP
chr6_33382384_A_G	33382384	0.5	0.3	0.9	0.019294	0.09	0.06	0.09	SNP
chr6_31509432_A_G	31509432	1.5	1.1	2.0	0.019303	0.31	0.35	0.31	SNP
chr6_32501211_G_A	32501211	1.6	1.1	2.5	0.019326	0.19	0.23	0.19	SNP
chr6_32797876_G_A	32797876	0.7	0.5	0.9	0.019356	0.41	0.31	0.42	SNP
chr6_32408842_A_G	32408842	0.6	0.4	0.9	0.019368	0.22	0.16	0.23	SNP
chr6_29908491_G_A	29908491	1.4	1.1	1.9	0.019498	0.18	0.23	0.18	SNP
chr6_29909797_C_T</									

chr6_31382994_C_A	31382994	1.5	1.1	2.0	0.022233	0.18	0.19	0.18	SNP
chr6_31592820_C_T	31592820	0.5	0.5	0.5	0.022304	0.11	0.12	0.34	SNP
chr6_30515043_T_C	30515043	1.8	1.1	3.1	0.022309	0.11	0.12	0.11	SNP
chr6_29893139_G_A	29893139	1.4	1.0	2.0	0.022318	0.21	0.24	0.21	SNP
chr6_29911019_T_C	29911019	0.7	0.5	1.0	0.022587	0.45	0.43	0.45	SNP
chr6_33971708_G_A	33971708	0.7	0.5	0.9	0.022589	0.20	0.14	0.20	SNP
chr6_32333827_A_C	32333827	2.2	1.1	4.5	0.022953	0.13	0.12	0.13	SNP
chr6_33036630_G_T	33036630	0.6	0.4	0.9	0.022981	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_33036631_A_C	33036631	0.6	0.4	0.9	0.022981	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_29911686_C_T	29911686	1.5	1.1	2.1	0.023070	0.19	0.23	0.18	SNP
chr6_33036388_C_T	33036388	0.6	0.4	0.9	0.023232	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_32731313_T_A	32731313	0.6	0.4	0.9	0.023241	0.21	0.14	0.21	SNP
chr6_29911037_G_C	29911037	0.7	0.5	1.0	0.023243	0.45	0.44	0.45	SNP
chr6_29913881_T_C	29913881	0.7	0.6	1.0	0.023308	0.40	0.40	0.40	SNP
chr6_29896852_C_T	29896852	1.4	1.0	2.0	0.023432	0.25	0.28	0.24	SNP
chr6_31556581_T_A	31556581	0.7	0.5	0.9	0.023492	0.24	0.22	0.24	SNP
chr6_29712878_G_A	29712878	2.2	1.1	4.2	0.023511	0.02	0.05	0.02	SNP
chr6_31542476_G_A	31542476	0.7	0.5	0.9	0.023565	0.16	0.15	0.16	SNP
chr6_32797537_T_G	32797537	0.7	0.5	0.9	0.023717	0.35	0.24	0.36	SNP
chr6_33033266_T_A	33033266	0.6	0.4	0.9	0.023751	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_31795345_G_A	31795345	0.7	0.5	1.0	0.023759	0.15	0.15	0.15	SNP
chr6_31475127_G_A	31475127	1.5	1.0	2.1	0.023949	0.28	0.31	0.28	SNP
chr6_33037579_A_T	33037579	0.6	0.4	0.9	0.024077	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_33037580_T_G	33037580	0.6	0.4	0.9	0.024077	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_29892233_T_C	29892233	1.4	1.0	1.9	0.024125	0.25	0.28	0.25	SNP
chr6_32193449_T_C	32193449	0.7	0.5	0.9	0.024156	0.16	0.13	0.17	SNP
chr6_33386728_G_C	33386728	1.9	1.1	3.4	0.024162	0.03	0.05	0.03	SNP
chr6_32633285_T_C	32633285	0.7	0.5	0.9	0.024186	0.36	0.28	0.37	SNP
chr6_29907861_T_G	29907861	1.0	1.0	1.0	0.024211	1.49	0.21	0.18	SNP
chr6_32723715_C_A	32723715	1.5	1.0	2.1	0.024547	0.09	0.13	0.09	SNP
chr6_31506648_T_G	31506648	1.4	1.0	2.0	0.024714	0.31	0.34	0.31	SNP
chr6_31239681_T_A	31239681	1.5	1.1	2.2	0.024761	0.40	0.43	0.40	SNP
chr6_32363816_T_G	32363816	1.4	1.0	1.9	0.024913	0.43	0.52	0.42	SNP
chr6_33033267_G_A	33033267	0.6	0.4	0.9	0.025147	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_33035986_T_C	33035986	0.6	0.4	0.9	0.025288	0.13	0.08	0.13	SNP
chr6_34477013_T_G	34477013	0.6	0.4	0.9	0.025418	0.11	0.08	0.11	SNP
chr6_29913430_C_T	29913430	1.5	1.0	2.1	0.025583	0.18	0.20	0.18	SNP
chr6_31605199_G_C	31605199	0.7	0.5	1.0	0.025653	0.44	0.43	0.44	SNP
chr6_31930351_A_G	31930351	0.4	0.2	0.8	0.025690	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_32169621_T_A	32169621	0.7	0.6	1.0	0.025742	0.48	0.43	0.48	SNP
chr6_31836827_T_G	31836827	1.6	1.1	2.3	0.025760	0.33	0.32	0.33	SNP
chr6_32633502_T_C	32633502	0.6	0.4	0.9	0.025791	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_31464321_T_A	31464321	0.7	0.5	1.0	0.025824	0.30	0.24	0.30	SNP
chr6_29909071_T_G	29909071	1.5	1.0	2.1	0.025951	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_32184345_T_C	32184345	0.7	0.4	0.9	0.026014	0.13	0.11	0.14	SNP
chr6_32184574_G_A	32184574	0.7	0.4	0.9	0.026014	0.13	0.11	0.14	SNP
chr6_33553239_C_T	33553239	2.6	1.0	5.6	0.026085	0.01	0.02	0.01	SNP
chr6_33045659_T_C	33045659	0.4	0.1	0.6	0.026092	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32295952_G_A	32295952	0.7	0.5	0.9	0.026119	0.31	0.24	0.32	SNP
chr6_32796521_C_T	32796521	0.7	0.5	0.9	0.026134	0.22	0.15	0.23	SNP
chr6_29892203_T_A	29892203	1.4	1.0	1.9	0.026138	0.25	0.28	0.24	SNP
chr6_33036501_G_A	33036501	0.6	0.4	0.9	0.026201	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_32439964_T_G	32439964	0.7	0.5	1.0	0.026262	0.38	0.29	0.38	SNP
chr6_32559380_G_A	32559380	0.7	0.5	1.0	0.026314	0.49	0.43	0.50	SNP
chr6_29895701_T_C	29895701	1.4	1.0	1.9	0.026624	0.21	0.24	0.21	SNP
chr6_31323353_G_A	31323353	0.7	0.6	1.0	0.026659	0.36	0.35	0.36	SNP
chr6_29909070_T_C	29909070	0.8	0.6	1.0	0.026761	0.45	0.45	0.45	SNP
chr6_29795657_G_A	29795657	1.4	1.0	1.9	0.026771	0.39	0.42	0.39	SNP
chr6_29945949_G_A	29945949	1.7	1.1	2.7	0.026920	0.11	0.12	0.11	SNP
HLA_2field_DP81_02_04	32672744	0.4	0.2	0.8	0.026952	0.05	0.02	0.05	HLA (HLA)
chr6_31322996_C_T	31322996	0.7	0.6	1.0	0.027066	0.38	0.33	0.38	SNP
chr6_33260353_A_G	33260353	2.0	1.0	3.5	0.027068	0.03	0.05	0.03	SNP
HLA_2field_A_02_01	29910309	0.7	0.6	1.0	0.027390	0.35	0.36	0.35	HLA (HLA)
chr6_31837250_G_A	31837250	1.4	1.0	1.9	0.027391	0.49	0.49	0.49	SNP
chr6_31238708_G_A	31238708	0.6	0.4	0.9	0.027398	0.09	0.07	0.10	SNP
chr6_32083300_G_A	32083300	0.6	0.4	0.9	0.027522	0.15	0.10	0.16	SNP
chr6_33033390_A_C	33033390	0.4	0.3	0.6	0.027570	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_33033235_C_T	33033235	0.6	0.4	0.9	0.027744	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_32377116_C_G	32377116	1.5	1.0	2.1	0.027922	0.48	0.56	0.47	SNP
chr6_29911198_T_C	29911198	0.7	0.5	1.0	0.027999	0.41	0.41	0.41	SNP
chr6_29912796_G_A	29912796	0.4	0.1	0.6	0.028011	0.41	0.41	0.41	SNP
chr6_31322303_G_C	31322303	0.7	0.6	1.0	0.028046	0.34	0.30	0.35	SNP
chr6_32797684_G_A	32797684	0.7	0.5	1.0	0.028094	0.36	0.26	0.37	SNP
chr6_33382943_T_G	33382943	0.6	0.3	0.9	0.028218	0.09	0.06	0.09	SNP
chr6_32711050_C_T	32711050	0.7	0.6	1.0	0.028583	0.21	0.14	0.21	SNP
chr6_31839309_T_C	31839309	1.4	1.0	1.9	0.028690	0.50	0.50	0.50	SNP
chr6_31320263_C_T	31320263	0.6	0.4	0.9	0.028724	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_31891923_G_A	31891923	0.3	0.1	0.8	0.029107	0.04	0.01	0.04	SNP
chr6_31131667_G_A	31131667	1.4	1.0	1.9	0.029245	0.04	0.01	0.04	SNP
chr6_29913135_G_C	29913135	0.8	0.6	1.0	0.029249	0.41	0.41	0.41	SNP
chr6_29913639_G_A	29913639	1.5	1.0	2.1	0.029285	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_29909021_G_C	29909021	1.6	1.0	2.4	0.029286	0.13	0.15	0.13	SNP
chr6_32436514_G_A	32436514	0.7	0.5	1.0	0.029509	0.18	0.15	0.18	SNP
chr6_32557301_T_C	32557301	0.4	0.1	0.8	0.029577	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32521796_A_C	32521796	0.7	0.5	1.0	0.029583	0.29	0.21	0.30	SNP
chr6_31238522_C_T	31238522	0.7	0.5	1.0	0.029739	0.20	0.16	0.20	SNP
chr6_29914011_T_G	29914011	1.5	1.0	2.1	0.029744	0.40	0.40	0.40	SNP
chr6_33036177_A_G	33036177	0.6	0.4	0.9	0.029772	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_32171683_T_C	32171683	0.7	0.6	1.0	0.029793	0.47	0.43	0.47	SNP
chr6_29913734_C_T	29913734	0.8	0.6	1.0	0.029918	0.40	0.41	0.40	SNP
chr6_33037866_A_G	33037866	0.6	0.4	0.9	0.029922	0.14	0.09	0.14	SNP
chr6_32713867_C_T	32713867	0.6	0.4	0.9	0.030208	0.20	0.14	0.20	SNP
chr6_33039484_G_A	33039484	0.6	0.4	0.9	0.030651	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_29797615_A_C	29797615	1.4	1.0	1.9	0.030748	0.43	0.46	0.43	SNP
chr6_31635710_T_C	31635710	1.4	1.0	1.8	0.030803	0.20	0.24	0.20	SNP
chr6_29909924_G_A	29909924	0.8	0.6	1.0	0.031011	0.45	0.45	0.45	SNP
chr6_32634992_T_C	32634992	0.7	0.4	1.0	0.031246	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_33377061_C_T	33377061	1.4	1.0	2.0	0.031299	0.48	0.57	0.47	SNP
chr6_29910725_C_G	29910725	1.6	1.0	2.5	0.031300	0.10	0.13	0.09	SNP
chr6_31602967_G_A	31602967	1.4	1.0	1.8	0.031551	0.37	0.39	0.37	SNP
chr6_32629497_A_G	32629497	0.7	0.4	1.0	0.031898	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_32780914_G_A	32780914	0.6	0.3	0.9	0.032012	0.10	0.06	0.10	SNP
chr6_32559371_T_C	32559371	0.7	0.5	1.0	0.032012	0.49	0.43	0.50	SNP
chr6_32634074_C_T	32634074	0.7	0.4	1.0	0.032106	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_32633640_T_A	32633640	0.7	0.4	1.0	0.032235	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_33033646_C_T	33033646	0.7	0.4	1.0	0.032235	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_31084435_G_A	31084435	0.7	0.5	1.0	0.032356	0.32	0.31	0.32	SNP
chr6_32633281_C_T	32633281	0.7	0.4	1.0	0.032374	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_31239430_C_T	31239430	0.7	0.5	1.0	0.032479	0.48	0.47	0.48	SNP
chr6_32150296_C_A	32150296	0.5	0.2	0.9	0.032559	0.06	0.03	0.07	SNP
chr6_32609594_G_A	32609594	2.1	1.0	4.0	0.032611	0.13	0.15	0.13	SNP
chr6_32550587_T_G	32550587	0.4	0.2	0.9	0.032690	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_29913817_C_T	29913817	0.8	0.6	1.0	0.032691	0.40	0.41	0.40	SNP
chr6_32052444_C_T	32052444	0.4	0.2	0.9	0.032848	0.04	0.02	0.04	SN



chr6_29908469_T_C	29908469	0.8	0.6	1.0	0.035012	0.41	0.41	0.41	SNP
chr6_29691090_T_A	29691090	0.6	0.6	1.0	0.035149	0.47	0.46	0.47	SNP
chr6_30524614_A_G	30524614	2.1	1.0	4.2	0.035178	0.02	0.04	0.02	SNP
chr6_32797115_T_G	32797115	0.7	0.5	1.0	0.035412	0.30	0.25	0.30	SNP
chr6_33037104_C_T	33037104	0.6	0.4	1.0	0.035486	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_33026490_T_C	33026490	0.8	0.6	1.0	0.035507	0.45	0.39	0.46	SNP
chr6_29891850_A_G	29891850	1.3	1.0	1.7	0.035518	0.42	0.43	0.42	SNP
chr6_33036287_G_A	33036287	0.7	0.4	1.0	0.035520	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_32944746_G_A	32944746	1.3	1.0	1.7	0.035590	0.42	0.50	0.42	SNP
chr6_33036316_A_G	33036316	0.7	0.4	1.0	0.035596	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_31620020_A_G	31620020	1.4	1.0	1.9	0.035905	0.38	0.41	0.38	SNP
chr6_32633462_T_A	32633462	0.7	0.4	1.0	0.035997	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_33036288_G_A	33036288	0.7	0.4	1.0	0.036112	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_31325947_A_C	31325947	1.4	1.0	2.0	0.036300	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_29796257_C_T	29796257	1.4	1.0	1.9	0.036345	0.44	0.48	0.44	SNP
chr6_29940202_G_A	29940202	1.4	1.0	1.9	0.036580	0.27	0.28	0.27	SNP
chr6_31903545_A_G	31903545	0.5	0.2	0.9	0.036738	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_33036233_A_G	33036233	0.7	0.4	1.0	0.036787	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_29895913_G_A	29895913	0.8	0.6	1.0	0.037030	0.45	0.45	0.45	SNP
chr6_31322133_A_G	31322133	0.7	0.6	1.0	0.037335	0.35	0.31	0.35	SNP
chr6_33033202_C_T	33033202	0.7	0.4	1.0	0.037340	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_31322402_C_T	31322402	1.3	1.0	1.8	0.037583	0.34	0.37	0.34	SNP
chr6_32797109_G_A	32797109	0.7	0.5	1.0	0.037602	0.22	0.15	0.23	SNP
chr6_33033388_A_C	33033388	0.6	0.4	1.0	0.037932	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_33037294_T_C	33037294	0.6	0.4	1.0	0.038268	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_29908967_G_A	29908967	0.8	0.6	1.0	0.038148	0.41	0.41	0.41	SNP
chr6_31902289_C_G	31902289	0.5	0.2	0.9	0.038176	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_31510105_G_A	31510105	1.4	1.0	2.0	0.038253	0.31	0.34	0.31	SNP
chr6_33036242_T_C	33036242	0.7	0.4	1.0	0.038260	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_32628939_C_G	32628939	0.7	0.4	1.0	0.038489	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_33037522_T_C	33037522	0.7	0.4	1.0	0.038561	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_31509372_A_G	31509372	1.4	1.0	2.0	0.038648	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_32605935_G_T	32605935	1.9	1.0	3.6	0.038699	1.9	1.2	1.2	SNP
chr6_31601520_T_C	31601520	1.4	1.0	1.9	0.038729	0.19	0.22	0.18	SNP
chr6_33037865_C_T	33037865	0.6	0.4	1.0	0.038771	0.14	0.09	0.14	SNP
chr6_33033146_T_C	33033146	0.7	0.4	1.0	0.038760	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_31903121_G_A	31903121	0.5	0.2	0.9	0.038995	0.06	0.02	0.06	SNP
chr6_29912463_G_A	29912463	1.3	1.0	1.7	0.039163	0.49	0.49	0.49	SNP
chr6_31240959_C_G	31240959	0.7	0.5	1.0	0.039205	0.23	0.19	0.23	SNP
chr6_32375347_T_G	32375347	0.4	0.1	0.9	0.039208	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32304466_G_A	32304466	0.4	0.1	0.9	0.039299	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_29910402_G_A	29910402	1.5	1.0	2.3	0.039410	0.09	0.13	0.09	SNP
chr6_32639955_T_C	32639955	1.4	1.0	1.8	0.039442	0.43	0.52	0.43	SNP
chr6_33049981_A_G	33049981	0.7	0.5	1.0	0.039492	0.21	0.17	0.21	SNP
chr6_33037557_C_T	33037557	0.6	0.4	1.0	0.039935	0.11	0.06	0.11	SNP
chr6_32635164_T_C	32635164	0.7	0.6	1.0	0.040040	0.45	0.37	0.46	SNP
chr6_32604221_A_G	32604221	1.9	1.0	3.6	0.040108	0.13	0.12	0.13	SNP
chr6_32707023_T_C	32707023	0.6	0.4	1.0	0.040243	0.21	0.14	0.22	SNP
chr6_32785275_G_A	32785275	0.6	0.4	1.0	0.040464	0.10	0.06	0.10	SNP
chr6_32605884_C_T	32605884	1.9	1.0	3.6	0.040690	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32007063_C_T	32007063	0.7	0.4	1.0	0.040792	0.27	0.20	0.27	SNP
chr6_31628912_C_T	31628912	0.7	0.5	1.0	0.040929	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_29909044_G_C	29909044	0.8	0.6	1.0	0.040959	0.41	0.41	0.40	SNP
chr6_32628722_A_T	32628722	0.7	0.5	1.0	0.041073	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_32635001_T_C	32635001	0.7	0.5	1.0	0.041377	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_31240432_A_G	31240432	0.7	0.4	1.0	0.041402	0.47	0.48	0.47	SNP
chr6_33033170_T_C	33033170	0.7	0.4	1.0	0.041599	0.14	0.10	0.15	SNP
chr6_33033058_T_C	33033058	0.7	0.4	1.0	0.041987	0.14	0.10	0.15	SNP
chr6_33036210_G_T	33036210	0.7	0.4	1.0	0.042050	0.14	0.10	0.15	SNP
chr6_29713155_G_A	29713155	1.5	1.0	2.2	0.042062	0.09	0.12	0.09	SNP
chr6_31925921_G_A	31925921	0.4	0.2	0.9	0.042240	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_33037080_G_A	33037080	0.7	0.4	1.0	0.042260	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_33037082_A_G	33037082	0.7	0.4	1.0	0.042260	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_32946133_T_C	32946133	1.3	1.0	1.7	0.042266	0.42	0.50	0.41	SNP
chr6_33033188_C_T	33033188	0.7	0.4	1.0	0.042487	0.14	0.10	0.15	SNP
chr6_33239905_C_A	33239905	0.4	0.1	0.9	0.042621	0.04	0.02	0.05	SNP
chr6_33547430_G_A	33547430	0.7	0.5	1.0	0.042621	0.18	0.15	0.18	SNP
chr6_31373174_T_C	31373174	0.7	0.6	1.0	0.042708	0.36	0.34	0.36	SNP
chr6_31930063_G_A	31930063	1.7	1.0	2.8	0.042733	0.04	0.06	0.04	SNP
chr6_32006337_C_G	32006337	0.7	0.5	1.0	0.042800	0.34	0.28	0.34	SNP
chr6_330333948_C_A	330333948	0.7	0.5	1.0	0.042840	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_32605266_G_C	32605266	0.6	0.3	0.9	0.042845	0.07	0.04	0.08	SNP
chr6_33476718_T_C	33476718	0.8	0.6	1.0	0.042871	0.35	0.30	0.36	SNP
chr6_32628997_C_T	32628997	0.7	0.5	1.0	0.043119	0.13	0.12	0.14	SNP
chr6_31378540_A_G	31378540	1.9	1.0	2.5	0.043129	0.08	0.09	0.07	SNP
chr6_29908659_T_C	29908659	0.8	0.6	1.0	0.043145	0.43	0.43	0.43	SNP
chr6_32633854_A_G	32633854	0.7	0.5	1.0	0.043163	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_33033178_G_A	33033178	0.7	0.4	1.0	0.043203	0.14	0.10	0.15	SNP
chr6_33045896_A_G	33045896	0.4	0.1	0.9	0.043259	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_33037419_G_A	33037419	0.6	0.4	1.0	0.043653	0.14	0.09	0.14	SNP
chr6_32408012_G_A	32408012	0.7	0.5	1.0	0.043681	0.33	0.24	0.34	SNP
chr6_33033177_G_A	33033177	0.7	0.4	1.0	0.043708	0.14	0.10	0.15	SNP
chr6_31509355_A_G	31509355	1.4	1.0	1.9	0.043763	1.4	0.33	0.33	SNP
chr6_31932209_G_A	31932209	0.3	0.1	0.8	0.043778	0.04	0.01	0.04	SNP
HLA_2foid_DRB1_11_01	32546552	0.4	0.1	0.9	0.043804	0.04	0.02	0.04	HLA (xHLA)
chr6_33045891_C_T	33045891	0.4	0.1	0.9	0.043864	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32340596_T_A	32340596	0.4	0.2	0.9	0.044196	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_32781121_G_C	32781121	0.6	0.4	1.0	0.044252	0.10	0.06	0.10	SNP
chr6_32796967_G_A	32796967	0.7	0.5	1.0	0.044365	0.23	0.15	0.24	SNP
chr6_31709814_G_C	31709814	0.6	0.3	1.0	0.044375	0.06	0.07	0.06	SNP
chr6_32076499_G_A	32076499	1.7	0.5	1.0	0.044480	0.36	0.36	0.36	SNP
chr6_30229306_A_G	30229306	1.4	1.0	1.8	0.044585	0.32	0.33	0.32	SNP
chr6_32629425_G_A	32629425	0.7	0.5	1.0	0.044606	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_33038222_G_A	33038222	0.7	0.4	1.0	0.044631	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_29908426_C_T	29908426	0.8	0.6	1.0	0.044782	0.41	0.41	0.41	SNP
chr6_33037424_T_C	33037424	0.7	0.4	1.0	0.044813	0.14	0.09	0.14	SNP
chr6_31322459_T_C	31322459	1.3	1.0	1.7	0.044834	0.35	0.37	0.34	SNP
chr6_32192331_L_G_A	32192331	1.3	1.0	1.8	0.044957	0.47	0.56	0.46	SNP
chr6_30880156_G_A	30880156	1.8	1.0	3.1	0.044963	0.03	0.06	0.03	SNP
chr6_32063896_G_A	32063896	0.3	0.1	0.8	0.045295	0.04	0.01	0.04	SNP
chr6_31322047_A_G	31322047	0.7	0.5	1.0	0.045382	0.15	0.15	0.16	SNP
chr6_31558978_G_C	31558978	0.7	0.5	1.0	0.045739	0.14	0.14	0.14	SNP
chr6_32634765_T_C	32634765	0.7	0.5	1.0	0.045788	0.13	0.12	0.13	SNP
chr6_33037187_C_G	33037187	0.7	0.4	1.0	0.045790	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_31539767_C_T	31539767	0.7	0.5	1.0	0.046499	0.15	0.15	0.15	SNP
chr6_31321681_C_T	31321681	0.7	0.5	1.0	0.046654	0.20	0.22	0.20	SNP
chr6_31509967_G_T	31509967	0.7	0.5	1.0	0.046817	0.16	0.16	0.16	SNP
chr6_32785284_T_C	32785284	0.6	0.4	1.0	0.047211	0.10	0.06	0.10	SNP
chr6_29944670_G_C	29944670	1.3	1.0	1.8	0.047420	0.46	0.46	0.46	SNP
chr6_32709965_G_T	32709965	0.6	0.4	1.0	0.047542	0.20	0.14	0.21	SNP
chr6_31326027_A_C	31326027	1.4	1.0	1.9	0.047592	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_32629613_C_G	32629613	0.7	0.5	1.0	0.047821	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_32629618_G_A	32629618	0.7	0.5	1.0	0.047821	0.13	0.11	0.13	SNP
chr6_31322688_T_C	31322688	1.3	1.0	1.7	0.047874	0.35	0.37	0.34	SNP



Supplementary Table 5. Association analysis of patients with MPA versus controls, adjusting for sex and genetic structure (principal components 1-4).

Table with columns: Variant, position, OR, CI lower, CI upper, p, MAF, MAF cases, MAF controls, Type (SNP, HLA (HLA)). The table lists numerous genetic variants and their associated statistics.

chr6_32558045_T_C	32558045	0.5	0.4	0.7	5.83E-05	0.43	0.30	0.44	SNP
chr6_32558019_C_A	32558019	2.0	1.4	2.9	5.87E-05	0.28	0.44	0.27	SNP
chr6_32634506_C_T	32634506	1.9	1.4	2.7	5.91E-05	0.24	0.38	0.23	SNP
chr6_32634646_T_C	32634646	1.9	1.4	2.7	6.01E-05	0.24	0.38	0.22	SNP
chr6_32604538_G_A	32604538	2.0	1.5	2.7	6.03E-05	0.22	0.47	0.31	SNP
chr6_32634137_A_C	32634137	1.9	1.4	2.7	6.13E-05	0.24	0.38	0.22	SNP
chr6_32633636_G_C	32633636	1.9	1.4	2.7	6.19E-05	0.24	0.38	0.23	SNP
chr6_32441008_C_T	32441008	2.0	1.4	2.9	6.21E-05	0.31	0.46	0.29	SNP
chr6_32611229_T_G	32611229	0.5	0.3	0.7	6.22E-05	0.46	0.34	0.48	SNP
chr6_32634091_G_C	32634091	1.9	1.4	2.7	6.23E-05	0.24	0.37	0.22	SNP
chr6_32634387_T_C	32634387	0.4	0.3	0.7	6.23E-05	0.31	0.22	0.32	SNP
chr6_32628785_A_G	32628785	0.5	0.3	0.7	6.25E-05	0.48	0.35	0.49	SNP
chr6_32612111_G_A	32612111	2.0	1.4	2.9	6.26E-05	0.29	0.43	0.27	SNP
chr6_32634090_T_C	32634090	1.9	1.4	2.7	6.33E-05	0.24	0.37	0.22	SNP
chr6_32628533_T_C	32628533	2.0	1.4	2.7	6.35E-05	0.23	0.37	0.22	SNP
chr6_32610704_C_T	32610704	0.4	0.3	0.7	6.35E-05	0.33	0.24	0.34	SNP
chr6_32635226_G_T	32635226	0.5	0.3	0.7	6.37E-05	0.47	0.34	0.48	SNP
chr6_32627494_T_C	32627494	2.0	1.4	2.7	6.45E-05	0.24	0.39	0.23	SNP
chr6_32635172_C_T	32635172	1.9	1.4	2.7	6.51E-05	0.24	0.38	0.23	SNP
chr6_32609126_C_T	32609126	0.5	0.3	0.7	6.61E-05	0.47	0.34	0.48	SNP
chr6_32612104_C_T	32612104	2.0	1.4	2.9	6.68E-05	0.29	0.43	0.27	SNP
chr6_32627777_G_C	32627777	1.9	1.4	2.7	6.83E-05	0.24	0.38	0.22	SNP
chr6_32603487_C_T	32603487	0.5	0.3	0.7	6.90E-05	0.46	0.33	0.47	SNP
chr6_32604564_C_T	32604564	2.1	1.4	2.9	6.90E-05	0.32	0.47	0.31	SNP
chr6_32605920_A_G	32605920	0.5	0.3	0.7	6.94E-05	0.46	0.33	0.47	SNP
chr6_32636217_G_A	32636217	2.0	1.4	2.7	6.98E-05	0.23	0.36	0.22	SNP
chr6_32605943_A_G	32605943	0.5	0.3	0.7	6.99E-05	0.46	0.33	0.47	SNP
chr6_32629755_G_A	32629755	1.9	1.4	2.7	7.01E-05	0.24	0.37	0.22	SNP
chr6_32610968_A_G	32610968	0.5	0.3	0.7	7.11E-05	0.47	0.40	0.25	SNP
chr6_32607008_T_G	32607008	0.5	0.3	0.7	7.20E-05	0.46	0.33	0.47	SNP
chr6_32610769_C_A	32610769	0.5	0.3	0.7	7.29E-05	0.34	0.25	0.34	SNP
chr6_32636443_A_C	32636443	1.9	1.4	2.7	7.35E-05	0.23	0.37	0.22	SNP
chr6_32608880_G_A	32608880	2.0	1.4	2.9	7.35E-05	0.33	0.47	0.31	SNP
chr6_32634485_C_A	32634485	0.4	0.3	0.7	7.42E-05	0.32	0.23	0.33	SNP
chr6_32612008_T_C	32612008	2.0	1.4	2.9	7.43E-05	0.28	0.43	0.27	SNP
chr6_32634917_T_A	32634917	1.9	1.4	2.7	7.57E-05	0.24	0.38	0.23	SNP
chr6_32629543_T_C	32629543	1.9	1.4	2.7	7.63E-05	0.24	0.38	0.23	SNP
chr6_32606176_T_A	32606176	0.5	0.3	0.7	7.69E-05	0.46	0.33	0.47	SNP
chr6_32629530_C_T	32629530	2.0	1.4	2.7	7.77E-05	0.24	0.38	0.23	SNP
chr6_32628787_C_T	32628787	2.0	1.4	2.7	8.10E-05	0.23	0.37	0.22	SNP
chr6_32610059_G_T	32610059	0.5	0.3	0.7	8.15E-05	0.46	0.33	0.47	SNP
chr6_32628030_G_A	32628030	1.9	1.4	2.6	8.27E-05	0.42	0.55	0.41	SNP
chr6_32608417_G_A	32608417	2.0	1.4	2.7	8.39E-05	0.24	0.44	0.27	SNP
chr6_32636138_A_G	32636138	1.9	1.4	2.7	8.57E-05	0.23	0.36	0.22	SNP
chr6_32611964_C_T	32611964	2.1	1.4	3.0	8.62E-05	0.28	0.42	0.27	SNP
chr6_32628916_G_A	32628916	2.0	1.4	2.7	8.62E-05	0.23	0.37	0.22	SNP
chr6_32606217_G_A	32606217	2.0	1.4	2.8	8.89E-05	0.30	0.45	0.29	SNP
chr6_32628776_A_C	32628776	0.5	0.3	0.7	9.05E-05	0.48	0.35	0.49	SNP
chr6_32612041_A_G	32612041	2.0	1.4	2.9	9.20E-05	0.29	0.43	0.27	SNP
chr6_32612410_C_T	32612410	0.4	0.3	0.7	9.23E-05	0.45	0.31	0.46	SNP
chr6_32633767_G_T	32633767	1.9	1.4	2.6	9.25E-05	0.24	0.37	0.22	SNP
chr6_32634593_G_C	32634593	1.9	1.4	2.7	9.38E-05	0.23	0.37	0.22	SNP
chr6_32627489_G_C	32627489	0.5	0.3	0.7	9.45E-05	0.44	0.31	0.45	SNP
chr6_32612003_T_C	32612003	0.5	0.3	0.7	9.47E-05	0.48	0.35	0.49	SNP
chr6_32633781_C_T	32633781	1.9	1.4	2.6	9.54E-05	0.24	0.37	0.23	SNP
chr6_32609105_A_G	32609105	0.4	0.3	0.7	9.55E-05	0.47	0.34	0.48	SNP
chr6_32629328_G_A	32629328	2.0	1.4	2.8	9.82E-05	0.23	0.35	0.22	SNP
chr6_32627833_A_G	32627833	1.8	1.4	2.5	9.97E-05	0.41	0.53	0.40	SNP
chr6_32605705_T_C	32605705	0.5	0.3	0.7	0.00010	0.46	0.34	0.47	SNP
chr6_32605914_T_C	32605914	2.0	1.4	2.8	0.00010	0.46	0.34	0.47	SNP
chr6_32636063_G_A	32636063	1.9	1.4	2.6	0.00010	0.24	0.37	0.22	SNP
chr6_32605708_A_G	32605708	0.5	0.3	0.7	0.00010	0.46	0.34	0.47	SNP
chr6_32627714_G_C	32627714	1.9	1.4	2.7	0.00010	0.45	0.33	0.47	SNP
chr6_32627485_C_T	32627485	0.5	0.3	0.7	0.00010	0.44	0.31	0.45	SNP
chr6_32611650_G_A	32611650	2.0	1.4	2.9	0.00010	0.28	0.42	0.27	SNP
chr6_32629549_G_A	32629549	1.9	1.4	2.6	0.00011	0.24	0.37	0.23	SNP
chr6_32606085_T_A	32606085	2.0	1.4	2.7	0.00011	0.46	0.33	0.47	SNP
chr6_32611958_C_G	32611958	2.1	1.4	3.0	0.00011	0.28	0.41	0.27	SNP
chr6_32629531_A_G	32629531	1.9	1.4	2.6	0.00011	0.24	0.37	0.23	SNP
chr6_32620774_C_G	32620774	2.0	1.4	2.9	0.00011	0.26	0.40	0.25	SNP
chr6_32610994_C_A	32610994	2.0	1.4	2.9	0.00011	0.26	0.40	0.25	SNP
chr6_32627635_G_T	32627635	0.5	0.3	0.7	0.00011	0.45	0.33	0.46	SNP
HLA_2Hhd_B_06_D1	326132052	3.8	1.8	7.6	0.00012	0.12	0.14	0.11	HLA (HLA)
chr6_32634355_G_A	32634355	1.9	1.4	2.6	0.00012	0.24	0.37	0.22	SNP
chr6_32501301_G_C	32501301	0.5	0.3	0.7	0.00012	0.39	0.26	0.40	SNP
chr6_32610997_C_G	32610997	2.0	1.4	2.9	0.00012	0.26	0.40	0.25	SNP
chr6_32627747_G_C	32627747	0.5	0.3	0.7	0.00012	0.41	0.22	0.32	SNP
chr6_32501296_G_A	32501296	0.5	0.3	0.7	0.00013	0.39	0.26	0.40	SNP
chr6_32608909_T_C	32608909	2.0	1.4	2.9	0.00013	0.26	0.41	0.25	SNP
chr6_32501459_T_C	32501459	0.5	0.3	0.7	0.00013	0.39	0.26	0.41	SNP
chr6_32636172_C_T	32636172	1.9	1.4	2.6	0.00013	0.23	0.37	0.22	SNP
chr6_32634139_C_T	32634139	1.9	1.4	2.6	0.00013	0.24	0.37	0.23	SNP
chr6_32633617_A_G	32633617	0.5	0.3	0.7	0.00014	0.45	0.33	0.46	SNP
chr6_32627517_G_C	32627517	0.5	0.3	0.7	0.00014	0.46	0.33	0.47	SNP
chr6_32627646_G_A	32627646	0.5	0.3	0.7	0.00014	0.45	0.33	0.47	SNP
chr6_32629330_C_T	32629330	1.9	1.4	2.7	0.00014	0.23	0.35	0.22	SNP
chr6_32605295_C_C	32605295	1.9	1.4	2.7	0.00014	0.32	0.47	0.30	SNP
HLA_2Hhd_B_15_D1	31321652	0.3	0.2	0.6	0.00014	0.10	0.06	0.10	HLA (HLA)
chr6_31323416_G_C	31323416	3.7	1.9	7.1	0.00015	0.12	0.14	0.12	SNP
chr6_32607193_T_C	32607193	2.0	1.4	2.9	0.00015	0.33	0.48	0.32	SNP
chr6_32627561_C_T	32627561	0.5	0.3	0.7	0.00015	0.32	0.24	0.34	SNP
chr6_32611769_G_C	32611769	2.0	1.4	2.9	0.00015	0.30	0.44	0.29	SNP
chr6_32633959_T_C	32633959	1.9	1.4	2.6	0.00016	0.24	0.37	0.23	SNP
chr6_32609312_C_A	32609312	0.5	0.3	0.7	0.00016	0.47	0.34	0.48	SNP
chr6_32633909_T_A	32633909	0.5	0.3	0.7	0.00016	0.33	0.25	0.34	SNP
chr6_32611968_T_G	32611968	0.5	0.3	0.7	0.00016	0.48	0.37	0.49	SNP
chr6_32634150_A_G	32634150	1.9	1.4	2.6	0.00016	0.24	0.37	0.23	SNP
chr6_32628791_T_C	32628791	0.5	0.3	0.7	0.00016	0.48	0.35	0.48	SNP
chr6_32611931_T_A	32611931	0.5	0.3	0.7	0.00016	0.47	0.35	0.48	SNP
chr6_32633906_A_C	32633906	0.5	0.3	0.7	0.00016	0.33	0.25	0.34	SNP
chr6_32611265_C_T	32611265	2.0	1.4	2.8	0.00016	0.28	0.42	0.27	SNP
chr6_32629422_T_C	32629422	1.9	1.4	2.6	0.00016	0.23	0.37	0.22	SNP
chr6_31321267_A_C	31321267	3.9	1.9	8.0	0.00016	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32629582_T_C	32629582	0.5	0.3	0.7	0.00017	0.31	0.23	0.32	SNP
chr6_32636040_C_T	32636040	0.5	0.3	0.7	0.00017	0.32	0.23	0.32	SNP
chr6_32629398_G_C	32629398	1.9	1.4	2.6	0.00018	0.24	0.37	0.23	SNP
chr6_32609453_C_T	32609453	2.0	1.4	2.8	0.00018	0.33	0.48	0.32	SNP
chr6_32629347_T_C	32629347	2.0	1.4	2.8	0.00018	0.36	0.51	0.35	SNP
chr6_32635033_T_G	32635033	1.9	1.3	2.6	0.00018	0.24	0.37	0.22	SNP
chr6_32610860_G_T	32610860	2.0	1.4	2.8	0.00018	0.28	0.43	0.27	SNP
chr6_32604642_A_G	32604642	2.0	1.4	2.9	0.00021	0.28	0.42	0.26	SNP
chr6_32796310_A_G	32796310	2.8	1.6	4.7	0.00022	0.03	0.08	0.03	SNP
chr6_32501311_C_T	32501311	0.5	0.4	0.7	0.00023	0.39	0.26	0.40	SNP
chr6_32628737_G_A	32628737	0.5	0.4	0.7	0.00023	0.48	0.25	0.49	SNP
chr6_32606701_A_G	326067								

chr6_31473746_G_A	31473746	3.6	1.7	7.4	0.00054	0.12	0.14	0.12	SNP
chr6_32603098_T_C	32603098	1.7	1.3	2.4	0.00058	0.48	0.63	0.46	SNP
chr6_32609358_C_T	32609358	1.9	1.3	2.7	0.00059	0.29	0.42	0.27	SNP
chr6_31558702_C_T	31558702	3.6	1.7	7.6	0.00061	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31222701_C_T	31222701	0.0	0.0	0.0	0.00062	0.0	0.2	0.11	SNP
chr6_32629509_A_C	32629509	1.9	1.3	2.6	0.00067	0.37	0.50	0.36	SNP
chr6_32636385_A_T	32636385	1.7	1.2	2.3	0.00068	0.37	0.47	0.36	SNP
chr6_32603412_T_C	32603412	1.7	1.3	2.4	0.00069	0.48	0.63	0.46	SNP
chr6_31242955_C_T	31242955	0.4	0.2	0.7	0.00069	0.10	0.07	0.10	SNP
chr6_32782030_A_C	32782030	1.8	1.3	2.5	0.00071	0.18	0.22	0.18	SNP
chr6_32603029_T_C	32603029	0.5	0.4	0.8	0.00073	0.28	0.15	0.29	SNP
chr6_32609380_C_T	32609380	1.9	1.3	2.8	0.00075	0.35	0.47	0.34	SNP
chr6_32636364_G_A	32636364	1.7	1.2	2.3	0.00074	0.37	0.47	0.37	SNP
chr6_32631039_G_A	32631039	0.5	0.3	0.7	0.00075	0.37	0.29	0.38	SNP
chr6_31255684_C_A	31255684	0.4	0.2	0.7	0.00078	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_3125795_G_T	3125795	0.4	0.2	0.7	0.00078	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32370684_A_G	32370684	1.8	1.3	2.6	0.00079	0.27	0.40	0.26	SNP
chr6_31237275_T_C	31237275	0.4	0.2	0.7	0.00081	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32078713_A_C	32078713	1.9	1.3	2.8	0.00082	0.11	0.19	0.15	SNP
chr6_31323721_G_C	31323721	0.4	0.2	0.7	0.00082	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_29907740_A_G	29907740	0.6	0.4	0.8	0.00083	0.47	0.42	0.47	SNP
chr6_31323792_A_G	31323792	0.4	0.3	0.7	0.00084	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_31370367_G_A	31370367	0.4	0.2	0.7	0.00085	0.10	0.08	0.11	SNP
chr6_32501245_A_G	32501245	0.5	0.3	0.7	0.00085	0.19	0.10	0.20	SNP
chr6_31370329_G_A	31370329	0.4	0.3	0.7	0.00088	0.10	0.08	0.10	SNP
chr6_32629335_C_A	32629335	1.8	1.3	2.6	0.00089	0.37	0.50	0.36	SNP
chr6_32521951_A_C	32521951	0.5	0.4	0.8	0.00090	0.38	0.26	0.39	SNP
chr6_32500925_A_C	32500925	0.5	0.3	0.7	0.00090	0.19	0.10	0.20	SNP
chr6_31240654_G_A	31240654	1.8	1.3	2.6	0.00092	0.27	0.41	0.26	SNP
chr6_32370616_T_C	32370616	1.8	1.3	2.6	0.00093	0.27	0.40	0.26	SNP
chr6_32520465_A_G	32520465	0.6	0.4	0.8	0.00093	0.38	0.26	0.39	SNP
chr6_3124599_T_C	3124599	0.4	0.3	0.6	0.00094	0.14	0.10	0.14	SNP
chr6_32603488_A_G	32603488	0.5	0.4	0.8	0.00094	0.28	0.15	0.29	SNP
chr6_31239227_T_C	31239227	2.1	1.4	3.3	0.00095	0.38	0.45	0.37	SNP
chr6_3123639_G_A	3123639	1.7	1.2	2.4	0.00095	0.16	0.21	0.16	SNP
chr6_32083355_T_C	32083355	1.8	1.3	2.8	0.00096	0.28	0.15	0.29	SNP
chr6_32611504_C_T	32611504	0.5	0.4	0.8	0.00101	0.48	0.37	0.49	SNP
chr6_32364356_A_G	32364356	1.8	1.3	2.6	0.00102	0.27	0.40	0.26	SNP
chr6_32636389_T_C	32636389	1.7	1.3	2.5	0.00109	0.23	0.34	0.22	SNP
chr6_32376746_C_T	32376746	1.8	1.3	2.5	0.00110	0.27	0.41	0.26	SNP
chr6_32628845_G_A	32628845	1.8	1.3	2.6	0.00111	0.36	0.50	0.35	SNP
chr6_32471719_C_T	32471719	1.8	1.3	2.6	0.00111	0.27	0.40	0.26	SNP
chr6_31229695_C_A	31229695	1.9	1.3	2.8	0.00113	0.26	0.41	0.25	SNP
chr6_32405821_T_C	32405821	1.8	1.3	2.7	0.00115	0.24	0.37	0.23	SNP
chr6_29893960_T_C	29893960	1.8	1.3	2.6	0.00115	0.20	0.25	0.19	SNP
chr6_32629764_C_T	32629764	1.8	1.3	2.5	0.00115	0.27	0.50	0.36	SNP
chr6_32629859_G_A	32629859	0.6	0.4	0.8	0.00123	0.49	0.39	0.50	SNP
chr6_31514247_A_G	31514247	3.4	1.6	7.2	0.00124	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31378117_C_T	31378117	0.4	0.2	0.7	0.00133	0.09	0.06	0.09	SNP
chr6_31611510_C_A	31611510	0.6	0.4	0.8	0.00133	0.47	0.36	0.48	SNP
chr6_3166295_C_A	3166295	0.4	0.3	0.7	0.00137	0.11	0.08	0.11	SNP
chr6_32521117_T_C	32521117	0.6	0.4	0.8	0.00142	0.49	0.35	0.51	SNP
chr6_32374622_A_T	32374622	1.8	1.2	2.5	0.00143	0.26	0.41	0.26	SNP
chr6_32611466_A_G	32611466	1.8	1.3	2.6	0.00145	0.26	0.40	0.25	SNP
chr6_32341473_T_C	32341473	1.8	1.2	2.5	0.00147	0.28	0.41	0.26	SNP
chr6_31240544_G_A	31240544	0.4	0.2	0.7	0.00149	0.10	0.07	0.10	SNP
chr6_31324348_C_T	31324348	0.4	0.2	0.7	0.00150	0.11	0.07	0.11	SNP
chr6_31324891_C_T	31324891	0.4	0.2	0.7	0.00150	0.10	0.07	0.11	SNP
chr6_31240060_G_A	31240060	2.0	1.3	3.0	0.00150	0.33	0.37	0.32	SNP
chr6_32611474_G_A	32611474	1.6	1.2	2.6	0.00151	0.26	0.40	0.25	SNP
chr6_32410941_C_T	32410941	0.6	0.4	0.8	0.00152	0.50	0.60	0.49	SNP
chr6_32341318_A_G	32341318	1.7	1.2	2.5	0.00152	0.28	0.41	0.26	SNP
chr6_32323731_T_C	32323731	1.9	1.2	2.8	0.00156	0.29	0.41	0.27	SNP
chr6_32363844_C_T	32363844	1.8	1.2	2.5	0.00156	0.27	0.40	0.26	SNP
chr6_32375352_A_C	32375352	1.7	1.2	2.5	0.00158	0.29	0.41	0.27	SNP
chr6_32629400_A_G	32629400	1.8	1.2	2.5	0.00159	0.37	0.50	0.35	SNP
chr6_32636380_G_C	32636380	1.7	1.2	2.5	0.00161	0.23	0.34	0.22	SNP
chr6_32635713_C_T	32635713	0.6	0.4	0.8	0.00166	0.48	0.37	0.49	SNP
chr6_31241664_G_A	31241664	2.2	1.3	3.6	0.00166	0.14	0.17	0.14	SNP
chr6_32611472_G_A	32611472	1.6	1.2	2.6	0.00169	0.26	0.40	0.25	SNP
chr6_32375374_G_A	32375374	1.7	1.2	2.5	0.00169	0.29	0.41	0.28	SNP
chr6_32605583_A_G	32605583	1.6	1.2	2.2	0.00182	0.38	0.50	0.37	SNP
chr6_31244448_G_A	31244448	0.4	0.2	0.7	0.00185	0.11	0.07	0.11	SNP
chr6_31429927_T_C	31429927	2.1	1.3	3.3	0.00187	0.17	0.19	0.16	SNP
chr6_31129310_C_T	31129310	3.0	1.5	5.8	0.00193	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31721033_G_A	31721033	3.6	1.6	8.1	0.00198	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32609094_C_T	32609094	1.7	1.2	2.5	0.00200	0.25	0.47	0.34	SNP
chr6_29892137_A_G	29892137	1.6	1.2	2.2	0.00208	0.13	0.29	0.23	SNP
chr6_31242895_T_C	31242895	1.7	1.2	2.4	0.00213	0.39	0.44	0.38	SNP
chr6_32611152_G_A	32611152	1.7	1.2	2.4	0.00214	0.21	0.34	0.20	SNP
chr6_32797488_T_C	32797488	1.6	1.2	2.2	0.00216	0.30	0.40	0.30	SNP
chr6_31243830_A_G	31243830	1.7	1.2	2.3	0.00217	0.39	0.44	0.38	SNP
chr6_31465047_G_C	31465047	3.2	1.5	2.5	0.00218	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31243979_A_T	31243979	1.9	1.3	2.9	0.00223	0.32	0.37	0.32	SNP
chr6_32376348_G_A	32376348	1.8	1.2	2.6	0.00223	0.24	0.37	0.23	SNP
chr6_29910358_C_G	29910358	1.6	1.2	2.6	0.00232	0.46	0.51	0.45	SNP
chr6_32375973_C_A	32375973	1.8	1.2	2.5	0.00232	0.24	0.37	0.23	SNP
chr6_32374131_C_G	32374131	1.7	1.2	2.5	0.00232	0.27	0.40	0.26	SNP
chr6_31708463_C_A	31708463	3.5	1.6	7.9	0.00235	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31241981_G_A	31241981	1.9	1.3	3.1	0.00236	0.13	0.14	0.13	SNP
chr6_32375330_G_A	32375330	1.7	1.2	2.4	0.00236	0.28	0.41	0.27	SNP
chr6_31244021_A_G	31244021	1.9	1.3	2.9	0.00239	0.32	0.36	0.31	SNP
chr6_32376176_C_T	32376176	1.7	1.2	2.4	0.00239	0.28	0.41	0.27	SNP
chr6_32375695_G_A	32375695	1.7	1.2	2.4	0.00239	0.28	0.41	0.27	SNP
chr6_32411035_C_A	32411035	0.6	0.4	0.8	0.00241	0.50	0.40	0.51	SNP
chr6_3252698_G_T	3252698	0.5	0.4	0.8	0.00245	0.41	0.32	0.42	SNP
chr6_32611403_G_A	32611403	1.7	1.2	2.4	0.00256	0.26	0.40	0.25	SNP
chr6_32375424_G_A	32375424	1.7	1.2	2.4	0.00256	0.29	0.41	0.28	SNP
chr6_31379115_G_A	31379115	0.6	0.4	0.8	0.00256	0.21	0.17	0.22	SNP
chr6_3253816_C_G	3253816	1.6	1.2	2.2	0.00263	0.27	0.40	0.26	SNP
chr6_32555317_C_T	32555317	0.4	0.2	0.7	0.00267	0.10	0.04	0.10	SNP
chr6_32190969_C_T	32190969	3.1	1.4	6.4	0.00269	0.01	0.04	0.01	SNP
chr6_31675765_G_A	31675765	1.7	1.2	2.4	0.00275	0.19	0.24	0.19	SNP
chr6_31243846_C_T	31243846	2.2	1.3	3.6	0.00276	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_31430065_C_T	31430065	3.1	1.5	6.6	0.00280	0.11	0.13	0.11	SNP
chr6_31237048_G_A	31237048	1.8	1.2	2.6	0.00280	0.34	0.39	0.34	SNP
chr6_31246324_A_C	31246324	2.2	1.3	3.5	0.00282	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_31269574_T_C	31269574	0.6	0.5	0.8	0.00289	0.29	0.24	0.30	SNP
chr6_32627652_C_G	32627652	1.7	1.2	2.4	0.00291	0.37	0.50	0.36	SNP
chr6_32610349_C_A	32610349	1.6	1.2	2.2	0.00294	0.44	0.54	0.43	SNP
chr6_31636742_G_A	31636742	3.3	1.5	7.2	0.00299	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_32627795_A_G	32627795	1.6	1.2	2.2	0.00301	0.47	0.57	0.46	SNP
chr6_32628420_C_T	32628420	1.7	1.2	2.5	0.00302	0.35	0.48	0.34	SNP
chr6_29901806_C_T	29901806	1.7	1.2	2.4	0.00303	0.22	0.26	0.21	SNP
chr6_31243884									

chr8_31627449_C_G	31627449	1.6	1.1	2.2	0.00460	0.18	0.23	0.18	SNP
chr8_31245796_C_T	31245796	2.1	1.2	3.4	0.00472	0.14	0.16	0.14	SNP
xHLA_2Hhd_A_02_01	29910309	0.6	0.5	0.9	0.00476	0.35	0.33	0.35	HLA (HLA)
chr8_31253409_A_C	31253409	1.6	1.2	2.3	0.00479	0.39	0.49	0.38	SNP
chr8_31237230_G_A	31237230	1.1	1.2	2.5	0.00483	0.25	0.39	0.35	SNP
chr8_31237449_C_T	31237449	1.8	1.2	2.7	0.00482	0.32	0.36	0.31	SNP
chr8_32814244_A_T	32814244	0.5	0.3	0.8	0.00487	0.11	0.05	0.11	SNP
chr8_32813279_C_A	32813279	0.5	0.3	0.8	0.00490	0.11	0.05	0.11	SNP
chr8_31601513_A_G	31601513	1.6	1.1	2.1	0.00504	0.39	0.42	0.38	SNP
chr8_32610947_A_C	32610947	0.3	0.1	0.6	0.00512	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_32411833_C_T	32411833	1.6	1.2	2.2	0.00517	0.40	0.52	0.38	SNP
chr8_29090840_A_G	29090840	1.5	1.1	1.9	0.00529	0.46	0.49	0.45	SNP
chr8_32080383_C_T	32080383	0.4	0.2	0.7	0.00532	0.08	0.03	0.09	SNP
chr8_31238318_A_G	31238318	1.7	1.2	2.5	0.00537	0.35	0.39	0.35	SNP
chr8_32786882_T_C	32786882	1.8	1.2	2.7	0.00538	0.07	0.13	0.06	SNP
chr8_32409656_G_A	32409656	1.6	1.1	2.2	0.00539	0.35	0.48	0.34	SNP
chr8_31239855_G_C	31239855	1.7	1.2	2.6	0.00539	0.36	0.41	0.35	SNP
chr8_29909070_T_C	29909070	0.7	0.5	0.9	0.00542	0.45	0.42	0.45	SNP
chr8_31709778_A_G	31709778	3.3	1.4	7.1	0.00548	0.12	0.12	0.12	SNP
chr8_31473957_C_G	31473957	2.8	1.3	5.6	0.00547	0.12	0.13	0.12	SNP
chr8_31238613_G_A	31238613	1.7	1.2	2.5	0.00552	0.35	0.39	0.34	SNP
chr8_31237323_G_A	31237323	1.7	1.2	2.5	0.00555	0.35	0.39	0.34	SNP
chr8_31635710_T_C	31635710	1.5	1.1	2.1	0.00556	0.20	0.25	0.20	SNP
chr8_31921486_A_G	31921486	3.0	1.3	6.3	0.00560	0.01	0.03	0.01	SNP
chr8_32032421_C_T	32032421	0.4	0.2	0.7	0.00566	0.11	0.05	0.12	SNP
chr8_31237162_G_T	31237162	1.7	1.2	2.5	0.00571	0.34	0.38	0.34	SNP
chr8_31243859_C_T	31243859	1.7	1.2	2.4	0.00574	0.21	0.24	0.21	SNP
chr8_31237061_T_C	31237061	1.7	1.2	2.4	0.00574	0.36	0.40	0.35	SNP
chr8_31238319_A_G	31238319	0.3	0.4	0.9	0.00575	0.10	0.09	0.10	SNP
chr8_31601520_T_C	31601520	1.6	1.1	2.3	0.00578	0.19	0.24	0.18	SNP
chr8_31321268_T_G	31321268	0.6	0.4	0.8	0.00580	0.20	0.15	0.20	SNP
chr8_31237592_A_G	31237592	1.7	1.2	2.5	0.00585	0.34	0.38	0.34	SNP
chr8_29691019_G_A	29691019	0.7	0.5	0.9	0.00586	0.44	0.46	0.44	SNP
chr8_29896852_C_T	29896852	1.6	1.1	2.2	0.00588	0.25	0.29	0.24	SNP
chr8_31237124_C_T	31237124	1.7	1.2	2.5	0.00589	0.34	0.38	0.34	SNP
chr8_29796265_G_T	29796265	2.3	1.3	4.6	0.00590	0.03	0.06	0.03	SNP
chr8_29909559_A_G	29909559	1.5	1.1	1.9	0.00602	0.46	0.49	0.45	SNP
chr8_29909447_C_G	29909447	1.5	1.1	1.9	0.00604	0.46	0.49	0.45	SNP
chr8_31278773_T_C	31278773	1.6	1.1	2.2	0.00618	0.48	0.41	0.48	SNP
chr8_32410716_G_A	32410716	1.6	1.1	2.2	0.00624	0.39	0.51	0.38	SNP
chr8_32336299_A_G	32336299	0.2	0.0	0.5	0.00626	0.05	0.01	0.05	SNP
chr8_29795913_A_T	29795913	2.5	1.2	4.6	0.00627	0.03	0.06	0.03	SNP
chr8_31602489_T_C	31602489	1.6	1.1	2.2	0.00628	0.18	0.23	0.18	SNP
chr8_32603277_G_T	32603277	0.3	0.1	0.6	0.00640	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_29913881_T_C	29913881	0.7	0.5	0.9	0.00640	0.40	0.38	0.40	SNP
chr8_31260847_C_G	31260847	0.3	0.1	0.6	0.00642	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_32606406_A_G	32606406	0.6	0.4	0.9	0.00644	0.38	0.29	0.39	SNP
chr8_31237563_T_C	31237563	1.7	1.2	2.5	0.00646	0.34	0.38	0.34	SNP
chr8_32501522_A_G	32501522	1.7	1.2	2.5	0.00646	0.23	0.30	0.23	SNP
chr8_29909924_C_G	29909924	0.7	0.5	0.9	0.00649	0.45	0.42	0.45	SNP
chr8_32782387_G_A	32782387	1.6	1.1	2.2	0.00650	0.21	0.24	0.21	SNP
chr8_31237950_T_C	31237950	1.7	1.2	2.5	0.00650	0.36	0.41	0.36	SNP
chr8_29911198_T_C	29911198	1.7	1.2	2.5	0.00651	0.41	0.38	0.41	SNP
chr8_30855211_T_G	30855211	2.3	1.3	4.3	0.00652	0.11	0.13	0.11	SNP
chr8_32606682_C_G	32606682	0.3	0.1	0.6	0.00654	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_312608142_G_T	312608142	0.7	0.5	0.9	0.00656	0.09	0.03	0.09	SNP
chr8_32606691_T_G	32606691	0.3	0.1	0.6	0.00659	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_31245821_A_G	31245821	2.0	1.2	3.3	0.00659	0.14	0.16	0.14	SNP
chr8_32604166_A_G	32604166	0.3	0.1	0.6	0.00661	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_31239548_G_A	31239548	1.6	1.1	2.2	0.00668	0.38	0.48	0.38	SNP
chr8_29910378_C_T	29910378	0.6	0.4	0.9	0.00672	0.35	0.32	0.35	SNP
chr8_31235056_C_T	31235056	2.0	1.2	3.2	0.00673	0.15	0.17	0.15	SNP
chr8_32441129_G_A	32441129	0.3	0.1	0.6	0.00675	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_32609009_T_G	32609009	0.3	0.1	0.6	0.00677	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_31237333_A_T	31237333	1.7	1.2	2.5	0.00677	0.35	0.39	0.34	SNP
chr8_30857894_G_A	30857894	2.3	1.2	4.2	0.00684	0.11	0.13	0.11	SNP
chr8_30867527_G_A	30867527	1.7	1.2	2.5	0.00684	0.41	0.43	0.41	SNP
chr8_31238524_A_G	31238524	1.7	1.2	2.5	0.00684	0.36	0.40	0.36	SNP
chr8_31237353_C_T	31237353	1.7	1.2	2.5	0.00689	0.34	0.38	0.34	SNP
chr8_32609425_C_G	32609425	0.3	0.1	0.6	0.00692	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_32603896_T_C	32603896	0.3	0.1	0.6	0.00699	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_32608435_T_C	32608435	0.3	0.1	0.6	0.00708	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_32438996_T_C	32438996	0.3	0.1	0.6	0.00709	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_32781076_C_A	32781076	0.4	0.2	0.8	0.00711	0.10	0.05	0.10	SNP
chr8_29910892_A_G	29910892	0.6	0.5	0.9	0.00718	0.44	0.40	0.44	SNP
chr8_30515043_T_C	30515043	2.1	1.2	3.6	0.00720	0.11	0.13	0.11	SNP
chr8_31244593_C_G	31244593	0.6	0.4	0.9	0.00727	0.11	0.13	0.11	SNP
chr8_31320164_A_G	31320164	1.6	1.1	2.3	0.00728	0.23	0.28	0.22	SNP
chr8_31464992_G_A	31464992	1.6	1.1	2.3	0.00738	0.29	0.34	0.28	SNP
chr8_32441046_G_A	32441046	0.3	0.1	0.6	0.00747	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_31238372_G_C	31238372	1.7	1.1	2.5	0.00749	0.35	0.38	0.34	SNP
chr8_32006337_A_C	32006337	0.6	0.4	0.9	0.00752	0.34	0.27	0.34	SNP
chr8_32628606_C_A	32628606	0.3	0.1	0.6	0.00759	0.05	0.02	0.06	SNP
chr8_31616366_G_A	31616366	1.5	1.1	2.1	0.00763	0.38	0.41	0.38	SNP
chr8_32606376_T_C	32606376	0.3	0.1	0.7	0.00765	0.06	0.02	0.06	SNP
chr8_31287722_T_C	31287722	1.5	1.1	2.1	0.00766	0.47	0.52	0.46	SNP
chr8_31611404_C_A	31611404	1.6	1.1	2.2	0.00767	0.18	0.22	0.17	SNP
chr8_30229267_G_C	30229267	2.2	1.2	3.8	0.00777	0.10	0.12	0.10	SNP
chr8_29893982_C_T	29893982	1.7	1.1	2.4	0.00781	0.19	0.22	0.19	SNP
chr8_32611145_T_A	32611145	1.6	1.1	2.2	0.00790	0.21	0.23	0.20	SNP
chr8_32598284_T_C	32598284	0.4	0.2	0.8	0.00793	0.08	0.03	0.08	SNP
chr8_31236524_G_A	31236524	1.7	1.1	2.5	0.00797	0.35	0.39	0.35	SNP
chr8_32441696_C_T	32441696	0.4	0.2	0.7	0.00801	0.07	0.03	0.07	SNP
chr8_31085356_C_G	31085356	2.5	1.2	4.8	0.00802	0.12	0.13	0.12	SNP
chr8_32557962_A_G	32557962	0.6	0.4	0.9	0.00805	0.27	0.20	0.28	SNP
chr8_32442703_G_C	32442703	0.3	0.1	0.7	0.00808	0.05	0.02	0.06	SNP
chr8_32522703_T_G	32522703	0.6	0.4	0.9	0.00814	0.40	0.32	0.41	SNP
chr8_29911061_T_C	29911061	0.6	0.5	0.9	0.00815	0.40	0.37	0.40	SNP
chr8_31238297_T_C	31238297	1.7	1.1	2.4	0.00831	0.35	0.38	0.34	SNP
xHLA_2Hdb_D8B1_13_02	32546552	0.3	0.1	0.7	0.00837	0.06	0.02	0.06	HLA (HLA)
chr8_30879436_C_C	30879436	2.4	1.2	4.5	0.00841	0.11	0.13	0.11	SNP
chr8_29911037_G_C	29911037	0.6	0.5	0.9	0.00843	0.45	0.42	0.46	SNP
chr8_32169621_T_A	32169621	0.7	0.5	0.9	0.00843	0.47	0.41	0.48	SNP
chr8_32406330_G_A	32406330	1.6	1.1	2.2	0.00845	0.35	0.47	0.34	SNP
chr8_32553662_A_G	32553662	0.6	0.4	0.9	0.00855	0.39	0.30	0.40	SNP
chr8_32193945_G_T	32193945	0.6	0.4	0.9	0.00857	0.17	0.11	0.17	SNP
chr8_32628843_C_T	32628843	0.3	0.1	0.7	0.00869	0.05	0.02	0.06	SNP
chr8_29953750_G_A	29953750	1.7	1.1	2.6	0.00869	0.14	0.17	0.14	SNP
chr8_32611373_A_G	32611373	0.6	0.4	0.9	0.00870	0.50	0.39	0.51	SNP
chr8_31464571_T_C	31464571	1.6	1.1	2.3	0.00874	0.29	0.34	0.28	SNP
chr8_31236854_T_C	31236854	2.0	1.2	3.3	0.00875	0.14	0.16	0.14	SNP
chr8_32408527_C_G	32408527	1.5	1.1	2.1	0.00878	0.35	0.47	0.34	SNP
chr8_32270222_C_A	32270222	0.3	0.1	0.6	0.00883	0.05	0.01	0.05	SNP
chr8_31236523_G_A	31236523	1.7	1.1	2.4	0.00884	0.35	0.39	0.35	SNP
chr8_32607224_C_T	32607224	0.4	0.2	0.7	0.00884	0.10	0.04	0.11	SNP

chr6_32785284_T_C	32785284	0.5	0.3	0.8	0.01090	0.10	0.05	0.10	SNP
chr6_31325241_C_G	31325241	1.7	1.1	2.5	0.01091	0.32	0.36	0.32	SNP
chr6_32261940_G_C	32261940	0.3	0.1	0.7	0.01099	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_32943345_T_C	32943345	0.7	0.5	0.9	0.01101	0.46	0.38	0.46	SNP
chr6_32405841_T_C	32405841	0.2	0.1	0.4	0.01103	0.48	0.39	0.49	SNP
chr6_29695180_G_A	29695180	1.5	1.1	2.1	0.01112	0.23	0.27	0.22	SNP
chr6_31633689_C_T	31633689	1.6	1.1	2.3	0.01118	0.18	0.22	0.18	SNP
chr6_31237802_G_A	31237802	1.6	1.1	2.4	0.01118	0.35	0.38	0.35	SNP
chr6_32559076_A_G	32559076	0.6	0.4	0.9	0.01119	0.34	0.25	0.35	SNP
chr6_31238230_C_G	31238230	1.6	1.1	2.4	0.01124	0.35	0.38	0.34	SNP
chr6_29911207_G_A	29911207	0.7	0.5	0.9	0.01125	0.41	0.39	0.41	SNP
chr6_31382932_G_A	31382932	1.3	1.1	2.1	0.01126	0.23	0.24	0.23	SNP
chr6_32373698_G_T	32373698	1.5	1.1	2.1	0.01130	0.37	0.49	0.36	SNP
chr6_31237463_G_C	31237463	1.6	1.1	2.4	0.01130	0.34	0.38	0.34	SNP
chr6_32020238_A_G	32020238	2.0	1.1	3.3	0.01132	0.17	0.22	0.16	SNP
chr6_29895644_G_A	29895644	0.7	0.5	0.9	0.01137	0.45	0.43	0.45	SNP
chr6_31325494_C_T	31325494	1.7	1.1	2.5	0.01138	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_32409305_A_G	32409305	1.5	1.1	2.1	0.01154	0.39	0.51	0.38	SNP
chr6_32607251_T_C	32607251	0.6	0.4	0.9	0.01155	0.38	0.29	0.38	SNP
xHLA_2F6L_DRB1_13_01	32546552	0.4	0.2	0.8	0.01160	0.09	0.03	0.09	HLA (HLA)
chr6_29893922_A_T	29893922	1.6	1.1	2.2	0.01165	0.20	0.23	0.20	SNP
chr6_31466547_C_T	31466547	1.6	1.1	2.4	0.01174	0.29	0.34	0.28	SNP
chr6_32036357_G_A	32036357	0.5	0.2	0.8	0.01176	0.10	0.04	0.10	SNP
chr6_32011316_G_T	32011316	0.2	0.1	0.6	0.01181	0.07	0.01	0.07	SNP
chr6_29716169_G_T	29716169	2.4	1.2	4.5	0.01187	0.02	0.05	0.02	SNP
chr6_33036900_C_G	33036900	0.3	0.1	0.7	0.01192	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_31325513_G_C	31325513	1.7	1.1	2.5	0.01203	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_29908804_G_A	29908804	0.7	0.5	0.9	0.01214	0.41	0.39	0.41	SNP
chr6_29913744_C_T	29913744	0.9	0.5	1.3	0.01218	0.40	0.39	0.41	SNP
chr6_31473844_C_T	31473844	1.6	1.1	2.2	0.01219	0.29	0.34	0.29	SNP
chr6_31238535_C_T	31238535	1.6	1.1	2.4	0.01223	0.36	0.39	0.36	SNP
chr6_32021130_C_T	32021130	2.0	1.1	3.3	0.01225	0.06	0.07	0.06	SNP
chr6_33096001_C_A	33096001	2.8	1.2	4.0	0.01225	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_29892107_C_T	29892107	1.5	1.1	2.1	0.01230	0.21	0.24	0.20	SNP
chr6_31918860_A_G	31918860	2.7	1.2	5.8	0.01231	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_29891139_G_C	29891139	1.3	1.1	2.1	0.01241	0.21	0.24	0.21	SNP
chr6_31325504_C_T	31325504	1.7	1.1	2.5	0.01241	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_31325380_T_C	31325380	1.7	1.1	2.5	0.01248	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_31278574_T_C	31278574	1.6	1.1	2.4	0.01251	0.11	0.14	0.21	SNP
chr6_32011317_C_C	32011317	0.2	0.1	0.6	0.01257	0.07	0.01	0.07	SNP
chr6_32029183_C_T	32029183	0.5	0.2	0.8	0.01258	0.09	0.04	0.10	SNP
chr6_29908469_T_C	29908469	0.7	0.5	0.9	0.01259	0.41	0.39	0.41	SNP
chr6_32605050_G_C	32605050	0.3	0.1	0.7	0.01262	0.37	0.50	0.26	SNP
chr6_29859054_C_G	29859054	0.7	0.5	0.9	0.01271	0.47	0.45	0.47	SNP
chr6_31276253_T_C	31276253	2.8	1.2	6.2	0.01273	0.12	0.11	0.12	SNP
chr6_29910371_C_G	29910371	1.5	1.1	2.1	0.01274	0.18	0.17	0.18	SNP
chr6_32605501_C_G	32605501	1.5	1.1	2.1	0.01286	0.36	0.49	0.35	SNP
chr6_32526702_C_T	32526702	0.4	0.2	0.8	0.01292	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_32407709_C_A	32407709	1.5	1.1	2.1	0.01309	0.35	0.47	0.34	SNP
chr6_30864278_C_T	30864278	2.2	1.2	4.0	0.01315	0.11	0.13	0.11	SNP
chr6_31322522_C_A	31322522	0.6	0.4	0.9	0.01318	0.17	0.14	0.17	SNP
chr6_32171683_T_C	32171683	0.7	0.5	0.9	0.01319	0.47	0.41	0.47	SNP
chr6_29908067_G_A	29908067	0.5	0.3	0.8	0.01330	0.40	0.39	0.41	SNP
chr6_32783365_T_C	32783365	0.5	0.3	0.8	0.01339	0.10	0.05	0.10	SNP
chr6_31325116_T_G	31325116	1.7	1.1	2.5	0.01351	0.34	0.37	0.33	SNP
chr6_29914011_G_C	29914011	0.9	0.5	1.3	0.01368	0.40	0.38	0.40	SNP
chr6_31657701_C_A	31657701	1.6	1.1	2.3	0.01369	0.14	0.21	0.14	SNP
chr6_29892229_T_G	29892229	1.5	1.1	2.1	0.01390	0.25	0.28	0.25	SNP
chr6_3141646_G_C	3141646	0.7	0.5	0.9	0.01394	0.47	0.39	0.48	SNP
chr6_32192617_T_C	32192617	0.7	0.5	0.9	0.01395	0.05	0.02	0.06	SNP
chr6_31237660_G_A	31237660	1.6	1.1	2.4	0.01401	0.35	0.38	0.35	SNP
chr6_31248169_C_T	31248169	2.0	1.1	3.4	0.01408	0.14	0.15	0.14	SNP
chr6_32412539_G_C	32412539	0.7	0.5	0.9	0.01408	0.27	0.39	0.48	SNP
chr6_33036717_C_G	33036717	0.6	0.4	0.9	0.01413	0.14	0.08	0.15	SNP
chr6_32412398_T_C	32412398	0.7	0.5	0.9	0.01422	0.47	0.39	0.48	SNP
chr6_29909044_G_C	29909044	0.7	0.5	0.9	0.01427	0.40	0.39	0.40	SNP
chr6_31433407_A_G	31433407	0.5	0.2	0.8	0.01437	0.09	0.04	0.10	SNP
chr6_31321327_A_G	31321327	0.6	0.5	0.9	0.01446	0.24	0.18	0.24	SNP
chr6_31474688_G_T	31474688	1.6	1.1	2.2	0.01447	0.29	0.34	0.29	SNP
chr6_29638424_A_G	29638424	0.4	0.2	0.7	0.01453	0.15	0.10	0.15	SNP
xHLA_2F6L_DQB1_02_01	32627244	2.2	1.1	4.0	0.01452	0.13	0.15	0.12	HLA (HLA)
chr6_32785029_T_C	32785029	0.5	0.3	0.8	0.01456	0.10	0.05	0.10	SNP
chr6_33053352_C_G	33053352	0.1	0.4	0.9	0.01464	0.21	0.16	0.22	SNP
chr6_33036708_C_T	33036708	0.6	0.4	0.9	0.01465	0.14	0.08	0.15	SNP
chr6_33036709_G_C	33036709	0.6	0.4	0.9	0.01465	0.14	0.08	0.15	SNP
chr6_32339498_C_G	32339498	0.3	0.1	0.7	0.01482	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_31325532_A_G	31325532	1.6	1.1	2.5	0.01485	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_31463621_G_A	31463621	1.6	1.1	2.2	0.01494	0.29	0.34	0.29	SNP
chr6_32785035_A_G	32785035	0.5	0.3	0.8	0.01494	0.10	0.05	0.10	SNP
chr6_32628098_G_C	32628098	0.7	0.5	0.9	0.01502	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_32013500_T_C	32013500	0.5	0.2	0.8	0.01511	0.10	0.05	0.10	SNP
chr6_29913912_C_T	29913912	0.7	0.5	0.9	0.01516	0.40	0.39	0.40	SNP
chr6_32946133_T_C	32946133	1.4	1.1	1.9	0.01517	0.42	0.51	0.41	SNP
chr6_31325526_A_G	31325526	1.6	1.1	2.4	0.01518	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_31325529_C_T	31325529	1.6	1.1	2.4	0.01518	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_31325521_C_G	31325521	1.6	1.1	2.4	0.01521	0.33	0.36	0.32	SNP
chr6_29712178_G_A	29712178	2.4	1.1	4.7	0.01543	0.02	0.05	0.02	SNP
chr6_29893235_C_T	29893235	0.7	0.5	0.9	0.01551	0.45	0.43	0.45	SNP
chr6_31592820_C_T	31592820	0.7	0.5	0.9	0.01552	0.34	0.31	0.34	SNP
chr6_29892233_T_C	29892233	1.5	1.1	2.0	0.01559	0.25	0.28	0.25	SNP
chr6_32412480_A_G	32412480	0.7	0.5	0.9	0.01578	0.47	0.39	0.44	SNP
chr6_29901898_C_G	29901898	0.7	0.5	0.9	0.01580	0.44	0.43	0.44	SNP
chr6_31321425_G_A	31321425	0.6	0.4	0.9	0.01585	0.21	0.17	0.21	SNP
chr6_29893403_C_G	29893403	1.6	1.1	2.5	0.01604	0.15	0.17	0.15	SNP
chr6_32812528_C_T	32812528	1.5	1.1	2.0	0.01621	0.16	0.21	0.16	SNP
chr6_31369151_G_A	31369151	0.7	0.5	0.9	0.01623	0.34	0.30	0.34	SNP
chr6_29896659_C_T	29896659	0.7	0.5	0.9	0.01636	0.45	0.43	0.45	SNP
chr6_32948426_C_G	32948426	0.5	0.3	0.9	0.01636	0.09	0.06	0.10	SNP
chr6_30524614_A_G	30524614	2.5	1.1	5.0	0.01652	0.02	0.04	0.02	SNP
chr6_32066095_T_C	32066095	0.5	0.3	0.9	0.01665	0.11	0.06	0.12	SNP
chr6_31731014_C_G	31731014	1.5	1.1	2.1	0.01665	0.17	0.21	0.17	SNP
chr6_29908426_C_T	29908426	0.7	0.5	0.9	0.01700	0.40	0.39	0.41	SNP
chr6_29713155_G_C	29713155	1.7	1.1	2.5	0.01712	0.09	0.13	0.09	SNP
chr6_31343990_G_T	31343990	0.5	0.2	0.8	0.01714	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_32029431_G_A	32029431	2.0	1.1	3.4	0.01725	0.06	0.07	0.06	SNP
chr6_29896120_G_T	29896120	0.7	0.5	0.9	0.01727	0.48	0.47	0.48	SNP
chr6_3126629_T_C	3126629	1.6	1.1	2.3	0.01728	0.34	0.37	0.34	SNP
chr6_29894960_C_G	29894960	1.5	1.1	2.0	0.01728	0.23	0.27	0.23	SNP
chr6_29693938_G_A	29693938	0.6	0.4	0.9	0.01739	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_31542308_T_C	31542308	0.6	0.4	0.9	0.01742	0.19	0.16	0.19	SNP
chr6_29691857_C_G	29691857	0.7	0.5	0.9	0.01777	0.46	0.42	0.46	SNP
chr6_31473546_G_A	31473546	1.6	1.1	2.2	0.01790	0.29	0.33	0.28	SNP
chr6_32303848_G_A	32303848	1.6	1.1	2.3	0.01792	0.24	0.34	0.23	SNP
chr6_32604212_A_C	32604212	0.6	0.4	0.9	0.01807	0.40	0.31	0.41	SNP
chr6_32491581_A_G	32491581	1.6	1.1	2.3	0.01821	0.26	0.38	0.25	SNP

chr6_31508854_T_C	31508854	1.6	1.1	2.4	0.02226	0.23	0.29	0.23	SNP
chr6_31409060_G_A	31409060	0.6	0.4	0.9	0.02236	0.22	0.16	0.23	SNP
chr6_31924880_G_A	31924880	0.5	0.2	0.9	0.02245	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_29855401_C_G	29855401	0.7	0.5	1.0	0.02247	0.43	0.41	0.43	SNP
chr6_31262020_A_G	31262020	1.5	1.1	2.0	0.02278	1.5	1.1	0.38	SNP
chr6_32550591_G_A	32550591	0.4	0.1	0.8	0.02313	0.06	0.03	0.06	SNP
chr6_33045698_G_A	33045698	0.3	0.1	0.7	0.02318	0.04	0.01	0.05	SNP
chr6_31930351_A_G	31930351	0.4	0.1	0.8	0.02333	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_31931177_C_T	31931177	0.5	0.3	0.9	0.02353	0.12	0.06	0.12	SNP
chr6_29856774_A_G	29856774	1.6	1.1	2.4	0.02364	0.14	0.17	0.14	SNP
chr6_29908659_T_C	29908659	0.7	0.5	1.0	0.02380	0.43	0.42	0.43	SNP
chr6_31462135_G_A	31462135	2.7	1.1	6.2	0.02385	0.12	0.13	0.12	SNP
chr6_31556581_T_A	31556581	0.7	0.5	0.9	0.02414	0.24	0.21	0.24	SNP
chr6_32818432_C_A	32818432	0.3	0.1	0.7	0.02430	0.04	0.01	0.04	SNP
chr6_31925921_G_A	31925921	0.3	0.1	0.8	0.02434	0.04	0.01	0.04	SNP
chr6_31919956_C_T	31919956	0.5	0.2	0.9	0.02442	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_32725271_G_A	32725271	0.6	0.4	0.9	0.02444	0.21	0.15	0.22	SNP
chr6_31709814_G_C	31709814	0.5	0.3	0.9	0.02454	0.06	0.06	0.06	SNP
chr6_31910938_G_C	31910938	0.5	0.2	0.9	0.02461	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31916951_T_C	31916951	0.5	0.2	0.9	0.02461	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31919917_T_C	31919917	0.5	0.2	0.9	0.02461	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31441100_C_A	31441100	0.6	0.4	0.9	0.02462	0.28	0.23	0.28	SNP
chr6_31910929_G_A	31910929	0.5	0.2	0.9	0.02474	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31464325_C_T	31464325	0.7	0.5	0.9	0.02481	0.30	0.22	0.30	SNP
chr6_31322303_C_G	31322303	0.7	0.5	1.0	0.02485	0.34	0.29	0.35	SNP
chr6_31921009_G_C	31921009	2.0	1.1	3.5	0.02496	0.05	0.05	0.05	SNP
chr6_29796103_T_C	29796103	1.5	1.0	2.0	0.02501	0.44	0.48	0.43	SNP
chr6_31928306_A_G	31928306	0.5	0.2	0.9	0.02504	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31929290_G_C	31929290	1.6	1.1	2.4	0.02506	0.24	0.17	0.23	SNP
chr6_32605861_A_G	32605861	0.5	0.2	0.9	0.02507	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_32035427_T_C	32035427	0.5	0.2	0.9	0.02511	0.10	0.05	0.10	SNP
chr6_32341353_G_A	32341353	1.4	1.0	2.0	0.02526	0.47	0.55	0.46	SNP
chr6_32782038_C_T	32782038	0.5	0.3	0.9	0.02539	0.10	0.06	0.10	SNP
chr6_32603405_C_T	32603405	0.5	0.2	0.9	0.02546	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_32605950_C_T	32605950	0.5	0.2	0.9	0.02546	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_32606900_A_T	32606900	0.6	0.4	0.9	0.02546	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_31380449_C_T	31380449	1.5	1.1	2.2	0.02554	0.34	0.35	0.34	SNP
chr6_32024234_G_C	32024234	3.2	1.0	8.2	0.02556	0.01	0.02	0.01	SNP
chr6_32170835_T_C	32170835	1.0	0.7	1.4	0.02558	0.37	0.48	0.36	SNP
chr6_29895604_C_G	29895604	0.7	0.6	1.0	0.02564	0.45	0.45	0.45	SNP
chr6_32409781_C_T	32409781	1.5	1.0	2.0	0.02586	0.39	0.50	0.38	SNP
chr6_31795345_G_A	31795345	0.3	0.1	0.8	0.02601	0.04	0.01	0.04	SNP
chr6_32606742_G_C	32606742	0.5	0.2	0.9	0.02612	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_32604384_G_A	32604384	0.5	0.2	0.9	0.02619	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_32376882_T_G	32376882	1.5	1.0	2.1	0.02625	0.48	0.55	0.47	SNP
chr6_31239430_C_T	31239430	0.7	0.4	1.0	0.02630	0.47	0.44	0.48	SNP
chr6_33036401_C_T	33036401	0.6	0.4	0.9	0.02632	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_29858840_A_C	29858840	1.6	1.0	2.4	0.02670	0.15	0.17	0.14	SNP
chr6_29893293_A_G	29893293	1.4	1.0	1.8	0.02691	0.47	0.48	0.47	SNP
chr6_31406976_T_C	31406976	0.5	0.2	0.9	0.02708	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_31382938_G_A	31382938	1.4	1.0	2.0	0.02727	0.23	0.23	0.23	SNP
chr6_31382942_G_C	31382942	1.4	1.0	2.0	0.02727	0.23	0.23	0.23	SNP
chr6_31593476_A_G	31593476	0.7	0.5	1.0	0.02741	0.33	0.31	0.33	SNP
chr6_31378387_T_C	31378387	1.5	1.0	2.0	0.02741	0.24	0.24	0.24	SNP
chr6_31382994_C_A	31382994	1.5	1.0	2.1	0.02767	0.18	0.18	0.18	SNP
chr6_29942527_T_C	29942527	1.5	1.0	2.1	0.02773	0.07	0.05	0.07	SNP
chr6_32029205_G_A	32029205	2.5	1.1	5.6	0.02779	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32608425_C_A	32608425	0.5	0.2	0.9	0.02780	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_31320176_C_T	31320176	0.6	0.4	0.9	0.02804	0.18	0.15	0.19	SNP
chr6_32996115_A_G	32996115	1.4	1.0	1.9	0.02807	0.43	0.46	0.43	SNP
chr6_31323233_A_G	31323233	0.7	0.5	1.0	0.02811	0.36	0.34	0.37	SNP
chr6_31239827_T_C	31239827	1.6	1.0	2.4	0.02817	0.37	0.40	0.37	SNP
chr6_31506524_C_T	31506524	1.5	1.0	2.3	0.02820	0.23	0.21	0.23	SNP
chr6_32376932_C_T	32376932	1.5	1.0	2.1	0.02827	0.48	0.55	0.47	SNP
chr6_32627700_A_G	32627700	0.6	0.4	0.9	0.02830	0.20	0.12	0.20	SNP
chr6_32607017_T_A	32607017	0.5	0.3	0.9	0.02835	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_31307865_G_A	31307865	0.7	0.5	1.0	0.02876	0.33	0.31	0.34	SNP
chr6_31590898_C_T	31590898	0.7	0.5	1.0	0.02913	0.33	0.31	0.33	SNP
chr6_29909071_G_A	29909071	1.5	1.0	2.2	0.02914	0.19	0.21	0.18	SNP
chr6_29908491_G_A	29908491	1.5	1.0	2.2	0.02918	0.23	0.21	0.18	SNP
chr6_32340176_C_T	32340176	0.6	0.4	0.9	0.02928	0.24	0.17	0.24	SNP
chr6_32412809_T_A	32412809	0.6	0.4	0.9	0.02935	0.23	0.17	0.23	SNP
chr6_29911684_C_T	29911684	1.5	1.0	2.2	0.02938	0.19	0.21	0.18	SNP
chr6_29913430_C_T	29913430	1.5	1.0	2.2	0.02942	0.18	0.20	0.18	SNP
chr6_32412592_G_A	32412592	0.6	0.4	0.9	0.02949	0.23	0.17	0.23	SNP
chr6_33054861_A_G	33054861	0.7	0.5	1.0	0.02950	0.22	0.17	0.22	SNP
chr6_32012755_G_A	32012755	1.6	1.0	2.3	0.02958	0.08	0.04	0.09	SNP
chr6_32556677_C_A	32556677	1.6	1.0	2.5	0.02962	0.10	0.16	0.10	SNP
chr6_32796793_G_A	32796793	1.6	1.0	2.3	0.02962	0.09	0.14	0.09	SNP
chr6_32400688_T_C	32400688	0.7	0.5	1.0	0.02963	0.50	0.59	0.49	SNP
chr6_32005649_A_G	32005649	0.6	0.3	0.9	0.02970	0.11	0.06	0.11	SNP
chr6_31931137_T_C	31931137	0.6	0.3	0.9	0.02978	0.12	0.07	0.13	SNP
chr6_32408772_C_G	32408772	0.6	0.4	0.9	0.02995	0.24	0.18	0.24	SNP
chr6_32410991_G_C	32410991	0.4	0.1	0.8	0.02995	0.23	0.17	0.23	SNP
chr6_33045659_T_C	33045659	0.3	0.1	0.8	0.03017	0.04	0.01	0.04	SNP
chr6_29892709_A_G	29892709	0.7	0.6	1.0	0.03038	0.50	0.51	0.50	SNP
chr6_31283236_C_G	31283236	0.7	0.5	1.0	0.03043	0.38	0.44	0.38	SNP
chr6_32819865_T_C	32819865	0.6	0.4	0.9	0.03047	0.13	0.09	0.13	SNP
chr6_33053942_T_C	33053942	0.7	0.5	1.0	0.03051	0.22	0.17	0.22	SNP
chr6_32411307_C_T	32411307	0.6	0.4	0.9	0.03052	0.23	0.17	0.23	SNP
chr6_32411566_T_A	32411566	0.6	0.4	0.9	0.03052	0.23	0.17	0.23	SNP
chr6_32709204_G_C	32709204	0.6	0.4	0.9	0.03060	0.21	0.15	0.22	SNP
chr6_29896112_C_T	29896112	1.6	1.0	2.4	0.03066	0.16	0.18	0.15	SNP
chr6_32944746_G_A	32944746	1.3	1.0	1.9	0.03092	0.42	0.50	0.42	SNP
chr6_33053812_G_C	33053812	0.7	0.5	1.0	0.03131	0.22	0.17	0.22	SNP
chr6_33036394_G_A	33036394	0.6	0.4	0.9	0.03136	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_3305396_A_G	3305396	0.7	0.5	1.0	0.03137	0.21	0.17	0.22	SNP
chr6_31465637_C_T	31465637	0.3	0.1	0.8	0.03148	0.05	0.05	0.05	SNP
chr6_32559520_C_T	32559520	1.4	1.0	2.0	0.03148	0.32	0.45	0.31	SNP
chr6_31464321_T_A	31464321	0.7	0.5	1.0	0.03157	0.30	0.23	0.30	SNP
chr6_30878557_G_A	30878557	0.5	0.3	0.9	0.03158	0.06	0.06	0.06	SNP
chr6_31325792_G_A	31325792	1.5	1.0	2.2	0.03176	0.36	0.39	0.35	SNP
chr6_32409787_T_C	32409787	1.4	1.0	2.0	0.03204	0.39	0.50	0.38	SNP
chr6_32007063_C_T	32007063	0.6	0.4	0.9	0.03211	0.27	0.20	0.27	SNP
chr6_32611759_T_G	32611759	0.5	0.3	0.9	0.03221	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_33036617_C_T	33036617	0.6	0.4	0.9	0.03225	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_2991839_G_A	2991839	1.5	1.0	2.1	0.03227	0.19	0.21	0.18	SNP
chr6_32192107_C_T	32192107	0.6	0.4	0.9	0.03235	0.14	0.10	0.14	SNP
chr6_29895929_C_G	29895929	0.7	0.6	1.0	0.03237	0.48	0.46	0.48	SNP
chr6_31466057_G_A	31466057	0.3	0.1	0.8	0.03245	0.05	0.01	0.05	SNP
chr6_31373174_C_T	31373174	0.7	0.5	1.0	0.03275	0.16	0.13	0.16	SNP
chr6_32557301_T_C	32557301	0.3	0.1	0.8	0.03295	0.04	0.01	0.04	SNP
chr6_32707585_G_A	32707585	0.6	0.4	0.9	0.03306	0.21	0.15	0.22	SNP
chr6_33033266_T_A	33033266	0.6	0.4	0.9	0.03323	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_31540429_G_C	31540429	1.4	1.0	1.9	0.03337	0.38	0.44	0.37	SNP
chr6_330366									

chr6_28692196_T_A	28692196	1.4	1.0	1.8	0.03590	0.47	0.47	0.47	SNP
chr6_32608934_A_T	32608934	0.5	0.3	0.9	0.03593	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_32306480_A_T	32306480	0.5	0.2	0.9	0.03620	0.07	0.03	0.07	SNP
chr6_31239681_T_A	31239681	1.5	1.0	2.3	0.03622	0.41	0.46	0.40	SNP
chr6_31239378_G_C	31239378	1.0	0.9	1.0	0.03626	0.50	0.52	0.50	SNP
chr6_32635605_G_A	32635605	1.4	1.0	2.0	0.03640	0.31	0.38	0.30	SNP
chr6_31379109_G_A	31379109	1.4	1.0	2.0	0.03641	0.24	0.24	0.24	SNP
chr6_32076499_G_C	32076499	0.7	0.5	1.0	0.03647	0.36	0.35	0.36	SNP
chr6_31506744_C_A	31506744	1.5	1.0	2.3	0.03649	0.23	0.29	0.23	SNP
chr6_29856693_C_T	29856693	0.8	0.6	1.0	0.03652	0.45	0.44	0.45	SNP
chr6_29912463_G_C	29912463	1.4	1.0	1.8	0.03666	0.49	0.50	0.49	SNP
chr6_29895469_G_C	29895469	1.8	1.0	2.4	0.03671	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_32609195_G_A	32609195	0.5	0.3	0.9	0.03672	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31378425_A_G	31378425	1.4	1.0	2.0	0.03688	0.24	0.24	0.24	SNP
chr6_29897259_T_A	29897259	0.8	0.6	1.0	0.03691	0.44	0.44	0.44	SNP
chr6_33045839_C_T	33045839	0.5	0.2	0.9	0.03692	0.06	0.03	0.07	SNP
chr6_29896084_A_G	29896084	0.8	0.6	1.0	0.03701	0.46	0.46	0.46	SNP
chr6_31745464_G_C	31745464	2.3	1.0	5.2	0.03715	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_32191457_G_A	32191457	0.7	0.5	1.0	0.03761	0.36	0.36	0.36	SNP
chr6_31383187_A_G	31383187	1.4	1.0	2.0	0.03726	0.23	0.23	0.23	SNP
chr6_32611215_C_T	32611215	0.5	0.3	0.9	0.03741	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_32611709_T_C	32611709	0.5	0.3	0.9	0.03741	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_29759729_C_T	29759729	2.0	1.0	3.6	0.03744	0.03	0.05	0.02	SNP
chr6_29795113_C_G	29795113	2.0	1.0	3.6	0.03746	0.03	0.05	0.02	SNP
chr6_33033390_A_T	33033390	0.6	0.4	0.9	0.03758	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_29940943_T_C	29940943	0.7	0.6	1.0	0.03761	0.36	0.36	0.36	SNP
chr6_32339925_T_A	32339925	1.3	1.0	1.8	0.03768	0.33	0.35	0.33	SNP
chr6_32610688_G_C	32610688	0.5	0.3	0.9	0.03768	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_32408842_A_G	32408842	1.6	1.0	2.4	0.03779	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_33037560_G_A	33037560	0.6	0.3	0.9	0.03794	0.12	0.07	0.12	SNP
chr6_32610696_G_A	32610696	0.5	0.3	0.9	0.03814	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_33053468_G_C	33053468	0.7	0.5	1.0	0.03820	0.27	0.22	0.28	SNP
chr6_33130863_T_C	33130863	2.2	1.0	4.6	0.03832	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31383108_T_C	31383108	1.4	1.0	2.0	0.03846	0.23	0.23	0.23	SNP
chr6_32411376_T_G	32411376	0.6	0.4	1.0	0.03848	0.22	0.17	0.23	SNP
chr6_32365505_G_C	32365505	1.4	1.0	1.8	0.03855	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_32193220_A_G	32193220	0.7	0.5	1.0	0.03857	0.33	0.26	0.34	SNP
chr6_32193698_A_T	32193698	0.7	0.5	1.0	0.03857	0.33	0.26	0.34	SNP
chr6_32192978_T_A	32192978	1.6	1.0	2.4	0.03863	0.10	0.14	0.10	SNP
chr6_29896108_A_T	29896108	1.6	1.0	2.4	0.03871	0.15	0.17	0.15	SNP
chr6_32610300_C_T	32610300	0.5	0.3	0.9	0.03875	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31850813_T_C	31850813	0.4	0.1	0.9	0.03888	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_33045839_C_T	33045839	0.5	0.2	0.9	0.03898	0.06	0.03	0.07	SNP
chr6_33158020_C_T	33158020	1.6	1.0	2.4	0.03921	0.12	0.14	0.12	SNP
chr6_29896275_G_C	29896275	0.7	0.6	1.0	0.03922	0.46	0.45	0.46	SNP
chr6_32377116_C_G	32377116	1.0	0.9	1.0	0.03928	0.48	0.54	0.47	SNP
chr6_32005048_C_G	32005048	0.4	0.1	0.9	0.03974	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_32786516_C_T	32786516	0.5	0.3	0.9	0.03984	0.08	0.04	0.08	SNP
chr6_29909391_C_A	29909391	1.6	1.0	2.4	0.03986	0.08	0.11	0.08	SNP
chr6_29909409_C_T	29909409	1.6	1.0	2.4	0.03986	0.08	0.11	0.08	SNP
chr6_31508761_T_C	31508761	1.5	1.0	2.3	0.03989	0.24	0.29	0.23	SNP
chr6_32490708_C_A	32490708	2.4	1.0	5.2	0.03993	0.02	0.03	0.01	SNP
chr6_31657741_C_G	31657741	1.0	1.0	1.0	0.04001	0.27	0.31	0.27	SNP
chr6_31601735_G_A	31601735	0.5	0.2	0.9	0.04006	0.06	0.03	0.06	SNP
chr6_32608967_A_G	32608967	0.5	0.3	0.9	0.04010	0.09	0.05	0.10	SNP
chr6_29909426_T_C	29909426	1.6	1.0	2.4	0.04012	0.08	0.11	0.08	SNP
chr6_31383083_G_A	31383083	1.4	1.0	2.0	0.04023	0.23	0.23	0.23	SNP
chr6_32783406_G_A	32783406	0.5	0.3	0.9	0.04026	0.08	0.04	0.08	SNP
chr6_32783450_G_C	32783450	0.5	0.3	0.9	0.04026	0.08	0.04	0.08	SNP
chr6_31383077_T_C	31383077	1.4	1.0	2.0	0.04026	0.23	0.23	0.23	SNP
chr6_32409242_C_A	32409242	0.7	0.5	1.0	0.04038	0.44	0.32	0.45	SNP
chr6_33033235_G_C	33033235	0.6	0.4	1.0	0.04043	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_33077588_A_T	33077588	1.9	1.0	1.5	0.04052	0.06	0.07	0.06	SNP
chr6_32006791_G_A	32006791	0.4	0.1	0.9	0.04053	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_33037878_G_A	33037878	0.6	0.4	1.0	0.04071	0.14	0.08	0.14	SNP
chr6_31723088_C_T	31723088	2.4	1.0	5.5	0.04105	0.01	0.03	0.01	SNP
chr6_31322047_A_G	31322047	0.7	0.4	1.0	0.04108	0.15	0.14	0.16	SNP
chr6_29895945_A_T	29895945	2.6	0.9	6.2	0.04135	0.01	0.02	0.01	SNP
chr6_33045835_A_G	33045835	0.5	0.2	0.9	0.04145	0.06	0.03	0.07	SNP
chr6_31925567_G_C	31925567	1.6	1.0	2.4	0.04172	0.05	0.02	0.05	SNP
chr6_31708910_T_C	31708910	0.6	0.3	1.0	0.04181	0.07	0.07	0.07	SNP
chr6_32725832_A_G	32725832	0.6	0.4	1.0	0.04187	0.21	0.14	0.21	SNP
chr6_32005664_C_T	32005664	1.8	1.0	3.1	0.04196	0.06	0.06	0.06	SNP
chr6_32635629_G_A	32635629	1.6	1.0	2.3	0.04213	0.22	0.29	0.22	SNP
chr6_32192331_G_A	32192331	1.4	1.0	1.9	0.04215	0.47	0.57	0.46	SNP
chr6_31542476_C_A	31542476	0.7	0.5	1.0	0.04226	0.16	0.14	0.16	SNP
chr6_29858253_G_A	29858253	1.6	1.0	2.4	0.04237	0.14	0.16	0.14	SNP
chr6_32376788_C_T	32376788	1.4	1.0	2.0	0.04246	0.45	0.52	0.44	SNP
chr6_32782149_G_C	32782149	0.5	0.3	0.9	0.04258	0.08	0.04	0.08	SNP
chr6_33036177_A_G	33036177	0.6	0.4	1.0	0.04287	0.15	0.09	0.15	SNP
chr6_32297209_G_C	32297209	0.5	0.2	0.9	0.04311	0.07	0.04	0.07	SNP
chr6_32816958_A_G	32816958	1.3	1.0	1.8	0.04355	0.38	0.40	0.37	SNP
chr6_29896999_C_T	29896999	1.6	1.0	2.5	0.04386	0.15	0.17	0.15	SNP
chr6_29942945_G_C	29942945	0.7	0.5	1.0	0.04414	0.34	0.34	0.34	SNP
chr6_31464739_G_A	31464739	0.7	0.5	1.0	0.04413	0.30	0.24	0.30	SNP
chr6_29942673_T_G	29942673	0.7	0.6	1.0	0.04414	0.35	0.35	0.35	SNP
chr6_29973526_T_C	29973526	1.9	1.0	3.0	0.04415	0.35	0.35	0.35	SNP
chr6_32731313_T_A	32731313	0.6	0.4	1.0	0.04430	0.21	0.14	0.21	SNP
chr6_33039484_A_G	33039484	0.6	0.4	1.0	0.04443	0.14	0.09	0.15	SNP
chr6_31348400_T_C	31348400	0.4	0.1	0.9	0.04460	0.04	0.02	0.04	SNP
chr6_33053477_G_C	33053477	0.7	0.5	1.0	0.04469	0.17	0.22	0.18	SNP
chr6_33476718_T_C	33476718	0.8	0.6	1.0	0.04469	0.35	0.30	0.36	SNP
chr6_29942083_C_T	29942083	0.7	0.6	1.0	0.04484	0.35	0.35	0.35	SNP
chr6_31397809_C_T	31397809	1.9	1.0	2.1	0.04490	0.11	0.16	0.11	SNP
chr6_31785228_C_G	31785228	0.6	0.4	1.0	0.04507	0.28	0.23	0.28	SNP
chr6_33045896_A_G	33045896	0.4	0.1	0.9	0.04519	0.04	0.01	0.04	SNP
chr6_32439753_T_A	32439753	0.7	0.5	1.0	0.04520	0.31	0.24	0.32	SNP
chr6_33033313_G_C	33033313	0.6	0.4	1.0	0.04526	0.12	0.07	0.12	SNP
chr6_32608350_G_A	32608350	0.5	0.3	0.9	0.04535	0.10	0.05	0.10	SNP
chr6_29944131_G_C	29944131	0.7	0.6	1.0	0.04536	0.35	0.35	0.35	SNP
chr6_29891825_T_C	29891825	1.3	1.0	1.7	0.04552	0.48	0.48	0.48	SNP
chr6_29892217_T_C	29892217	1.4	1.0	1.9	0.04555	0.25	0.28	0.25	SNP
chr6_31540141_C_A	31540141	1.4	1.0	1.9	0.04560	0.38	0.44	0.38	SNP
chr6_31151420_G_C	31151420	0.5	0.3	0.9	0.04586	0.07	0.04	0.07	SNP
chr6_33045891_C_T	33045891	0.4	0.1	0.9	0.04606	0.04	0.01	0.04	SNP
chr6_32826450_T_C	32826450	0.7	0.6	1.0	0.04624	0.45	0.39	0.46	SNP
chr6_29896967_C_T	29896967	1.4	1.0	2.1	0.04642	0.19	0.22	0.19	SNP
chr6_31906965_C_T	31906965	0.5	0.3	1.0	0.04646	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_29942842_C_A	29942842	0.7	0.5	1.0	0.04661	0.34	0.34	0.34	SNP
chr6_31905130_G_A	31905130	0.5	0.3	1.0	0.04667	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31905328_G_C	31905328	0.5	0.3	1.0	0.04667	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31907147_T_C	31907147	0.5	0.3	1.0	0.04667	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31907168_C_T	31907168	0.5	0.3	1.0	0.04667	0.09	0.04	0.09	SNP
chr6_31365707_G_A	31365707	0.7	0.5	1.0	0.04671	0.34	0.32	0.34	SNP
chr6_32030692_T_A	32030692	2.1	1.0	4.4	0.04676	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_31475127_G_A	31475127	1.4	1.0	2.1	0.04703	0.28	0.32	0.28	SNP
chr6_32188713_C_G	32188713								



**Supplementary Table 6.** Association analysis of pulmonary involvement in all AAV patients versus controls, adjusting for sex and genetic structure (principal components 1-4).

Variant	position	OR	CI lower	CI upper	p	MAF	MAF cases	MAF controls	MAF	MAF	MAF	Type (SNP, HLA)
chr8_32943151_C_T	32943151	1.70	1.32	2.20	5.35E-05	0.39	0.44	0.34	0.34	0.34	SNP	
chr8_32943145_C_T	32943145	1.61	1.26	2.08	0.00018	0.44	0.48	0.44	0.44	0.39	SNP	
chr8_31323416_G_C	31323416	0.27	0.12	0.56	0.00059	0.13	0.13	0.15	0.15	0.15	SNP	
chr8_32942302_A_G	32942302	1.58	1.22	2.05	0.00066	0.39	0.43	0.35	0.35	0.35	SNP	
chr8_31233046_C_T	31233046	0.28	0.12	0.58	0.00088	0.12	0.13	0.14	0.14	0.14	SNP	
chr8_32012817_C_T	32012817	2.48	1.47	4.31	0.00091	0.08	0.11	0.06	0.06	0.06	SNP	
chr8_31222790_T_A	31222790	0.29	0.14	0.61	0.00115	0.13	0.12	0.14	0.14	0.14	SNP	
chr8_31293210_C_T	31293210	0.31	0.15	0.65	0.00234	0.12	0.13	0.14	0.14	0.14	SNP	
chr8_31430010_G_A	31430010	0.30	0.13	0.66	0.00322	0.13	0.12	0.14	0.14	0.14	SNP	
chr8_33048640_A_G	33048640	0.51	0.32	0.80	0.00372	0.10	0.07	0.13	0.13	0.13	SNP	
chr8_31239227_T_C	31239227	0.50	0.31	0.80	0.00383	0.39	0.37	0.42	0.42	0.42	SNP	
chr8_32943407_A_T	32943407	0.39	0.20	0.73	0.00395	0.08	0.07	0.10	0.10	0.10	SNP	
chr8_31430065_C_T	31430065	0.32	0.14	0.69	0.00417	0.13	0.12	0.14	0.14	0.14	SNP	
chr8_33048663_G_A	33048663	0.49	0.30	0.80	0.00486	0.08	0.06	0.11	0.11	0.11	SNP	
chr8_31326703_T_C	31326703	0.33	0.15	0.71	0.00499	0.13	0.13	0.14	0.14	0.14	SNP	
chr8_33050078_A_G	33050078	0.57	0.38	0.84	0.00559	0.10	0.07	0.13	0.13	0.13	SNP	
chr8_33050079_C_G	33050079	0.57	0.38	0.84	0.00559	0.10	0.07	0.13	0.13	0.13	SNP	
chr8_31326074_A_T	31326074	0.34	0.15	0.72	0.00561	0.13	0.12	0.13	0.13	0.13	SNP	
chr8_33048628_A_C	33048628	0.47	0.27	0.80	0.00618	0.07	0.05	0.09	0.09	0.09	SNP	
chr8_33048661_A_G	33048661	0.50	0.30	0.81	0.00620	0.08	0.06	0.11	0.11	0.11	SNP	
chr8_33545340_G_A	33545340	0.64	0.46	0.88	0.00680	0.23	0.19	0.27	0.27	0.27	SNP	
chr8_33071777_A_G	33071777	0.55	0.35	0.84	0.00699	0.09	0.06	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_32944746_C_T	32944746	0.71	0.55	0.91	0.00711	0.46	0.43	0.50	0.50	0.50	SNP	
chr8_32946133_C_T	32946133	0.71	0.55	0.91	0.00755	0.46	0.43	0.50	0.50	0.50	SNP	
chr8_33050089_G_A	33050089	0.58	0.39	0.86	0.00798	0.10	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33055079_A_G	33055079	0.59	0.39	0.87	0.00819	0.10	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_32939894_T_G	32939894	1.90	1.19	3.08	0.00819	0.10	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33050107_G_A	33050107	0.58	0.39	0.87	0.00843	0.10	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33047432_A_C	33047432	0.60	0.40	0.87	0.00846	0.10	0.08	0.13	0.13	0.13	SNP	
chr8_33053455_C_T	33053455	0.55	0.38	0.82	0.00885	0.10	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
HLA_2F8D1_D0B1_D03	32627244	2.46	1.29	5.04	0.00893	0.05	0.07	0.03	0.03	0.03	HLA (HLA)	
chr8_31465661_G_C	31465661	1.46	1.10	1.95	0.00951	0.38	0.41	0.34	0.34	0.34	SNP	
chr8_33071754_C_A	33071754	0.27	0.37	0.87	0.00966	0.09	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_32917544_C_T	32917544	1.78	1.16	2.80	0.01008	0.09	0.11	0.07	0.07	0.07	SNP	
chr8_33050279_A_G	33050279	0.61	0.41	0.89	0.01125	0.10	0.08	0.13	0.13	0.13	SNP	
chr8_33049511_C_T	33049511	0.61	0.41	0.89	0.01131	0.10	0.08	0.13	0.13	0.13	SNP	
chr8_33050232_T_G	33050232	0.60	0.40	0.89	0.01140	0.10	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33050148_C_A	33050148	0.59	0.38	0.88	0.01173	0.09	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33048599_C_A	33048599	0.63	0.43	0.93	0.01223	0.09	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_31669496_C_T	31669496	1.76	1.14	2.77	0.01269	0.09	0.12	0.07	0.07	0.07	SNP	
chr8_33166034_G_C	33166034	0.59	0.38	0.89	0.01274	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33046152_C_G	33046152	0.50	0.30	0.86	0.01276	0.06	0.04	0.08	0.08	0.08	SNP	
chr8_33055123_A_G	33055123	0.61	0.40	0.90	0.01283	0.10	0.08	0.13	0.13	0.13	SNP	
HLA_2F8D1_D0B1_D01	33043767	1.33	1.06	1.68	0.01283	0.34	0.30	0.38	0.38	0.38	HLA (HLA)	
chr8_33071708_G_A	33071708	0.53	0.37	0.82	0.01283	0.09	0.07	0.11	0.11	0.11	SNP	
chr8_31473746_G_A	31473746	0.38	0.18	0.81	0.01286	0.13	0.13	0.14	0.14	0.14	SNP	
chr8_32627818_A_C	32627818	0.66	0.47	0.91	0.01290	0.28	0.26	0.31	0.31	0.31	SNP	
chr8_31367442_G_C	31367442	0.37	0.17	0.82	0.01459	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33048380_G_A	33048380	0.51	0.30	0.86	0.01308	0.06	0.04	0.08	0.08	0.08	SNP	
chr8_33050223_A_G	33050223	0.61	0.41	0.90	0.01309	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33050024_C_A	33050024	0.62	0.41	0.90	0.01311	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33050045_T_C	33050045	0.61	0.41	0.90	0.01314	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33050179_A_G	33050179	0.61	0.40	0.90	0.01332	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33050168_C_A	33050168	0.61	0.40	0.90	0.01339	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33050168_C_A	33050168	0.61	0.40	0.90	0.01348	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33047031_C_T	33047031	0.61	0.41	0.90	0.01354	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053477_C_G	33053477	0.60	0.39	0.90	0.01384	0.09	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053307_C_T	33053307	0.60	0.40	0.90	0.01399	0.10	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33050185_C_A	33050185	0.61	0.41	0.90	0.01402	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33050125_C_A	33050125	0.59	0.38	0.89	0.01433	0.09	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33071600_C_A	33071600	0.59	0.38	0.89	0.01437	0.09	0.07	0.11	0.11	0.11	SNP	
chr8_33160425_G_T	33160425	0.60	0.40	0.90	0.01441	0.09	0.07	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_31085356_C_T	31085356	0.41	0.19	0.83	0.01467	0.13	0.13	0.13	0.13	0.13	SNP	
chr8_33053682_A_G	33053682	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053772_G_A	33053772	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053780_A_G	33053780	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053789_G_A	33053789	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053868_A_G	33053868	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053871_G_C	33053871	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053877_G_C	33053877	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053887_A_G	33053887	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053890_A_G	33053890	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33053892_A_G	33053892	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054091_C_T	33054091	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054141_C_T	33054141	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054142_G_C	33054142	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054148_C_T	33054148	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054149_G_C	33054149	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054152_A_G	33054152	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054155_C_T	33054155	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054156_C_A	33054156	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054331_C_T	33054331	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054235_T_G	33054235	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054268_A_G	33054268	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054302_T_C	33054302	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054325_C_G	33054325	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054331_T_C	33054331	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054457_G_A	33054457	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054500_G_A	33054500	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054579_C_T	33054579	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054586_G_C	33054586	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054595_C_T	33054595	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054619_G_A	33054619	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054656_A_G	33054656	0.62	0.42	0.91	0.01479	0.10	0.08	0.12	0.12	0.12	SNP	
chr8_33054675_C_G	33054675	0.62	0.42	0.9								

chr	SNP	r2	CI	r2	CI	r2	CI	r2	CI	r2	CI	SNP
chr3	33050196_G_C	0.63	0.42	0.93	0.02220	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33053396_A_G	0.58	0.37	0.92	0.02227	0.07	0.06	0.09				SNP
chr3	30796545_T_C	0.51	0.28	0.90	0.02247	0.13	0.13	0.14				SNP
chr3	30229508_C_T	1.99	1.12	3.70	0.02257	0.05	0.07	0.03				SNP
chr3	31765984_G_A	0.39	0.17	0.87	0.02279	0.12	0.11	0.13				SNP
HLA_2F6H_B_08_01	31321652	0.44	0.21	0.88	0.02289	0.13	0.13	0.14				HLA(HLA)
chr3	33050499_A_G	0.63	0.42	0.94	0.02327	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	31326082_C_T	1.42	1.05	1.91	0.02352	0.25	0.28	0.22				SNP
chr3	32185796	2.24	1.14	4.69	0.02356	0.04	0.05	0.02				SNP
chr3	33054413_T_G	0.64	0.43	0.94	0.02361	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33054414_T_A	0.64	0.43	0.94	0.02362	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33041064_C_A	0.56	0.33	0.92	0.02376	0.06	0.04	0.08				SNP
chr3	33054342_T_A	0.64	0.43	0.94	0.02378	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33054373_C_G	0.64	0.43	0.94	0.02378	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33054381_T_C	0.64	0.43	0.94	0.02378	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33054386_C_T	0.64	0.43	0.94	0.02378	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	31239708_G_A	1.24	1.07	2.58	0.02384	0.10	0.13	0.08				SNP
chr3	31323353_G_A	1.38	1.05	1.84	0.02400	0.40	0.43	0.36				SNP
chr3	33053902_A_G	0.64	0.43	0.94	0.02502	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33053906_C_T	0.64	0.43	0.94	0.02502	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	31465047_G_T	0.42	0.20	0.89	0.02520	0.13	0.13	0.13				SNP
chr3	31323233_A_G	1.39	1.04	1.86	0.02543	0.40	0.43	0.36				SNP
chr3	32621893_A_G	0.68	0.48	0.95	0.02593	0.27	0.25	0.30				SNP
chr3	33048457_C_G	0.62	0.41	0.94	0.02615	0.09	0.07	0.11				SNP
chr3	33048461_T_A	0.62	0.41	0.94	0.02637	0.09	0.07	0.11				SNP
chr3	33050973_G_C	0.64	0.43	0.95	0.02661	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	31239449_C_G	0.53	0.30	0.92	0.02679	0.17	0.16	0.19				SNP
chr3	32166384_G_A	1.78	1.08	3.02	0.02706	0.07	0.09	0.05				SNP
chr3	33048459_T_G	0.63	0.43	0.95	0.02727	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	29971636_G_C	1.96	1.10	3.66	0.02751	0.05	0.07	0.03				SNP
chr3	33050203_C_G	0.64	0.43	0.95	0.02758	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	32622772_G_A	1.55	1.06	2.30	0.02764	0.12	0.10	0.10				SNP
chr3	33049979_A_G	0.65	0.44	0.95	0.02765	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33049983_C_T	0.65	0.44	0.95	0.02765	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	31603555_C_A	1.18	1.08	1.68	0.02766	0.07	0.08	0.05				SNP
chr3	31325745_C_T	0.73	0.55	0.97	0.02816	0.50	0.52	0.47				SNP
chr3	32078373_A_C	0.64	0.43	0.95	0.02866	0.11	0.09	0.14				SNP
chr3	33050936_C_G	0.58	0.35	0.94	0.02892	0.06	0.05	0.08				SNP
chr3	32169145_G_A	1.79	1.07	3.07	0.02907	0.07	0.08	0.05				SNP
chr3	31325116_T_G	0.63	0.41	0.95	0.02932	0.36	0.34	0.39				SNP
chr3	31321267_A_G	0.44	0.21	0.92	0.02945	0.13	0.13	0.14				SNP
chr3	31478957_C_G	0.43	0.20	0.92	0.02954	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33052958_C_T	0.64	0.43	0.95	0.02959	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	31520204_C_T	2.24	1.11	4.80	0.02977	0.04	0.05	0.03				SNP
chr3	33054400_T_C	0.64	0.43	0.95	0.02988	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33054404_A_G	0.65	0.43	0.95	0.02988	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33054410_T_G	0.65	0.43	0.95	0.02988	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	32611467_G_C	0.65	0.44	0.96	0.03015	0.28	0.26	0.30				SNP
HLA_2F6H_D8B1_04_04	32546552	0.62	0.40	0.95	0.03029	0.09	0.07	0.12				HLA(HLA)
chr3	31474000_C_T	0.72	0.53	0.97	0.03070	0.34	0.33	0.36				SNP
chr3	31299443_C_T	1.65	1.05	2.67	0.03133	0.11	0.12	0.09				SNP
chr3	33053167_C_G	0.65	0.44	0.96	0.03133	0.10	0.08	0.13				SNP
chr3	32439964_G_A	1.48	1.04	2.14	0.03155	0.34	0.35	0.33				SNP
chr3	33053352_C_G	0.64	0.38	0.95	0.03211	0.07	0.06	0.09				SNP
chr3	32180431_A_T	1.76	1.06	3.00	0.03219	0.07	0.09	0.05				SNP
chr3	32628195_A_G	0.54	0.30	0.94	0.03227	0.05	0.03	0.07				SNP
chr3	31236854_C_G	0.54	0.27	0.94	0.03231	0.15	0.14	0.15				SNP
chr3	31478986_C_T	0.72	0.54	0.97	0.03233	0.34	0.33	0.35				SNP
chr3	33050144_C_T	0.58	0.35	0.95	0.03255	0.06	0.05	0.08				SNP
chr3	33039825_C_G	0.68	0.48	0.98	0.03274	0.12	0.10	0.14				SNP
chr3	33050463_C_G	0.58	0.35	0.95	0.03280	0.06	0.05	0.08				SNP
chr3	32190217_C_T	1.43	1.03	1.99	0.03317	0.29	0.32	0.25				SNP
chr3	32467170_G_A	0.73	0.54	0.98	0.03344	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33050394_G_A	0.58	0.35	0.95	0.03393	0.06	0.05	0.08				SNP
chr3	31591928_G_A	1.43	1.03	1.99	0.03434	0.37	0.40	0.34				SNP
chr3	31325115_G_A	0.73	0.54	0.98	0.03447	0.07	0.06	0.09				SNP
chr3	32904981_A_G	1.40	1.03	1.91	0.03441	0.21	0.23	0.19				SNP
chr3	32629403_C_T	0.68	0.47	0.97	0.03442	0.23	0.21	0.25				SNP
chr3	31545711_A_G	1.76	1.06	3.00	0.03462	0.07	0.08	0.05				SNP
chr3	31325494_C_T	0.65	0.43	0.97	0.03462	0.36	0.34	0.38				SNP
chr3	31325504_C_T	0.65	0.43	0.97	0.03462	0.36	0.34	0.38				SNP
chr3	31325513_C_G	0.65	0.43	0.97	0.03462	0.36	0.34	0.38				SNP
chr3	31325521_C_G	0.65	0.43	0.97	0.03462	0.36	0.34	0.38				SNP
chr3	31325526_A_G	0.65	0.43	0.97	0.03462	0.36	0.34	0.38				SNP
chr3	31325529_C_T	0.65	0.43	0.97	0.03462	0.36	0.34	0.38				SNP
chr3	31325532_A_G	0.65	0.43	0.97	0.03462	0.36	0.34	0.38				SNP
chr3	32489964_G_A	1.77	1.06	3.07	0.03473	0.08	0.10	0.05				SNP
chr3	32151443_C_T	1.80	1.05	2.78	0.03475	0.05	0.06	0.06				SNP
chr3	29898945_A_G	0.35	0.12	0.89	0.03529	0.02	0.01	0.03				SNP
chr3	29913698_G_C	0.64	0.41	0.97	0.03617	0.08	0.06	0.10				SNP
chr3	32627450_A_G	1.42	1.02	1.98	0.03634	0.36	0.40	0.32				SNP
chr3	31382943_G_A	1.58	1.03	2.44	0.03647	0.10	0.09	0.09				SNP
chr3	32489960_G_A	1.76	1.06	3.06	0.03649	0.08	0.10	0.05				SNP
chr3	32605485_C_T	0.66	0.44	0.97	0.03726	0.31	0.29	0.32				SNP
chr3	33050521_G_C	0.65	0.43	0.97	0.03751	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	33396641_A_G	1.36	1.02	1.83	0.03759	0.24	0.27	0.21				SNP
chr3	31326072_G_A	1.45	1.02	2.07	0.03773	0.15	0.17	0.13				SNP
chr3	32190038_G_A	0.57	0.33	0.93	0.03831	0.18	0.18	0.20				SNP
chr3	33050525_T_C	0.65	0.44	0.97	0.03844	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	32996001_C_A	0.41	0.17	0.95	0.03888	0.13	0.13	0.14				SNP
chr3	32633811_C_T	1.82	1.05	3.29	0.03915	0.05	0.06	0.03				SNP
chr3	32802820_C_T	1.31	1.01	1.71	0.03931	0.37	0.39	0.35				SNP
chr3	31463790_T_C	0.73	0.54	0.98	0.03939	0.34	0.33	0.35				SNP
chr3	31327776_C_G	1.46	1.02	1.83	0.03944	0.14	0.26	0.21				SNP
chr3	33050526_C_T	0.66	0.44	0.98	0.03985	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	32808031_A_G	0.41	0.17	0.95	0.03996	0.12	0.12	0.12				SNP
chr3	32803999_A_G	0.41	0.18	0.95	0.04000	0.03	0.01	0.03				SNP
chr3	32627480_G_A	0.71	0.51	0.98	0.04073	0.46	0.45	0.49				SNP
chr3	32500957_A_G	0.57	0.33	0.97	0.04076	0.15	0.15	0.16				SNP
chr3	32945330_C_G	1.62	1.03	2.60	0.04079	0.08	0.07	0.08				SNP
chr3	31464365_G_C	0.73	0.54	0.99	0.04077	0.34	0.33	0.36				SNP
chr3	32516538_C_T	1.80	1.04	3.20	0.04078	0.06	0.07	0.04				SNP
chr3	33052552_G_C	0.65	0.42	0.98	0.04086	0.10	0.08	0.12				SNP
chr3	31467365_C_T	0.73	0.54	0.99	0.04102	0.34	0.33	0.35				SNP
chr3	33239869_C_T	0.67	0.46	0.98	0.04107	0.11	0.09	0.13				SNP
chr3	31326055_G_A	1.44	1.02	2.02	0.04185	0.15	0.17	0.13				SNP
chr3	30552937_C_A	0.76	0.58	0.99	0.04195	0.40	0.37	0.43				SNP
chr3	32325562_G_A	0.43	0.19	0.96	0.04202	0.12	0.12	0.12				SNP
chr3	32180146_G_A	0.57	0.33	0.98	0.04213	0.07	0.05	0.10				SNP

**Supplementary Table 7.** Association analysis of ear-nose- and throat involvement in all AAV patients versus controls, adjusting for sex and genetic structure (principal components 1-4).

Variant	position	OR	CI lower	CI upper	p	MAF	MAF cases	MAF controls	Type (SNP)
chr6_33053455_C_T	33053455	0.33	0.22	0.50	2.45E-07	0.10	0.06	0.16	SNP
chr6_33053399_T_C	33053399	0.34	0.22	0.51	3.83E-07	0.10	0.06	0.17	SNP
chr6_33053477_G_C	33053477	0.34	0.22	0.52	5.77E-07	0.09	0.06	0.16	SNP
chr6_33052986_T_C	33052986	0.36	0.24	0.53	5.91E-07	0.10	0.06	0.17	SNP
chr6_33053723_T_C	33053723	0.36	0.24	0.53	5.91E-07	0.10	0.06	0.17	SNP
chr6_33053728_C_T	33053728	0.36	0.24	0.53	5.91E-07	0.10	0.06	0.17	SNP
chr6_33053468_G_T	33053468	0.35	0.22	0.53	9.98E-07	0.09	0.06	0.16	SNP
chr6_33050499_A_G	33050499	0.36	0.24	0.54	1.01E-06	0.10	0.06	0.17	SNP
xHLA_2field_DRB1_04_04	32546552	0.33	0.21	0.51	1.04E-06	0.09	0.06	0.16	HLA (HLA)
chr6_33050148_T_C	33050148	0.35	0.23	0.53	1.24E-06	0.09	0.06	0.16	SNP
chr6_33071754_C_A	33071754	0.34	0.21	0.52	1.36E-06	0.09	0.06	0.15	SNP
chr6_33050118_C_T	33050118	0.35	0.23	0.54	1.41E-06	0.09	0.06	0.16	SNP
chr6_33055009_C_A	33055009	0.38	0.25	0.56	1.50E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33053682_G_A	33053682	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33053772_G_A	33053772	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33053780_T_A	33053780	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33053789_A_G	33053789	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33053868_A_G	33053868	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33053871_A_G	33053871	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33053877_G_A	33053877	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33053887_A_G	33053887	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33053890_G_A	33053890	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33053902_C_T	33053902	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054091_C_T	33054091	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054141_T_C	33054141	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054142_G_C	33054142	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054148_C_T	33054148	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054149_T_C	33054149	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054152_A_G	33054152	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054155_C_T	33054155	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054156_A_G	33054156	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054231_C_T	33054231	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054235_T_G	33054235	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054268_C_A	33054268	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054280_T_C	33054280	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054281_G_A	33054281	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054302_T_C	33054302	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054325_G_C	33054325	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054331_T_C	33054331	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054457_A_G	33054457	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054550_G_A	33054550	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054579_C_T	33054579	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054586_A_G	33054586	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054595_C_T	33054595	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054619_G_A	33054619	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054656_A_C	33054656	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054675_C_G	33054675	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054683_A_G	33054683	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054687_G_A	33054687	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054711_G_T	33054711	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054721_C_T	33054721	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054807_C_T	33054807	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054890_C_T	33054890	0.38	0.25	0.56	1.63E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33055047_A_G	33055047	0.38	0.25	0.56	1.76E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33050473_A_G	33050473	0.37	0.25	0.55	1.80E-06	0.10	0.06	0.16	SNP
chr6_33052958_C_T	33052958	0.37	0.24	0.55	1.81E-06	0.10	0.06	0.16	SNP
chr6_33050279_A_G	33050279	0.38	0.26	0.56	1.87E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33050078_A_G	33050078	0.37	0.25	0.55	1.96E-06	0.10	0.06	0.16	SNP
chr6_33050079_C_G	33050079	0.37	0.25	0.56	1.96E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33050125_G_A	33050125	0.36	0.23	0.55	2.09E-06	0.09	0.06	0.15	SNP
chr6_33055123_A_G	33055123	0.37	0.25	0.56	2.21E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33049211_C_T	33049211	0.38	0.25	0.57	2.22E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_33054046_T_G	33054046	0.38	0.25	0.57	2.38E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33054057_G_A	33054057	0.38	0.25	0.57	2.38E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33054071_G_A	33054071	0.38	0.25	0.57	2.38E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33053968_T_A	33053968	0.38	0.25	0.57	2.45E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33053971_T_C	33053971	0.38	0.25	0.57	2.45E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33047432_A_C	33047432	0.39	0.26	0.57	2.49E-06	0.10	0.07	0.17	SNP
chr6_32604585_A_T	32604585	0.35	0.23	0.54	2.51E-06	0.31	0.27	0.38	SNP
chr6_33054353_G_A	33054353	0.38	0.25	0.57	2.60E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33054355_A_C	33054355	0.38	0.25	0.57	2.60E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33053352_G_C	33053352	0.38	0.23	0.55	2.79E-06	0.10	0.06	0.16	SNP
chr6_33050179_A_G	33050179	0.38	0.25	0.57	3.22E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33050168_C_A	33050168	0.38	0.25	0.57	3.35E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33050185_C_A	33050185	0.38	0.25	0.57	3.44E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33050089_G_A	33050089	0.38	0.25	0.57	3.49E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33054659_A_G	33054659	0.39	0.26	0.58	3.61E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33048599_C_A	33048599	0.49	0.36	0.66	3.82E-06	0.29	0.24	0.38	SNP
chr6_32607126_A_G	32607126	0.38	0.25	0.57	3.85E-06	0.31	0.27	0.38	SNP
chr6_33039625_T_C	33039625	0.43	0.29	0.61	3.90E-06	0.12	0.08	0.19	SNP
chr6_33054413_T_G	33054413	0.38	0.25	0.57	3.90E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33054414_T_A	33054414	0.38	0.25	0.57	3.90E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33050223_G_C	33050223	0.39	0.26	0.58	3.91E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33053248_A_G	33053248	0.36	0.23	0.55	4.00E-06	0.10	0.06	0.16	SNP
chr6_33053902_A_G	33053902	0.39	0.26	0.58	4.15E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33053906_G_T	33053906	0.39	0.26	0.58	4.15E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33054342_T_A	33054342	0.39	0.26	0.58	4.21E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33054373_C_T	33054373	0.39	0.26	0.58	4.21E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33054381_T_C	33054381	0.39	0.26	0.58	4.21E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33054386_C_T	33054386	0.39	0.26	0.58	4.21E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33050232_T_G	33050232	0.38	0.25	0.57	4.22E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33055079_A_G	33055079	0.39	0.26	0.58	4.28E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33050107_G_A	33050107	0.38	0.25	0.57	4.28E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33050525_T_C	33050525	0.38	0.25	0.57	4.35E-06	0.10	0.06	0.16	SNP
chr6_33071708_G_A	33071708	0.35	0.22	0.55	4.56E-06	0.09	0.06	0.15	SNP
chr6_33050526_C_T	33050526	0.38	0.25	0.57	4.59E-06	0.10	0.06	0.16	SNP
chr6_33052950_T_C	33052950	0.38	0.25	0.57	4.65E-06	0.09	0.06	0.15	SNP
chr6_33050521_G_T	33050521	0.38	0.25	0.57	4.89E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_32605178_T_C	32605178	0.39	0.26	0.58	4.92E-06	0.30	0.27	0.37	SNP
chr6_33050186_T_A	33050186	0.39	0.25	0.58	5.11E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
xHLA_2field_DPB1_04_01	33043767	1.76	1.38	2.24	5.45E-06	0.34	0.29	0.44	HLA (HLA)
chr6_32605555_T_A	32605555	0.39	0.26	0.58	5.51E-06	0.31	0.27	0.38	SNP
chr6_33071777_A_G	33071777	0.36	0.23	0.55	5.67E-06	0.09	0.06	0.15	SNP
chr6_33053270_T_A	33053270	0.36	0.23	0.56	6.02E-06	0.09	0.06	0.15	SNP
chr6_32609479_C_A	32609479	0.39	0.26	0.59	6.09E-06	0.30	0.27	0.37	SNP
chr6_33053771_T_C	33053771	0.36	0.23	0.56	6.15E-06	0.09	0.06	0.15	SNP
chr6_32608478_T_C	32608478	0.39	0.26	0.58	6.30E-06	0.30	0.27	0.37	SNP
chr6_33048602_C_A	33048602	0.50	0.37	0.67	6.45E-06	0.28	0.23	0.37	SNP
chr6_33054400_T_C	33054400	0.39	0.26	0.59	6.45E-06	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33054404_A_G	3305440								

chr6_33045255_T_C	33045255	0.52	0.39	0.69	9.97E-06	0.24	0.20	0.31	SNP
chr6_33071600_C_A	33071600	0.37	0.24	0.57	1.02E-05	0.09	0.06	0.15	SNP
chr6_32610401_G_A	32610401	0.39	0.26	0.59	1.04E-05	0.30	0.27	0.36	SNP
chr6_32603798_A_T	32603798	0.40	0.27	0.60	1.10E-05	0.30	0.26	0.37	SNP
chr6_33049979_A_G	33049979	0.41	0.28	0.61	1.12E-05	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33049983_C_T	33049983	0.41	0.28	0.61	1.12E-05	0.10	0.07	0.16	SNP
chr6_33053396_A_G	33053396	0.36	0.22	0.57	1.60E-05	0.07	0.05	0.13	SNP
chr6_32559213_A_T	32559213	0.40	0.26	0.60	1.61E-05	0.29	0.25	0.35	SNP
chr6_33048542_C_T	33048542	0.55	0.42	0.72	1.71E-05	0.29	0.24	0.37	SNP
chr6_33048459_T_G	33048459	0.39	0.25	0.60	1.77E-05	0.09	0.06	0.14	SNP
chr6_33048461_T_A	33048461	0.39	0.26	0.60	2.01E-05	0.09	0.06	0.14	SNP
chr6_32606616_A_T	32606616	0.42	0.28	0.62	2.06E-05	0.33	0.30	0.39	SNP
chr6_33048457_C_G	33048457	0.40	0.26	0.61	2.19E-05	0.09	0.06	0.14	SNP
chr6_33050144_C_T	33050144	0.34	0.20	0.56	2.70E-05	0.06	0.04	0.11	SNP
chr6_33050394_G_A	33050394	0.34	0.20	0.56	2.86E-05	0.06	0.04	0.11	SNP
chr6_33050463_C_G	33050463	0.34	0.20	0.56	2.88E-05	0.06	0.04	0.11	SNP
chr6_32608286_T_C	32608286	0.40	0.26	0.61	3.11E-05	0.31	0.27	0.38	SNP
chr6_33053812_A_G	33053812	0.38	0.24	0.60	3.25E-05	0.08	0.05	0.13	SNP
chr6_33053942_T_C	33053942	0.38	0.24	0.60	3.25E-05	0.08	0.05	0.13	SNP
chr6_33054861_A_G	33054861	0.38	0.24	0.60	3.25E-05	0.08	0.05	0.13	SNP
chr6_33047466_T_C	33047466	0.38	0.24	0.61	4.42E-05	0.07	0.05	0.13	SNP
chr6_33095615_T_C	33095615	0.53	0.39	0.72	4.55E-05	0.23	0.19	0.31	SNP
chr6_3305078_A_G	3305078	0.43	0.29	0.65	4.79E-05	0.30	0.27	0.36	SNP
chr6_33048040_C_T	33048040	0.37	0.22	0.61	9.05E-05	0.10	0.07	0.15	SNP
chr6_33046742_T_C	33046742	0.37	0.23	0.60	6.02E-05	0.07	0.04	0.11	SNP
chr6_33048466_G_T	33048466	0.37	0.22	0.60	6.32E-05	0.07	0.04	0.11	SNP
chr6_33048467_G_T	33048467	0.37	0.22	0.60	6.32E-05	0.07	0.04	0.11	SNP
chr6_33590009_A_T	33590009	0.29	0.16	0.53	6.86E-05	0.05	0.03	0.08	SNP
chr6_33054074_C_T	33054074	0.39	0.24	0.62	7.17E-05	0.07	0.05	0.12	SNP
chr6_33059801_C_T	33059801	0.54	0.40	0.73	8.58E-05	0.23	0.19	0.30	SNP
chr6_33050084_C_T	33050084	0.37	0.22	0.61	9.01E-05	0.06	0.04	0.09	SNP
chr6_33050325_A_C	33050325	0.37	0.22	0.61	9.01E-05	0.06	0.04	0.11	SNP
chr6_33054145_A_G	33054145	0.37	0.22	0.61	9.01E-05	0.06	0.04	0.11	SNP
chr6_33045147_A_T	33045147	0.53	0.38	0.73	9.27E-05	0.22	0.18	0.28	SNP
chr6_32559575_A_G	32559575	0.43	0.27	0.65	0.00011	0.27	0.24	0.32	SNP
chr6_33050036_T_C	33050036	0.38	0.23	0.62	0.00013	0.06	0.04	0.11	SNP
chr6_32551665_A_G	32551665	0.45	0.30	0.68	0.00014	0.28	0.24	0.34	SNP
chr6_33046915_T_A	33046915	0.38	0.23	0.62	0.00014	0.06	0.04	0.11	SNP
chr6_32635954_G_A	32635954	0.47	0.32	0.69	0.00015	0.22	0.19	0.28	SNP
chr6_33046726_T_C	33046726	0.38	0.23	0.63	0.00015	0.06	0.04	0.11	SNP
chr6_33047612_G_C	33047612	0.38	0.23	0.63	0.00015	0.06	0.04	0.11	SNP
chr6_33596664_A_C	33596664	0.31	0.16	0.56	0.00016	0.05	0.03	0.08	SNP
chr6_32603660_T_C	32603660	0.53	0.38	0.74	0.00017	0.41	0.38	0.49	SNP
chr6_33053352_C_T	33053352	0.41	0.25	0.65	0.00017	0.07	0.05	0.12	SNP
chr6_32559648_A_G	32559648	0.46	0.30	0.69	0.00018	0.30	0.27	0.36	SNP
chr6_33095636_A_G	33095636	0.56	0.41	0.76	0.00018	0.23	0.19	0.30	SNP
chr6_32559710_C_T	32559710	0.43	0.28	0.67	0.00019	0.30	0.27	0.36	SNP
chr6_32605583_A_G	32605583	0.53	0.38	0.74	0.00019	0.41	0.37	0.48	SNP
chr6_32605132_T_C	32605132	0.48	0.33	0.71	0.00020	0.36	0.33	0.42	SNP
chr6_32487677_T_C	32487677	0.42	0.26	0.66	0.00020	0.25	0.22	0.31	SNP
chr6_32611467_A_C	32611467	0.45	0.30	0.68	0.00020	0.28	0.25	0.34	SNP
chr6_33048102_C_T	33048102	0.36	0.21	0.62	0.00021	0.06	0.04	0.10	SNP
chr6_33095836_G_A	33095836	0.56	0.41	0.76	0.00024	0.23	0.19	0.30	SNP
chr6_33048606_G_C	33048606	0.36	0.21	0.62	0.00025	0.07	0.05	0.11	SNP
chr6_33178010_G_T	33178010	0.48	0.32	0.71	0.00030	0.10	0.08	0.16	SNP
chr6_33041734_T_C	33041734	0.42	0.26	0.67	0.00030	0.08	0.05	0.11	SNP
chr6_33166034_A_G	33166034	0.46	0.30	0.70	0.00034	0.10	0.07	0.15	SNP
chr6_33095684_A_G	33095684	0.58	0.43	0.78	0.00036	0.24	0.20	0.30	SNP
chr6_33045558_G_A	33045558	0.57	0.41	0.77	0.00037	0.20	0.17	0.25	SNP
chr6_33048628_A_C	33048628	0.37	0.22	0.64	0.00037	0.07	0.05	0.11	SNP
chr6_32629259_T_C	32629259	0.49	0.33	0.72	0.00038	0.23	0.20	0.28	SNP
chr6_32628195_A_G	32628195	0.36	0.20	0.62	0.00040	0.05	0.03	0.09	SNP
chr6_33095555_T_A	33095555	0.37	0.21	0.64	0.00041	0.05	0.04	0.09	SNP
chr6_33032851_T_C	33032851	0.43	0.27	0.69	0.00041	0.08	0.06	0.12	SNP
chr6_33037199_G_A	33037199	0.43	0.27	0.69	0.00041	0.08	0.06	0.12	SNP
chr6_32629403_C_T	32629403	0.50	0.34	0.73	0.00045	0.23	0.20	0.28	SNP
chr6_33033274_T_C	33033274	0.44	0.27	0.69	0.00048	0.08	0.06	0.12	SNP
chr6_31237605_G_A	31237605	1.83	1.31	2.58	0.00052	0.22	0.25	0.16	SNP
chr6_32609094_C_T	32609094	0.54	0.38	0.76	0.00054	0.41	0.37	0.46	SNP
chr6_33095748_C_G	33095748	0.59	0.43	0.79	0.00054	0.23	0.20	0.30	SNP
chr6_33547440_G_C	33547440	1.72	1.27	2.36	0.00055	0.43	0.47	0.35	SNP
chr6_33095752_G_A	33095752	0.38	0.23	0.66	0.00056	0.05	0.04	0.09	SNP
chr6_33160425_G_T	33160425	0.48	0.32	0.73	0.00056	0.09	0.07	0.14	SNP
chr6_33095737_G_A	33095737	0.59	0.43	0.79	0.00057	0.23	0.20	0.30	SNP
chr6_33043520_C_G	33043520	0.44	0.28	0.70	0.00060	0.08	0.06	0.11	SNP
chr6_33048380_G_A	33048380	0.40	0.24	0.67	0.00061	0.06	0.04	0.10	SNP
chr6_33143756_A_G	33143756	0.50	0.33	0.74	0.00066	0.10	0.08	0.14	SNP
chr6_33046752_G_C	33046752	0.40	0.24	0.68	0.00066	0.06	0.04	0.10	SNP
chr6_33037557_C_T	33037557	0.26	0.12	0.56	0.00068	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33037560_G_A	33037560	0.26	0.12	0.56	0.00068	0.03	0.02	0.05	SNP
xHLA_2field_DQB1_03_02	32627244	0.48	0.31	0.73	0.00070	0.22	0.19	0.29	HLA (xHLA)
chr6_33037522_T_C	33037522	0.35	0.19	0.64	0.00072	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33033313_G_T	33033313	0.28	0.13	0.57	0.00074	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33039681_A_G	33039681	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33039694_G_T	33039694	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33039597_T_A	33039597	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33040044_A_G	33040044	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33040654_A_G	33040654	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33042368_A_G	33042368	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33042406_C_G	33042406	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33042492_T_C	33042492	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33042880_A_G	33042880	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33044188_T_A	33044188	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33044258_G_A	33044258	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_33044388_T_C	33044388	0.29	0.14	0.59	0.00076	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_32559702_A_G	32559702	0.47	0.30	0.73	0.00077	0.31	0.28	0.36	SNP
chr6_32369488_G_A	32369488	0.47	0.30	0.73	0.00082	0.10	0.08	0.14	SNP
chr6_33036959_G_A	33036959	0.35	0.18	0.64	0.00082	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_32782030_A_C	32782030	0.56	0.39	0.78	0.00083	0.19	0.16	0.24	SNP
chr6_33041226_C_T	33041226	0.37	0.20	0.66	0.00084	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33039606_C_T	33039606	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33039686_T_C	33039686	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33039719_A_G	33039719	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33039767_A_G	33039767	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33039837_G_A	33039837	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33039980_A_G	33039980	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33040596_A_G	33040596	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33040715_G_A	33040715	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33040736_T_C	33040736	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33040744_G_C	33040744	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33040781_A_G	33040781	0.37	0.20	0.66	0.00087	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33040798_T_C	33040798	0.37	0.20	0.66					

chr6_33041186_G_A	33041186	0.38	0.20	0.67	0.00113	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33095516_G_A	33095516	0.57	0.41	0.80	0.00116	0.23	0.19	0.29	SNP
chr6_31237087_G_A	31237087	0.31	1.41	2.75	0.00111	2.10	0.13	0.06	SNP
chr6_33032865_A_C	33032865	0.37	0.20	0.67	0.00120	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33033058_T_C	33033058	0.37	0.20	0.67	0.00120	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33033146_T_C	33033146	0.37	0.20	0.67	0.00120	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33033170_T_C	33033170	0.37	0.20	0.67	0.00120	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33033177_G_A	33033177	0.37	0.20	0.67	0.00120	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33033178_G_A	33033178	0.37	0.20	0.67	0.00120	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036003_G_C	33036003	0.35	1.18	0.65	0.00121	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33033202_C_T	33033202	0.37	0.20	0.67	0.00124	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33033188_C_T	33033188	0.37	0.20	0.67	0.00124	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_32610349_C_A	32610349	0.59	0.42	0.81	0.00128	0.47	0.44	0.53	SNP
chr6_33036951_A_G	33036951	0.36	0.19	0.67	0.00132	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_32798283_T_C	32798283	0.49	0.31	0.75	0.00135	0.09	0.08	0.13	SNP
chr6_33037675_C_A	33037675	0.38	0.21	0.68	0.00137	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33037690_G_C	33037690	0.38	0.21	0.68	0.00137	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_32407068_G_A	32407068	0.28	0.12	0.60	0.00138	0.03	0.01	0.05	SNP
chr6_33033357_C_G	33033357	0.36	0.19	0.67	0.00139	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33037768_G_A	33037768	0.38	0.21	0.68	0.00142	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33143136_G_A	33143136	0.43	0.25	0.72	0.00143	0.08	0.06	0.12	SNP
chr6_32551700_T_G	32551700	0.50	0.33	0.76	0.00145	0.25	0.22	0.30	SNP
chr6_33041064_C_A	33041064	0.44	0.27	0.73	0.00160	0.06	0.04	0.10	SNP
chr6_33546825_T_G	33546825	1.58	1.19	2.11	0.00164	1.43	0.46	0.36	SNP
chr6_32798350_A_C	32798350	0.49	0.31	0.76	0.00166	0.09	0.08	0.13	SNP
chr6_32603939_G_T	32603939	1.82	1.26	2.65	0.00168	0.33	0.36	0.26	SNP
chr6_33037579_A_T	33037579	0.36	0.19	0.68	0.00170	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33037580_T_G	33037580	0.36	0.19	0.68	0.00170	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33037294_T_C	33037294	0.37	0.20	0.69	0.00171	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33037304_G_T	33037304	0.37	0.20	0.69	0.00171	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33037419_G_A	33037419	0.37	0.20	0.69	0.00171	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33037424_T_C	33037424	0.37	0.20	0.69	0.00171	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_31245534_A_G	31245534	2.20	1.36	3.68	0.00181	0.10	0.12	0.06	SNP
chr6_33039295_T_A	33039295	0.38	0.21	0.70	0.00185	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33033266_T_A	33033266	0.37	0.20	0.69	0.00193	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33095584_G_C	33095584	1.95	1.29	3.02	0.00196	0.14	0.16	0.09	SNP
chr6_31238522_C_T	31238522	1.72	1.23	2.44	0.00199	0.22	0.25	0.19	SNP
chr6_33032657_G_A	33032657	0.37	0.20	0.69	0.00199	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33039729_T_G	33039729	0.38	0.21	0.70	0.00202	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_31236201_G_A	31236201	2.15	1.34	3.57	0.00206	0.11	0.13	0.07	SNP
chr6_32189032_T_C	32189032	1.63	1.20	2.24	0.00206	0.32	0.35	0.27	SNP
chr6_31240771_T_C	31240771	2.14	1.34	3.56	0.00212	0.11	0.13	0.07	SNP
chr6_31240932_C_A	31240932	2.14	1.34	3.56	0.00212	0.11	0.13	0.07	SNP
chr6_31241002_A_G	31241002	2.14	1.34	3.56	0.00212	0.11	0.13	0.07	SNP
chr6_33036085_G_C	33036085	0.40	0.22	0.72	0.00218	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036116_T_G	33036116	0.40	0.22	0.72	0.00218	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036132_A_G	33036132	0.40	0.22	0.72	0.00218	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036133_G_A	33036133	0.40	0.22	0.72	0.00218	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036853_A_C	33036853	0.40	0.22	0.72	0.00218	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036971_C_T	33036971	0.40	0.22	0.72	0.00218	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036999_T_C	33036999	0.40	0.22	0.72	0.00218	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33037187_C_G	33037187	0.40	0.22	0.72	0.00218	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33037279_A_G	33037279	0.40	0.22	0.72	0.00218	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_32605578_G_A	32605578	1.79	1.24	2.61	0.00222	0.33	0.36	0.26	SNP
chr6_33037142_A_G	33037142	0.40	0.22	0.72	0.00222	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_32406122_G_A	32406122	4.41	1.87	12.99	0.00223	0.04	0.05	0.01	SNP
chr6_31244082_C_T	31244082	2.16	1.34	3.63	0.00227	0.10	0.12	0.06	SNP
chr6_33040478_C_A	33040478	0.33	0.16	0.66	0.00233	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_32408932_G_A	32408932	4.37	1.85	12.89	0.00235	0.04	0.05	0.01	SNP
chr6_32411573_C_T	32411573	4.37	1.85	12.89	0.00235	0.04	0.05	0.01	SNP
chr6_33039503_C_T	33039503	0.39	0.21	0.71	0.00245	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_32441100_C_A	32441100	1.86	1.26	2.82	0.00248	0.27	0.28	0.24	SNP
chr6_33033351_G_T	33033351	0.38	0.20	0.71	0.00257	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33035865_C_T	33035865	1.91	1.27	2.95	0.00271	0.14	0.16	0.09	SNP
chr6_33041073_A_G	33041073	0.38	0.19	0.71	0.00272	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33132365_T_C	33132365	0.22	0.07	0.57	0.00281	0.02	0.01	0.04	SNP
chr6_33556605_G_C	33556605	0.60	0.43	0.84	0.00306	0.17	0.15	0.22	SNP
chr6_31248819_C_T	31248819	2.22	1.33	3.86	0.00309	0.10	0.12	0.06	SNP
chr6_31549556_T_G	31549556	3.49	1.62	8.73	0.00319	0.04	0.06	0.02	SNP
chr6_33036210_G_T	33036210	0.41	0.22	0.74	0.00335	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036233_A_G	33036233	0.41	0.22	0.74	0.00335	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036242_T_C	33036242	0.41	0.22	0.74	0.00335	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036287_G_A	33036287	0.41	0.22	0.74	0.00335	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036288_G_A	33036288	0.41	0.22	0.74	0.00335	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33036312_A_G	33036312	0.41	0.22	0.74	0.00335	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33035980_T_A	33035980	0.38	0.20	0.72	0.00340	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33174783_A_G	33174783	0.59	0.42	0.84	0.00346	0.14	0.12	0.19	SNP
chr6_33035974_A_G	33035974	0.38	0.20	0.73	0.00354	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33037865_G_C	33037865	0.39	0.20	0.73	0.00370	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33039405_C_G	33039405	0.41	0.22	0.74	0.00374	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33050083_C_A	33050083	0.26	0.10	0.63	0.00379	0.02	0.01	0.04	SNP
chr6_31240959_C_G	31240959	1.60	1.17	2.22	0.00381	0.24	0.27	0.19	SNP
chr6_32628913_G_T	32628913	0.54	0.35	0.82	0.00384	0.27	0.24	0.31	SNP
chr6_32184705_A_G	32184705	0.61	0.44	0.85	0.00392	0.32	0.29	0.39	SNP
chr6_33048348_G_A	33048348	0.35	0.17	0.71	0.00402	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_32362447_C_T	32362447	4.06	1.71	12.02	0.00408	0.04	0.05	0.01	SNP
chr6_32373796_A_G	32373796	4.06	1.71	12.02	0.00408	0.04	0.05	0.01	SNP
chr6_33037891_C_T	33037891	0.36	0.18	0.72	0.00419	0.04	0.02	0.06	SNP
chr6_32376471_A_C	32376471	1.77	1.21	2.65	0.00424	0.18	0.20	0.14	SNP
chr6_33036290_G_A	33036290	1.58	1.16	2.17	0.00429	0.24	0.27	0.19	SNP
chr6_33641379_C_T	33641379	1.45	1.13	1.88	0.00430	0.47	0.50	0.40	SNP
chr6_32408917_C_T	32408917	1.70	1.19	2.47	0.00432	0.28	0.30	0.25	SNP
chr6_33543409_A_C	33543409	1.52	1.14	2.03	0.00443	0.44	0.47	0.37	SNP
chr6_31669295_A_G	31669295	3.37	1.55	8.48	0.00447	0.04	0.05	0.02	SNP
chr6_33158189_C_A	33158189	1.45	1.12	1.87	0.00448	0.45	0.48	0.39	SNP
chr6_33039804_C_T	33039804	1.55	1.15	2.11	0.00448	0.25	0.28	0.20	SNP
chr6_32299592_G_A	32299592	1.70	1.19	2.49	0.00460	0.29	0.33	0.23	SNP
chr6_33033390_A_T	33033390	0.35	0.17	0.72	0.00473	0.04	0.02	0.06	SNP
chr6_32559673_T_G	32559673	0.61	0.43	0.86	0.00477	0.38	0.35	0.44	SNP
chr6_33045823_A_G	33045823	0.40	0.21	0.75	0.00484	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33036401_C_T	33036401	0.41	0.22	0.76	0.00485	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_32610314_T_C	32610314	1.70	1.18	2.47	0.00486	0.32	0.36	0.26	SNP
chr6_33036617_C_T	33036617	0.41	0.22	0.76	0.00490	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33036630_G_T	33036630	0.41	0.22	0.76	0.00490	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33036631_A_C	33036631	0.41	0.22	0.76	0.00490	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_32628148_C_T	32628148	0.56	0.37	0.84	0.00499	0.23	0.21	0.27	SNP
chr6_33136638_A_G	33136638	1.45	1.12	1.88	0.00500	0.43	0.46	0.37	SNP
chr6_33077588_A_G	33077588	0.29	0.11	0.67	0.00507	0.02	0.02	0.05	SNP
chr6_32409056_G_A	32409056	1.64	1.17	2.35	0.00521	0.30	0.31	0.27	SNP
chr6_33079626_T_C	33079626	0.24	0.09	0.65	0.00523	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_32185796_C_T	32185796	3.91	1.64	11.61	0.00530	0.04	0.05	0.01	SNP
chr6_31237776_C_T	31237776	1.59	1.15	2.21	0.00537	0.24	0.26	0.1	

chr6_31751071_C_T	4.44	1.69	15.28	0.00642	0.03	0.04	0.01	SNP
xHLA_2field_DPB1_02_01	33043767	0.54	0.35	0.94	0.00648	0.08	0.06	HLA (xHLA)
chr6_33037866_C_T	33037866	0.41	0.21	0.78	0.00663	0.04	0.03	SNP
chr6_31592064_C_T	31592064	3.85	1.57	11.60	0.00694	0.04	0.05	SNP
chr6_32782112_C_T	32782112	4.35	1.67	14.94	0.00698	0.03	0.04	SNP
chr6_32306922_T_C	32306922	3.38	1.50	9.11	0.00706	0.04	0.05	SNP
chr6_31241127_T_C	31241127	1.95	1.22	3.24	0.00715	0.10	0.12	SNP
chr6_33048661_A_G	33048661	0.51	0.31	0.83	0.00717	0.08	0.07	SNP
chr6_33033388_A_C	33033388	0.38	0.19	0.77	0.00718	0.04	0.03	SNP
chr6_32439964_T_G	32439964	1.72	1.16	2.57	0.00719	0.34	0.35	SNP
chr6_33048921_A_G	33048921	0.41	0.21	0.78	0.00720	0.04	0.03	SNP
chr6_33141280_G_A	33141280	0.53	0.33	0.84	0.00727	0.08	0.06	SNP
chr6_32410576_C_T	32410576	1.61	1.14	2.30	0.00737	0.29	0.31	SNP
chr6_31465917_G_T	31465917	4.31	1.65	14.81	0.00743	0.03	0.04	SNP
chr6_31373445_T_C	31373445	3.78	1.55	11.35	0.00750	0.04	0.05	SNP
chr6_33036717_C_T	33036717	0.41	0.22	0.79	0.00767	0.04	0.03	SNP
chr6_33163451_A_G	33163451	1.42	1.10	1.84	0.00770	0.45	0.48	SNP
chr6_31241109_C_T	31241109	1.95	1.21	3.24	0.00780	0.10	0.12	SNP
chr6_33036388_C_T	33036388	0.43	0.23	0.80	0.00783	0.04	0.03	SNP
chr6_33036394_G_A	33036394	0.43	0.23	0.80	0.00783	0.04	0.03	SNP
chr6_32604152_A_G	32604152	0.63	0.45	0.88	0.00786	0.47	0.48	SNP
chr6_32559124_T_C	32559124	0.61	0.42	0.88	0.00789	0.38	0.36	SNP
chr6_33140983_G_A	33140983	1.41	1.10	1.83	0.00793	0.45	0.48	SNP
chr6_33137403_T_G	33137403	1.40	1.09	1.80	0.00802	0.45	0.48	SNP
chr6_33036708_C_T	33036708	0.42	0.22	0.80	0.00807	0.04	0.03	SNP
chr6_33036709_A_G	33036709	0.42	0.22	0.80	0.00807	0.04	0.03	SNP
chr6_33169895_C_G	33169895	1.78	1.17	2.76	0.00816	0.13	0.15	SNP
chr6_32370684_A_G	32370684	0.61	0.42	0.88	0.00826	0.34	0.32	SNP
chr6_32603729_A_G	32603729	2.03	1.23	3.54	0.00841	0.09	0.10	SNP
chr6_33139475_G_T	33139475	1.42	1.10	1.85	0.00842	0.44	0.48	SNP
chr6_33137689_C_T	33137689	1.77	1.17	2.75	0.00855	0.13	0.14	SNP
chr6_33144466_C_A	33144466	0.32	0.13	0.73	0.00876	0.02	0.01	SNP
chr6_33158912_G_A	33158912	0.32	0.13	0.73	0.00876	0.02	0.01	SNP
chr6_33149152_C_G	33149152	0.53	0.32	0.85	0.00879	0.07	0.05	SNP
chr6_33139662_G_A	33139662	1.40	1.09	1.80	0.00885	0.45	0.48	SNP
chr6_32370835_C_T	32370835	0.64	0.45	0.89	0.00907	0.42	0.40	SNP
chr6_31628216_C_G	31628216	3.09	1.40	7.83	0.00907	0.04	0.05	SNP
chr6_33138015_T_C	33138015	0.32	0.13	0.74	0.00910	0.02	0.01	SNP
chr6_33151880_C_A	33151880	0.32	0.13	0.74	0.00910	0.02	0.01	SNP
chr6_32978587_C_A	32978587	0.37	0.17	0.77	0.00913	0.03	0.02	SNP
chr6_33045699_T_C	33045699	0.32	0.13	0.74	0.00918	0.02	0.01	SNP
chr6_33048539_T_A	33048539	0.37	0.17	0.77	0.00918	0.03	0.02	SNP
chr6_31323533_G_A	31323533	1.50	1.11	2.03	0.00932	0.40	0.42	SNP
chr6_32339076_A_G	32339076	1.64	1.14	2.40	0.00932	0.29	0.30	SNP
chr6_31546495_G_C	31546495	3.64	1.49	10.92	0.00935	0.03	0.04	SNP
chr6_32797488_T_C	32797488	0.65	0.47	0.90	0.00937	0.33	0.30	SNP
chr6_32322071_G_A	32322071	3.27	1.44	8.86	0.00948	0.04	0.05	SNP
chr6_31323116_C_T	31323116	2.88	1.36	6.86	0.00949	0.04	0.06	SNP
chr6_31478960_G_A	31478960	4.16	1.58	14.34	0.00950	0.03	0.04	SNP
chr6_32441396_A_G	32441396	1.63	1.13	2.37	0.00967	0.34	0.35	SNP
chr6_33145710_G_A	33145710	1.39	1.08	1.79	0.00973	0.45	0.48	SNP
chr6_33035982_G_A	33035982	0.41	0.21	0.81	0.00982	0.04	0.03	SNP
chr6_33144373_A_G	33144373	1.39	1.08	1.78	0.01007	0.45	0.48	SNP
chr6_31785228_C_G	31785228	1.80	1.16	2.85	0.01014	0.27	0.28	SNP
chr6_33037878_G_A	33037878	0.41	0.21	0.81	0.01017	0.04	0.03	SNP
chr6_33135392_G_A	33135392	1.48	1.10	2.01	0.01029	0.48	0.51	SNP
chr6_33142253_G_C	33142253	1.39	1.08	1.79	0.01043	0.45	0.48	SNP
chr6_33110671_G_C	33110671	0.66	0.48	0.91	0.01050	0.25	0.23	SNP
chr6_33132314_G_A	33132314	0.31	0.12	0.74	0.01051	0.02	0.01	SNP
chr6_31543758_G_A	31543758	3.58	1.46	10.75	0.01059	0.03	0.04	SNP
chr6_33048937_C_G	33048937	0.41	0.20	0.81	0.01066	0.03	0.02	SNP
chr6_31118511_T_G	31118511	0.66	0.48	0.91	0.01068	0.25	0.23	SNP
chr6_32303474_G_T	32303474	3.19	1.41	8.63	0.01079	0.04	0.05	SNP
chr6_33035986_T_C	33035986	0.42	0.21	0.82	0.01080	0.04	0.03	SNP
chr6_331236029_A_G	331236029	3.23	1.40	8.20	0.01105	0.04	0.05	SNP
chr6_32627818_C_A	32627818	0.64	0.45	0.90	0.01112	0.28	0.26	SNP
chr6_33139869_T_C	33139869	1.48	1.10	2.01	0.01115	0.29	0.31	SNP
xHLA_2field_DPB1_07_01	32546552	2.08	1.21	3.80	0.01119	0.08	0.10	HLA (xHLA)
chr6_33141920_C_G	33141920	1.38	1.08	1.78	0.01122	0.45	0.48	SNP
chr6_33130430_G_A	33130430	0.64	0.45	0.90	0.01129	0.15	0.13	SNP
chr6_31464091_G_A	31464091	3.52	1.44	10.58	0.01146	0.03	0.04	SNP
chr6_31474020_C_T	31474020	3.52	1.44	10.58	0.01146	0.03	0.04	SNP
chr6_31235505_G_A	31235505	1.80	1.15	2.88	0.01162	0.23	0.26	SNP
chr6_33161661_G_A	33161661	1.38	1.08	1.77	0.01186	0.45	0.48	SNP
chr6_32608844_A_G	32608844	0.63	0.44	0.90	0.01188	0.37	0.34	SNP
chr6_33138498_C_T	33138498	1.39	1.08	1.80	0.01197	0.46	0.49	SNP
chr6_33047898_C_A	33047898	0.39	0.18	0.81	0.01200	0.03	0.02	SNP
chr6_32605067_C_G	32605067	1.94	1.18	3.34	0.01205	0.09	0.10	SNP
chr6_32609476_T_C	32609476	1.95	1.18	3.30	0.01223	0.09	0.10	SNP
chr6_31322108_T_G	31322108	3.17	1.37	8.64	0.01240	0.04	0.05	SNP
chr6_32605326_A_G	32605326	1.93	1.18	3.32	0.01252	0.09	0.10	SNP
chr6_33054378_G_A	33054378	0.36	0.16	0.79	0.01255	0.02	0.02	SNP
chr6_33054559_T_C	33054559	0.36	0.16	0.79	0.01255	0.02	0.02	SNP
chr6_33162215_C_A	33162215	1.37	1.07	1.77	0.01258	0.45	0.48	SNP
chr6_33542661_G_T	33542661	0.88	0.51	0.92	0.01261	0.23	0.20	SNP
chr6_33138693_C_T	33138693	1.47	0.99	2.01	0.01265	0.32	0.34	SNP
chr6_32796793_G_A	32796793	0.57	0.37	0.89	0.01271	0.09	0.07	SNP
chr6_33138955_A_G	33138955	1.37	1.07	1.76	0.01278	0.45	0.48	SNP
chr6_31246969_A_G	31246969	0.54	0.34	0.88	0.01286	0.09	0.08	SNP
chr6_32603936_A_G	32603936	1.68	1.12	2.55	0.01288	0.27	0.30	SNP
chr6_32605825_G_A	32605825	1.93	1.17	3.31	0.01295	0.09	0.10	SNP
chr6_32606266_T_C	32606266	1.93	1.17	3.32	0.01313	0.09	0.10	SNP
chr6_32604395_A_G	32604395	1.92	1.17	3.31	0.01316	0.09	0.10	SNP
chr6_32604431_A_T	32604431	1.92	1.17	3.31	0.01316	0.09	0.10	SNP
chr6_32406473_G_A	32406473	1.71	1.13	2.63	0.01316	0.23	0.23	SNP
chr6_32604924_C_T	32604924	1.94	1.17	3.36	0.01318	0.09	0.10	SNP
chr6_31322611_C_T	31322611	3.13	1.36	8.54	0.01332	0.04	0.05	SNP
chr6_31322987_C_T	31322987	3.13	1.36	8.54	0.01332	0.04	0.05	SNP
chr6_31323455_A_G	31323455	3.13	1.36	8.54	0.01332	0.04	0.05	SNP
chr6_31378257_G_A	31378257	3.13	1.36	8.54	0.01332	0.04	0.05	SNP
chr6_32604974_C_T	32604974	1.92	1.17	3.30	0.01342	0.09	0.10	SNP
chr6_32605689_C_A	32605689	1.92	1.17	3.30	0.01342	0.09	0.10	SNP
chr6_32604544_C_T	32604544	1.62	1.11	2.40	0.01342	0.32	0.35	SNP
chr6_32373698_G_T	32373698	0.66	0.47	0.92	0.01343	0.43	0.40	SNP
chr6_32610330_A_T	32610330	1.91	1.16	3.29	0.01391	0.09	0.10	SNP
chr6_32636521_G_A	32636521	0.63	0.44	0.91	0.01399	0.25	0.22	SNP
chr6_33143948_C_G	33143948	0.72	0.55	0.94	0.01487	0.37	0.35	SNP
chr6_31322690_A_G	31322690	3.10	1.34	8.47	0.01441	0.03	0.04	SNP
chr6_29910725_C_G	29910725	0.51	0.29	0.88	0.01446	0.08	0.07	SNP
chr6_31113214_C_A	31113214	0.67	0.48	0.92	0.01448	0.25	0.23	SNP
chr6_32341398_A_G	32341398	1.76	1.13	2.80	0.01448	0.13	0.14	SNP
chr6_32612326_C_T	32612326	0.64	0.45	0.92	0.01449	0.39	0.36	SNP
chr6_32559520_C_T	32559520	0.62	0.43	0.91	0.01460	0.39	0.37	SNP
chr6_32604644_G_A	32604644	0.62	0.42	0.91	0.01487	0.37	0.35	SNP
chr6_32364356_A_G	32364356	0.63	0.44	0.91	0.01489	0.34	0.32	SNP
chr6_32603897_A_G	32603897	1.93	1.16	3.35	0.01490	0.09	0.10	SNP
chr6_32606779_G_A	32606779	1.90	1.16	3.28	0.01497	0.09	0.10	SNP
chr6_32612279_T_C	32612279	0.65	0.46	0.92	0.01504	0.39	0.36	SNP
chr6_32803408_T_A	32803408	3.78	1.44	13.03	0.01522	0.03	0.04	SNP
chr6_33045500_T_C	33045500	0.43	0.22	0.85	0.01526	0.03	0.02	SNP
chr6_32341318_A_G	32341318	0.64	0.45	0.92	0.01527	0.34	0.31	SNP
chr6_32340654_G_A	32340654	0.64	0.45	0.92	0.01531	0.34		



chr6_32609520_C_A	32609520	1.90	1.15	3.30	0.01643	0.09	0.10	0.05	SNP
chr6_31321776_T_C	31321776	3.03	1.31	8.26	0.01646	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_33144243_T_A	33144243	0.72	0.65	0.94	0.01707	0.26	0.24	0.31	SNP
chr6_32188297_G_C	32188297	1.45	1.07	1.98	0.01711	0.33	0.35	0.29	SNP
chr6_31544189_A_G	31544189	2.41	1.21	5.23	0.01722	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_32942302_A_G	32942302	1.40	1.06	1.85	0.01737	0.39	0.41	0.35	SNP
chr6_32610105_A_G	32610105	1.88	1.14	3.25	0.01738	0.09	0.10	0.05	SNP
chr6_33047173_T_C	33047173	0.39	0.17	0.84	0.01758	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_33048354_A_T	33048354	0.39	0.17	0.84	0.01758	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_33049865_G_A	33049865	0.39	0.17	0.84	0.01758	0.02	0.02	0.04	SNP
chr6_32608790_C_T	32608790	2.62	1.27	6.39	0.01770	0.04	0.05	0.02	SNP
chr6_31378864_A_G	31378864	3.00	1.29	8.21	0.01771	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32611260_A_G	32611260	0.65	0.45	0.93	0.01785	0.38	0.36	0.42	SNP
chr6_31323233_A_G	31323233	1.45	1.07	1.99	0.01788	0.40	0.42	0.35	SNP
chr6_32341473_T_C	32341473	0.65	0.46	0.93	0.01824	0.34	0.32	0.37	SNP
chr6_32363844_C_T	32363844	0.65	0.46	0.93	0.01824	0.34	0.32	0.37	SNP
chr6_32375352_A_C	32375352	0.65	0.46	0.93	0.01880	0.35	0.33	0.38	SNP
chr6_32375371_A_T	32375371	0.65	0.46	0.93	0.01880	0.35	0.33	0.38	SNP
chr6_32375374_G_A	32375374	0.65	0.46	0.93	0.01880	0.35	0.33	0.38	SNP
chr6_32375424_G_A	32375424	0.65	0.46	0.93	0.01880	0.35	0.33	0.38	SNP
chr6_32501245_A_G	32501245	1.55	1.09	2.28	0.01894	0.14	0.16	0.10	SNP
chr6_33095647_G_C	33095647	0.64	0.44	0.93	0.01911	0.14	0.11	0.17	SNP
chr6_329689254_G_C	29689254	0.43	0.21	0.87	0.01940	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_32509597_G_C	32509597	0.52	0.30	0.92	0.01949	0.15	0.10	0.15	SNP
chr6_32609456_C_T	32609456	0.66	0.46	0.93	0.01949	0.39	0.36	0.43	SNP
chr6_32604642_A_G	32604642	0.63	0.42	0.93	0.01954	0.37	0.35	0.40	SNP
chr6_32806584_G_A	32806584	1.49	1.07	2.10	0.01962	0.50	0.47	0.55	SNP
chr6_32376746_C_T	32376746	0.66	0.46	0.93	0.01994	0.34	0.32	0.37	SNP
chr6_30865204_A_C	30865204	1.72	1.10	2.75	0.01999	0.12	0.14	0.08	SNP
chr6_32341719_C_T	32341719	0.66	0.46	0.93	0.02009	0.34	0.31	0.37	SNP
chr6_32314262_C_A	32314262	0.58	0.36	0.92	0.02016	0.07	0.06	0.10	SNP
chr6_29945270_A_G	29945270	0.58	0.37	0.92	0.02060	0.08	0.07	0.11	SNP
chr6_32363816_T_C	32363816	0.69	0.50	0.94	0.02089	0.45	0.43	0.49	SNP
chr6_32375695_G_A	32375695	0.65	0.45	0.94	0.02089	0.34	0.32	0.38	SNP
chr6_32405671_C_A	32405671	1.47	1.07	2.06	0.02093	0.32	0.34	0.30	SNP
chr6_32610994_C_A	32610994	0.65	0.45	0.94	0.02124	0.35	0.32	0.39	SNP
chr6_32610997_C_A	32610997	0.65	0.45	0.94	0.02124	0.35	0.32	0.39	SNP
chr6_32374032_A_T	32374032	0.66	0.46	0.94	0.02125	0.34	0.32	0.37	SNP
chr6_33547430_G_A	33547430	1.57	1.08	2.33	0.02127	0.19	0.21	0.15	SNP
chr6_32409530_A_G	32409530	1.42	1.06	1.91	0.02129	0.41	0.42	0.38	SNP
chr6_32608537_A_C	32608537	0.66	0.47	0.94	0.02147	0.39	0.37	0.43	SNP
chr6_32375973_C_A	32375973	0.64	0.43	0.93	0.02151	0.31	0.29	0.34	SNP
chr6_32610008_C_T	32610008	0.66	0.47	0.94	0.02172	0.39	0.37	0.43	SNP
chr6_32178773_T_C	32178773	1.44	1.06	2.25	0.02177	0.49	0.52	0.43	SNP
chr6_32641897_G_C	32641897	1.85	1.11	3.49	0.02177	0.10	0.12	0.07	SNP
chr6_32943345_T_C	32943345	1.36	1.05	1.77	0.02231	0.44	0.46	0.40	SNP
chr6_32612410_T_C	32612410	1.60	1.07	2.41	0.02262	0.36	0.37	0.33	SNP
chr6_32169621_T_A	32169621	1.40	1.05	1.88	0.02286	0.49	0.52	0.43	SNP
chr6_33050178_C_T	33050178	0.40	0.18	0.88	0.02294	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_31367874_T_C	31367874	2.88	1.24	7.91	0.02295	0.04	0.05	0.02	SNP
xHLA_2field_B_57_D1	31321652	3.14	1.27	9.50	0.02318	0.03	0.04	0.01	HLA (xHLA)
chr6_32170433_C_T	32170433	1.41	1.05	1.89	0.02320	0.49	0.52	0.43	SNP
chr6_31243859_C_T	31243859	0.62	0.42	0.94	0.02325	0.22	0.22	0.23	SNP
chr6_32409781_C_T	32409781	0.67	0.47	0.94	0.02329	0.45	0.42	0.49	SNP
xHLA_2field_C_06_02	31236526	1.98	1.13	3.70	0.02332	0.07	0.08	0.04	HLA (xHLA)
chr6_32612241_A_T	32612241	0.66	0.47	0.95	0.02348	0.39	0.36	0.43	SNP
chr6_32559216_G_A	32559216	1.47	1.06	2.07	0.02351	0.37	0.38	0.34	SNP
chr6_32608403_T_C	32608403	0.67	0.47	0.95	0.02361	0.39	0.37	0.43	SNP
chr6_32611971_G_C	32611971	0.66	0.46	0.94	0.02361	0.38	0.35	0.41	SNP
chr6_32406704_G_C	32406704	1.64	1.08	2.55	0.02363	0.22	0.23	0.21	SNP
chr6_32611958_G_C	32611958	0.65	0.45	0.94	0.02367	0.37	0.34	0.41	SNP
chr6_32440879_T_C	32440879	1.55	1.06	2.27	0.02369	0.34	0.35	0.33	SNP
chr6_32014456_C_T	32014456	2.10	1.14	4.20	0.02375	0.06	0.07	0.03	SNP
chr6_32085278_C_T	32085278	3.11	1.26	9.40	0.02381	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32191339_C_T	32191339	0.62	0.43	0.94	0.02382	0.05	0.07	0.03	SNP
chr6_32610934_A_G	32610934	0.65	0.44	0.94	0.02391	0.38	0.36	0.42	SNP
chr6_32809223_C_A	32809223	1.40	1.05	1.88	0.02396	0.45	0.48	0.40	SNP
chr6_32363955_T_C	32363955	0.70	0.51	0.95	0.02399	0.45	0.43	0.49	SNP
chr6_32628189_A_G	32628189	0.65	0.45	0.94	0.02402	0.27	0.26	0.31	SNP
chr6_32171683_T_C	32171683	1.40	1.05	1.89	0.02428	0.48	0.51	0.43	SNP
chr6_32612251_T_G	32612251	0.67	0.47	0.95	0.02432	0.39	0.36	0.42	SNP
chr6_32611964_C_T	32611964	0.66	0.46	0.95	0.02450	0.38	0.35	0.41	SNP
chr6_33590061_C_G	33590061	1.92	1.11	3.49	0.02453	0.07	0.08	0.05	SNP
chr6_32411833_C_T	32411833	0.68	0.48	0.95	0.02459	0.46	0.43	0.49	SNP
chr6_31248995_C_T	31248995	0.45	0.22	0.90	0.02461	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_31236467_G_C	31236467	1.39	1.04	1.85	0.02465	0.34	0.37	0.30	SNP
chr6_32603177_A_G	32603177	1.58	1.07	2.38	0.02471	0.17	0.19	0.14	SNP
chr6_32781076_C_A	32781076	1.99	1.13	3.79	0.02472	0.06	0.07	0.04	SNP
chr6_32376176_G_C	32376176	0.66	0.46	0.95	0.02475	0.35	0.32	0.38	SNP
chr6_32376348_G_A	32376348	0.65	0.44	0.94	0.02491	0.31	0.29	0.34	SNP
chr6_33377506_G_C	33377506	0.46	0.24	0.91	0.02493	0.04	0.03	0.05	SNP
chr6_32409787_T_C	32409787	0.67	0.47	0.95	0.02496	0.45	0.42	0.48	SNP
chr6_32520460_C_T	32520460	0.67	0.48	0.95	0.02496	0.41	0.39	0.45	SNP
chr6_32606942_G_A	32606942	0.67	0.47	0.95	0.02497	0.40	0.37	0.43	SNP
chr6_32441150_C_T	32441150	0.67	0.48	0.95	0.02512	0.40	0.37	0.43	SNP
chr6_32605646_T_G	32605646	0.67	0.47	0.95	0.02513	0.40	0.37	0.43	SNP
chr6_31473730_G_A	31473730	3.03	1.25	9.08	0.02517	0.03	0.04	0.01	SNP
chr6_32188383_T_C	32188383	1.42	1.05	1.95	0.02519	0.45	0.48	0.40	SNP
chr6_32608856_T_C	32608856	0.67	0.47	0.95	0.02570	0.37	0.35	0.41	SNP
chr6_33048975_G_A	33048975	0.40	0.17	0.89	0.02586	0.02	0.02	0.04	SNP
chr6_29716169_G_T	29716169	0.40	0.17	0.89	0.02592	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_32611243_C_T	32611243	0.66	0.46	0.95	0.02608	0.38	0.36	0.42	SNP
chr6_32605501_C_G	32605501	0.67	0.48	0.95	0.02615	0.43	0.41	0.47	SNP
chr6_32375280_C_G	32375280	0.67	0.47	0.95	0.02641	0.35	0.32	0.38	SNP
chr6_31430951_C_T	31430951	0.54	0.31	0.93	0.02645	0.07	0.06	0.09	SNP
chr6_32550819_C_A	32550819	0.67	0.47	0.95	0.02647	0.38	0.36	0.42	SNP
chr6_32192331_C_A	32192331	0.71	0.53	0.96	0.02753	0.48	0.51	0.42	SNP
chr6_32610403_C_A	32610403	0.67	0.47	0.96	0.02754	0.39	0.36	0.42	SNP
chr6_32943151_C_T	32943151	1.35	1.04	1.77	0.02758	0.39	0.41	0.36	SNP
chr6_31324750_G_A	31324750	0.56	0.33	0.94	0.02772	0.08	0.07	0.12	SNP
chr6_32806576_C_T	32806576	1.45	1.04	2.02	0.02798	0.47	0.49	0.42	SNP
chr6_32604259_C_T	32604259	0.67	0.47	0.96	0.02802	0.39	0.37	0.43	SNP
chr6_31320687_C_A	31320687	0.57	0.34	0.94	0.02826	0.07	0.06	0.10	SNP
chr6_32375330_G_A	32375330	0.67	0.47	0.96	0.02856	0.35	0.33	0.38	SNP
chr6_32612008_T_C	32612008	0.67	0.47	0.96	0.02856	0.37	0.35	0.41	SNP
chr6_32605336_G_A	32605336	0.68	0.48	0.96	0.02896	0.40	0.37	0.43	SNP
chr6_30876996_G_C	30876996	1.54	1.05	2.29	0.02933	0.15	0.16	0.11	SNP
xHLA_2field_DPB1_01_01	33043767	0.41	0.18	0.91	0.02940	0.02	0.02	0.04	HLA (xHLA)
chr6_32945097_C_T	32945097	0.42	0.19	0.92	0.02969	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_33384473_C_T	33384473	1.73	1.07	2.89	0.02977	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_30849822_G_A	30849822	1.58	1.06	2.41	0.02985	0.12	0.14	0.09	SNP
chr6_32821447_C_T	32821447	1.65	1.06	2.64	0.03016	0.17	0.19		



chr6_31235869_T_C	31235869	1.62	1.05	2.57	0.0325	0.23	0.26	0.19	SNP
chr6_32551638_C_T	32551638	2.01	1.09	3.98	0.0334	0.06	0.07	0.04	SNP
chr6_31240041_T_C	31240041	0.67	0.47	0.97	0.03347	0.42	0.41	0.45	SNP
chr6_31977391_T_C	31977391	1.70	1.05	2.82	0.03345	0.23	0.25	0.21	SNP
chr6_30864927_C_T	30864927	2.03	1.09	4.07	0.03358	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_32606732_G_A	32606732	0.69	0.49	0.97	0.03391	0.40	0.38	0.43	SNP
chr6_32606052_T_G	32606052	0.69	0.48	0.97	0.03418	0.40	0.38	0.44	SNP
chr6_32605724_A_G	32605724	0.69	0.49	0.97	0.03434	0.39	0.37	0.42	SNP
chr6_31241370_T_C	31241370	1.42	1.03	1.98	0.03440	0.36	0.37	0.34	SNP
chr6_31543101_G_A	31543101	2.38	1.12	5.71	0.03455	0.04	0.05	0.02	SNP
chr6_32611234_C_T	32611234	0.68	0.47	0.97	0.03484	0.38	0.36	0.41	SNP
chr6_32184066_G_T	32184066	1.38	1.02	1.86	0.03496	0.45	0.48	0.40	SNP
chr6_33137570_C_T	33137570	0.43	0.19	0.94	0.03502	0.02	0.02	0.04	SNP
chr6_33158898_C_T	33158898	0.43	0.19	0.94	0.03502	0.02	0.02	0.04	SNP
chr6_32805049_T_C	32805049	1.37	1.02	1.84	0.03547	0.47	0.49	0.42	SNP
chr6_33138021_G_A	33138021	0.43	0.19	0.95	0.03558	0.02	0.02	0.04	SNP
chr6_32551541_C_T	32551541	1.64	1.04	2.61	0.03563	0.21	0.22	0.20	SNP
chr6_32166380_C_G	32166380	2.24	1.10	5.05	0.03567	0.04	0.05	0.02	SNP
chr6_32171279_C_T	32171279	2.24	1.10	5.05	0.03567	0.04	0.05	0.02	SNP
chr6_32171288_C_T	32171288	2.24	1.10	5.05	0.03567	0.04	0.05	0.02	SNP
chr6_32802807_C_T	32802807	0.65	0.43	0.97	0.03581	0.11	0.10	0.14	SNP
chr6_32633811_C_T	32633811	2.05	1.09	4.21	0.03586	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_32604108_T_C	32604108	0.69	0.49	0.98	0.03604	0.40	0.37	0.43	SNP
chr6_30863642_C_G	30863642	1.60	1.04	2.60	0.03607	0.14	0.16	0.16	SNP
chr6_31239449_C_G	31239449	0.53	0.30	0.96	0.03611	0.17	0.17	0.19	SNP
chr6_32558183_G_T	32558183	0.71	0.51	0.98	0.03641	0.45	0.48	0.39	SNP
chr6_29910947_T_A	29910947	0.58	0.35	0.97	0.03643	0.08	0.07	0.10	SNP
chr6_31243884_G_A	31243884	0.65	0.44	0.98	0.03658	0.22	0.22	0.23	SNP
chr6_32945466_A_G	32945466	0.50	0.26	0.96	0.03690	0.08	0.07	0.08	SNP
chr6_32610968_A_G	32610968	0.68	0.47	0.98	0.03698	0.35	0.33	0.39	SNP
chr6_32163274_G_A	32163274	2.23	1.10	5.02	0.03713	0.04	0.05	0.02	SNP
chr6_32559212_A_G	32559212	0.69	0.48	0.98	0.03743	0.38	0.36	0.42	SNP
chr6_31322996_C_T	31322996	1.37	1.02	1.85	0.03751	0.38	0.40	0.34	SNP
chr6_30889389_T_C	30889389	1.56	1.04	2.39	0.03760	0.13	0.15	0.10	SNP
chr6_32611216_A_G	32611216	1.58	1.04	2.46	0.03761	0.11	0.13	0.08	SNP
chr6_30859355_G_A	30859355	1.55	1.04	2.37	0.03766	0.13	0.14	0.09	SNP
chr6_30887972_C_T	30887972	1.52	1.03	2.28	0.03773	0.14	0.15	0.11	SNP
chr6_32635248_A_T	32635248	0.69	0.49	0.98	0.03784	0.31	0.29	0.35	SNP
chr6_31894626_A_G	31894626	0.71	0.51	0.98	0.03798	0.42	0.41	0.46	SNP
chr6_30877202_T_C	30877202	1.51	1.03	2.26	0.03815	0.15	0.16	0.11	SNP
chr6_31321919_G_T	31321919	2.14	1.08	4.63	0.03832	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_32604538_G_A	32604538	0.68	0.47	0.98	0.03858	0.43	0.41	0.46	SNP
chr6_32405821_T_C	32405821	0.67	0.46	0.98	0.03874	0.31	0.29	0.34	SNP
chr6_32191581_T_A	32191581	1.49	1.03	2.19	0.03880	0.14	0.15	0.14	SNP
chr6_31248114_C_T	31248114	0.48	0.23	0.97	0.03914	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_31127562_C_T	31127562	1.67	1.04	2.75	0.03917	0.21	0.23	0.16	SNP
chr6_32191730_G_A	32191730	1.41	1.02	1.98	0.03927	0.25	0.27	0.22	SNP
chr6_32804570_G_A	32804570	1.39	1.02	1.91	0.03990	0.44	0.46	0.40	SNP
chr6_32612041_A_G	32612041	0.69	0.48	0.98	0.04007	0.38	0.36	0.42	SNP
chr6_32611760_G_T	32611760	0.69	0.48	0.98	0.04016	0.38	0.36	0.42	SNP
chr6_32193270_A_G	32193270	1.38	1.02	1.88	0.04022	0.28	0.30	0.25	SNP
chr6_32193698_A_T	32193698	1.38	1.02	1.88	0.04022	0.28	0.30	0.25	SNP
chr6_32604059_A_G	32604059	0.69	0.49	0.98	0.04033	0.39	0.37	0.43	SNP
chr6_32781121_G_C	32781121	1.86	1.06	3.47	0.04040	0.06	0.07	0.04	SNP
chr6_31430060_G_T	31430060	2.46	1.10	6.28	0.04047	0.03	0.04	0.02	SNP
chr6_32605101_A_G	32605101	0.69	0.49	0.98	0.04049	0.40	0.37	0.43	SNP
chr6_32973281_C_T	32973281	1.31	1.01	1.70	0.04050	0.49	0.51	0.45	SNP
chr6_32604657_G_A	32604657	0.69	0.49	0.98	0.04058	0.39	0.37	0.43	SNP
chr6_31379752_C_T	31379752	0.58	0.34	0.98	0.04076	0.06	0.06	0.08	SNP
chr6_32609358_C_T	32609358	0.69	0.48	0.98	0.04106	0.37	0.35	0.40	SNP
chr6_32303672_T_A	32303672	1.82	1.05	3.35	0.04119	0.06	0.07	0.04	SNP
chr6_32633971_A_G	32633971	0.70	0.49	0.99	0.04129	0.27	0.25	0.31	SNP
chr6_32409305_T_C	32409305	0.71	0.50	0.99	0.04148	0.45	0.43	0.49	SNP
chr6_32411523_T_C	32411523	0.71	0.50	0.99	0.04148	0.45	0.43	0.49	SNP
chr6_32983139_G_A	32983139	0.68	0.47	0.99	0.04151	0.23	0.22	0.24	SNP
chr6_32338283_G_T	32338283	1.50	1.02	2.24	0.04153	0.26	0.29	0.21	SNP
chr6_31325090_T_C	31325090	1.54	1.02	2.34	0.04155	0.40	0.41	0.37	SNP
chr6_32612104_C_T	32612104	0.69	0.48	0.99	0.04167	0.39	0.37	0.42	SNP
chr6_32612111_G_A	32612111	0.69	0.48	0.99	0.04167	0.39	0.37	0.42	SNP
chr6_29893919_G_C	29893919	0.56	0.32	0.98	0.04171	0.05	0.04	0.07	SNP
chr6_32606217_G_A	32606217	0.69	0.49	0.99	0.04188	0.40	0.37	0.43	SNP
chr6_32608417_G_A	32608417	0.69	0.49	0.99	0.04232	0.39	0.37	0.42	SNP
chr6_32797466_G_A	32797466	1.74	1.03	3.01	0.04234	0.11	0.12	0.08	SNP
chr6_32610860_G_T	32610860	0.69	0.48	0.99	0.04250	0.38	0.36	0.41	SNP
chr6_32604151_C_T	32604151	0.70	0.49	0.99	0.04292	0.39	0.37	0.43	SNP
chr6_31321364_G_A	31321364	0.60	0.36	0.99	0.04308	0.07	0.06	0.09	SNP
chr6_31125978_A_T	31125978	1.78	1.03	3.16	0.04319	0.22	0.24	0.17	SNP
chr6_31240635_G_C	31240635	0.65	0.42	0.99	0.04326	0.12	0.11	0.14	SNP
chr6_32627367_G_A	32627367	0.50	0.25	0.99	0.04328	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_32407906_T_C	32407906	2.06	1.07	4.40	0.04336	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_29941851_G_T	29941851	0.53	0.29	0.98	0.04342	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_31322367_T_G	31322367	0.61	0.38	0.99	0.04346	0.07	0.06	0.09	SNP
chr6_32793981_C_A	32793981	0.71	0.51	0.99	0.04398	0.25	0.23	0.30	SNP
chr6_32780914_G_A	32780914	1.83	1.05	3.40	0.04402	0.06	0.07	0.04	SNP
chr6_32559708_G_A	32559708	0.69	0.48	0.99	0.04407	0.38	0.36	0.42	SNP
chr6_32635230_G_A	32635230	0.70	0.50	0.99	0.04423	0.31	0.30	0.36	SNP
chr6_31322402_C_T	31322402	0.73	0.54	0.99	0.04437	0.34	0.33	0.35	SNP
chr6_29910473_G_A	29910473	0.60	0.36	0.99	0.04437	0.08	0.07	0.11	SNP
chr6_30867666_T_C	30867666	1.48	1.02	2.20	0.04446	0.15	0.16	0.11	SNP
chr6_32611265_C_T	32611265	0.69	0.48	0.99	0.04448	0.38	0.36	0.41	SNP
chr6_29893960_T_C	29893960	0.68	0.47	0.99	0.04453	0.22	0.21	0.24	SNP
chr6_30857072_G_C	30857072	1.52	1.02	2.32	0.04454	0.14	0.16	0.11	SNP
chr6_30852747_C_T	30852747	1.51	1.02	2.28	0.04457	0.14	0.16	0.11	SNP
chr6_29759222_G_A	29759222	0.46	0.21	0.98	0.04486	0.02	0.02	0.04	SNP
chr6_32184094_G_A	32184094	1.35	1.01	1.82	0.04514	0.46	0.49	0.41	SNP
chr6_32605418_G_A	32605418	0.70	0.49	0.99	0.04521	0.39	0.37	0.43	SNP
chr6_32782387_G_A	32782387	0.72	0.52	0.99	0.04523	0.23	0.22	0.26	SNP
chr6_32803999_A_T	32803999	0.46	0.21	0.98	0.04560	0.02	0.02	0.04	SNP
chr6_33257162_C_T	33257162	1.51	1.02	2.30	0.04570	0.14	0.16	0.12	SNP
chr6_33382288_A_G	33382288	1.58	1.02	2.50	0.04592	0.11	0.12	0.08	SNP
chr6_32798647_A_T	32798647	0.46	0.21	0.98	0.04642	0.02	0.02	0.04	SNP
chr6_31322855_C_T	31322855	0.61	0.38	1.00	0.04663	0.07	0.06	0.09	SNP
chr6_29911069_A_T	29911069	0.61	0.37	1.00	0.04670	0.08	0.07	0.10	SNP
chr6_32370616_T_C	32370616	0.69	0.48	0.99	0.04685	0.34	0.32	0.37	SNP
chr6_30865115_G_A	30865115	1.67	1.02	2.82	0.04706	0.14	0.16	0.10	SNP
chr6_32604564_C_T	32604564	0.69	0.48	0.99	0.04726	0.43	0.41	0.46	SNP
chr6_32187605_G_A	32187605	0.72	0.52	1.00	0.04736	0.45	0.43	0.51	SNP
chr6_33160906_G_T	33160906	0.39	0.15	0.99	0.04758	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_32184221_G_A	32184221	1.35	1.00	1.81	0.04782	0.46	0.49	0.41	SNP
chr6_31930462_G_A	31930462	1.60	1.02	2.59	0.04803	0.10	0.11	0.08	SNP
chr6_33132931_T_C	33132931	1.35	1.00	1.81	0.04804	0.48	0.50	0.43	SNP
chr6_32297209_G_A	32297209	1.83	1.03	3.46	0.04811	0.06	0.07	0.04	SNP

**Supplementary Table 8.** Association analysis of renal involvement in all AAV patients versus controls, adjusting for sex and genetic structure (principal components 1-4).

Variant	position	OR	CI_lower	CI_upper	p	MAF	MAF_cases	MAF_controls	Type (SNP, HLA (xHLA))
xHLA_2field_DRB1_04_04	32546552	4.31	2.37	8.56	6.96E-06	0.09	0.12	0.04	HLA (xHLA)
chr6_31324531_C	31324531	0.44	0.29	0.66	7.64E-05	0.33	0.30	0.38	SNP
chr6_29892107_C	29892107	2.08	1.41	3.13	0.00030	0.23	0.25	0.18	SNP
chr6_31244961_G	31244961	4.29	2.03	10.34	0.00040	0.06	0.08	0.03	SNP
chr6_31235775_C	31235775	3.00	1.64	5.88	0.00070	0.08	0.09	0.04	SNP
chr6_32796310_A	32796310	6.08	2.38	20.68	0.00080	0.04	0.05	0.01	SNP
chr6_31113052_G	31113052	0.54	0.38	0.78	0.00086	0.31	0.29	0.34	SNP
chr6_32376517_C	32376517	2.45	1.47	4.27	0.00088	0.09	0.11	0.06	SNP
chr6_31320687_C	31320687	2.90	1.59	5.68	0.00096	0.07	0.09	0.04	SNP
chr6_32369488_G	32369488	2.36	1.43	4.06	0.00122	0.10	0.11	0.06	SNP
chr6_29893922_A	29893922	2.00	1.33	3.10	0.00123	0.22	0.24	0.19	SNP
chr6_31247108_G	31247108	3.36	1.68	7.42	0.00127	0.07	0.08	0.03	SNP
chr6_33032851_C	33032851	2.68	1.51	5.09	0.00134	0.08	0.09	0.04	SNP
chr6_33037199_G	33037199	2.68	1.51	5.09	0.00134	0.08	0.09	0.04	SNP
chr6_33033274_C	33033274	2.66	1.50	5.05	0.00148	0.08	0.09	0.04	SNP
chr6_29892137_G	29892137	1.84	1.27	2.71	0.00151	0.26	0.28	0.22	SNP
chr6_29896105_G	29896105	1.87	1.28	2.78	0.00153	0.24	0.26	0.20	SNP
chr6_31246015_C	31246015	2.98	1.56	6.08	0.00164	0.07	0.08	0.03	SNP
chr6_31246542_G	31246542	2.96	1.56	6.09	0.00170	0.07	0.08	0.03	SNP
chr6_29893960_T	29893960	1.95	1.30	3.00	0.00181	0.22	0.24	0.19	SNP
chr6_32628195_A	32628195	3.61	1.73	8.91	0.00185	0.05	0.07	0.02	SNP
chr6_31246668_G	31246668	3.06	1.57	6.49	0.00188	0.06	0.08	0.03	SNP
chr6_31238538_G	31238538	2.82	1.56	5.66	0.00196	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31241032_A	31241032	2.80	1.50	5.62	0.00210	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31244298_A	31244298	2.80	1.50	5.63	0.00218	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_29892203_C	29892203	1.81	1.25	2.67	0.00221	0.26	0.28	0.23	SNP
chr6_29895701_T	29895701	1.81	1.25	2.67	0.00232	0.23	0.25	0.19	SNP
chr6_33041734_C	33041734	2.56	1.44	4.86	0.00232	0.08	0.09	0.04	SNP
chr6_31245909_G	31245909	2.84	1.47	5.56	0.00236	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31237779_C	31237779	2.83	1.49	5.75	0.00238	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31324599_T	31324599	0.51	0.33	0.79	0.00252	0.16	0.14	0.22	SNP
chr6_31246100_A	31246100	2.75	1.47	5.52	0.00253	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31235998_G	31235998	0.61	0.44	0.84	0.00256	0.22	0.20	0.27	SNP
chr6_31246231_C	31246231	2.74	1.47	5.51	0.00256	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31241793_G	31241793	2.76	1.47	5.57	0.00257	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31244151_T	31244151	2.75	1.47	5.52	0.00257	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31245180_T	31245180	2.76	1.47	5.57	0.00259	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31245182_G	31245182	2.76	1.47	5.57	0.00259	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31245476_A	31245476	2.74	1.47	5.49	0.00266	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31246095_T	31246095	2.73	1.46	5.47	0.00273	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31246676_C	31246676	2.83	1.48	5.85	0.00289	0.07	0.08	0.03	SNP
chr6_31246119_T	31246119	2.70	1.45	5.44	0.00303	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31320097_C	31320097	3.22	1.56	7.44	0.00305	0.06	0.07	0.03	SNP
chr6_31246177_G	31246177	2.70	1.44	5.43	0.00306	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31246652_G	31246652	2.78	1.46	5.74	0.00319	0.06	0.08	0.03	SNP
chr6_31246410_G	31246410	2.69	1.44	5.41	0.00319	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_31245177_G	31245177	2.71	1.44	5.47	0.00321	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_29892217_T	29892217	1.76	1.21	2.60	0.00368	0.26	0.28	0.23	SNP
chr6_29897770_G	29897770	1.71	1.20	2.49	0.00371	0.27	0.29	0.24	SNP
chr6_32629859_G	32629859	0.57	0.38	0.83	0.00372	0.42	0.40	0.46	SNP
chr6_30229267_G	30229267	2.61	1.38	5.10	0.00381	0.12	0.12	0.10	SNP
chr6_30867958_T	30867958	0.58	0.40	0.84	0.00421	0.12	0.10	0.17	SNP
chr6_29892229_T	29892229	1.76	1.20	2.61	0.00424	0.26	0.27	0.23	SNP
chr6_31365547_G	31365547	2.74	1.47	5.57	0.00429	0.10	0.12	0.07	SNP
chr6_31113106_G	31113106	0.58	0.39	0.84	0.00447	0.29	0.28	0.31	SNP
chr6_32786882_T	32786882	2.31	1.33	4.27	0.00455	0.08	0.09	0.04	SNP
chr6_33039625_T	33039625	1.85	1.23	2.89	0.00465	0.12	0.14	0.08	SNP
chr6_29892732_G	29892732	1.72	1.19	2.54	0.00468	0.23	0.24	0.19	SNP
chr6_33048640_G	33048640	2.17	1.30	3.83	0.00471	0.10	0.12	0.06	SNP
chr6_29893159_G	29893159	2.74	1.29	2.67	0.00474	0.23	0.24	0.20	SNP
chr6_29892233_T	29892233	1.74	1.19	2.59	0.00486	0.26	0.27	0.23	SNP
chr6_29896925_C	29896925	1.59	1.15	2.21	0.00517	0.34	0.36	0.30	SNP
chr6_31777946_C	31777946	1.63	1.16	2.30	0.00535	0.36	0.38	0.32	SNP
chr6_31118565_G	31118565	0.59	0.40	0.85	0.00540	0.29	0.28	0.31	SNP
chr6_31246993_G	31246993	2.74	1.29	4.05	0.00541	0.09	0.11	0.09	SNP
chr6_31244436_C	31244436	2.74	1.39	5.88	0.00562	0.06	0.08	0.03	SNP
chr6_31371587_G	31371587	2.66	1.38	5.63	0.00597	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_29910761_G	29910761	1.74	1.18	2.62	0.00628	0.33	0.35	0.29	SNP
chr6_29856279_T	29856279	0.39	0.20	0.76	0.00647	0.04	0.03	0.08	SNP
chr6_31239742_G	31239742	2.65	1.35	5.58	0.00673	0.07	0.08	0.04	SNP
chr6_29858357_A	29858357	0.45	0.25	0.79	0.00673	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_33043520_C	33043520	2.21	1.28	4.05	0.00685	0.08	0.09	0.04	SNP
chr6_31475513_G	31475513	0.31	0.13	0.71	0.00700	0.02	0.01	0.04	SNP
chr6_31921475_A	31921475	1.61	1.14	2.29	0.00721	0.40	0.42	0.36	SNP
chr6_31117695_G	31117695	0.55	0.39	0.81	0.00754	0.05	0.07	0.03	SNP
xHLA_2field_B_15_01	31321652	0.54	0.35	0.85	0.00763	0.11	0.10	0.14	HLA (xHLA)
chr6_29896636_C	29896636	1.66	1.15	2.43	0.00765	0.25	0.26	0.22	SNP
chr6_30877760_A	30877760	0.61	0.42	0.88	0.00770	0.14	0.12	0.18	SNP
chr6_31133870_A	31133870	2.64	1.34	5.65	0.00784	0.05	0.07	0.03	SNP
chr6_31340819_A	31340819	0.64	0.49	0.90	0.00797	0.44	0.42	0.46	SNP
chr6_31117673_C	31117673	2.64	1.34	5.68	0.00800	0.05	0.07	0.03	SNP
chr6_31112484_C	31112484	2.62	1.33	5.62	0.00824	0.05	0.07	0.03	SNP
chr6_31126697_C	31126697	2.62	1.33	5.62	0.00824	0.05	0.07	0.03	SNP
chr6_31127694_G	31127694	2.62	1.33	5.62	0.00824	0.05	0.07	0.03	SNP
chr6_31127800_C	31127800	2.62	1.33	5.62	0.00824	0.05	0.07	0.03	SNP
chr6_29896713_G	29896713	1.63	1.14	2.37	0.00826	0.25	0.27	0.22	SNP
chr6_31112899_T	31112899	0.58	0.38	0.87	0.00839	0.28	0.27	0.30	SNP
chr6_31129707_C	31129707	2.61	1.33	5.60	0.00841	0.05	0.07	0.03	SNP
chr6_31592064_C	31592064	0.40	0.20	0.79	0.00852	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_31133663_C	31133663	2.60	1.32	5.58	0.00866	0.05	0.07	0.03	SNP
chr6_30883910_C	30883910	1.57	1.11	2.08	0.00880	0.31	0.44	0.38	SNP
chr6_32551568_C	32551568	0.64	0.46	0.89	0.00882	0.01	0.28	0.36	SNP
chr6_29893982_C	29893982	1.75	1.16	2.71	0.00886	0.21	0.23	0.19	SNP
chr6_32797488_T	32797488	1.57	1.12	2.21	0.00908	0.33	0.36	0.28	SNP
chr6_32633819_A	32633819	0.60	0.41	0.88	0.00912	0.44	0.41	0.47	SNP
xHLA_2field_DQB1_03_02	32627244	1.76	1.16	2.72	0.00926	0.22	0.24	0.19	HLA (xHLA)
chr6_30882856_A	30882856	1.53	1.11	2.11	0.00945	0.41	0.44	0.36	SNP
chr6_31118898_A	31118898	2.68	1.32	5.95	0.00963	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_31125257_C	31125257	2.58	1.30	5.57	0.00972	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_32610401_A	32610401	1.73	1.15	2.64	0.00977	0.30	0.31	0.26	SNP
chr6_30949822_C	30949822	0.62	0.43	0.89	0.00978	0.12	0.10	0.17	SNP
chr6_31132956_G	31132956	2.59	1.30	5.58	0.00982	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_32629514_T	32629514	0.49	0.29	0.84	0.00992	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_31125402_C	31125402	2.58	1.30	5.57	0.00994	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_32942354_G	32942354	0.31	0.13	0.76	0.01003	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_32942355_G	32942355	0.31	0.13	0.76	0.01003	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_31894626_A	31894626	1.53	1.11	2.13	0.01018	0.42	0.45	0.38	SNP
chr6_32943108_T	32943108	0.32	0.13	0.76	0.01034	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_31240041_C	31240041	1.64	1.13	2.42	0.01049	0.42	0.44	0.38	SNP
chr6_29896773_C	29896773	1.62	1.13	2.37	0.01055	0.25	0.26	0.22	SNP
chr6_31320654_C	31320654	2.64	1.33	5.63	0.01058	0.18	0.20	0.15	SNP
chr6_30893									

chr6_32373378_A_T	32373378	0.52	0.31	0.87	0.01311	0.09	0.08	0.12	SNP
chr6_31129616_G_A	31129616	0.30	0.29	0.90	0.01342	0.29	0.28	0.31	SNP
xHLA_2field_C_04_01	31236526	2.18	1.21	4.21	0.01395	0.07	0.08	0.04	HLA(xHLA)
chr6_29901865_G_C	29901865	1.54	1.10	2.18	0.01407	0.29	0.30	0.27	SNP
chr6_30890055_T_C	30890055	1.48	1.08	2.04	0.01444	0.41	0.43	0.36	SNP
chr6_32629259_T_C	32629259	1.66	1.11	2.50	0.01454	0.23	0.24	0.20	SNP
chr6_32184705_G_G	32184705	1.51	1.09	2.20	0.01474	0.32	0.34	0.27	SNP
chr6_31125569_G_T	31125569	0.68	0.50	0.93	0.01481	0.43	0.42	0.45	SNP
chr6_30878579_A_T	30878579	0.64	0.45	0.92	0.01494	0.15	0.13	0.19	SNP
chr6_32153409_A_C	32153409	1.54	1.09	2.19	0.01501	0.44	0.47	0.40	SNP
chr6_32187722_T_C	32187722	1.50	1.08	2.08	0.01504	0.43	0.46	0.37	SNP
chr6_31239501_G_T	31239501	2.43	1.23	5.19	0.01509	0.06	0.08	0.04	SNP
chr6_31320241_G_A	31320241	1.73	1.20	2.72	0.01518	0.22	0.22	0.21	SNP
chr6_29856552_C_T	29856552	0.45	0.23	0.85	0.01532	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_30887972_C_T	30887972	0.64	0.45	0.92	0.01543	0.14	0.12	0.18	SNP
chr6_31324764_C_A	31324764	0.37	0.16	0.82	0.01556	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_31321329_G_A	31321329	2.52	1.24	5.62	0.01585	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_31321336_G_A	31321336	2.52	1.24	5.62	0.01585	0.05	0.06	0.03	SNP
chr6_31462002_G_C	31462002	0.53	0.32	0.89	0.01600	0.09	0.07	0.13	SNP
chr6_31112925_T_C	31112925	0.61	0.40	0.91	0.01602	0.28	0.28	0.29	SNP
chr6_31105633_T_C	31105633	0.63	0.43	0.92	0.01619	0.22	0.21	0.25	SNP
chr6_31320562_C_T	31320562	0.57	0.36	0.90	0.01631	0.20	0.20	0.22	SNP
chr6_31126232_C_T	31126232	2.53	1.23	5.67	0.01647	0.05	0.07	0.03	SNP
chr6_30515043_T_C	30515043	2.26	1.18	4.47	0.01654	0.12	0.12	0.12	SNP
chr6_30876996_G_C	30876996	0.65	0.45	0.92	0.01655	0.15	0.13	0.19	SNP
chr6_31321110_C_T	31321110	1.80	1.13	2.97	0.01658	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_31843924_T_C	31843924	1.53	1.08	2.17	0.01694	0.38	0.40	0.34	SNP
chr6_3132160801_T_C	31321608	1.91	1.10	3.35	0.01701	0.08	0.06	0.05	SNP
chr6_31320164_G_A	31320164	1.67	1.10	2.57	0.01743	0.23	0.24	0.22	SNP
chr6_31239430_C_T	31239430	0.61	0.41	0.91	0.01767	0.46	0.44	0.52	SNP
chr6_30880757_G_A	30880757	1.46	1.07	1.99	0.01771	0.41	0.43	0.35	SNP
chr6_30887666_T_C	30887666	0.65	0.46	0.93	0.01777	0.15	0.13	0.19	SNP
chr6_31126409_G_G	31126409	0.44	0.22	0.59	0.01794	0.06	0.07	0.03	SNP
chr6_31383239_T_C	31383239	1.91	1.14	3.34	0.01808	0.09	0.11	0.06	SNP
chr6_30882634_C_T	30882634	1.49	1.07	2.09	0.01848	0.41	0.43	0.37	SNP
chr6_33071754_C_A	33071754	1.83	1.13	3.10	0.01848	0.09	0.10	0.06	SNP
chr6_31236467_G_T	31236467	0.71	0.54	0.94	0.01849	0.34	0.32	0.39	SNP
chr6_30889389_T_C	30889389	0.64	0.44	0.93	0.01901	0.13	0.11	0.17	SNP
chr6_31466051_T_A	31466051	0.55	0.33	0.91	0.01905	0.09	0.07	0.13	SNP
chr6_31125158_T_C	31125158	0.69	0.51	0.94	0.01938	0.43	0.42	0.45	SNP
chr6_30877202_T_C	30877202	0.65	0.45	0.93	0.01944	0.15	0.13	0.18	SNP
chr6_32557962_A_G	32557962	0.63	0.43	0.93	0.01955	0.23	0.21	0.28	SNP
chr6_32134656_T_C	32134656	0.50	0.28	0.90	0.01957	0.20	0.18	0.24	SNP
chr6_32627934_G_A	32627934	0.55	0.33	0.91	0.01969	0.18	0.15	0.21	SNP
chr6_29856774_A_G	29856774	1.72	1.10	2.75	0.01985	0.16	0.17	0.15	SNP
chr6_32187605_G_A	32187605	1.47	1.07	2.05	0.01999	0.45	0.48	0.39	SNP
chr6_32410691_G_A	32410691	0.55	0.33	0.91	0.02024	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32628420_C_T	32628420	1.57	1.08	2.30	0.02031	0.45	0.47	0.41	SNP
chr6_30888169_G_A	30888169	0.64	0.44	0.96	0.02032	0.41	0.43	0.36	SNP
chr6_33050078_A_G	33050078	1.73	1.11	2.80	0.02048	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33050079_C_G	33050079	1.73	1.11	2.80	0.02048	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_31117619_C_T	31117619	0.62	0.41	0.93	0.02070	0.29	0.28	0.30	SNP
chr6_32633941_A_G	32633941	0.55	0.33	0.92	0.02133	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_31320309_T_C	31320309	0.71	0.53	0.95	0.02138	0.46	0.44	0.49	SNP
chr6_30885639_A_G	30885639	1.43	1.06	1.96	0.02148	0.41	0.44	0.37	SNP
chr6_30878919_T_C	30878919	0.65	0.46	0.94	0.02163	0.15	0.13	0.18	SNP
chr6_33050499_A_G	33050499	1.72	1.10	2.79	0.02197	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_32636138_A_G	32636138	1.50	1.06	2.13	0.02246	0.32	0.34	0.28	SNP
chr6_31549556_G_G	31549556	0.50	0.27	0.91	0.02266	0.04	0.03	0.07	SNP
chr6_32634318_C_A	32634318	0.55	0.33	0.92	0.02296	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_33052950_T_C	33052950	1.75	1.10	2.88	0.02307	0.09	0.11	0.07	SNP
chr6_29910801_C_A	29910801	1.63	1.08	2.51	0.02317	0.27	0.28	0.24	SNP
chr6_32374595_G_G	32374595	0.51	0.28	0.91	0.02317	0.14	0.13	0.18	SNP
chr6_32375795_G_T	32375795	0.51	0.28	0.91	0.02317	0.14	0.13	0.18	SNP
chr6_31236035_G_A	31236035	1.95	1.12	3.59	0.02331	0.07	0.08	0.05	SNP
chr6_31917540_T_C	31917540	1.47	1.06	2.06	0.02340	0.40	0.42	0.36	SNP
chr6_30850191_T_C	30850191	0.66	0.47	0.95	0.02344	0.15	0.13	0.18	SNP
chr6_30851194_G_G	30851194	0.66	0.47	0.95	0.02344	0.15	0.13	0.18	SNP
chr6_30854090_G_T	30854090	0.66	0.47	0.95	0.02344	0.15	0.13	0.18	SNP
chr6_30855251_G_A	30855251	0.66	0.47	0.95	0.02344	0.15	0.13	0.18	SNP
chr6_30857542_G_A	30857542	0.66	0.47	0.95	0.02344	0.15	0.13	0.18	SNP
chr6_31326959_C_T	31326959	0.35	0.14	0.87	0.02345	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_32793981_C_A	32793981	1.52	1.06	2.20	0.02347	0.25	0.28	0.21	SNP
chr6_32710407_T_C	32710407	0.67	0.33	0.93	0.02367	0.09	0.08	0.11	SNP
chr6_30859520_C_T	30859520	0.66	0.46	0.95	0.02372	0.13	0.12	0.17	SNP
chr6_29853750_G_T	29853750	1.68	1.08	2.67	0.02386	0.16	0.17	0.15	SNP
chr6_31241664_G_A	31241664	2.17	1.13	4.32	0.02400	0.15	0.15	0.15	SNP
chr6_31320642_C_T	31320642	1.54	1.06	2.25	0.02416	0.18	0.20	0.15	SNP
chr6_30887988_T_C	30887988	1.42	1.05	1.93	0.02420	0.41	0.43	0.36	SNP
chr6_32629282_A_T	32629282	0.55	0.33	0.93	0.02423	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32629289_C_A	32629289	0.56	0.33	0.93	0.02431	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_31349844_A_G	31349844	2.60	1.19	6.39	0.02436	0.04	0.05	0.02	SNP
chr6_31324051_C_A	31324051	2.01	1.12	3.81	0.02451	0.08	0.10	0.06	SNP
chr6_33054659_A_G	33054659	1.69	1.09	2.73	0.02489	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_31780721_A_G	31780721	0.71	0.53	0.96	0.02519	0.31	0.29	0.36	SNP
chr6_32629347_T_C	32629347	1.54	1.06	2.25	0.02523	0.45	0.47	0.42	SNP
chr6_30877054_G_A	30877054	0.66	0.46	0.95	0.02525	0.13	0.12	0.17	SNP
chr6_32944575_T_C	32944575	0.38	0.16	0.88	0.02525	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_31243785_T_T	31243785	1.59	1.07	2.40	0.02528	0.17	0.18	0.14	SNP
chr6_32633879_G_G	32633879	0.56	0.34	0.93	0.02545	0.18	0.15	0.21	SNP
chr6_33050089_G_A	33050089	1.70	1.08	2.76	0.02557	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_30861000_C_T	30861000	1.49	1.05	2.12	0.02564	0.42	0.44	0.39	SNP
chr6_29911086_T_C	29911086	1.56	1.06	2.32	0.02569	0.26	0.28	0.23	SNP
chr6_32803408_C_A	32803408	0.44	0.21	0.91	0.02573	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_30867105_C_T	30867105	0.47	0.25	0.95	0.02575	0.15	0.13	0.18	SNP
chr6_32629091_C_G	32629091	0.56	0.33	0.93	0.02582	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32634126_G_A	32634126	0.56	0.33	0.93	0.02583	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_30878769_C_T	30878769	0.67	0.47	0.95	0.02595	0.15	0.13	0.18	SNP
chr6_33053399_T_C	33053399	1.71	1.09	2.81	0.02597	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33647936_C_T	33647936	4.21	1.35	18.55	0.02598	0.02	0.03	0.01	SNP
chr6_33050473_A_G	33050473	1.69	1.08	2.74	0.02609	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_32558183_G_T	32558183	1.44	1.04	1.98	0.02612	0.45	0.43	0.50	SNP
chr6_32798795_A_C	32798795	1.42	1.05	1.94	0.02620	0.39	0.42	0.34	SNP
chr6_31246324_A_C	31246324	2.16	1.11	4.34	0.02643	0.15	0.15	0.15	SNP
chr6_33055079_A_G	33055079	1.68	1.08	2.71	0.02648	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_30865115_G_A	30865115	0.60	0.39	0.94	0.02655	0.14	0.12	0.18	SNP
chr6_32634952_G_T	32634952	0.56	0.33	0.94	0.02684	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32782112_C_T	32782112	0.45	0.22	0.92	0.02699	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_32631109_A_T	32631109	0.50	0.27	0.93	0.02718	0.16	0.14	0.21	SNP
chr6_30884700_C_T	30884700	1.41	1.04	1.92	0.02727	0.41	0.43	0.36	SNP
chr6_30920957_G_A	30920957	0.67	0.47	0.96	0.02730	0.14	0.12	0.18	SNP
chr6_30885686_T_A	30885686	1.42	1.04	1.94	0.02732	0.41	0.43	0.36	

chr6_29908676_T_A	29908676	1.72	1.06	2.85	0.02987	0.15	0.16	0.14	SNP
chr6_31125993_G_G	31125993	5.15	1.13	0.05995	2.30	0.15	0.06	0.11	SNP
chr6_33055123_A_G	33055123	1.66	1.07	2.69	0.03021	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_29913430_C_T	29913430	1.56	1.05	2.36	0.03034	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_30858857_C_T	30858857	0.68	0.47	0.96	0.03034	0.15	0.13	0.18	SNP
chr6_30885821_G_A	30885821	1.41	1.04	1.93	0.03050	0.41	0.43	0.37	SNP
chr6_31726698_C_A	31726698	2.11	1.04	2.04	0.03068	0.38	0.40	0.34	SNP
chr6_31245796_C_T	31245796	2.11	1.09	4.24	0.03072	0.15	0.15	0.15	SNP
chr6_31245821_A_G	31245821	2.12	1.09	4.27	0.03083	0.15	0.15	0.15	SNP
chr6_33053682_G_A	33053682	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053772_G_A	33053772	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053780_T_A	33053780	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053789_A_G	33053789	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053868_A_G	33053868	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053871_A_G	33053871	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053877_G_A	33053877	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053887_A_G	33053887	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053890_G_A	33053890	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053982_G_C	33053982	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054091_C_T	33054091	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054141_T_C	33054141	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054142_G_C	33054142	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054148_C_T	33054148	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054149_T_C	33054149	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054152_A_G	33054152	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054155_C_T	33054155	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054156_G_G	33054156	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054231_T_C	33054231	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054235_T_G	33054235	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054268_C_A	33054268	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054280_T_C	33054280	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054281_A_G	33054281	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054302_T_C	33054302	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054325_G_C	33054325	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054331_T_C	33054331	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054457_A_G	33054457	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054550_G_A	33054550	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054579_T_C	33054579	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054586_A_G	33054586	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054595_C_T	33054595	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054619_G_A	33054619	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054656_A_C	33054656	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054675_G_G	33054675	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054683_A_G	33054683	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054687_G_A	33054687	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054711_G_T	33054711	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054721_C_T	33054721	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054807_A_G	33054807	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054890_C_T	33054890	1.64	1.06	2.62	0.03092	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_31429913_G_C	31429913	0.43	0.20	0.93	0.03099	0.03	0.02	0.04	SNP
xHLA_2field_DRB1_03_01	32546552	0.43	0.20	0.92	0.03108	0.12	0.11	0.16	HLA (xHLA)
chr6_33055009_C_A	33055009	1.64	1.06	2.62	0.03136	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_32628559_T_C	32628559	0.56	0.33	0.95	0.03148	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32628560_G_G	32628560	0.56	0.33	0.95	0.03164	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32629331_A_G	32629331	1.51	1.04	2.20	0.03177	0.45	0.47	0.42	SNP
chr6_31544189_A_G	31544189	0.53	0.29	0.95	0.03183	0.05	0.04	0.07	SNP
chr6_29897225_C_T	29897225	0.53	0.29	0.94	0.03186	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_29858253_G_A	29858253	1.64	1.05	2.62	0.03188	0.16	0.17	0.15	SNP
chr6_31324953_T_C	31324953	0.63	0.41	0.96	0.03206	0.40	0.39	0.41	SNP
chr6_30882781_G_T	30882781	1.41	1.03	1.93	0.03211	0.41	0.43	0.36	SNP
chr6_33048542_C_T	33048542	1.36	1.03	1.81	0.03225	0.29	0.30	0.24	SNP
chr6_31379059_A_T	31379059	0.36	0.14	0.92	0.03249	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_32629509_G_C	32629509	1.50	1.04	2.19	0.03251	0.46	0.47	0.43	SNP
chr6_33053455_T_C	33053455	1.64	1.06	2.73	0.03255	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_31322790_T_A	31322790	2.35	1.09	5.24	0.03258	0.13	0.13	0.13	SNP
chr6_32633897_T_A	32633897	0.57	0.34	0.96	0.03269	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32633898_C_A	32633898	0.57	0.34	0.96	0.03269	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32634613_T_T	32634613	0.57	0.34	0.96	0.03279	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_31324955_T_C	31324955	0.63	0.41	0.96	0.03280	0.12	0.11	0.16	SNP
chr6_32629417_G_C	32629417	0.57	0.34	0.96	0.03292	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32629400_A_G	32629400	1.50	1.04	2.19	0.03293	0.46	0.48	0.43	SNP
chr6_31239733_C_T	31239733	0.48	0.24	0.95	0.03302	0.05	0.03	0.07	SNP
chr6_31239727_C_A	31239727	0.48	0.24	0.95	0.03305	0.05	0.03	0.07	SNP
chr6_31239601_C_T	31239601	0.47	0.23	0.94	0.03319	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_31238662_C_T	31238662	0.51	0.27	0.95	0.03316	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_31237040_A_T	31237040	0.51	0.27	0.95	0.03326	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_31237254_C_T	31237254	0.51	0.27	0.95	0.03326	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_31238179_C_T	31238179	0.51	0.27	0.95	0.03326	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_31238334_C_T	31238334	0.51	0.27	0.95	0.03326	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_32627851_G_A	32627851	0.56	0.33	0.96	0.03354	0.20	0.18	0.23	SNP
chr6_31122126_C_G	31122126	0.69	0.49	0.97	0.03362	0.42	0.40	0.44	SNP
chr6_33053968_T_A	33053968	1.63	1.06	2.61	0.03365	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053971_T_C	33053971	1.63	1.06	2.61	0.03365	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33050125_A_G	33050125	1.68	1.06	2.78	0.03369	0.09	0.10	0.07	SNP
chr6_33054353_A_G	33054353	1.63	1.05	2.61	0.03376	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054355_A_C	33054355	1.63	1.05	2.61	0.03376	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_32627830_C_T	32627830	0.57	0.34	0.96	0.03378	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32635197_T_C	32635197	0.57	0.34	0.96	0.03378	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_31510105_C_A	31510105	1.60	1.04	2.47	0.03379	0.31	0.33	0.27	SNP
chr6_31275663_C_A	31275663	1.61	1.05	2.53	0.03380	0.16	0.17	0.16	SNP
chr6_31350232_G_A	31350232	0.62	0.40	0.96	0.03384	0.23	0.23	0.24	SNP
chr6_32339925_T_A	32339925	1.41	1.03	1.94	0.03418	0.32	0.34	0.29	SNP
chr6_32634243_G_A	32634243	0.58	0.34	0.96	0.03441	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32636364_A_G	32636364	1.40	1.03	1.92	0.03455	0.43	0.45	0.40	SNP
chr6_32627494_T_C	32627494	1.45	1.03	2.08	0.03473	0.35	0.36	0.32	SNP
chr6_31246323_A_G	31246323	0.51	0.27	0.96	0.03479	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_31243846_G_T	31243846	2.08	1.07	4.21	0.03491	0.15	0.15	0.15	SNP
chr6_32628558_G_A	32628558	0.57	0.33	0.96	0.03492	0.17	0.15	0.20	SNP
chr6_33050118_C_T	33050118	1.67	1.05	2.73	0.03511	0.09	0.11	0.07	SNP
chr6_31239999_A_T	31239999	0.55	0.31	0.96	0.03525	0.06	0.05	0.08	SNP
chr6_32786917_A_G	32786917	1.48	1.03	2.15	0.03526	0.25	0.27	0.21	SNP
chr6_31239100_A_G	31239100	0.48	0.24	0.95	0.03554	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_30850582_G_A	30850582	1.40	1.03	1.92	0.03555	0.40	0.42	0.36	SNP
chr6_31321407_C_T	31321407	1.64	1.05	2.64	0.03558	0.10	0.11	0.08	SNP
chr6_31239869_T_C	31239869	0.73	0.55	0.98	0.03558	0.29	0.27	0.33	SNP
chr6_33054046_G_G	33054046	1.62	1.05	2.61	0.03560	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054057_G_A	33054057	1.62	1.05	2.61	0.03560	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054071_G_C	33054071	1.62	1.05	2.61	0.03560	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_32604585_A_T	32604585	1.57	1.03	2.41	0.03583	0.31	0.32	0.29	SNP
chr6_30851305_G_C	30851305	0.68	0.48	0.98	0.03589	0.14	0.13	0.18	SNP
chr6_32633697_T_A	32633697	0.58	0.35	0.97	0.03603	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_33050526_C_T	33050526	1.65	1.05	2.68	0.03605	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_31239630_C_T	31239630	0.47	0.23	0.96	0.03614	0.04	0.03	0.07	SNP

chr6_32406611_C_A	32406611	0.59	0.36	0.97	0.03740	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_29895635_A_A	29895635	1.61	1.04	2.55	0.03745	0.17	0.17	0.15	SNP
chr6_29892815_A_G	29892815	1.61	1.04	2.55	0.03755	0.17	0.17	0.16	SNP
chr6_33054342_T_C	33054342	1.61	1.04	2.59	0.03770	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054373_C_T	33054373	1.61	1.04	2.59	0.03770	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054381_T_C	33054381	1.61	1.04	2.59	0.03770	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054385_C_T	33054385	1.61	1.04	2.59	0.03770	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_32636172_C_T	32636172	1.44	1.02	2.03	0.03777	0.32	0.34	0.29	SNP
chr6_32636154_C_G	32636154	1.44	1.02	2.04	0.03783	0.32	0.33	0.29	SNP
chr6_32629269_C_T	32629269	1.45	1.02	2.06	0.03790	0.31	0.33	0.28	SNP
chr6_32606987_T_G	32606987	1.52	1.03	2.28	0.03801	0.31	0.32	0.28	SNP
chr6_29911203_A_C	29911203	1.62	1.04	2.60	0.03801	0.14	0.16	0.11	SNP
chr6_31778077_G_C	31778077	0.40	0.17	0.95	0.03806	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_29913374_C_G	29913374	1.68	1.04	2.77	0.03815	0.15	0.15	0.14	SNP
chr6_32797684_A_G	32797684	0.71	0.51	0.98	0.03817	0.32	0.30	0.38	SNP
chr6_32635954_G_A	32635954	1.51	1.03	2.26	0.03820	0.22	0.24	0.20	SNP
chr6_30920890_G_A	30920890	1.39	1.02	1.90	0.03832	0.41	0.43	0.37	SNP
chr6_31239297_G_C	31239297	0.48	0.24	0.95	0.03836	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_29913137_A_G	29913137	1.68	1.04	2.77	0.03841	0.15	0.15	0.14	SNP
chr6_31325990_C_A	31325990	1.75	1.05	3.03	0.03849	0.09	0.10	0.06	SNP
chr6_31326024_T_G	31326024	1.75	1.05	3.03	0.03849	0.09	0.10	0.06	SNP
chr6_33052986_T_C	33052986	1.61	1.04	2.58	0.03853	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053723_T_C	33053723	1.61	1.04	2.58	0.03853	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053728_C_T	33053728	1.61	1.04	2.58	0.03853	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_29911684_A_T	29911684	1.52	1.03	2.29	0.03861	0.20	0.20	0.18	SNP
chr6_31239776_A_C	31239776	1.45	1.02	2.08	0.03871	0.29	0.30	0.25	SNP
chr6_32339647_C_G	32339647	0.69	0.49	0.98	0.03881	0.21	0.19	0.26	SNP
chr6_33267652_C_G	33267652	0.46	0.24	1.15	0.03894	0.46	0.48	0.43	SNP
chr6_32627818_C_A	32627818	1.45	1.02	2.07	0.03913	0.28	0.30	0.25	SNP
chr6_32629650_T_C	32629650	0.59	0.35	0.98	0.03922	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32632753_C_T	32632753	0.55	0.31	0.97	0.03935	0.19	0.18	0.22	SNP
chr6_31324750_A_G	31324750	1.87	1.05	3.49	0.03977	0.08	0.09	0.06	SNP
chr6_31127037_C_T	31127037	0.50	0.26	0.97	0.03998	0.03	0.02	0.05	SNP
xHLA_2field_C_01_01	31236526	0.52	0.27	0.97	0.04004	0.04	0.03	0.06	HLA (xHLA)
chr6_31367989_C_A	31367989	1.67	1.04	2.78	0.04006	0.11	0.12	0.08	SNP
chr6_32190390_T_G	32190390	0.69	0.48	0.98	0.04024	0.40	0.38	0.45	SNP
chr6_33053902_A_G	33053902	1.61	1.04	2.59	0.04050	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33053905_C_T	33053905	1.61	1.04	2.59	0.04050	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_31241311_A_G	31241311	2.01	1.05	3.98	0.04058	0.15	0.15	0.15	SNP
chr6_32917544_C_T	32917544	0.64	0.42	0.98	0.04059	0.09	0.08	0.12	SNP
chr6_32634584_C_G	32634584	0.58	0.35	0.98	0.04069	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_33045147_A_T	33045147	1.41	1.02	1.98	0.04081	0.22	0.22	0.18	SNP
chr6_31383824_G_A	31383824	0.49	0.24	0.98	0.04098	0.03	0.03	0.04	SNP
chr6_29909071_G_C	29909071	1.52	1.02	2.28	0.04102	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_29909797_C_T	29909797	1.52	1.02	2.28	0.04102	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_32629066_T_C	32629066	1.44	1.02	2.05	0.04108	0.32	0.33	0.29	SNP
chr6_33054400_T_C	33054400	1.61	1.03	2.58	0.04115	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054404_A_G	33054404	1.61	1.03	2.58	0.04115	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_33054410_A_G	33054410	1.61	1.03	2.58	0.04115	0.10	0.11	0.07	SNP
chr6_30887311_C_T	30887311	1.42	1.02	2.00	0.04123	0.40	0.43	0.35	SNP
chr6_29858840_A_C	29858840	1.60	1.03	2.54	0.04138	0.16	0.17	0.15	SNP
chr6_31380449_C_T	31380449	1.46	1.02	2.10	0.04156	0.33	0.34	0.30	SNP
chr6_31245061_G_T	31245061	0.70	0.50	0.99	0.04160	0.16	0.15	0.20	SNP
chr6_32608478_T_C	32608478	1.52	1.02	2.30	0.04162	0.30	0.32	0.27	SNP
chr6_32629398_G_C	32629398	1.43	1.02	2.01	0.04171	0.33	0.35	0.30	SNP
chr6_30857988_T_C	30857988	0.69	0.48	0.99	0.04173	0.14	0.13	0.18	SNP
chr6_32634467_C_T	32634467	0.58	0.35	0.98	0.04184	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32605132_C_T	32605132	1.49	1.02	2.20	0.04231	0.36	0.38	0.33	SNP
chr6_32633959_T_C	32633959	1.42	1.01	2.00	0.04266	0.33	0.34	0.30	SNP
chr6_29768705_C_A	29768705	0.71	0.51	0.99	0.04269	0.25	0.23	0.28	SNP
chr6_31380387_G_A	31380387	1.65	1.03	2.71	0.04279	0.10	0.11	0.08	SNP
chr6_33053167_A_C	33053167	1.59	1.03	2.54	0.04285	0.10	0.11	0.08	SNP
chr6_31244154_A_C	31244154	0.52	0.28	0.98	0.04298	0.04	0.03	0.06	SNP
chr6_33053477_T_G	33053477	1.63	1.04	2.68	0.04301	0.09	0.10	0.07	SNP
chr6_32559673_T_G	32559673	1.43	1.01	2.04	0.04313	0.38	0.40	0.35	SNP
chr6_32636217_G_A	32636217	1.42	1.01	2.01	0.04348	0.32	0.34	0.29	SNP
chr6_30865725_C_T	30865725	0.68	0.46	0.99	0.04380	0.13	0.11	0.17	SNP
chr6_32413107_G_T	32413107	0.60	0.36	0.99	0.04422	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32412565_G_A	32412565	0.60	0.36	0.99	0.04422	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32412592_G_A	32412592	0.60	0.36	0.99	0.04422	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32412809_T_A	32412809	0.60	0.36	0.99	0.04422	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_33050279_A_G	33050279	1.57	1.03	2.50	0.04424	0.10	0.11	0.08	SNP
chr6_32610947_A_C	32610947	0.46	0.22	0.99	0.04427	0.03	0.02	0.04	SNP
chr6_32629403_C_T	32629403	0.49	0.21	1.01	0.04439	0.23	0.24	0.20	SNP
chr6_32604221_A_G	32604221	0.46	0.22	0.98	0.04445	0.12	0.11	0.16	SNP
chr6_30887344_T_C	30887344	1.40	1.01	1.94	0.04450	0.41	0.43	0.36	SNP
chr6_29892207_G_T	29892207	0.55	0.30	0.98	0.04493	0.04	0.03	0.06	SNP
xHLA_2field_A_01_01	29910309	1.74	1.02	3.02	0.04499	0.15	0.15	0.14	HLA (xHLA)
chr6_32442703_G_A	32442703	0.43	0.19	0.99	0.04554	0.02	0.02	0.03	SNP
chr6_29913639_A_G	29913639	1.50	1.01	2.26	0.04593	0.19	0.20	0.18	SNP
chr6_30858247_C_G	30858247	0.68	0.47	1.00	0.04599	0.14	0.12	0.17	SNP
chr6_30858254_T_C	30858254	0.68	0.47	1.00	0.04599	0.14	0.12	0.17	SNP
chr6_29944577_A_G	29944577	0.47	0.22	0.99	0.04630	0.03	0.02	0.05	SNP
chr6_32605609_G_A	32605609	1.50	1.01	2.25	0.04652	0.31	0.32	0.28	SNP
chr6_31378335_G_C	31378335	0.65	0.43	1.00	0.04664	0.13	0.12	0.14	SNP
chr6_32629330_C_T	32629330	1.43	1.01	2.04	0.04665	0.31	0.33	0.29	SNP
chr6_32634139_C_T	32634139	1.42	1.01	2.01	0.04679	0.33	0.34	0.30	SNP
chr6_30865204_A_C	30865204	0.67	0.45	1.00	0.04680	0.12	0.10	0.16	SNP
chr6_29896108_A_T	29896108	1.58	1.02	2.51	0.04709	0.17	0.18	0.16	SNP
chr6_31851469_A_A	31851469	1.46	1.01	2.13	0.04711	0.38	0.40	0.34	SNP
chr6_30852747_C_T	30852747	0.69	0.48	1.00	0.04716	0.14	0.13	0.18	SNP
chr6_32299908_G_C	32299908	1.49	1.01	2.25	0.04723	0.14	0.16	0.11	SNP
chr6_31538497_T_A	31538497	0.72	0.52	0.99	0.04726	0.37	0.36	0.40	SNP
chr6_31323416_G_C	31323416	2.24	1.02	5.05	0.04737	0.13	0.13	0.14	SNP
chr6_32627812_C_G	32627812	0.60	0.36	1.00	0.04742	0.17	0.15	0.21	SNP
chr6_32605555_T_A	32605555	1.50	1.01	2.24	0.04745	0.31	0.32	0.28	SNP
chr6_29910286_T_C	29910286	0.69	0.48	1.00	0.04745	0.19	0.18	0.22	SNP
chr6_31326157_C_G	31326157	0.40	0.16	1.00	0.04750	0.02	0.01	0.03	SNP
chr6_32170433_C_T	32170433	0.74	0.55	1.00	0.04751	0.49	0.46	0.54	SNP
chr6_33050148_T_C	33050148	1.62	1.02	2.67	0.04753	0.09	0.10	0.07	SNP
xHLA_2field_C_02_02	31236526	0.53	0.28	1.00	0.04770	0.04	0.03	0.05	HLA (xHLA)
chr6_31349805_A_C	31349805	0.71	0.50	1.00	0.04772	0.30	0.29	0.32	SNP
chr6_32628960_T_C	32628960	0.59	0.35	1.00	0.04775	0.18	0.16	0.21	SNP
chr6_29896967_C_T	29896967	1.51	1.01	2.29	0.04794	0.20	0.21	0.19	SNP
chr6_33050024_C_A	33050024	1.57	1.02	2.51	0.04797	0.10	0.11	0.08	SNP
chr6_33050045_T_C	33050045	1.57	1.02	2.51	0.04797	0.10	0.11	0.08	SNP
chr6_32298484_G_T	32298484	0.66	0.43	1.00	0.04812	0.22	0.20	0.27	SNP
chr6_32501311_C_T	32501311	0.72	0.52	1.00	0.04828	0.30	0.28	0.35	SNP
chr6_29909021_C_G	29909021	1.64	1.01	2.70	0.04833	0.15	0.15	0.14	SNP
chr6_33053468_G_T	33053468	1.62	1.02	2.65	0.04835	0.09	0.10	0.07	SNP
chr6_32501459_T_C	32501459	0.72	0.52	1.00	0.04876	0.30	0.28	0.35	SNP
chr6_31466860_G_A	31466860	0.63	0.40	1.00	0.04892	0.09	0.07	0.11	