			Comparison Treg immune vs Treg naive				Comparison Tconv immune vs Tconv naive				Comparison Treg naive vs Tconv naive				Comparison Treg immune vs Tconv immune				Median Signals				Tconv naive Signal			Treg naive Signal		Tconv immune Signal			Treg immune Signal		
			Regulation	Ratio	unpaired Bayes T-test		Regulation	Ratio	unpaired Bayes T-test		Regulation	Ratio	unpaired Bayes T-test		Regulation	Ratio	unpaired Bayes T-test																
Probeset ID	**Gene Title**	**Gene Symbol**	Score	of Medians	p	q	Score	of Medians	p	q	Score	of Medians	p	q	Score	of Medians	p	q	**Tc naive**	**Treg naive**	**Tc immune**	**Treg immune**	**CD4+CD25-_2**	**CD4+CD25-_4**	**CD4+CD25-_3**	**Treg_3+4**	**Treg_1+2**	**Max_J2Tc**	**Max_J1Tc**	**Max_C2Tc**	**CDR3**	**Jimmu_2**	**Jimmu_1**
1425470_at			1,02	1,02	0,5459847	0,999947	1,28	0,78	0,02921275	0,9999446	1,02	0,98	0,7107309	0,9999979	1,28	0,78	0,006370968	0,9999933	4,84	4,78	6,20	4,85	4,84	5,50	4,57	5,28	4,27	5,63	6,50	6,20	4,85	4,84	5,30
1428644_at	mannoside acetylglucosaminyltransferase	Mgat5	1,10	1,10	0,4003034	0,999947	1,14	1,14	0,1693639	0,9999446	1,02	1,02	0,8373879	0,9999979	1,28	1,28	0,009561373	0,9999933	149,67	152,77	131,61	168,30	210,36	149,67	128,07	148,83	156,71	131,61	142,06	108,31	167,27	169,58	168,30
1423686_a_at	proline rich 13	Prr13	1,36	1,36	0,000272401	0,999947	1,59	0,63	0,000229475	0,9999446	1,03	0,97	0,6591645	0,9999979	1,21	0,83	0,007117083	0,9999933	2801,65	2715,11	4449,69	3677,48	2801,65	3078,44	2736,74	2831,11	2599,10	4209,73	5075,65	4449,69	3814,24	3638,02	3677,48
1455898_x_at	solute carrier family 2 (facilitated glucose tr	Slc2a3	1,22	1,22	0,02484902	0,999947	1,17	1,17	0,8420185	0,9999446	1,03	0,97	0,6656418	0,9999979	1,38	1,38	0,00316559	0,9999933	906,86	879,29	777,78	1073,34	906,86	940,89	642,43	934,13	824,45	777,78	916,53	707,12	1016,63	1073,34	1128,94
1442504_at	Transcribed locus		1,34	0,75	0,02276058	0,999947	4,01	4,01	9,77958E-09	0,000437167	1,04	1,04	0,6331713	0,9999979	3,10	3,10	3,4256E-10	1,49771E-05	117,11	124,51	29,23	90,49	126,89	91,52	117,11	96,95	152,08	29,23	22,78	30,72	90,49	98,73	81,05
1421525_a_at	NLR family, apoptosis inhibitory protein 5	Naip5	1,22	1,22	0,0314333	0,999947	2,09	0,48	1,42882E-06	0,06281808	1,07	0,94	0,7620912	0,9999979	1,83	0,55	1,89613E-06	0,07805993	8,15	7,64	17,07	9,35	9,69	8,15	6,43	7,78	7,50	21,53	16,95	17,07	9,35	10,59	9,01
1435078_at	tetratricopeptide repeat, ankyrin repeat anc	Tanc2	1,87	1,87	0,000266861	0,999947	1,55	1,55	0,003497482	0,9999446	1,07	1,07	0,5928538	0,9999979	3,11	3,11	3,15135E-10	1,37837E-05	18,39	19,71	11,86	36,84	19,44	18,39	16,42	20,21	19,21	10,88	11,86	13,18	28,05	38,44	36,84
1428485_at	carbonic anyhydrase 12	Car12	2,37	2,37	2,21871E-06	0,09467469	1,40	1,40	0,01602912	0,9999446	1,08	0,93	0,4070487	0,9999979	3,08	3,08	3,51911E-09	0,00015223	81,44	76,01	58,20	179,18	113,44	75,04	81,44	83,69	68,32	69,50	58,20	51,25	152,76	179,18	196,43
1437052_s_at	solute carrier family 2 (facilitated glucose tr	Slc2a3	1,56	1,56	1,72523E-05	0,7146773	1,05	0,96	0,2989734	0,9999446	1,08	1,08	0,5004175	0,9999979	1,60	1,60	6,27096E-06	0,254463	2694,82	2910,26	2819,21	4522,41	3204,31	2694,82	2104,69	2800,86	3019,67	2713,74	3469,48	2819,21	4385,24	4532,49	4522,41
1443284_at			2,20	2,20	0,000242647	0,999947	1,07	0,93	0,2076296	0,9999446	1,08	1,08	0,2572335	0,9999979	2,23	2,23	2,36499E-08	0,001011128	274,25	360,74	293,40	653,69	305,92	274,25	118,25	565,65	155,83	305,62	235,33	293,40	653,69	698,23	603,28
1418758_a_at	pleckstrin homology, Sec7 and coiled-coil (	Cyth3	1,34	1,34	0,01810694	0,999947	1,15	1,15	0,2763248	0,9999446	1,08	1,08	0,4853908	0,9999979	1,67	1,67	2,07376E-05	0,8258129	743,97	808,68	646,79	1079,05	743,97	827,97	619,51	861,37	755,98	646,79	559,30	685,54	904,04	1102,41	1079,05
1455805_x_at	coiled-coil domain containing 22	Ccdc22	3,93	0,25	5,93033E-09	0,000263799	1,34	1,34	0,173268	0,9999446	1,09	0,92	0,7197471	0,9999979	3,20	0,31	1,8498E-08	0,000792103	158,50	145,63	118,42	37,06	158,50	197,00	119,80	146,86	144,41	142,80	118,42	114,96	56,82	35,79	37,06
1422603_at	ribonuclease, RNase A family 4	Rnase4	1,20	1,20	0,09489951	0,999947	1,48	0,67	0,009350037	0,9999446	1,11	1,11	0,5083047	0,9999979	1,11	0,90	0,3233213	0,9999933	166,76	191,03	247,42	222,61	166,76	191,37	138,84	239,50	142,56	214,40	308,37	247,42	234,16	222,09	222,61
1419060_at	granzyme B	Gzmb	6,96	6,96	4,69291E-13	2,1128E-08	6,35	0,16	5,6769E-12	2,5516E-07	1,11	1,11	0,4172977	0,9999979	1,22	1,22	0,6625432	0,9999933	72,84	84,97	462,70	563,59	61,13	75,54	72,84	110,59	59,34	442,39	743,51	462,70	610,40	512,72	563,59
1423672_at	tetratricopeptide repeat domain 30B	Ttc30b	1,60	1,60	0,02161771	0,999947	1,23	1,23	0,9304351	0,9999446	1,11	1,11	0,1869365	0,9999979	2,19	2,19	9,84087E-08	0,0041681	23,10	30,02	18,84	41,19	23,10	24,31	11,24	45,50	14,54	18,84	19,87	17,60	41,19	36,84	41,90
1420549_at	guanylate nucleotide binding protein 1	Gbp1	1,77	1,77	6,80717E-07	0,02944304	1,68	0,60	0,000530088	0,9999446	1,13	0,88	0,3226297	0,9999979	1,07	0,94	0,852634	0,9999933	1056,66	935,62	1771,54	1658,56	1049,53	1143,83	1056,66	973,46	897,78	1771,54	1787,96	1701,13	1975,15	1658,56	1573,30
1449550_at	myosin IC	Myo1c	1,36	1,36	0,009587564	0,999947	1,05	0,95	0,2850906	0,9999446	1,14	1,14	0,2091044	0,9999979	1,46	1,46	0,000109486	0,9999933	30,52	34,68	32,15	47,02	31,48	30,52	20,48	33,61	35,75	32,15	34,07	29,09	46,94	60,84	47,02
1435828_at	avian musculoaponeurotic fibrosarcoma (v	Maf	1,98	1,98	6,04109E-06	0,2543843	1,58	0,63	0,001853092	0,9999446	1,14	1,14	0,2267187	0,9999979	1,43	1,43	0,02309517	0,9999933	124,26	142,73	196,82	280,81	124,26	138,27	79,26	156,47	128,99	196,82	262,64	171,14	301,17	255,39	280,81
1425471_x_at			1,13	1,13	0,2044669	0,999947	1,38	0,73	0,07892898	0,9999446	1,17	0,86	0,5479609	0,9999979	1,42	0,71	0,03717446	0,9999933	70,48	61,08	96,94	68,45	59,19	70,48	76,54	70,49	51,68	82,20	99,33	96,94	68,45	68,34	79,56
1441727_s_at	zinc finger protein 467	Zfp467	1,18	1,18	0,04821174	0,999947	1,16	1,16	0,9456798	0,9999446	1,18	1,18	0,2174599	0,9999979	1,60	1,60	0,000476883	0,9999933	92,87	110,14	80,38	128,74	111,16	92,87	61,10	123,55	96,73	98,86	80,38	76,65	128,74	128,18	150,17
1452367_at	coronin, actin binding protein 2A	Coro2a	1,34	1,34	0,07597604	0,999947	1,16	0,87	0,0526674	0,9999446	1,18	0,85	0,5167971	0,9999979	1,02	0,98	0,1703888	0,9999933	18,00	15,27	20,79	20,43	18,95	18,00	14,37	14,47	16,06	20,73	20,79	26,48	15,87	22,02	20,43
1455665_at	LON peptidase N-terminal domain and ring	LOC631639 : Lonrf1	1,29	1,29	0,01719756	0,999947	1,37	1,37	0,3108473	0,9999446	1,19	1,19	0,1503327	0,9999979	2,10	2,10	5,76213E-07	0,02403328	111,52	133,53	81,25	170,71	111,52	115,14	69,01	152,34	114,72	81,25	88,81	69,85	198,41	170,71	169,46
1455978_a_at	matrilin 2	Matn2	1,11	0,90	0,2258014	0,999947	1,02	0,98	0,6559958	0,9999446	1,19	1,19	0,1775948	0,9999979	1,05	1,05	0,9212778	0,9999933	5,12	6,17	5,21	5,49	5,60	4,71	5,12	7,15	5,19	6,00	4,89	5,21	5,82	4,89	5,49
1455869_at	Transcribed locus, moderately similar to XP_001477892.1 PRED		1,06	0,95	0,8855478	0,999947	1,20	0,83	0,4058643	0,9999446	1,19	1,19	0,5034783	0,9999979	1,06	0,94	0,8571886	0,9999933	18,49	22,21	22,22	20,87	18,49	22,50	18,20	19,33	25,09	20,96	22,22	22,99	23,74	20,42	20,87
1424034_at	RAR-related orphan receptor alpha	Rora	1,25	1,25	0,04655334	0,999947	1,63	0,61	6,5225E-05	0,9999446	1,20	0,84	0,3740631	0,9999979	1,57	0,64	4,01522E-06	0,1638532	533,66	447,24	872,42	555,87	544,46	452,22	533,66	415,69	478,80	854,93	996,92	872,42	497,82	555,87	588,93
1441761_at	Src-like adaptor	Sla	1,36	1,36	0,00360263	0,999947	2,30	2,30	4,95234E-05	0,9999446	1,20	1,20	0,1132683	0,9999979	3,75	3,75	2,48563E-11	1,09674E-06	344,01	415,49	149,72	561,55	382,32	344,01	239,25	376,54	454,43	167,47	128,87	149,72	568,59	535,13	561,55
1459914_at	mitochondrial carrier triple repeat 6	Mcart6	1,35	1,35	0,006186894	0,999947	1,56	0,64	0,004183295	0,9999446	1,20	0,83	0,4357487	0,9999979	1,39	0,72	0,00120173	0,9999933	177,63	147,86	277,86	199,63	179,33	177,63	158,54	155,04	140,69	277,86	323,19	256,70	188,42	199,63	207,82
1444559_at	Putative homeodomain transcription factor	Phtf2	1,46	1,46	0,009317621	0,999947	1,14	0,87	0,06529006	0,9999446	1,21	1,21	0,05906054	0,9999979	1,54	1,54	0,000435109	0,9999933	16,85	20,47	19,27	29,65	16,85	17,20	9,70	22,68	18,26	16,60	19,27	20,80	29,65	25,65	32,95
1425084_at	GTPase, IMAP family member 7	Gimap7	1,37	1,37	8,19928E-05	0,999947	1,47	0,68	0,000529606	0,9999446	1,21	1,21	0,05152642	0,9999979	1,12	1,12	0,07076601	0,9999933	3618,55	4369,95	5305,97	5966,74	3762,94	2714,12	3618,55	4413,12	4326,78	5305,97	5719,48	4770,64	5798,83	6194,06	5966,74
1438012_at	protein phosphatase 1 (formerly 2C)-like	Ppm1l	1,73	1,73	1,43234E-05	0,5951805	1,54	1,54	0,1723755	0,9999446	1,21	1,21	0,09659108	0,9999979	3,22	3,22	5,13704E-10	2,24201E-05	116,39	142,68	75,55	243,50	116,39	117,10	72,26	164,21	121,15	75,55	64,83	96,30	303,22	243,50	240,81
1420888_at	Bcl2-like 1	Bcl2l1	1,88	1,88	2,30026E-06	0,09810612	1,55	0,64	0,001694257	0,9999446	1,22	1,22	0,2235356	0,9999979	1,48	1,48	0,001547273	0,9999933	236,50	290,42	367,58	544,14	236,50	242,94	229,04	315,63	265,21	367,58	362,53	435,97	544,14	532,63	573,35
1428626_at	LysM, putative peptidoglycan-binding, dom	Lysmd2	1,29	1,29	0,02928435	0,999947	1,77	0,57	0,000348425	0,9999446	1,23	0,81	0,2543213	0,9999979	1,68	0,60	2,0622E-06	0,08481017	399,74	326,39	706,05	421,01	450,85	399,74	340,48	352,02	300,76	706,05	724,67	635,18	452,48	421,01	356,07
1418123_at	unc-119 homolog (C. elegans)	Unc119	1,59	1,59	5,57447E-05	0,999947	1,65	0,60	0,000419787	0,9999446	1,23	1,23	0,1508703	0,9999979	1,18	1,18	0,1849493	0,9999933	211,30	261,26	349,31	413,78	211,30	225,61	186,33	284,75	237,78	331,60	416,26	349,31	393,55	413,78	443,12
1448546_at	Ras association (RalGDS/AF-6) domain fa	Rassf3	1,30	1,30	0,005230519	0,999947	1,10	0,91	0,3209279	0,9999446	1,23	0,81	0,2202755	0,9999979	1,04	0,96	0,4804242	0,9999933	481,81	391,96	529,46	508,11	447,05	481,81	488,13	365,38	418,53	485,50	615,36	529,46	498,31	510,69	508,11
1420064_s_at	transketolase-like 1	Tktl1	1,26	1,26	0,1486581	0,999947	4,84	0,21	1,4908E-08	0,000665925	1,24	0,81	0,2723764	0,9999979	4,75	0,21	2,96912E-09	0,000128536	45,10	39,98	218,18	45,89	44,82	45,10	45,56	56,39	23,57	218,18	300,15	129,61	45,89	39,08	55,84
1434307_at	transmembrane protein 64	Tmem64	1,19	1,19	0,04091688	0,999947	1,12	0,89	0,5229394	0,9999446	1,25	1,25	0,2575178	0,9999979	1,32	1,32	0,004579708	0,9999933	402,83	502,03	451,31	595,28	494,52	402,83	358,20	507,47	496,59	474,00	451,31	439,82	693,82	595,28	581,67
1451634_at	RIKEN cDNA 2810051F02 gene	2810051F02Rik	1,61	1,61	0,003121814	0,999947	1,87	1,87	7,93269E-05	0,9999446	1,27	1,27	0,5927066	0,9999979	3,82	3,82	7,26663E-12	3,21614E-07	57,29	74,72	30,61	116,93	84,49	57,29	56,17	92,62	56,82	30,61	28,56	32,17	101,10	116,93	133,60
1422231_a_at	tumor necrosis factor receptor superfamily,	Tnfrsf25	1,45	1,45	0,000462224	0,999947	1,07	0,94	0,3946827	0,9999446	1,27	0,79	0,1608168	0,9999979	1,07	1,07	0,3797407	0,9999933	939,39	742,04	1003,65	1072,00	1052,61	939,39	773,30	762,18	721,91	1091,72	1003,65	955,37	1011,99	1217,31	1072,00
1450545_a_at	deoxynucleotidyltransferase, terminal	Dntt	1,14	1,14	0,294933	0,999947	1,23	0,81	0,3261392	0,9999446	1,28	0,78	0,1957159	0,9999979	1,38	0,73	0,02773095	0,9999933	27,86	21,83	34,35	24,95	27,86	34,55	23,04	22,03	21,63	37,42	27,41	34,35	24,95	22,58	28,23
1454709_at	transmembrane protein 64	Tmem64	1,08	1,08	0,2238727	0,999947	1,00	1,00	0,4350746	0,9999446	1,29	1,29	0,03277263	0,9999979	1,39	1,39	0,000119237	0,9999933	1053,32	1357,17	1057,95	1472,05	1116,76	1053,32	722,13	1363,08	1351,27	1015,31	1073,21	1057,95	1743,03	1472,05	1361,73
1455095_at	histone cluster 2, H2be	Hist2h2be	1,32	1,32	0,03650616	0,999947	1,41	0,71	0,1202011	0,9999446	1,29	0,77	0,0708786	0,9999979	1,39	0,72	0,005014259	0,9999933	33,73	26,14	47,68	34,39	49,39	33,73	31,33	26,25	26,02	47,68	55,03	42,63	29,54	34,39	39,28
1429314_at	synaptotagmin XI	Syt11	1,55	1,55	4,75571E-05	0,999947	1,56	0,64	0,004756027	0,9999446	1,29	1,29	0,1438855	0,9999979	1,29	1,29	0,02367624	0,9999933	305,29	394,77	474,89	611,20	354,22	305,29	286,78	370,65	418,88	465,75	474,89	504,74	611,20	600,60	620,65
1434372_at	expressed sequence AW112010	AW112010	1,59	1,59	4,57183E-06	0,1932284	2,12	0,47	2,60776E-07	0,01156358	1,30	1,30	0,06675243	0,9999979	1,02	0,98	0,5254847	0,9999933	4122,13	5405,70	8748,44	8546,12	4122,13	3308,34	4943,94	6108,47	4702,94	8748,44	9289,83	8430,79	8585,30	8473,23	8546,12
1448659_at	caspase 7	Casp7	1,54	1,54	0,0001063	0,999947	1,68	0,59	0,00372183	0,9999446	1,31	1,31	0,07506722	0,9999979	1,20	1,20	0,05998673	0,9999933	227,87	298,67	383,55	459,04	260,09	165,92	227,87	310,01	287,32	383,55	468,85	274,72	442,32	459,04	489,87
1452094_at	procollagen-proline, 2-oxoglutarate 4-dioxy	P4ha1	1,54	1,54	0,000139444	0,999947	1,82	0,55	0,000459425	0,9999446	1,31	1,31	0,134719	0,9999979	1,10	1,10	0,276401	0,9999933	253,32	333,07	462,11	509,51	303,17	253,32	221,45	305,26	360,89	508,63	413,50	462,11	531,75	509,51	493,02
1456467_s_at	nemo like kinase : similar to nemo-like kina	Nlk	1,19	0,84	0,1368491	0,999947	1,24	1,24	0,4113106	0,9999446	1,31	0,76	0,3809277	0,9999979	1,26	0,79	0,123683	0,9999933	194,46	152,20	156,96	124,45	194,46	207,03	133,35	186,30	118,10	209,38	156,96	106,13	133,79	124,45	109,35
1438121_at	SEC24 related gene family, member A (S.	Sec24a	1,62	1,62	0,000425319	0,999947	1,49	1,49	0,04837568	0,9999446	1,31	1,31	0,1017785	0,9999979	3,16	3,16	1,46017E-08	0,000626413	130,49	171,65	87,86	277,36	156,70	130,49	95,36	158,74	184,56	112,23	66,57	87,86	313,78	277,36	242,85
1419759_at	ATP-binding cassette, sub-family B (MDR/	Abcb1a	1,13	1,13	0,138869	0,999947	1,18	0,85	0,2034605	0,9999446	1,32	1,32	0,07510888	0,9999979	1,26	1,26	0,02066237	0,9999933	170,15	224,43	200,87	253,40	170,15	170,93	149,41	209,22	239,64	222,43	200,87	176,66	302,40	238,76	253,40
1421892_at	ST3 beta-galactoside alpha-2,3-sialyltransf	St3gal2	2,19	2,19	1,87149E-06	0,08002677	1,14	1,14	0,6221731	0,9999446	1,32	1,32	0,07144248	0,9999979	3,30	3,30	2,85468E-09	0,000123616	40,81	54,24	35,65	117,49	40,81	44,21	28,77	61,81	46,67	44,90	25,00	35,65	119,58	117,49	105,70
1437829_s_at	eukaryotic elongation factor-2 kinase	Eef2k	1,46	1,46	0,001394334	0,999947	1,48	0,68	0,05313288	0,9999446	1,32	1,32	0,2173009	0,9999979	1,30	1,30	0,01533213	0,9999933	81,08	106,85	119,70	156,20	79,30	93,91	81,08	104,22	109,47	119,70	136,33	99,32	152,32	156,20	162,73
1438171_x_at	methyltransferase like 9	Mettl9	1,58	0,63	0,002626905	0,999947	1,08	1,08	0,7974728	0,9999446	1,32	0,76	0,2575437	0,9999979	1,93	0,52	9,34501E-06	0,3769683	446,59	348,80	413,54	214,37	446,59	617,51	283,65	435,84	261,77	483,89	413,54	343,93	261,29	188,63	214,37
1442445_at	RIKEN cDNA 2610027H17 gene	2610027H17Rik	1,06	0,94	0,5643301	0,999947	2,20	2,20	0,004866289	0,9999446	1,32	0,76	0,7436821	0,9999979	1,57	1,57	0,000971508	0,9999933	127,97	98,42	58,19	91,30	135,41	127,97	65,40	116,52	80,33	58,19	62,06	57,34	91,30	98,68	80,28
1417632_at	ATPase, H+ transporting, lysosomal V0 su	Atp6v0a1	1,51	1,51	0,007752421	0,999947	1,50	0,67	0,00269399	0,9999446	1,33	1,33	0,05443347	0,9999979	1,34	1,34	0,151423	0,9999933	47,44	63,19	71,08	95,49	47,44	48,47	42,24	61,54	64,84	68,47	71,08	86,03	78,00	96,28	95,49
1459091_at			1,35	1,35	0,08581576	0,999947	1,18	0,85	0,9479603	0,9999446	1,34	0,74	0,03725549	0,9999979	1,18	0,85	0,04538359	0,9999933	67,30	50,10	79,57	67,57	63,35	120,48	67,30	52,10	48,11	70,91	94,18	79,57	69,40	54,68	67,57
1428113_at	transmembrane and tetratricopeptide repea	Tmtc4	1,03	0,98	0,7253038	0,999947	1,31	1,31	0,7143514	0,9999446	1,35	1,35	0,0146217	0,9999979	1,73	1,73	8,02158E-06	0,3243605	697,95	947,45	532,25	921,17	708,31	697,95	382,76	1021,35	873,55	589,84	532,25	504,94	929,71	901,84	921,17
1433110_at	RIKEN cDNA 5830474E16 gene	5830474E16Rik	1,44	1,44	0,003613243	0,999947	3,23	3,23	1,14579E-08	0,000512078	1,36	1,36	0,1363424	0,9999979	6,29	6,29	9,99201E-16	4,48162E-11	69,44	95,73	21,49	135,22	66,21	79,29	69,44	112,86	78,60	21,49	17,43	22,84	135,22	142,46	132,30
1453119_at	OTU domain containing 1	Otud1	1,50	0,67	0,000753653	0,999947	1,28	1,28	0,3668635	0,9999446	1,38	0,73	0,2227908	0,9999979	1,61	0,62	4,64563E-05	0,9999933	442,53	321,44	345,25	214,75	442,53	512,68	294,48	317,45	325,44	372,22	339,50	345,25	199,68	245,87	214,75
1434034_at	ceramide kinase : similar to Ceramide kina	Cerk : LOC676420	1,46	1,46	0,00022962	0,999947	1,16	1,16	0,3602108	0,9999446	1,39	1,39	0,04504558	0,9999979	2,35	2,35	1,52785E-07	0,006446442	186,33	259,74	161,00	378,93	197,47	175,25	186,33	244,40	275,07	136,27	192,27	161,00	362,66	378,93	402,16
1417094_at	acyl-CoA thioesterase 7	Acot7	2,36	2,36	5,41629E-09	0,000241041	3,12	0,32	2,83496E-09	0,000126947	1,39	1,39	0,02841358	0,9999979	1,05	1,05	0,4600433	0,9999933	462,62	647,50	1444,73	1520,03	454,97	462,96	462,62	716,75	578,25	1444,73	1673,12	1181,55	1520,03	1459,83	1546,43
1435226_at	ring finger protein 19B	Rnf19b	1,76	1,76	2,79051E-06	0,1187223	1,95	0,51	0,000671397	0,9999446	1,39	1,39	0,0600198	0,9999979	1,26	1,26	0,03197392	0,9999933	168,46	234,79	328,80	412,77	168,46	158,95	176,81	223,13	246,45	240,95	328,80	414,16	394,92	412,77	465,45
1432103_a_at	SH3-domain GRB2-like 3	Sh3gl3	1,37	0,73	0,002462546	0,999947	1,36	1,36	0,06505316	0,9999446	1,39	1,39	0,06486387	0,9999979	1,39	1,39	0,02695927	0,9999933	160,63	224,28	118,07	163,80	185,53	160,63	139,57	238,65	209,92	99,72	142,71	118,07	170,38	163,80	137,28
1437699_at	RIKEN cDNA E430014B02 gene	E430014B02Rik	1,74	0,57	1,39474E-05	0,5797797	1,93	1,93	0,003405474	0,9999446	1,40	0,71	0,1962761	0,9999979	1,27	0,79	0,02404561	0,9999933	741,56	528,87	384,48	303,86	741,56	770,10	502,13	511,77	545,97	492,73	354,19	384,48	302,61	350,53	303,86
1424208_at	prostaglandin E receptor 4 (subtype EP4)	Ptger4	1,07	1,07	0,4068215	0,999947	1,01	0,99	0,943816	0,9999446	1,41	1,41	0,03148349	0,9999979	1,49	1,49	6,74728E-06	0,2734875	1980,61	2794,09	1995,62	2972,59	1980,61	2467,81	1543,10	2940,67	2647,50	2009,29	1995,62	1831,38	3059,26	2972,59	2921,77
1437363_at	homer homolog 1 (Drosophila)	Homer1	1,03	0,97	0,5310744	0,999947	1,14	1,14	0,8489413	0,9999446	1,41	1,41	0,01647925	0,9999979	1,56	1,56	0,001174228	0,9999933	184,42	260,72	161,54	252,19	184,42	186,28	122,74	265,02	256,43	151,02	189,53	161,54	217,08	252,19	269,32
1437110_at	RIKEN cDNA 2810474O19 gene	2810474O19Rik	4,29	4,29	3,98964E-06	0,1689572	1,52	1,52	0,01258517	0,9999446	1,41	1,41	0,2597117	0,9999979	9,24	9,24	1E-35	1E-35	632,07	1303,35	414,67	3831,57	941,95	632,07	444,95	2251,70	355,00	414,67	348,65	500,41	3831,57	3594,19	3856,38
1449072_a_at	N-6 adenine-specific DNA methyltransferas	N6amt2	1,36	1,36	0,000364216	0,999947	1,75	0,57	0,000551911	0,9999446	1,42	1,42	0,09620434	0,9999979	1,10	1,10	0,2491912	0,9999933	473,32	680,55	828,92	913,48	473,32	615,50	471,60	790,30	570,80	966,28	828,92	817,55	1073,19	913,48	901,49
1439943_at	vacuolar protein sorting 54 (yeast)	Vps54	2,36	2,36	6,85321E-05	0,999947	1,59	1,59	0,01607834	0,9999446	1,42	1,42	0,09807334	0,9999979	5,30	5,30	8,29115E-13	3,68707E-08	8,54	13,81	5,39	28,55	8,54	10,28	7,40	20,42	7,19	5,25	8,44	5,39	25,21	28,55	29,27
1436649_at	IKAROS family zinc finger 3	Ikzf3	1,05	0,95	0,4978697	0,999947	1,33	1,33	0,1385975	0,9999446	1,42	1,42	0,01312996	0,9999979	1,80	1,80	3,6424E-06	0,1488032	686,93	976,86	516,70	930,72	687,73	686,93	579,62	962,74	990,98	496,91	568,14	516,70	875,28	976,91	930,72
1424760_a_at	SET and MYND domain containing 2	Smyd2	1,97	1,97	8,73977E-07	0,03768238	1,11	0,90	0,7401084	0,9999446	1,43	1,43	0,1476293	0,9999979	2,54	2,54	3,41216E-09	0,000147627	248,35	356,14	275,42	699,19	356,13	218,96	248,35	386,64	325,65	263,73	311,72	275,42	699,19	695,97	782,53
1425293_a_at	zinc finger, CCHC domain containing 18	Zcchc18	1,63	1,63	0,000366605	0,999947	1,35	0,74	0,06478176	0,9999446	1,43	1,43	0,05046412	0,9999979	1,72	1,72	9,19721E-06	0,3710983	73,08	107,52	98,87	170,20	81,25	73,08	55,64	132,50	82,54	85,28	101,21	98,87	170,20	165,05	193,48
1418835_at	pleckstrin homology-like domain, family A,	Phlda1	1,81	1,81	2,20349E-06	0,09404503	1,75	0,57	0,000373929	0,9999446	1,44	1,44	0,01322306	0,9999979	1,48	1,48	0,001203194	0,9999933	163,19	234,89	285,68	423,21	171,25	163,19	98,83	216,57	253,22	285,68	251,33	308,96	423,21	386,17	424,69
1440536_at			1,82	1,82	4,63776E-05	0,999947	1,50	1,50	0,00873277	0,9999446	1,44	1,44	0,03218699	0,9999979	3,93	3,93	9,86689E-12	4,36343E-07	59,12	85,17	39,42	154,88	63,14	59,12	51,64	83,86	86,48	39,42	31,03	45,60	154,88	180,61	136,40
1436915_x_at	lysosomal-associated protein transmembra	Laptm4b	1,14	0,87	0,3011097	0,999947	1,16	0,86	0,02208712	0,9999446	1,45	1,45	0,01585023	0,9999979	1,09	1,09	0,9397186	0,9999933	43,06	64,82	49,96	54,56	43,09	43,06	21,09	82,47	47,16	64,10	49,96	48,72	61,86	54,56	44,92
1454734_at	lymphoid enhancer binding factor 1	Lef1	1,36	0,74	0,00128992	0,999947	1,05	0,95	0,5441728	0,9999446	1,45	0,69	0,004728246	0,9999979	2,07	0,48	1,19888E-09	5,21299E-05	3290,04	2265,76	3456,67	1668,44	3612,12	3188,19	3290,04	2233,09	2298,44	3430,49	3456,67	3885,16	1557,12	1838,14	1668,44
1425145_at	interleukin 1 receptor-like 1	Il1rl1	1,13	1,13	0,2874364	0,999947	2,35	0,42	0,000122366	0,9999446	1,45	1,45	0,1783609	0,9999979	1,43	0,70	0,004734995	0,9999933	198,52	303,27	467,49	327,10	192,95	277,62	198,52	396,74	209,80	467,49	521,00	385,05	351,02	311,85	327,10
1435640_x_at	RIKEN cDNA A130040M12 gene	A130040M12Rik	2,38	2,38	8,0048E-05	0,999947	1,17	1,17	0,203972	0,9999446	1,46	0,69	0,0445251	0,9999979	1,92	1,92	9,3452E-05	0,9999933	79,88	61,03	67,99	130,59	120,33	79,88	73,99	87,71	34,34	87,47	61,40	67,99	188,52	130,59	109,30
1444064_at	SAM domain and HD domain, 1	Samhd1	1,20	1,20	0,04829585	0,999947	1,79	1,79	0,002181551	0,9999446	1,46	1,46	0,01857189	0,9999979	3,12	3,12	1,76532E-09	7,65988E-05	323,15	474,80	180,83	564,58	303,82	323,15	327,93	538,13	411,48	245,76	161,67	180,83	564,58	668,53	517,43
1446167_at			1,04	0,96	0,8627893	0,999947	2,75	2,75	1,00659E-06	0,04436133	1,46	1,46	0,02495212	0,9999979	3,85	3,85	1,0845E-11	4,7949E-07	95,61	140,32	34,71	133,69	103,71	84,53	95,61	125,14	155,51	42,39	33,93	34,71	133,69	157,15	122,34
1437393_at	protein kinase C, alpha	Prkca	1,06	0,95	0,3638569	0,999947	1,78	1,78	0,000376279	0,9999446	1,46	1,46	0,01064693	0,9999979	2,46	2,46	2,40759E-09	0,000104323	930,64	1360,40	523,05	1284,60	1104,47	930,64	716,12	1289,04	1431,77	550,73	500,71	523,05	1198,52	1284,60	1289,95
1424015_at	Rab6 interacting protein 1	Dennd5a	1,33	1,33	0,001605026	0,999947	1,06	1,06	0,4534042	0,9999446	1,46	1,46	0,008356377	0,9999979	2,06	2,06	8,47499E-08	0,00359272	623,01	914,09	587,19	1212,11	646,91	623,01	428,93	827,94	1000,23	587,19	725,18	563,73	1207,90	1212,11	1235,62
1438439_at	G protein-coupled receptor 171	Gpr171	1,24	1,24	0,01664585	0,999947	2,59	0,39	1,60868E-07	0,007144446	1,47	0,68	0,02442446	0,9999979	3,05	0,33	1,06458E-11	4,70705E-07	372,73	256,53	965,47	316,07	430,06	372,73	303,90	293,39	219,67	1016,59	965,47	845,38	328,96	316,07	315,25
1436271_at	apolipoprotein L 7b : apolipoprotein L 7e	Apol7b : Apol7e	1,31	1,31	0,01814314	0,999947	1,64	0,61	0,000896886	0,9999446	1,49	0,67	0,01137401	0,9999979	1,87	0,54	6,93846E-06	0,2810699	10,64	7,24	17,42	9,34	9,58	11,35	10,64	6,15	8,33	14,15	19,86	17,42	9,34	9,72	8,87
1447854_s_at	histone cluster 2, H2be	Hist2h2be	1,34	0,75	0,0390692	0,999947	1,60	1,60	0,4491568	0,9999446	1,49	0,67	0,3041979	0,9999979	1,25	0,80	0,009287816	0,9999933	223,25	152,31	139,85	112,21	238,33	223,25	129,36	177,61	127,01	233,22	139,85	134,97	112,21	105,41	118,38
1451574_at	B-cell CLL/lymphoma 9	Bcl9	1,19	1,19	0,5178221	0,999947	1,06	0,94	0,9835349	0,9999446	1,49	0,67	0,04812659	0,9999979	1,33	0,75	0,02903657	0,9999933	106,87	72,70	113,37	85,49	131,09	106,87	88,96	61,81	83,59	89,85	123,64	113,37	63,26	85,49	91,22
1418386_at	N-6 adenine-specific DNA methyltransferas	N6amt2	1,67	1,67	9,9241E-06	0,414857	2,16	0,46	4,13325E-06	0,1804868	1,49	1,49	0,01083916	0,9999979	1,16	1,16	0,07509316	0,9999933	319,79	481,01	689,31	796,30	290,74	319,79	322,09	550,49	411,53	601,09	758,93	689,31	838,79	765,28	796,30
1435086_s_at	kelch domain containing 2	Klhdc2	1,83	0,55	4,20808E-06	0,1780691	1,20	1,20	0,1297175	0,9999446	1,49	0,67	0,01561319	0,9999979	2,28	0,44	7,27839E-08	0,003088658	1384,81	935,27	1152,97	506,06	1384,81	1959,12	1090,76	1048,63	821,91	1388,66	931,66	1152,97	605,57	506,06	465,91
1426766_at	RIKEN cDNA 6330403K07 gene	6330403K07Rik	1,21	1,21	0,1113268	0,999947	1,09	1,09	0,9638178	0,9999446	1,51	1,51	0,01682842	0,9999979	2,00	2,00	3,15645E-06	0,129162	73,22	112,10	67,07	133,91	73,22	81,85	50,34	128,29	95,91	59,01	74,51	67,07	128,63	142,46	133,91
1456022_at	homeodomain interacting protein kinase 2	Hipk2	2,59	2,59	2,98548E-10	1,33777E-05	1,06	1,06	0,6697989	0,9999446	1,52	1,52	0,03635244	0,9999979	4,17	4,17	4,09617E-12	1,8155E-07	259,30	393,74	245,02	1020,89	344,85	259,30	219,54	408,89	378,58	244,87	245,02	268,39	1036,02	978,92	1020,89
1431213_a_at	hypothetical gene LOC433762	LOC433762	2,92	2,92	8,23733E-09	0,00036596	1,00	1,00	0,5278273	0,9999446	1,52	0,66	0,07273075	0,9999979	1,92	1,92	1,12144E-05	0,4510413	28,04	18,49	27,98	53,84	31,48	19,67	28,04	17,36	19,62	27,98	22,40	37,70	69,66	52,52	53,84
1438724_at	oxysterol binding protein-like 3	Osbpl3	1,58	1,58	0,001078718	0,999947	1,24	0,80	0,1807575	0,9999446	1,53	1,53	0,009877949	0,9999979	1,94	1,94	1,29582E-06	0,05358609	29,86	47,23	37,16	72,12	29,86	31,88	21,91	59,59	34,86	37,16	37,69	27,99	66,83	72,12	82,17
1424965_at	leupaxin	Lpxn	1,21	1,21	0,01717888	0,999947	1,63	0,61	0,000177368	0,9999446	1,53	1,53	0,004215245	0,9999979	1,14	1,14	0,08402767	0,9999933	1122,63	1723,06	1834,16	2086,41	1150,28	953,84	1122,63	1790,66	1655,46	1811,82	1888,71	1834,16	2086,41	2029,29	2165,96
1438673_at	solute carrier family 4, sodium bicarbonate	Slc4a7	1,13	0,88	0,2108229	0,999947	1,09	1,09	0,9637761	0,9999446	1,53	1,53	0,003947588	0,9999979	1,48	1,48	4,31497E-05	0,9999933	805,02	1236,30	737,13	1091,45	845,55	805,02	517,71	1295,92	1176,67	737,13	771,77	631,78	1091,45	1128,94	1082,74
1424067_at	intercellular adhesion molecule 1	Icam1	1,43	1,43	0,000604757	0,999947	1,91	0,52	0,000462144	0,9999446	1,54	1,54	0,02259645	0,9999979	1,15	1,15	0,03981598	0,9999933	263,93	407,07	505,10	582,27	304,57	248,70	263,93	380,71	433,42	438,32	524,65	505,10	582,27	681,10	570,38
1435133_at	UDP-glucose ceramide glucosyltransferase	Ugcg	1,13	0,89	0,2067846	0,999947	1,14	1,14	0,08466901	0,9999446	1,54	0,65	0,002276308	0,9999979	1,53	0,65	0,00011353	0,9999933	1112,28	722,43	975,79	638,97	1112,28	1353,83	1075,06	753,50	691,37	975,79	1053,37	825,82	665,76	638,97	638,44
1420731_a_at	cysteine and glycine-rich protein 2	Csrp2	2,11	2,11	3,80351E-06	0,1612118	1,80	0,56	0,000314894	0,9999446	1,54	1,54	0,00280027	0,9999979	1,81	1,81	6,90764E-06	0,2798425	10,64	16,40	19,11	34,64	11,27	7,67	10,64	16,22	16,59	13,66	19,11	20,41	34,64	29,79	37,14
1439484_at	RIKEN cDNA 4930431H11 gene	4930431H11Rik	1,04	0,96	0,9403636	0,999947	1,09	1,09	0,2410085	0,9999446	1,55	0,65	0,1342737	0,9999979	1,48	0,68	0,000219036	0,9999933	487,90	316,79	446,63	302,50	487,90	519,78	288,73	342,01	291,57	664,19	444,71	446,63	348,27	292,70	302,50
1428637_at	dual-specificity tyrosine-(Y)-phosphorylatio	Dyrk2 : LOC1000443	1,01	1,01	0,9148787	0,999947	1,43	1,43	0,007020689	0,9999446	1,56	0,64	0,00425894	0,9999979	1,08	0,93	0,1915767	0,9999933	2195,00	1410,37	1533,89	1420,24	2285,56	2195,00	1895,70	1437,78	1382,96	1746,58	1533,89	1373,75	1420,24	1437,82	1338,12
1424810_at	taspase, threonine aspartase 1	Tasp1	1,07	0,93	0,8095481	0,999947	1,39	0,72	0,01236367	0,9999446	1,57	1,57	0,01148957	0,9999979	1,04	1,04	0,448543	0,9999933	189,21	300,84	263,91	275,57	192,05	189,21	138,86	353,42	248,26	263,91	292,54	244,11	333,59	259,95	275,57
1416531_at	glutathione S-transferase omega 1	Gsto1	1,43	1,43	0,003311735	0,999947	1,79	0,56	0,002830246	0,9999446	1,57	1,57	0,01998973	0,9999979	1,26	1,26	0,02896419	0,9999933	190,89	302,43	341,49	428,74	209,92	190,89	183,08	344,35	260,51	291,57	341,49	346,33	472,24	428,74	369,93
1453572_a_at	proteolipid protein 2	Plp2	1,93	1,93	1,88732E-06	0,08069224	2,31	0,43	2,20526E-06	0,09671374	1,57	1,57	0,01090694	0,9999979	1,31	1,31	0,001422933	0,9999933	696,14	1107,38	1604,98	2107,17	667,63	734,54	696,14	1285,07	929,68	1270,48	1892,80	1604,98	2348,45	2107,17	1978,50
1418402_at	a disintegrin and metallopeptidase domain	Adam19 : LOC10004	1,31	1,31	0,006067163	0,999947	1,06	0,95	0,3508483	0,9999446	1,57	1,57	0,006754939	0,9999979	1,96	1,96	2,20784E-06	0,0907222	514,39	809,75	543,40	1064,09	560,44	476,87	514,39	838,69	780,81	543,40	707,28	522,39	1064,09	980,64	1118,83
1435952_at	Transcribed locus		1,08	1,08	0,6468041	0,999947	2,03	2,03	0,002658133	0,9999446	1,57	1,57	0,003995906	0,9999979	3,44	3,44	4,13559E-09	0,000178753	154,63	243,47	76,15	261,58	156,84	154,63	112,50	252,95	233,99	101,38	76,15	67,14	261,58	279,24	227,27
1425267_a_at	platelet endothelial aggregation receptor 1	Pear1	1,36	1,36	0,0107968	0,999947	1,09	1,09	0,6021555	0,9999446	1,58	1,58	0,02095019	0,9999979	2,34	2,34	1,91208E-07	0,008050446	157,87	250,45	144,88	339,68	173,62	156,89	157,87	225,65	275,25	130,42	144,88	179,23	300,45	355,10	339,68
1433471_at	transcription factor 7, T-cell specific	Tcf7	1,19	1,19	0,2962384	0,999947	1,11	1,11	0,6025736	0,9999446	1,58	0,63	0,001043271	0,9999979	1,19	0,84	0,001700919	0,9999933	4712,97	2985,55	4229,13	3550,58	4647,25	4712,97	5164,26	2959,42	3011,69	3845,04	4229,13	5806,17	2772,98	3550,58	3617,80
1454942_at	niban protein	Fam129a	1,17	1,17	0,1123316	0,999947	1,28	0,78	0,02292327	0,9999446	1,58	1,58	0,003995065	0,9999979	1,45	1,45	0,002481888	0,9999933	641,51	1015,46	818,08	1183,95	657,28	641,51	607,77	1068,22	962,71	818,08	1001,14	790,69	1183,95	1077,66	1237,72
1451508_at	La ribonucleoprotein domain family, memb	Larp2	1,07	1,07	0,3449959	0,999947	1,07	1,07	0,5307768	0,9999446	1,58	1,58	0,003838223	0,9999979	1,81	1,81	5,07256E-06	0,2064378	468,39	743,85	438,51	793,15	468,39	501,74	299,46	809,22	678,48	497,79	431,57	438,51	896,27	756,47	793,15
1416498_at	peptidylprolyl isomerase C	Ppic	1,19	1,19	0,2056178	0,999947	1,16	0,86	0,1750977	0,9999446	1,58	0,63	0,02357551	0,9999979	1,54	0,65	0,000355628	0,9999933	200,85	128,98	232,54	150,53	200,85	238,29	160,90	152,11	105,86	232,54	228,90	294,22	153,25	150,53	136,37
1421937_at	dual adaptor for phosphotyrosine and 3-ph	Dapp1	1,20	0,84	0,1035684	0,999947	1,13	1,13	0,7871154	0,9999446	1,58	1,58	0,007322373	0,9999979	1,49	1,49	0,004995273	0,9999933	192,96	305,73	171,37	255,08	192,96	208,22	129,57	293,39	318,06	211,95	164,63	171,37	272,56	255,08	246,48
1427095_at	CUB domain containing protein 1	Cdcp1	1,27	0,79	0,1487914	0,999947	1,01	1,01	0,732764	0,9999446	1,59	1,59	0,02289736	0,9999979	1,27	1,27	0,01711143	0,9999933	22,74	36,19	22,42	28,52	20,99	26,94	22,74	38,48	33,90	20,72	22,42	24,09	32,71	28,52	26,93
1435970_at	nemo like kinase : similar to nemo-like kina	Nlk	1,02	1,02	0,8264589	0,999947	1,27	1,27	0,2055329	0,9999446	1,59	0,63	0,02398258	0,9999979	1,23	0,81	0,01002588	0,9999933	2592,87	1632,39	2048,24	1667,18	2592,87	2777,58	1818,43	1744,38	1520,40	2136,79	2048,24	1870,29	1667,18	1707,58	1604,13
1434438_at	SAM domain and HD domain, 1	Samhd1	1,63	1,63	4,41216E-06	0,1865849	1,34	0,75	0,0204512	0,9999446	1,59	1,59	0,00406907	0,9999979	1,95	1,95	6,08896E-08	0,002587505	1872,45	2997,48	2503,02	4875,37	2053,56	1706,85	1872,45	2698,24	3296,73	2187,92	2503,02	3026,80	4624,34	5263,89	4875,37
1427515_at	RIKEN cDNA A530088I07 gene	Pion	4,48	4,48	3,60662E-08	0,001591313	1,43	1,43	0,007144894	0,9999446	1,60	1,60	0,1749801	0,9999979	10,20	10,20	2,22045E-16	9,9678E-12	34,36	61,82	24,09	245,77	60,16	34,36	29,48	90,40	33,25	24,09	21,54	28,46	207,40	299,32	245,77
1421891_at	ST3 beta-galactoside alpha-2,3-sialyltransf	St3gal2	2,02	2,02	2,35977E-07	0,01030254	1,37	0,73	0,2541677	0,9999446	1,60	1,60	0,006906517	0,9999979	2,36	2,36	3,32733E-06	0,1360577	62,87	101,13	86,07	202,69	67,23	52,65	62,87	90,55	111,70	44,19	86,07	116,46	202,69	201,55	226,96
1442855_at	dopey family member 1	Dopey1	2,08	2,08	0,000257625	0,999947	2,14	2,14	0,00152769	0,9999446	1,62	0,62	0,2161328	0,9999979	2,75	2,75	6,80696E-09	0,000293428	84,04	58,17	39,32	108,17	84,04	93,35	45,83	84,21	32,14	39,32	27,14	45,69	101,36	108,17	110,46
1418131_at	SAM domain and HD domain, 1	Samhd1	1,13	1,13	0,07049813	0,999947	1,10	0,91	0,6075231	0,9999446	1,62	1,62	0,001612106	0,9999979	1,66	1,66	4,10739E-08	0,001749377	2619,74	4238,67	2876,62	4777,01	2963,07	2552,47	2619,74	4243,60	4233,73	2733,37	2876,62	2962,74	4777,01	5067,24	4558,15
1439036_a_at	ATPase, Na+/K+ transporting, beta 1 polyp	Atp1b1	1,10	0,91	0,3462418	0,999947	1,01	1,01	0,9272209	0,9999446	1,62	0,62	0,00666258	0,9999979	1,76	0,57	2,81429E-07	0,01181354	1238,90	765,44	1225,55	695,98	1528,53	1238,90	975,15	752,30	778,59	1216,35	1283,78	1225,55	695,98	775,21	652,15
1419758_at	ATP-binding cassette, sub-family B (MDR/	Abcb1a	1,07	1,07	0,3049592	0,999947	1,40	0,71	0,04917215	0,9999446	1,63	1,63	0,003813731	0,9999979	1,24	1,24	0,006566794	0,9999933	67,41	110,03	94,40	117,30	70,85	67,41	46,58	100,75	119,31	97,59	94,40	67,77	137,51	116,75	117,30
1435580_at	RIKEN cDNA C230081A13 gene	C230081A13Rik	1,30	1,30	0,008048278	0,999947	1,04	0,96	0,5139688	0,9999446	1,63	1,63	0,002451046	0,9999979	2,03	2,03	4,96291E-07	0,02073405	425,97	694,50	444,39	903,32	425,97	444,85	380,99	696,57	692,42	425,10	499,65	444,39	851,78	904,70	903,32
1452192_at	nuclear assembly factor 1 homolog (S. cer	Naf1	1,02	0,98	0,7711489	0,999947	1,19	1,19	0,5256671	0,9999446	1,63	1,63	0,007581593	0,9999979	1,91	1,91	9,07388E-07	0,0376693	338,65	555,75	284,30	543,29	338,65	435,20	209,17	613,58	497,93	311,17	284,30	252,39	627,73	543,29	537,49