

Table S3. Average matching percentage of esiRNAs (weighted by esiRNA abundance) to putative target genes for each species.

Species	hpRNA	Putative Target Genes													
		<i>Dox</i>	<i>Mdox</i>	<i>Dxl-2</i>	<i>Dxl-1a</i>	<i>Dxl-1b</i>	<i>Ur-Dox</i>								
<i>D. simulans</i>	<i>Tmy</i>	0.54	0.51	0.92	0.94	0.00	0.11								
	<i>Nmy</i>	0.87	0.93	0.75	0.75	NA	0.16								
<i>D. mauritiana</i>		<i>MDox</i>	<i>Dxl-14</i>	<i>Dxl-12</i>	<i>Dxl-11</i>	<i>Dxl-10</i>	<i>Dxl-9</i>	<i>Dxl-8</i>	<i>Dxl-5</i>	<i>Dxl-4</i>	<i>Dxl-3</i>	<i>Dxl-1</i>	<i>Ur-Dox</i>		
	<i>Tmyl</i>	0.51	0.53	0.50	0.91	0.52	0.92	0.91	0.90	0.87	0.87	0.00	0.86		
	<i>Nmy</i>	0.91	0.93	0.64	0.48	0.71	0.53	0.49	0.57	0.57	0.47	NA	0.47		
<i>D. sechellia</i>		<i>Dxl-15</i>	<i>Dxl-14</i>	<i>Dxl-13</i>	<i>Dxl-12</i>	<i>Dxl-11</i>	<i>Dxl-10</i>	<i>Dxl-9</i>	<i>Dxl-7</i>	<i>Dxl-6</i>	<i>Dxl-4</i>	<i>Dxl-1a</i>	<i>Dxl-1b</i>	<i>Ur-Dox_a</i>	<i>Ur-Dox_b</i>
	<i>Tmyl</i>	0.61	0.82	0.82	0.73	0.74	0.87	0.82	0.82	0.54	0.87	0.87	NA	0.87	0.09
	<i>Emy</i>	0.98	0.97	0.97	0.97	0.97	0.79	0.97	0.97	0.58	0.79	0.79	NA	0.79	NA