Fig. S2 Alignment of the promoter sequences of Jin5-508 (upper) and YN (lower). The pair-wise comparison was performed by using the ApE (v2.0.60) software with default parameters. The software is accessible from http://jorgensen.biology.utah.edu/wayned/ape/. The variants (SNPs and InDels) were highlighted in red.

Jin5-508 YN Jin5-508 YN Jin5-508 40 YN Jin5-508 601 СТАЮ ТАЮСТОВОТОСКАСКАТАЛЬНАТТИТАСТІЛІСОЛОГІАСАТІОЛСТАЛЬНАСТАЛІСТАЛОГО САЛІВСТИЛІСТАЛІСТАЛІСТАЛІСТАЛІСТАЛІКАТАЛА СТАЮ ТАОСТООЛОГІОСКАСКАТАЛЬНАТИТИТАСТІЛІСОЛОГІАСАТІОЛСТАЛЬНАКТАЛІСТАТАЛОНАТІСТІЛІСТАЛІТІ СТАОЛІСАЛАНА САЛІВАНСК 1 GACAATTAAAG Jin5-508 YN Jin5-508 1001 $J_{\rm III55-508} {}_{\rm III1} = a_{\rm IIII1} {}_{\rm III1} = a_{\rm III1} {}$ Jin5-508 1601 YN Jin5-508 1801 Jin5-508 2001 5-508 2001 CAACAACAAAAGAAAAGAAAAAAAAAAAAAA YN 1972 CAACAACAAAAGAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAA