

Hep G2 细胞 STR 鉴定报告

一、材料处理和检测方法

取适量细胞 (> 1×10⁶)，使用 Tsingke 的动物基因组抽提试剂盒 (货号 TSP201-200) 提取细胞的基因组 DNA。使用新海生物的 NuHi SU9 dNTP Mix (货号 NH9347) 对 19 个 STR 位点以及性别位点 Amelogenin 进行扩增。使用 Cellosaurus STR 相似度搜索工具 CLASTR 对检测数据进行分析，同时与 ATCC, DSMZ, JCRB 和 RIKEN 等多个细胞库以及文献资料进行比对。

二、检验结果

样品编号	多等位基因	匹配细胞系	细胞库	匹配度	匹配说明
Hep G2	无	Hep-G2	PubMed (24116068)	0.9846	基本匹配

- 多等位基因指三等位及以上基因现象。

三、鉴定结论:

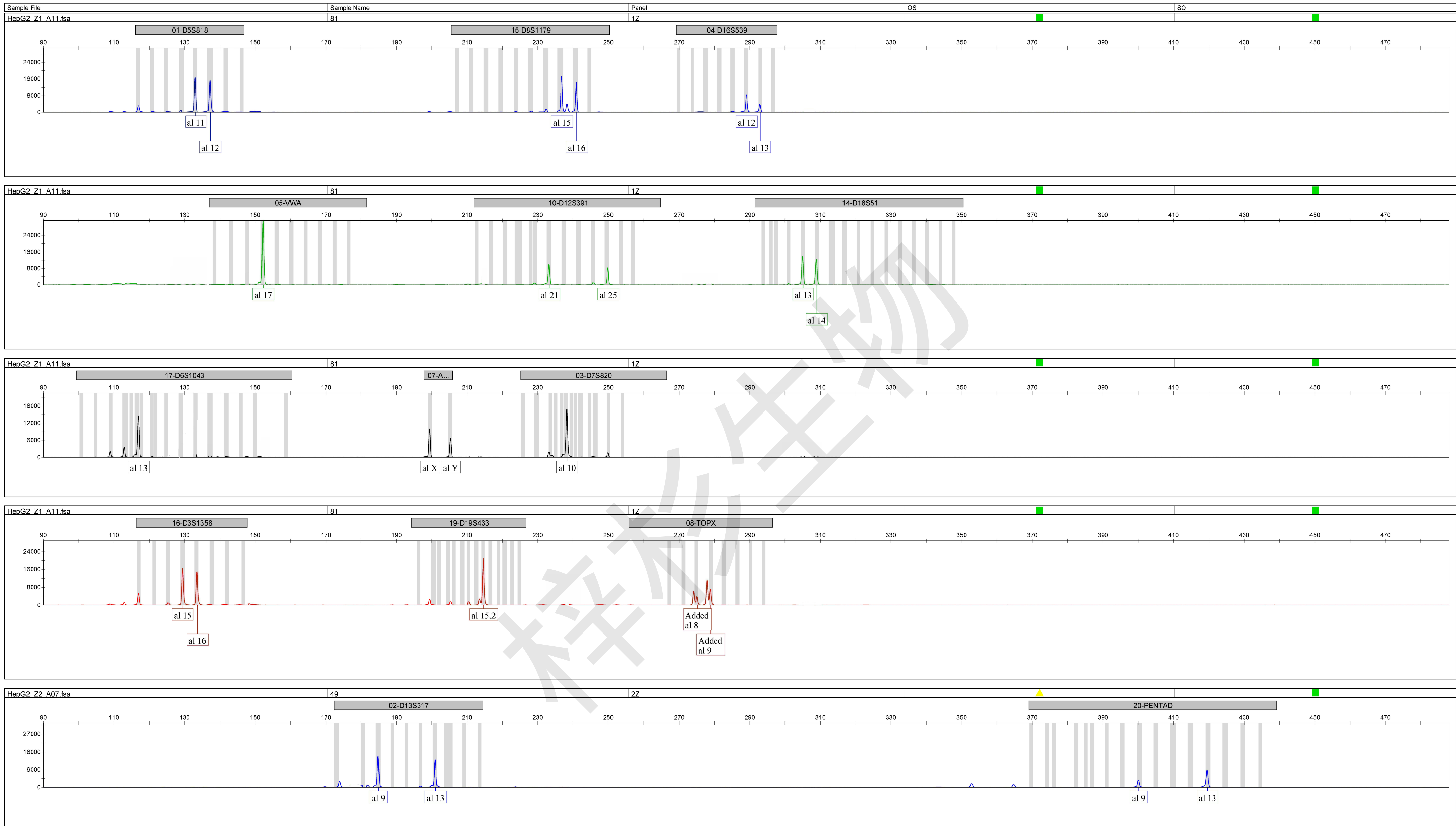
- 1、本次检测各细胞分型结果良好。
- 2、该细胞株 DNA 分型在细胞库中匹配到与其细胞分型 **98.46%**相匹配的细胞株，细胞株名为：**Hep G2**。

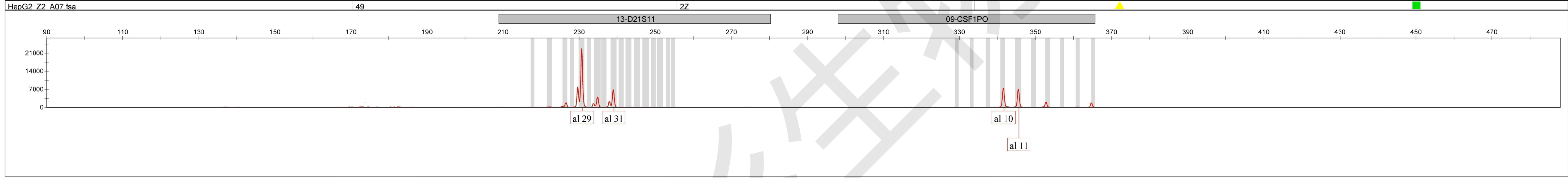
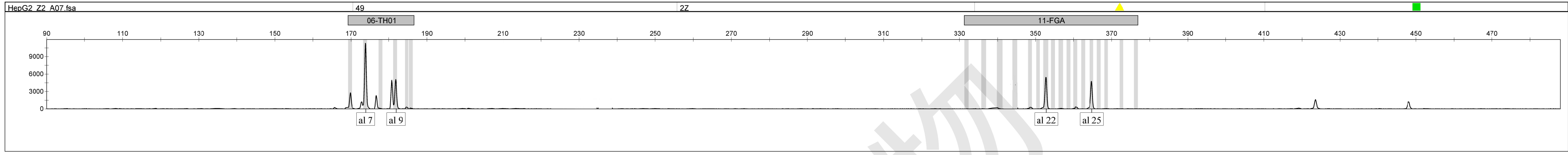
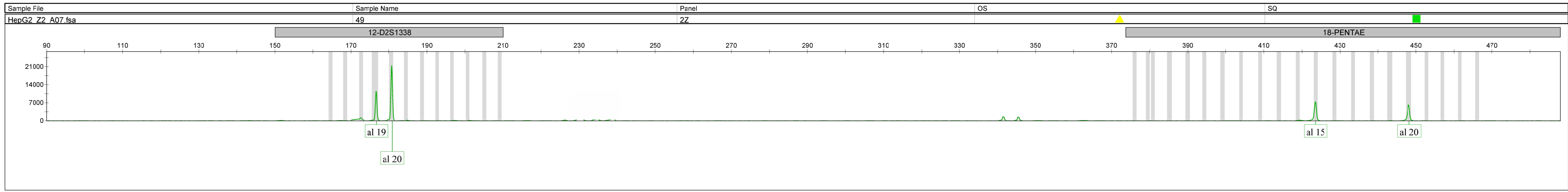
备注:

- 1、根据国际细胞鉴定委员会 (ICLAC) 制定的细胞 STR 鉴定标准，当细胞系匹配度为 1.00 时是完全匹配；匹配度在 0.80 到 0.99 之间时认定检测细胞与细胞库里匹配到的细胞具有相关性；但当匹配度小于 0.80 时表明检测细胞与细胞库里匹配到的细胞 STR 位点差异较大，两者之间没有关联，不能对检测细胞进行鉴定。
- 2、STR 比对结果默认 ExPASy，服务器公开访问地址 (<https://web.expasy.org/cellosaurus-str-search>)。

附表：Hep G2 细胞的 STR 位点和 Amelogenin 位点的基因分型结果

细胞 HepG2 的 STR 位点和 Amelogenin 位点的基因分型结果						
Loci	送检细胞 STR 信息			细胞库细胞 STR 信息		
	送检细胞名: HepG2			细胞库细胞名: Hep-G2		
	Allele1	Allele2	Allele3	Allele1	Allele2	Allele3
D5S818	11	12		11	12	
D13S317	9	13		9	13	
D7S820	10			10		
D16S539	12	13		12	13	
VWA	17			17		
TH01	7	9		9		
AMEL	X	Y		X	Y	
TPOX	8	9		8	9	
CSF1PO	10	11		10	11	
D12S391	21	25		21	25	
FGA	22	25		22	25	
D2S1338	19	20		19	20	
D21S11	29	31		29	31	
D18S51	13	14		13	14	
D8S1179	15	16		15	16	
D3S1358	15	16		15	16	
D6S1043	13					
PENTAE	15	20		15	20	
D19S433	15.2			15.2		
PENTAD	9	13		9	13	





Copyright © Applied Biosystems