

Supplementary Table 3. Continued

Block	Column	Row	Name	F635			F635			F635			F635			F635			F635					
				Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin
13	5	83	NAT16	579	590	415	423	100	164	1.67	1.40	0.52	3006	2925	263	271	76	2743	34921	11.43	4.00	1.36	10.98	8.07
14	21	79	FKBP4	434	438	343	364	252	91	0.294	1.27	0.31	2736	2613	280	285	86	2456	2707	9.77	3.30	1.24	9.74	7.82
3	3	55	SEC13	717	739	344	355	111	373	3.459	2.08	1.63	4334	3860	270	342	242	4064	14.537	16.05	5.96	2.10	16.53	7.88
16	11	83	CINP	274	279	263	267	84	11	0.143	1.04	-0.05	2376	2406	233	240	77	2143	28.13	10.20	3.88	1.08	10.28	9.54
2	19	55	IGL@	345	357	317	325	88	28	0.364	1.09	0.02	2627	2497	235	244	88	2392	25.602	11.18	3.89	1.12	11.44	10.19
15	20	77	PKIA	331	337	295	303	83	36	0.41	1.12	0.08	2211	2065	246	252	73	1965	24.836	8.99	2.96	1.09	8.98	8.24
15	15	83	AC01	426	429	298	301	82	128	1.561	1.43	0.57	2730	2416	263	275	90	2467	23.789	10.38	3.55	1.41	10.54	7.47
10	5	87	ANXA6	413	425	338	345	90	75	0.889	1.22	0.24	3041	2788	281	478	583	2760	3.962	10.82	3.74	1.18	11.02	9.37
13	12	79	NME1	480	483	406	408	98	74	0.765	1.18	0.17	2936	2635	268	279	111	2668	21.225	10.96	3.80	1.17	10.99	9.42
10	15	89	GPD1	430	439	331	338	84	99	1.202	1.30	0.36	7433	6578	290	482	350	7143	17.56	25.63	10.02	1.29	26.06	20.20
19	5	15	PCBD1	350	354	334	340	88	16	0.159	1.05	-0.04	3083	3009	271	273	77	2812	35.532	11.38	3.98	1.06	11.33	10.67
16	14	15	RNPEP	305	316	246	249	75	59	0.893	1.24	0.27	4332	3743	244	297	186	4088	18.527	17.75	6.68	1.27	17.16	13.48
1	6	63	PAPSS1	337	339	284	292	83	53	0.566	1.19	0.18	2545	2344	241	250	102	2304	20.529	10.56	3.63	1.15	10.61	9.25
2	16	65	SHCBP1	508	509	341	347	92	167	1.761	1.49	0.67	5517	5134	274	695	865	5243	5.132	20.14	7.69	1.52	20.89	13.70
9	15	85	FMO3	410	421	349	355	93	61	0.71	1.17	0.16	3084	3024	245	253	82	2839	33.793	12.59	4.49	1.17	12.09	10.31
13	7	67	SAMHD1	516	535	403	412	128	113	0.961	1.28	0.33	3686	3246	268	277	84	3418	35.345	13.75	4.98	1.31	13.79	10.49
14	16	71	CASQ2	486	491	338	341	91	148	1.648	1.44	0.59	2519	2305	272	277	85	2247	26.212	9.26	3.08	1.43	9.27	6.46
16	19	9	DNAM4A	330	338	233	240	73	97	1.342	1.42	0.55	2203	2134	214	222	72	1989	26.556	10.29	3.52	1.42	10.21	7.17
16	1	11	GRHR	339	352	263	268	79	76	1.063	1.29	0.35	3905	3586	243	251	88	3662	37.898	16.07	5.96	1.27	15.70	12.33
15	32	79	BCCIP	364	370	277	281	80	87	1.113	1.31	0.39	3629	3449	252	277	130	3377	24.4	14.40	5.26	1.31	14.15	10.76
15	22	13	UBE2C	311	317	290	293	82	21	0.293	1.07	0.00	2261	2181	246	254	84	2015	22.94	9.19	3.05	1.09	9.06	8.34
12	14	89	ADHS	381	389	244	249	72	137	1.944	1.56	0.78	4498	3968	246	261	98	4252	37.827	18.28	6.90	1.56	17.30	11.09
16	14	79	FCGR3A	363	375	252	257	75	111	1.573	1.44	0.59	2141	2180	227	236	76	1914	25.579	9.43	3.15	1.46	9.22	6.31
18	2	13	PDCD5	402	408	391	395	92	11	0.141	1.03	-0.07	2707	2408	273	279	81	2434	26.284	9.92	3.36	1.04	9.69	9.34
16	20	85	AKR1A1	314	317	264	267	78	50	0.641	1.19	0.19	2267	2058	236	244	78	2031	23.256	9.61	3.23	1.20	9.42	7.84
1	30	73	AKR1C4	318	323	274	282	81	44	0.506	1.16	0.14	3230	2990	239	244	76	2991	36.132	13.51	4.88	1.13	13.35	11.82
1	28	73	RABGGTB	285	289	286	290	78	-1	-0.013	1.00	-0.12	2734	2552	229	235	70	2505	33.1	11.94	4.21	1.01	11.79	11.70
3	3	83	CC77	398	409	317	321	84	81	1.048	1.26	0.29	3384	3058	235	241	75	3149	37.56	14.40	5.26	1.21	14.24	11.77
1	15	81	ISOC2	314	314	275	283	80	39	0.388	1.14	0.11	2530	2481	230	236	73	2300	30.753	11.00	3.82	1.17	11.04	9.44
16	20	87	ICTD14	460	466	280	288	99	180	1.798	1.64	0.92	3842	3472	232	274	254	3610	12.591	16.56	6.17	1.64	16.98	10.39
4	3	83	STIP1	356	358	345	352	91	11	0.066	1.03	-0.07	2160	2021	230	257	206	1930	8.563	9.39	3.13	1.02	9.93	9.69
16	11	79	GMPR	284	291	269	284	165	15	0.042	1.06	-0.03	2497	2359	230	237	74	2267	27.324	10.86	3.76	1.08	10.36	9.61
2	15	85	GPR119	443	451	306	312	85	137	1.635	1.45	0.60	2375	2147	222	227	70	2153	22.429	10.70	3.69	1.48	10.77	7.26
2	12	85	SCIN	483	489	304	311	83	179	2.145	1.59	0.83	2954	2549	223	229	74	2731	31.351	13.25	4.77	1.61	13.21	8.19
2	17	87	FKBP5	411	422	327	332	90	84	1	1.26	0.29	3573	3380	253	983	2957	3320	0.777	14.12	5.14	1.27	14.21	11.18
1	27	89	PFKE3	308	317	270	275	78	38	0.538	1.14	0.11	2501	2257	232	244	90	2269	22.367	10.78	3.72	1.20	10.19	8.47
2	11	89	GLUL	375	381	300	305	84	75	0.905	1.25	0.28	2262	2264	218	224	71	2044	28.732	10.38	3.55	1.24	9.93	8.04

Supplementary Table 3. Continued

Block	Column	Row	Name	F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635		Z ₋ Score ₋ Ursolic- Bio	Z ₋ Score ₋ Ursolic- D-Biotin	I ₋ Ursolic- Bio	I ₋ Ursolic- D-Biotin	SNR ₋ Ursolic- Bio	SNR ₋ Ursolic- D-Biotin	Median ₋ Ursolic- Bio	Median ₋ Ursolic- D-Biotin	F635 - B635	Mean ₋ Ursolic- Bio	Mean ₋ Ursolic- D-Biotin	SD ₋ Ursolic- Bio	SD ₋ Ursolic- D-Biotin	I ₋ Ursolic- Bio	I ₋ Ursolic- D-Biotin	Mean ₋ Ursolic- Bio	Mean ₋ Ursolic- D-Biotin	Ratio
				Mean ₋ D-Biotin	Median ₋ D-Biotin	Mean ₋ Ursolic- Bio	Mean ₋ Ursolic- D-Biotin	Mean ₋ Ursolic- Bio	Mean ₋ Ursolic- D-Biotin	Mean ₋ Ursolic- Bio	Mean ₋ Ursolic- D-Biotin	Mean ₋ Ursolic- Bio	Mean ₋ Ursolic- D-Biotin	Mean ₋ Ursolic- Bio	Mean ₋ Ursolic- D-Biotin	Mean ₋ Ursolic- Bio	Mean ₋ Ursolic- D-Biotin	Mean ₋ Ursolic- Bio	Mean ₋ Ursolic- D-Biotin																		
16	30	71	LZFL1	387	397	328	334	87	59	0.724	1.18	0.17	2450	2189	225	248	139	2225	13.964	10.89	3.77	1.18	11.15	9.42													
15	4	11	CAB51	367	379	328	339	152	39	0.263	1.12	0.07	2466	2250	268	281	94	2198	20.947	9.20	3.05	1.15	9.39	8.15													
2	18	87	PK3CB	517	522	322	328	84	195	2.31	1.61	0.86	2244	2057	247	659	2005	1997	0.697	9.09	3.00	1.63	9.23	5.67													
3	21	87	PLCD1	488	506	333	337	87	155	1.943	1.47	0.63	2088	1919	234	240	73	1854	23	1854	23	2.94	1.49	8.91	6.00												
16	17	51	RFL3	290	291	228	234	72	62	0.792	1.27	0.32	2325	2177	225	236	84	2100	23.107	10.33	3.53	1.24	10.26	8.25													
6	15	1	GART	390	399	322	335	105	68	0.61	1.21	0.22	2612	2304	222	227	72	2390	28.847	11.77	4.14	1.24	11.62	9.40													
6	12	3	TOM1	344	352	290	296	81	54	0.691	1.19	0.18	1985	1819	215	223	73	1770	21.863	9.23	3.07	1.19	9.40	7.87													
6	21	1	L7A4H	335	338	300	305	80	35	0.413	1.12	0.07	2033	1873	235	251	94	1798	17.255	8.65	2.82	1.09	8.73	8.01													
5	7	1	UBESA	431	453	266	271	79	165	2.304	1.62	0.88	2244	1971	242	249	79	2002	21.797	9.27	3.08	1.64	9.48	5.76													
15	22	83	SPG20	431	454	286	293	83	145	1.94	1.51	0.70	2939	2935	246	254	75	2693	35.747	11.95	4.22	1.41	11.38	8.05													
16	7	71	PPP2R1B	316	328	261	266	78	55	0.795	1.21	0.22	2107	2313	237	253	137	1870	15.036	8.89	2.92	1.19	8.86	7.47													
6	11	11	PTGR2	338	354	279	288	81	59	0.815	1.21	0.22	6392	5264	236	286	308	6156	16.162	27.08	10.63	1.24	26.56	21.46													
6	30	9	NAP1L1	444	451	291	297	82	153	1.878	1.53	0.73	2457	2282	236	243	76	2221	26.829	10.41	3.57	1.57	10.60	6.74													
6	21	9	PKFP	373	391	289	292	80	84	1.238	1.29	0.35	1978	1803	222	238	71	1756	5.775	8.91	2.93	1.28	8.97	6.99													
5	23	13	AAGAB	453	458	252	257	73	201	2.753	1.80	1.16	2183	2038	228	235	72	1955	25.042	9.57	3.21	1.78	9.55	5.36													
16	13	71	CAMP	304	305	258	262	76	46	0.566	1.18	0.17	2100	2234	231	237	72	1869	27.736	9.09	3.01	1.19	9.00	7.57													
14	29	15	VATL1	451	460	356	359	90	95	1.122	1.27	0.31	2516	2235	264	269	78	2252	25.205	9.53	3.19	1.25	9.46	7.55													
14	9	15	UPP2	415	421	343	348	87	72	0.839	1.21	0.22	3844	3532	277	284	89	3567	36.494	13.88	5.04	1.22	13.63	11.20													
16	5	87	ALDH4A1	400	403	259	267	80	141	1.7	1.54	0.76	6367	5854	249	261	91	6118	61.462	25.57	9.99	1.50	25.38	16.93													
16	3	87	MSN	334	342	276	283	81	58	0.728	1.21	0.22	2763	2394	247	256	92	2516	23.239	11.19	3.90	1.23	10.91	8.89													
7	22	19	NFKB1	617	609	314	317	88	303	3.318	1.96	1.43	2492	2302	244	257	134	2248	15.261	10.21	3.48	1.89	10.53	5.58													
15	20	85	ACTN4	365	472	306	310	83	59	1.952	1.19	0.19	3811	3309	262	268	85	3549	38.129	14.55	5.32	1.14	14.40	12.63													
7	6	21	CTBP1	375	387	297	302	86	78	0.988	1.26	0.30	2987	2539	226	233	73	2761	31.863	13.22	4.76	1.27	12.75	10.07													
7	1	21	EZF2	401	410	290	296	85	111	1.341	1.38	0.50	3242	2761	229	233	72	3013	35.111	14.16	5.15	1.35	14.08	10.41													
16	21	77	CATIP	288	295	269	273	80	19	0.275	1.07	-0.01	3269	3152	229	233	73	3040	39.986	14.28	5.20	1.09	14.27	13.07													
15	30	67	SHQ1	400	407	273	279	79	127	1.62	1.47	0.63	4115	3616	285	285	512	3830	3.749	14.44	5.27	1.53	15.16	9.94													
9	32	89	TEX33	574	575	350	357	91	224	2.396	1.64	0.91	3714	3377	266	274	105	3448	29.552	13.96	5.07	1.62	13.54	8.37													
12	10	81	EIF2B1	331	351	244	249	73	87	1.397	1.36	0.46	2765	2535	231	240	79	2534	29.051	11.97	4.23	1.40	11.80	8.41													
13	6	67	PTP4A2	455	461	404	408	98	51	0.541	1.13	0.08	2224	2224	271	286	130	2172	14.908	9.01	2.97	1.09	8.90	8.14													
16	18	75	RAB1B	332	328	260	266	80	72	0.775	1.28	0.33	2501	2285	227	234	70	2274	29.3	11.02	3.82	1.23	10.87	8.85													
13	14	15	GGLW1	411	415	373	379	96	38	0.375	1.10	0.05	2756	2454	251	259	80	2505	27.438	10.98	3.81	1.13	11.16	9.85													
15	15	85	PNMT	332	335	306	309	81	26	0.321	1.08	0.02	4408	4002	253	258	74	4155	50.595	17.42	6.54	1.12	17.56	15.72													
14	6	7	YHHAQ	364	374	336	343	90	28	0.344	1.08	0.02	2707	2437	292	348	208	2415	10.043	9.27	3.08	1.08	9.35	8.66													
14	9	79	PURA	406	416	341	352	104	65	0.615	1.19	0.19	2793	2681	275	283	113	2518	21.221	10.16	3.46	1.24	9.92	8.03													
15	23	87	TRIP10	331	340	292	296	82	39	0.537	1.13	0.10	3262	3035	237	245	77	3025	36.234	13.76	4.99	1.11	13.54	12.20													
13	32	81	METTL6	433	447	347	355	91	86	1.011	1.25	0.28	2554	2762	266	273	78	2288	31.91	9.60	3.22	1.23	9.80	7.96													
8	6	27	PPM1A	337	340	326	330	90	11	0.111	1.03	-0.06	2374	2195	236	244	77	2338	25.338	10.91	3.78	1.05	11.04	10.47													

Supplementary Table 3. Continued

Block	Column	Row	Name	F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635								
				Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin	SD_ D-Biotin	Median_ D-Biotin	Mean_ D-Biotin
14	4	11	EFAEBP1	403	413	345	348	86	58	0.756	1.17	0.15	2456	2202	276	280	79	2180	24.329	8.90	2.93	1.17	8.89	7.60										
16	18	67	STAU2	396	418	246	254	86	150	1.907	1.61	0.86	2486	2491	227	235	73	2259	30.904	10.95	3.80	1.58	10.77	6.80										
14	9	75	ATP6V1C2	420	426	336	344	90	84	0.911	1.25	0.28	2494	2515	274	280	82	2220	27.256	9.10	3.01	1.28	9.05	7.07										
6	10	31	EPB41	632	631	261	269	95	371	3.811	2.42	2.17	2216	2198	213	225	178	2003	11.084	10.40	3.56	2.38	10.43	4.38										
13	27	35	MUC20	453	464	349	356	98	104	1.102	1.30	0.36	2308	2412	268	272	77	2040	27.792	8.61	2.80	1.29	8.76	6.77										
14	20	87	TCPT1L1	380	390	339	347	89	41	0.483	1.12	0.08	3509	3210	282	290	83	3227	35.181	12.44	4.43	1.17	12.35	10.53										
7	23	37	NME8	517	517	305	312	84	212	2.44	1.70	1.00	2639	2318	239	245	76	2400	27.276	11.04	3.83	1.67	10.96	6.55										
9	22	87	ALDH1L1	358	370	356	361	90	2	0.1	1.01	-0.11	3117	2880	251	256	78	2866	35.641	12.42	4.42	1.04	12.26	11.77										
5	24	41	ACSBG1	297	307	229	232	69	68	1.087	1.30	0.36	4953	4245	212	224	89	4741	45.18	23.36	9.06	1.26	22.40	17.72										
14	3	23	FMOS	451	465	339	348	94	112	1.245	1.33	0.41	4675	3936	295	382	400	4380	8.885	15.85	5.87	1.32	16.18	12.28										
5	30	37	GDH2	261	271	228	233	73	33	0.521	1.14	0.11	2963	2756	228	235	80	2735	31.513	13.00	4.66	1.18	13.00	11.02										
6	13	39	ILKAP	265	276	255	263	78	10	0.167	1.04	-0.06	2048	1981	215	220	72	1833	24.458	9.53	3.19	1.03	9.43	9.13										
7	10	41	TGM1	449	454	290	299	86	159	1.802	1.55	0.76	2897	2571	234	242	75	2663	31.053	12.38	4.40	1.55	12.20	7.87										
14	15	85	AK5	567	565	349	353	90	218	2.356	1.62	0.89	2448	2444	268	273	77	2180	28.195	9.13	3.03	1.60	8.95	5.60										
5	22	45	ASMTL	279	287	222	226	70	57	0.871	1.26	0.29	2089	1993	205	213	71	1884	25.07	10.19	3.47	1.26	10.15	8.07										
8	22	43	CLIC4	373	378	355	362	90	18	0.178	1.05	-0.04	2766	2452	231	239	76	2535	29.118	11.97	4.23	1.10	11.95	10.90										
6	22	43	TKFC	282	299	255	260	80	27	0.488	1.11	0.05	3215	2960	215	222	74	3000	37	14.95	5.49	1.14	14.53	12.27										
7	22	47	DDB1	430	436	295	300	81	135	1.679	1.46	0.62	2039	1932	232	238	74	1807	22.892	8.79	2.88	1.45	8.94	6.17										
6	17	43	GALE	283	287	243	248	76	40	0.513	1.16	0.15	2001	1808	211	216	69	1790	23.072	9.48	3.17	1.17	9.27	7.94										
8	14	45	MCM6	452	458	345	349	88	107	1.239	1.31	0.38	2683	2710	236	247	100	2447	24.63	11.37	3.97	1.30	11.06	8.47										
5	29	45	USO1	275	285	224	231	71	51	0.761	1.23	0.25	2260	2091	208	217	71	2052	26.394	10.87	3.76	1.24	10.87	8.78										
8	24	43	FAM120B	396	416	358	364	92	38	0.565	1.11	0.05	2182	2067	226	235	74	1956	24.757	9.65	3.25	1.13	9.43	8.31										
6	1	45	HGS	319	338	220	226	71	99	1.577	1.45	0.61	1893	1817	210	216	72	1683	22.236	9.01	2.97	1.48	9.10	6.17										
6	16	45	HKI	331	342	260	265	138	71	0.558	1.27	0.32	5515	4883	216	224	99	5299	47.061	25.53	9.98	1.28	24.79	19.37										
6	11	45	NADSYN1	280	294	236	243	78	44	0.654	1.19	0.18	2529	2492	216	244	295	2313	7.62	11.71	4.12	1.17	11.78	10.08										
7	6	43	UBA1	320	329	279	284	78	41	0.577	1.15	0.12	2105	2025	221	230	71	1884	25.282	9.52	3.19	1.12	9.77	8.69										
8	28	45	PSMD5	435	438	363	371	93	72	0.72	1.20	0.20	2220	2006	245	256	179	1975	9.777	9.06	2.99	1.19	9.29	7.82										
7	13	47	SPR	365	375	294	299	80	71	0.95	1.24	0.27	4534	4237	225	234	72	4309	55.597	20.15	7.69	1.27	20.03	15.79										
7	12	49	IGIC	325	333	294	298	80	31	0.438	1.11	0.05	2205	2142	226	242	141	1979	13.475	9.76	3.29	1.15	9.69	8.45										
6	15	51	NASP	248	253	245	252	72	3	0.014	1.01	-0.10	1990	1902	227	276	202	1763	8.05	8.77	2.87	1.00	9.16	9.16										
16	30	69	OGFOD1	451	454	321	330	88	130	1.409	1.40	0.53	2664	2275	238	265	133	2426	15.113	11.19	3.90	1.39	10.83	7.78										
6	23	49	PRUNE	416	415	246	253	74	170	2.162	1.69	0.99	1988	1822	219	229	92	1769	17.315	9.08	3.00	1.65	9.41	5.70										
7	17	49	ANKKHD1	353	355	291	298	105	62	0.543	1.21	0.22	2396	2171	246	256	91	2150	21.044	9.74	3.28	1.22	9.74	8.00										
6	8	51	HENMT1	330	338	232	237	73	98	1.384	1.42	0.56	2500	2378	203	211	70	2297	30.957	12.32	4.37	1.37	12.29	8.95										
7	32	49	CC15	386	403	319	327	87	67	0.874	1.21	0.22	3715	3367	234	240	82	3481	38.134	15.88	5.88	1.25	16.31	13.07										
7	22	51	IMAGEA9	687	681	314	316	85	373	4.294	2.19	1.79	2374	2165	249	257	86	2125	22.186	9.53	3.19	2.22	10.01	4.51										
15	31	73	PMM2	278	285	276	280	80	2	0.063	1.01	-0.11	2797	2604	238	242	74	2559	31.919	11.75	4.14	1.03	12.00	11.60										

Supplementary Table 3. Continued

Block	Column	Row	Name	F635			F635			F635			F635			F635			F635					
				Mean_	Median_	SD_	Mean_	Median_	SD_	Mean_	Median_	SD_	Mean_	Median_	SD_	Mean_	Median_	SD_	Mean_	Median_	SD_	Mean_	Median_	SD_
9	25	35	RTCA	345	347	282	287	81	63	0.741	1.22	0.24	4364	3937	239	243	77	4125	47974	18.26	6.89	1.21	18.17	15.00
10	4	31	SCG3	399	398	263	270	78	136	1.641	1.52	0.71	1957	1787	227	235	101	1730	15.366	8.62	2.81	1.49	8.76	5.89
11	31	33	CLIC1	296	307	291	296	62	5	0.134	1.02	-0.09	2307	1970	204	211	77	2103	22.844	11.31	3.95	1.07	11.63	10.91
12	10	35	HRAS	399	409	337	344	90	62	0.722	1.18	0.28	2031	2031	209	215	76	2116	23.895	11.12	3.87	1.20	11.27	9.41
10	31	35	NLN	409	407	218	222	68	191	2.721	1.88	1.29	3137	2768	225	233	81	2912	31.296	13.94	5.06	1.87	13.25	7.07
10	7	31	PSM3	503	521	257	264	78	246	3.295	1.96	1.42	4102	3794	232	239	77	3870	46.169	17.68	6.65	1.94	18.12	9.36
12	13	33	TRIM16	507	512	351	353	89	156	1.787	1.44	0.60	1954	1780	210	219	121	1744	12.901	9.30	3.10	1.42	9.30	6.56
11	12	37	FASN_frag	305	307	221	229	71	84	1.099	1.38	0.49	2219	2049	213	219	72	2006	25.417	10.42	3.57	1.39	10.42	7.51
12	26	37	MAP2K2	570	569	359	365	88	211	2.318	1.59	0.83	2124	1898	220	226	73	1904	22.904	9.65	3.25	1.55	9.70	6.24
11	20	37	POCD2	304	314	249	256	75	55	0.773	1.22	0.24	2722	2559	195	204	69	2527	34.13	13.96	5.07	1.23	13.51	10.98
10	2	37	SRM	387	393	288	291	81	99	1.259	1.34	0.43	2829	2492	246	257	95	2583	23.526	11.50	4.03	1.35	11.52	8.52
10	14	37	AK1	294	302	273	277	74	21	0.338	1.08	0.01	2234	2011	227	233	73	2007	24.356	9.84	3.33	1.09	9.81	8.96
11	17	41	ALDH1A1	363	372	240	246	75	123	1.68	1.51	0.71	3618	3137	213	222	74	3405	39.392	16.99	6.35	1.50	16.65	11.07
12	8	41	CRNN	337	346	326	334	86	11	0.14	1.03	-0.06	1955	1770	205	214	75	1750	20.747	9.54	3.20	1.05	9.43	8.96
14	15	73	ACOT7	395	401	331	334	89	64	0.753	1.19	0.19	7261	6248	297	307	91	6964	65.286	24.45	9.52	1.18	24.55	20.83
13	19	15	C19orf73	464	474	371	375	88	93	1.125	1.25	0.28	3207	3053	265	276	142	2942	19.556	12.10	4.28	1.23	12.17	9.87
12	7	41	ANKK2	347	356	323	328	86	24	0.326	1.07	0.00	2438	2143	228	247	104	2210	18.231	10.69	3.69	1.08	10.97	10.12
10	28	39	ATIC	341	354	232	240	74	109	1.541	1.47	0.64	6084	5422	242	250	81	5842	63.852	25.14	9.81	1.52	25.00	16.40
9	21	39	ATP6V0D1	394	424	286	291	81	108	1.642	1.38	0.49	3665	3115	262	291	162	3403	17.432	13.99	5.08	1.46	14.36	9.81
11	10	41	DCN	259	270	232	237	74	27	0.446	1.12	0.07	2536	2303	234	252	103	2302	19.913	10.84	3.75	1.11	11.04	9.94
11	30	37	MAT2A	357	362	299	302	83	58	0.723	1.19	0.19	1799	1812	199	213	93	1600	17.194	9.04	2.99	1.18	9.04	7.66
9	7	39	STUB1	510	515	306	311	83	204	2.458	1.67	0.95	3647	3165	227	236	91	3420	32.187	16.07	5.96	1.67	16.21	9.71
11	14	43	SNX9	513	509	234	241	70	279	3.829	2.19	1.80	2278	2140	217	224	71	2061	26.986	10.50	3.60	2.21	10.44	4.73
14	21	9	GLRX	354	362	328	336	87	26	0.299	1.08	0.01	2453	2267	261	268	80	2192	24.988	9.40	3.14	1.06	9.36	8.80
10	13	85	IL36A	372	377	335	342	89	37	0.393	1.11	0.06	2837	2521	259	265	77	2578	29.299	10.95	3.80	1.12	10.77	9.59
14	31	9	PFN2	388	399	343	348	91	45	0.56	1.13	0.09	3081	2862	262	268	79	2819	32.835	11.76	4.14	1.08	11.83	10.91
10	7	85	RBP1	322	330	325	333	88	-3	-0.034	0.99	-0.13	2367	2124	269	276	86	2098	21.488	8.80	2.88	1.00	8.85	8.83
10	22	51	HK3	521	531	289	293	82	232	2.902	1.80	1.17	2880	2591	239	249	92	2641	25.457	12.05	4.26	1.81	11.42	6.31
15	11	85	PRMT5	377	392	325	334	98	52	0.592	1.16	0.14	4147	4406	261	275	117	3886	35.308	15.89	5.89	1.18	15.83	13.45
11	27	53	PSMB6	353	373	289	359	1118	64	0.013	1.22	0.24	3134	2807	235	242	75	2899	34.2	13.34	4.81	1.25	13.45	10.78
14	30	77	PSMD7	384	386	330	335	88	54	0.58	1.16	0.14	4100	3841	272	279	99	3828	35.98	15.07	5.54	1.17	15.01	12.81
11	23	57	ASB9	355	359	264	279	136	91	0.588	1.34	0.44	2221	2078	229	238	85	1992	21.647	9.70	3.26	1.29	9.39	7.28
12	15	55	DHRS1	393	401	344	348	89	49	0.596	1.14	0.11	2547	2688	209	216	82	2338	30.146	12.19	4.32	1.13	11.78	10.42
13	26	69	ZNF783	420	441	345	350	92	75	0.989	1.22	0.23	6654	5742	293	301	99	6361	54.96	22.71	8.78	1.26	22.78	18.11
14	30	73	ISG15	355	354	322	328	87	33	0.299	1.10	0.05	3526	3261	263	268	79	3263	37.886	13.41	4.84	1.10	13.18	12.02
9	29	59	KLHL14	429	433	324	336	169	105	0.574	1.32	0.40	2258	2182	259	346	329	1999	5.581	8.72	2.85	1.32	8.94	6.77
11	1	55	CPT1A	380	389	281	285	86	99	1.209	1.35	0.45	2226	2151	230	241	80	1996	23.875	9.68	3.26	1.35	9.38	6.96

Supplementary Table 3. Continued

Block	Column	Row	Name	F635			F635			F635			F635			F635			I _u Score _{Ursolic-Bio}	Z _u Score _{Ursolic-Bio}	I _{Mean_{Ursolic-Bio}}	I _{Mean_{Ursolic-Bio}} Ratio		
				Median _{D-Biotin}	Mean _{D-Biotin}	SD _{D-Biotin}	Median _{D-Biotin}	Mean _{D-Biotin}	SD _{D-Biotin}	Median _{D-Biotin}	Mean _{D-Biotin}	SD _{D-Biotin}	Median _{D-Biotin}	Mean _{D-Biotin}	SD _{D-Biotin}	Median _{Ursolic-Bio}	Mean _{Ursolic-Bio}	SD _{Ursolic-Bio}					SNR	
10	28	59	I _{GL}	345	355	292	295	81	53	0.741	1.18	0.17	2844	2662	240	246	76	2604	31789	11.85	4.18	1.20	11.46	9.55
11	18	57	S _{CLT1}	404	405	255	261	77	149	1.87	1.58	0.82	3823	3557	239	245	78	3584	42,462	16.00	5.93	1.60	15.36	9.63
12	12	61	D _{MA1C7}	351	356	302	307	84	49	0.583	1.16	0.14	3170	3052	212	216	71	2958	39,944	14.95	5.49	1.14	14.96	13.16
13	30	7	C _{DCI184}	385	389	347	354	91	38	0.885	1.11	0.06	3308	3068	263	270	81	3045	34,543	12.58	4.49	1.10	12.39	11.28
12	2	61	N _{CF1}	385	390	307	321	109	78	0.633	1.25	0.29	3588	3088	233	239	81	3355	35,173	15.40	5.68	1.23	15.87	12.87
11	3	61	R _{EP5}	347	348	293	300	80	54	0.6	1.18	0.18	2484	2386	242	250	117	2242	18,256	10.26	3.50	1.15	10.28	8.93
12	14	61	R _{PSA}	371	380	302	307	83	69	0.88	1.23	0.25	1895	1765	216	221	69	1679	22,377	8.77	2.87	1.23	8.71	7.07
10	29	65	K _{DMMIA}	484	492	305	308	84	179	2.19	1.59	0.83	3057	2799	245	254	94	2812	27,074	12.48	4.44	1.58	12.23	7.75
10	8	63	F _{TH1}	369	382	336	339	85	33	0.506	1.10	0.04	2715	2636	237	242	73	2478	32,795	11.46	4.01	1.11	11.64	10.46
11	8	65	U _{NC45A}	578	578	280	289	83	298	3.482	2.06	1.59	2909	2535	246	251	78	2663	29,282	11.83	4.17	2.02	11.74	5.81
10	19	65	L _{GALSL}	368	381	313	315	84	55	0.786	1.18	0.16	3271	3020	250	257	78	3021	35,423	13.08	4.70	1.18	13.18	11.17
13	10	9	S _{ECLM3}	425	432	361	368	91	64	0.703	1.18	0.17	2432	2198	256	263	81	2176	23,889	9.50	3.18	1.15	9.64	8.40
12	20	75	G _{BP2}	389	395	326	327	85	63	0.8	1.19	0.19	2348	2266	204	218	88	2144	23,273	11.51	4.03	1.22	11.43	9.36
11	12	73	P _{RKAR2B}	345	355	287	307	182	58	0.264	1.20	0.21	3502	3276	249	257	79	3253	38,215	14.06	5.11	1.24	14.06	11.31
10	2	73	S _{H3D19}	412	424	346	350	92	66	0.804	1.19	0.19	5773	4897	255	259	76	5518	61,026	22.64	8.75	1.22	22.32	18.34
11	3	77	S _{PP1}	760	722	296	301	83	464	5.072	2.57	2.40	2339	2185	249	258	80	2090	24,088	9.39	3.14	2.58	9.30	3.60
11	27	73	K _{I2}	497	521	300	313	172	197	1.209	1.66	0.94	3298	3151	236	241	74	3062	38,324	13.97	5.08	1.63	13.92	8.53
14	14	77	G _{GA3}	503	512	348	351	89	155	1.809	1.45	0.60	3943	3502	287	293	98	3656	32,745	13.74	4.98	1.44	13.69	9.52
15	21	17	F _{AM71E2}	329	334	295	298	80	34	0.45	1.12	0.07	2431	2229	256	267	117	2175	16,769	9.50	3.18	1.12	9.43	8.40
11	27	35	A _{LDH9A1_frag}	373	388	290	298	92	83	0.978	1.29	0.34	5605	5244	206	212	72	5399	69,889	27.21	10.69	1.28	26.49	20.67
13	27	75	C _{DC6}	440	457	357	364	94	83	0.989	1.23	0.26	4363	3751	274	280	81	4089	42,852	15.92	5.90	1.22	15.61	12.78
11	16	73	H _{DDC2}	342	345	280	285	81	62	0.741	1.22	0.24	2121	2052	243	246	73	1878	24,74	8.73	2.85	1.17	9.03	7.70
9	25	75	N _{UDD1}	470	498	345	352	94	125	1.553	1.36	0.46	2285	2063	250	254	76	2015	23,803	9.06	2.99	1.36	9.13	6.73
10	19	75	W _{ARS}	455	475	313	321	84	142	1.833	1.45	0.61	3895	3615	256	262	76	3639	44,118	15.21	5.60	1.49	15.56	10.42
12	30	73	C _{NST}	431	437	377	411	426	54	0.061	1.14	0.11	1761	1676	192	201	71	1569	20,775	9.17	3.04	1.14	9.57	8.38
12	7	73	N _{CALD}	275	275	253	257	74	22	0.243	1.09	0.02	2977	2849	220	225	72	2757	36,444	13.53	4.89	1.09	13.28	12.20
12	30	75	S _{UCG2}	698	708	385	411	382	313	0.777	1.81	1.19	2079	2040	193	200	63	1886	29,206	10.77	3.72	1.79	10.77	6.01
10	23	79	A _{LDH1A3}	432	449	328	331	85	104	1.388	1.32	0.39	4477	4093	255	264	80	4222	46,738	17.56	6.60	1.34	17.13	12.75
10	15	81	D _{HFR}	513	526	333	338	86	180	2.186	1.54	0.75	3214	2987	253	262	76	2961	35,855	12.70	4.54	1.57	12.59	8.01
11	26	83	F _{RO21}	386	385	264	268	75	122	1.56	1.46	0.62	2397	2258	243	249	74	2154	27,149	9.86	3.33	1.42	9.67	6.82
13	23	69	E _{CE2}	388	393	362	370	91	26	0.253	1.07	0.00	3802	3455	267	273	81	3535	39,037	14.24	5.19	1.08	14.15	13.07
11	8	81	H _{OPX}	321	325	311	314	82	10	0.134	1.03	-0.07	2640	2332	255	260	78	2385	26,564	10.35	3.54	1.05	10.27	9.82
11	29	81	P _{GI1}	260	268	248	252	73	12	0.219	1.05	-0.04	2340	2090	245	287	178	2095	10,129	9.55	3.20	1.07	9.40	8.76
12	11	79	S _{HCBPL}	419	447	256	261	75	163	2.48	1.64	0.91	2210	2316	218	223	70	1992	29.9	10.14	3.45	1.64	10.39	6.33
16	19	77	V _{ATI}	317	319	256	266	109	61	0.486	1.24	0.26	2814	2760	232	240	85	2582	29,647	12.13	4.29	1.22	12.22	10.05
16	17	35	C _{ASK}	380	392	237	245	73	143	2.014	1.60	0.85	2337	2274	226	237	103	2111	19,777	10.34	3.54	1.63	10.11	6.19
15	11	73	T _{ACCI}	404	409	295	302	86	109	1.244	1.37	0.48	3146	2786	260	266	80	2886	31.5	12.10	4.28	1.31	12.06	9.22

Supplementary Table 3. Continued

Block	Column	Row	Name	F635 Median_ D-Biotin	F635 Mean_ D-Biotin	B635 Median_ D-Biotin	B635 Mean_ D-Biotin	B635 SD_ D-Biotin	F635 Median_ -B635 Median_ D-Biotin	SNR D-Biotin	I_ D-Biotin	Z_ Score_ D-Biotin	F635 Median_ Ursolic- Bio	F635 Mean_ Ursolic- Bio	B635 Median_ Ursolic- Bio	B635 Mean_ Ursolic- Bio	B635 SD_ Ursolic- Bio	F635 Median_ -B635 Median_ Ursolic-Bio	SNR	I_ Ursolic- Bio	Z_ Score_ Ursolic- Bio	I Mean_ Ursolic- Bio	I Mean_ D-Biotin	I Mean_ Ursolic- Bio	I Mean_ D-Biotin	I Mean_ Ursolic- Bio	I Mean_ D-Biotin	I Mean_ Ursolic- Bio	I Mean_ D-Biotin	I Mean_ Ursolic- Bio	I Mean_ D-Biotin
15	22	47	SH8P1	344	355	292	296	84	52	0.702	1.18	0.17	3440	3098	266	275	90	3174	31.367	12.93	4.64	1.19	13.33	11.16							
13	22	47	SULT2A1	416	422	362	368	92	54	0.587	1.15	0.12	4201	3453	273	284	110	3928	28.809	15.39	5.68	1.15	15.14	13.19							
13	4	43	API5	425	427	392	401	97	33	0.268	1.08	0.02	2464	2310	263	270	79	2201	25.823	9.37	3.12	1.08	9.31	8.60							
13	11	43	CYP2J2	458	470	393	398	93	65	0.774	1.17	0.15	2693	2743	261	267	80	2432	30.95	10.32	3.53	1.18	10.44	8.88							
15	16	45	DOK2	394	408	293	297	84	101	1.321	1.34	0.44	2272	2361	248	256	80	2024	26.313	9.16	3.04	1.36	9.16	6.72							
13	25	43	FLAD1	391	406	351	357	87	40	0.563	1.11	0.06	4284	3833	269	277	83	4015	42.843	15.93	5.90	1.12	15.66	14.02							
15	19	43	KCNK1	363	367	294	300	84	69	0.798	1.23	0.26	2286	2442	245	251	75	2041	29.213	9.33	3.11	1.24	9.22	7.45							
15	19	45	ME3	389	391	282	287	82	107	1.268	1.38	0.49	5107	4848	279	294	104	4828	43.788	18.30	6.91	1.34	19.31	14.41							
13	16	45	NG8	375	393	376	382	97	-1	0.113	1.00	-0.12	2625	2413	276	283	85	2349	25.059	9.51	3.19	1.01	9.36	9.30							
13	24	43	OXR1	420	436	352	358	89	68	0.876	1.19	0.19	4124	3691	277	282	82	3847	41.573	14.89	5.46	1.19	14.81	12.39							
16	11	47	PACSIN3	252	258	240	243	72	12	0.208	1.05	-0.04	2116	1964	229	233	72	1887	24.042	9.24	3.07	1.06	9.24	8.70							
14	16	45	RAB31	400	406	337	343	89	63	0.708	1.19	0.18	4015	3728	272	280	81	3743	42.568	14.76	5.41	1.18	14.95	12.62							
14	19	47	TCPI	445	462	323	332	88	122	1.477	1.38	0.49	5751	5539	268	275	85	5483	61.929	21.46	8.25	1.41	21.54	15.25							
16	1	47	XAGE2	320	343	268	273	77	52	0.909	1.19	0.19	4622	3932	247	254	78	4375	47.154	18.71	7.08	1.20	18.07	15.08							
16	13	47	BASP1	297	308	235	239	71	62	0.972	1.26	0.31	3064	2621	239	243	75	2825	31.707	12.82	4.59	1.28	13.06	10.20							
15	7	43	HSPA1A	572	570	306	315	86	266	2.965	1.87	1.28	3729	3535	272	411	479	3457	6.522	13.71	4.96	1.86	13.89	7.49							
16	18	47	KI902540	423	472	225	235	75	198	3.16	1.88	1.30	7084	7615	236	253	125	6848	58.896	30.02	11.88	1.94	30.07	15.50							
14	31	45	MOSPD2	405	416	313	317	83	92	1.193	1.29	0.35	5060	4993	277	287	92	4783	51.152	18.27	6.90	1.27	17.59	13.89							
15	31	45	PUS3	288	302	264	267	77	24	0.455	1.09	0.03	2845	2947	236	243	75	2609	36.053	12.06	4.26	1.10	12.07	10.99							
15	30	45	TEX11	319	325	262	268	77	57	0.74	1.22	0.23	2491	2638	246	251	84	2245	28.417	10.13	3.45	1.19	9.94	8.32							
16	1	87	UBE2J1	397	427	274	278	76	123	1.961	1.45	0.60	2832	2888	249	275	466	2583	5.607	11.37	3.97	1.47	11.93	8.14							
16	7	47	UBQLN3	304	302	252	257	76	52	0.592	1.21	0.21	3689	3491	246	261	96	3443	33.646	15.00	5.51	1.21	14.29	11.84							
14	30	45	VCL	366	366	316	319	85	50	0.553	1.16	0.14	3440	3443	295	564	813	3145	3.541	11.66	4.10	1.17	12.05	10.33							
15	15	51	MARKS	333	336	284	290	81	49	0.568	1.17	0.16	2966	2765	244	253	79	2722	31.797	12.16	4.31	1.15	12.05	10.45							
14	12	49	TXND2C	483	491	330	334	89	153	1.764	1.46	0.63	3489	3117	272	278	80	3217	35.488	12.83	4.59	1.45	12.79	8.79							
15	24	53	APIB1	413	416	290	295	82	123	1.476	1.42	0.56	4702	3968	262	279	108	4440	34.157	17.95	6.76	1.42	18.20	12.77							
16	4	49	LINC0634_ frag	287	293	253	261	78	34	0.41	1.13	0.10	2260	2114	236	243	75	2024	24.947	9.58	3.21	1.10	9.61	8.73							
16	6	53	CCDC117	275	294	267	271	77	8	0.299	1.03	-0.07	3037	2799	250	263	110	2787	23.055	12.15	4.30	1.07	10.95	10.23							
16	24	51	CRYBB1	274	383	237	247	88	37	1.545	1.16	0.13	2838	2577	229	235	77	2609	30.416	12.39	4.41	1.13	12.16	10.79							
16	1	49	MIOX	356	372	264	268	78	92	1.333	1.35	0.44	4932	4406	243	250	76	4689	54.684	20.30	7.76	1.31	20.07	15.36							
15	4	51	RABL2A	474	490	302	308	86	172	2.116	1.57	0.80	3081	3123	252	257	78	2829	36.744	12.23	4.34	1.56	10.89	7.00							
16	1	51	SEC14L4	296	300	261	266	74	35	0.459	1.13	0.10	4025	3988	243	250	79	3782	47.316	16.56	6.17	1.17	16.26	13.92							
16	16	53	dM02G11. C22.5	337	339	239	247	74	98	1.243	1.41	0.54	2009	2025	224	229	71	1785	25.296	8.97	2.96	1.38	8.92	6.48							
15	4	53	SYNGR1	387	393	300	303	83	87	1.084	1.29	0.35	2465	2615	256	270	114	2209	20.57	9.63	3.24	1.25	9.87	7.91							
15	31	49	ORPLA	362	377	274	280	79	88	1.228	1.32	0.40	3675	3933	258	271	99	3417	36.99	14.24	5.19	1.38	14.13	10.21							

Supplementary Table 3. Continued

Block	Column	Row	Name	F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635		F635		B635	
				Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_	Mean_	Median_
19	11	15	LRRFP1	488	503	437	440	103	51	0.612	1.12	0.07	3341	3701	265	271	85	3076	40.353	12.61	4.50	1.13	11.90	10.50																							
19	2	1	ALDH1L2	395	418	322	327	85	73	1.071	1.23	0.25	2714	2856	259	263	77	2455	33.675	10.48	3.60	1.21	10.44	8.66																							
20	3	5	PAK1	302	309	281	289	81	21	0.247	1.07	0.00	2100	2013	232	239	82	1868	21.634	9.05	2.99	1.08	8.84	8.19																							
18	6	5	SYCE2	423	441	345	348	88	78	1.057	1.23	0.25	4140	3724	273	277	81	3867	42.556	15.16	5.58	1.25	14.93	11.92																							
18	24	1	UBREX01	658	642	336	342	88	32	3.409	1.96	1.42	4345	3961	287	293	86	4058	42.651	15.14	5.57	2.00	15.54	7.79																							
20	28	5	SRGAP3	420	436	398	407	142	22	0.204	1.06	-0.03	2000	2014	215	223	87	1785	20.586	9.30	3.10	1.08	9.45	8.79																							
17	30	3	HGN1	487	499	384	393	99	103	1.071	1.27	0.31	2444	2399	274	276	79	2170	26.873	8.92	2.93	1.31	8.89	6.81																							
19	17	11	HSD17B14	322	330	291	298	82	31	0.39	1.11	0.05	2313	2373	257	280	159	2056	13.164	9.00	2.97	1.10	9.42	8.53																							
20	27	7	SHC1	596	623	350	356	89	246	3	1.70	1.01	2111	2138	210	217	70	1901	27.443	10.05	3.41	1.68	9.87	5.86																							
19	8	11	SCRN1	356	360	316	323	84	40	0.44	1.13	0.08	2674	2419	258	268	90	2416	23.9	10.36	3.55	1.11	10.42	9.39																							
20	6	11	CIB3	402	413	270	280	85	132	1.565	1.49	0.67	3320	3382	238	242	71	3082	44.225	13.95	5.07	1.41	13.67	9.70																							
13	28	87	IARS	494	507	369	372	92	125	1.467	1.34	0.43	3308	3363	267	274	83	3041	37.217	12.39	4.41	1.33	12.08	9.07																							
15	21	61	HECW2	384	399	297	303	81	87	1.185	1.29	0.35	3690	3205	246	252	89	3444	33.18	15.00	5.51	1.30	14.74	11.34																							
20	17	23	RBM53	396	407	302	307	83	94	1.205	1.31	0.38	2725	2819	227	236	81	2498	31.889	12.00	4.24	1.28	11.99	9.35																							
20	31	19	PDCD6IP	471	481	378	384	95	93	1.021	1.25	0.28	4321	3966	225	232	79	4096	47.266	19.20	7.29	1.21	18.89	15.60																							
19	2	27	TPP2	406	416	352	357	89	54	0.663	1.15	0.13	5444	4880	295	304	101	5149	45.307	18.45	6.98	1.11	18.86	16.93																							
19	17	27	INMT	321	333	320	330	101	1	0.03	1.00	-0.11	2800	2752	266	274	84	2534	29.5	10.53	3.62	1.00	10.80	10.75																							
20	7	27	HSPA14	325	335	285	293	83	40	0.506	1.14	0.11	3893	3639	238	246	74	3655	45.851	16.36	6.09	1.11	16.49	14.84																							
20	21	31	YOD1	364	375	334	342	94	30	0.351	1.09	0.03	2891	2941	230	237	103	2661	26.252	12.57	4.48	1.10	12.71	11.60																							
17	10	31	TH	504	504	406	412	96	98	0.958	1.24	0.27	2298	2283	246	254	78	2052	26.013	9.34	3.11	1.23	9.44	7.66																							
17	28	31	ACOT12	490	502	421	427	99	69	0.758	1.16	0.15	3345	3301	276	282	81	3069	37.272	12.12	4.29	1.15	11.82	10.26																							
19	31	33	APBA2	529	555	328	335	87	201	2.529	1.61	0.87	2414	2491	257	264	79	2157	28.19	9.39	3.14	1.61	9.34	5.82																							
18	30	35	AIMTL	523	543	354	361	93	169	1.957	1.48	0.65	3399	3407	288	300	117	3111	26.556	11.80	4.16	1.44	11.84	8.20																							