

Gene	Counts	Male			Female		
		FC	LFC	p <sub>FDR</sub>	FC	LFC	p <sub>FDR</sub>
1110004F10Rik	10227	-1.21	-0.28	1.1E-03	-1.29	-0.37	1.6E-05
1110017D15Rik	366	3.55	1.83	8.6E-25	3.61	1.85	2.2E-25
1110038F14Rik	1540	-1.54	-0.62	4.0E-09	-1.73	-0.79	5.8E-14
1110059E24Rik	3275	1.34	0.42	9.4E-05	1.38	0.47	1.3E-05
1110059G10Rik	1092	-1.68	-0.75	5.0E-15	-1.68	-0.75	4.8E-15
1190007I07Rik	446	-1.50	-0.59	5.3E-08	-1.72	-0.78	4.2E-13
1500009C09Rik	1708	1.64	0.71	1.2E-03	1.69	0.76	5.1E-04
1500009L16Rik	1141	1.74	0.80	1.6E-32	1.66	0.73	3.5E-27
1600014C10Rik	1018	-1.80	-0.85	3.0E-28	-1.79	-0.84	1.6E-27
1700001O22Rik	185	2.86	1.51	1.5E-18	2.53	1.34	8.7E-15
1700003E16Rik	238	4.56	2.19	2.5E-33	4.03	2.01	1.5E-28
1700017B05Rik	1189	1.56	0.64	1.1E-04	1.44	0.53	1.8E-03
1700019D03Rik	360	3.51	1.81	4.4E-11	3.41	1.77	1.4E-10
1700029J07Rik	352	-1.87	-0.90	1.1E-19	-1.75	-0.81	4.3E-16
1700030J22Rik	533	1.90	0.93	4.2E-19	1.87	0.90	3.8E-18
1700030K09Rik	823	-5.92	-2.57	2.8E-83	-5.85	-2.55	2.3E-82
1700037C18Rik	116	-2.51	-1.33	3.2E-16	-2.77	-1.47	2.5E-19
1700037H04Rik	3120	1.90	0.92	2.0E-12	1.71	0.77	5.5E-09
1700066M21Rik	1664	1.35	0.44	1.7E-03	1.40	0.48	4.7E-04
1700088E04Rik	521	2.56	1.36	1.8E-39	2.73	1.45	9.3E-45
1700093K21Rik	119	4.46	2.16	2.7E-13	6.25	2.64	7.4E-19
1700094D03Rik	356	1.85	0.89	1.8E-13	1.81	0.85	1.5E-12
1700102P08Rik	274	1.88	0.91	6.0E-10	1.90	0.93	2.8E-10
1810010H24Rik	193	1.79	0.84	9.5E-08	1.93	0.95	1.6E-09
1810024B03Rik	123	-2.57	-1.36	9.0E-14	-2.62	-1.39	3.7E-14
1810055G02Rik	2101	1.65	0.73	3.2E-09	1.60	0.68	2.9E-08
2210016L21Rik	2072	-1.29	-0.37	4.0E-08	-1.31	-0.39	4.2E-09
2310011J03Rik	1664	1.77	0.82	3.7E-11	1.59	0.67	8.7E-08
2310022B05Rik	6485	1.28	0.36	4.5E-04	1.23	0.30	3.3E-03
2410002F23Rik	6002	-1.43	-0.51	1.2E-35	-1.47	-0.55	7.9E-41
2410004B18Rik	2022	1.51	0.59	2.0E-21	1.50	0.59	5.3E-21
2510002D24Rik	507	-1.43	-0.52	8.8E-10	-1.47	-0.56	4.6E-11
2510039O18Rik	2533	1.56	0.64	6.6E-08	1.42	0.51	2.6E-05
2610008E11Rik	7868	-1.45	-0.54	3.6E-12	-1.37	-0.46	6.1E-09
2610021A01Rik	2839	1.24	0.31	6.4E-05	1.32	0.40	2.1E-07
2610044O15Rik8	2098	-1.26	-0.33	4.1E-05	-1.26	-0.33	4.9E-05
2610301B20Rik	3491	1.40	0.49	1.0E-09	1.43	0.52	6.0E-11
2610507B11Rik	19385	1.31	0.39	5.8E-07	1.35	0.43	2.9E-08
2700049A03Rik	3410	1.24	0.30	1.7E-04	1.34	0.42	1.2E-07
2700062C07Rik	729	-1.73	-0.79	3.2E-14	-1.89	-0.92	6.2E-19
2700097O09Rik	2207	1.32	0.40	9.0E-09	1.39	0.47	1.4E-11
2900026A02Rik	3248	1.98	0.98	6.5E-17	2.00	1.00	1.9E-17
3110009E18Rik	124	-1.63	-0.71	4.0E-04	-2.03	-1.02	1.9E-07
3110040N11Rik	681	-1.89	-0.92	2.6E-28	-1.90	-0.93	1.1E-28

3110082I17Rik	1166	1.58	0.66	1.4E-04	1.31	0.39	3.3E-02
3110082J24Rik	140	-2.58	-1.37	2.6E-11	-2.49	-1.32	1.3E-10
3830406C13Rik	812	-1.29	-0.37	5.4E-03	-1.31	-0.39	3.5E-03
4921507P07Rik	215	1.39	0.48	1.6E-03	1.43	0.51	6.9E-04
4921524J17Rik	1645	1.69	0.76	3.8E-18	1.68	0.75	9.6E-18
4921536K21Rik	210	1.50	0.58	2.3E-04	1.29	0.36	2.8E-02
4930430F08Rik	1323	1.56	0.65	1.0E-16	1.64	0.71	3.0E-20
4930522L14Rik	384	1.67	0.74	5.2E-12	1.80	0.85	1.4E-15
4930563E22Rik	428	-1.54	-0.62	6.7E-09	-1.43	-0.51	2.2E-06
4930579G24Rik	703	1.77	0.83	2.4E-07	1.74	0.80	6.0E-07
4930590J08Rik	403	1.53	0.61	4.4E-05	1.71	0.77	2.0E-07
4931406C07Rik	2467	-1.28	-0.36	1.8E-10	-1.22	-0.29	4.1E-07
4933407L21Rik	155	-1.74	-0.80	1.3E-03	-1.72	-0.78	1.8E-03
5031439G07Rik	16940	1.81	0.86	6.9E-20	1.77	0.83	1.4E-18
5430403G16Rik	254	1.40	0.48	3.3E-05	1.67	0.74	1.4E-10
5730409E04Rik	732	-2.89	-1.53	5.0E-11	-2.79	-1.48	2.3E-10
5730455P16Rik	3267	-1.37	-0.46	9.0E-12	-1.42	-0.50	4.2E-14
6030458C11Rik	3419	-1.30	-0.38	2.4E-22	-1.22	-0.29	6.6E-13
6330403K07Rik	13572	-1.41	-0.50	4.6E-08	-1.41	-0.50	5.1E-08
6330409D20Rik	174	1.62	0.69	1.5E-06	1.44	0.52	3.4E-04
6430548M08Rik	4719	2.41	1.27	3.2E-26	2.40	1.26	8.8E-26
6430550D23Rik	223	2.21	1.14	4.0E-20	2.43	1.28	1.1E-24
6430571L13Rik	352	1.33	0.41	1.1E-02	1.40	0.49	2.2E-03
9030025P20Rik	127	-1.74	-0.80	7.4E-10	-1.74	-0.80	5.7E-10
9130019O22Rik	628	1.51	0.59	7.5E-08	1.67	0.74	2.1E-11
9530068E07Rik	7749	-1.23	-0.30	7.8E-04	-1.31	-0.39	7.4E-06
9530077C05Rik	513	1.48	0.57	5.6E-08	1.29	0.37	5.8E-04
9930021J03Rik	5543	-1.31	-0.39	3.7E-05	-1.23	-0.30	2.2E-03
9930104L06Rik	2337	1.34	0.43	6.6E-11	1.28	0.35	1.0E-07
A130010J15Rik	930	-1.20	-0.27	1.2E-04	-1.26	-0.33	1.1E-06
A2m	717	-1.38	-0.46	1.5E-02	-1.50	-0.58	1.7E-03
A3galt2	1683	6.97	2.80	3.7E-70	7.64	2.93	1.1E-76
A430033K04Rik	1960	1.32	0.41	1.1E-07	1.38	0.46	1.5E-09
A630001G21Rik	105	-3.08	-1.62	3.0E-17	-3.32	-1.73	9.0E-19
A830018L16Rik	169	-2.39	-1.25	4.0E-07	-2.35	-1.23	7.9E-07
A930004D18Rik	1042	-1.59	-0.67	5.1E-08	-1.64	-0.72	5.5E-09
A930033H14Rik	144	-2.63	-1.39	1.9E-21	-2.72	-1.44	1.1E-22
AA986860	139	1.99	1.00	1.8E-08	2.84	1.50	1.5E-17
Aaas	3111	1.61	0.69	5.9E-06	1.40	0.49	1.8E-03
Aacs	3674	2.02	1.01	1.4E-32	1.86	0.90	1.4E-25
Aagab	6156	1.76	0.82	1.0E-50	1.75	0.81	1.8E-49
Aak1	15896	1.46	0.54	1.2E-04	1.62	0.70	5.1E-07
Aard	215	-1.56	-0.64	6.0E-05	-1.71	-0.77	1.1E-06
Aars2	1417	-1.35	-0.44	4.1E-04	-1.49	-0.57	2.6E-06
Aasdh	1572	-1.65	-0.72	3.7E-16	-1.58	-0.66	7.4E-14
Aasdhppt	2945	1.31	0.39	2.0E-07	1.35	0.44	5.7E-09
Aass	396	2.23	1.15	1.7E-04	2.28	1.19	1.1E-04

Aatk	1600	-2.10	-1.07	7.9E-04	-2.11	-1.07	8.0E-04
Abat	8490	1.58	0.66	2.4E-08	1.68	0.75	1.7E-10
Abca3	6623	1.32	0.40	3.3E-03	1.34	0.43	1.7E-03
Abca4	342	-1.60	-0.68	6.6E-03	-1.47	-0.56	3.0E-02
Abca5	3173	2.02	1.02	3.1E-09	2.52	1.33	4.1E-15
Abca7	4344	2.59	1.37	3.7E-24	2.58	1.37	7.2E-24
Abca9	1695	-1.86	-0.90	6.9E-06	-1.71	-0.78	1.2E-04
Abcb10	2247	-1.24	-0.30	1.3E-03	-1.33	-0.41	1.0E-05
Abcb6	130	1.52	0.60	5.4E-03	1.36	0.44	4.8E-02
Abcb7	4367	-1.46	-0.55	3.7E-08	-1.41	-0.50	6.6E-07
Abcb8	1836	-2.93	-1.55	1.2E-109	-3.17	-1.67	1.9E-126
Abcb9	338	1.78	0.83	2.6E-08	1.73	0.79	1.3E-07
Abcc5	13864	-1.55	-0.63	1.8E-04	-1.31	-0.39	2.7E-02
Abcc9	1497	-1.57	-0.65	4.0E-05	-1.51	-0.60	1.8E-04
Abcd2	4781	1.82	0.86	5.0E-11	1.72	0.79	2.5E-09
Abcd4	2037	1.37	0.45	6.0E-04	1.33	0.41	1.8E-03
Abce1	14484	-1.25	-0.32	2.2E-03	-1.20	-0.26	1.3E-02
Abcf1	11952	1.56	0.64	3.4E-11	1.44	0.53	7.0E-08
Abcf3	5371	1.49	0.58	7.5E-22	1.46	0.54	2.8E-19
Abcg5	148	-2.12	-1.08	2.2E-07	-2.08	-1.06	4.3E-07
Abhd10	2112	-1.33	-0.41	2.8E-08	-1.35	-0.43	8.5E-09
Abhd11	1511	1.31	0.39	2.4E-10	1.29	0.37	3.2E-09
Abhd12	3115	1.31	0.39	3.8E-10	1.31	0.38	1.0E-09
Abhd13	3905	1.25	0.33	3.9E-05	1.25	0.32	5.3E-05
Abhd14a	1728	1.46	0.54	7.3E-11	1.41	0.49	5.1E-09
Abhd14b	827	1.95	0.96	3.1E-07	2.14	1.10	5.2E-09
Abhd15	321	6.55	2.71	7.9E-82	6.24	2.64	5.7E-77
Abhd16a	1764	-2.00	-1.00	1.9E-26	-2.21	-1.14	5.6E-34
Abhd17a	3178	1.55	0.63	6.7E-11	1.48	0.56	1.0E-08
Abhd17b	3631	1.25	0.32	1.1E-04	1.20	0.26	2.3E-03
Abhd18	124	2.70	1.43	9.7E-04	2.44	1.29	3.3E-03
Abhd2	8026	1.26	0.34	9.8E-04	1.29	0.37	3.0E-04
Abhd3	263	3.84	1.94	2.2E-29	3.78	1.92	1.4E-28
Abhd4	3131	1.34	0.42	3.3E-06	1.31	0.39	1.8E-05
Abhd5	1217	-1.31	-0.39	1.0E-03	-1.36	-0.44	1.9E-04
Abhd6	1224	1.86	0.90	2.5E-23	1.93	0.95	7.3E-26
Abhd8	5131	1.90	0.93	3.5E-32	1.83	0.87	8.2E-29
Abi3	103	-1.42	-0.51	1.5E-02	-1.43	-0.52	1.4E-02
Abi2	6428	-1.33	-0.42	1.3E-03	-1.25	-0.33	1.4E-02
Ablim1	4502	-1.34	-0.43	2.6E-03	-1.25	-0.33	2.4E-02
Ablim2	250	2.11	1.08	9.5E-03	2.25	1.17	4.8E-03
Abr	12513	-1.60	-0.68	5.8E-06	-1.66	-0.73	1.3E-06
Abracl	3562	-1.63	-0.70	9.6E-06	-1.72	-0.78	7.0E-07
Abraxa1	745	-1.24	-0.31	3.1E-03	-1.26	-0.33	1.6E-03
Abt1	1337	1.36	0.45	8.3E-05	1.28	0.35	2.1E-03
Abtb2	2483	2.20	1.14	1.8E-38	2.19	1.13	8.4E-38
Acaa1b	135	2.59	1.37	2.2E-14	2.91	1.54	2.0E-17

Acaa2	2091	1.42	0.51	2.5E-04	1.41	0.50	3.3E-04
Acacb	599	3.69	1.88	2.6E-51	3.64	1.86	5.1E-50
Acad12	162	-1.35	-0.43	4.5E-04	-1.54	-0.62	2.6E-07
Acadm	4036	1.80	0.85	7.8E-53	1.92	0.94	3.2E-64
Acan	1045	-6.91	-2.79	4.2E-03	-5.36	-2.42	1.4E-02
Acap2	8163	1.68	0.75	6.4E-24	1.79	0.84	7.9E-30
Acap3	6900	1.42	0.50	2.2E-04	1.35	0.43	1.8E-03
Acbd4	451	3.12	1.64	5.8E-30	3.09	1.63	2.9E-29
Accs	1681	-1.34	-0.42	1.1E-05	-1.31	-0.39	6.0E-05
Acd	3697	1.91	0.93	2.1E-34	1.82	0.86	1.4E-29
Acer3	1362	1.49	0.57	5.2E-08	1.56	0.64	9.1E-10
Ache	892	1.73	0.79	1.1E-03	1.82	0.87	3.1E-04
Acin1	25484	-1.41	-0.49	4.6E-05	-1.52	-0.60	5.6E-07
Ackr1	1403	2.20	1.14	8.0E-09	2.19	1.13	1.0E-08
Ackr3	2346	-1.31	-0.39	9.9E-03	-1.40	-0.49	1.0E-03
Acly	42598	1.52	0.60	2.4E-17	1.49	0.58	5.5E-16
Aco1	9220	1.81	0.86	7.4E-27	1.74	0.80	2.2E-23
Acot1	1481	-1.26	-0.34	6.0E-05	-1.24	-0.31	2.1E-04
Acot13	852	1.40	0.48	1.3E-05	1.43	0.51	3.4E-06
Acot2	211	-2.95	-1.56	1.6E-26	-2.72	-1.45	6.1E-23
Acot6	253	-3.52	-1.81	7.4E-35	-3.63	-1.86	1.9E-36
Acot7	4558	1.22	0.28	2.8E-02	1.27	0.34	8.2E-03
Acot8	990	1.57	0.65	7.1E-12	1.51	0.60	3.7E-10
Acot9	1147	-1.46	-0.55	7.6E-05	-1.37	-0.46	1.3E-03
Acox1	7899	1.33	0.41	5.2E-11	1.32	0.40	2.4E-10
Acp2	4785	-1.74	-0.80	2.5E-32	-1.73	-0.79	2.1E-31
Acp6	1651	2.05	1.04	3.9E-48	2.10	1.07	9.5E-51
Acrbp	689	-1.47	-0.55	9.7E-05	-1.47	-0.56	9.8E-05
Acsbg1	622	-1.39	-0.47	8.5E-03	-1.62	-0.70	7.1E-05
Acsf3	819	-2.85	-1.51	1.8E-57	-3.08	-1.62	7.1E-66
Acsl1	2150	3.11	1.64	6.5E-40	3.28	1.72	1.3E-43
Acsl3	9041	1.51	0.59	3.9E-11	1.47	0.55	8.6E-10
Acsl4	4014	1.62	0.69	1.5E-12	1.66	0.73	6.7E-14
Acsl5	1132	-1.93	-0.95	1.9E-10	-1.92	-0.94	2.3E-10
Acss1	3013	-1.30	-0.38	1.2E-02	-1.33	-0.41	7.0E-03
Acss2	2917	2.04	1.03	5.3E-76	2.05	1.03	2.3E-76
Acta1	391	-15.56	-3.96	1.5E-04	-9.63	-3.27	2.1E-03
Actb	107135	-1.36	-0.44	2.4E-08	-1.48	-0.57	4.5E-13
Actc1	906	-21.26	-4.41	7.1E-04	-12.85	-3.68	5.4E-03
Actl6a	6126	-1.28	-0.36	1.1E-02	-1.41	-0.50	3.6E-04
Actn4	15736	1.43	0.52	3.2E-05	1.37	0.46	2.6E-04
Actr10	9766	1.26	0.33	1.7E-06	1.28	0.36	1.5E-07
Actr1b	10314	1.34	0.42	2.0E-11	1.25	0.33	3.5E-07
Actr3b	1001	1.98	0.99	3.9E-11	1.89	0.92	8.7E-10
Actr5	1604	1.53	0.61	2.4E-13	1.52	0.60	8.0E-13
Actr6	2081	1.36	0.44	3.1E-08	1.41	0.49	4.1E-10
Actr8	3093	-1.56	-0.64	3.6E-27	-1.61	-0.68	2.0E-30

Acvr1c	155	2.57	1.36	5.6E-09	2.50	1.32	1.6E-08
Acvr2b	2847	-2.10	-1.07	3.0E-05	-1.80	-0.85	1.1E-03
Acy1	1770	1.70	0.77	2.3E-17	1.68	0.75	1.2E-16
Acyp1	881	1.26	0.34	2.2E-03	1.19	0.25	2.9E-02
Ada	284	1.30	0.38	1.9E-02	1.35	0.44	7.7E-03
Adal	1824	-1.54	-0.62	3.2E-17	-1.40	-0.49	5.7E-11
Adam11	2711	-1.52	-0.61	1.0E-03	-1.37	-0.46	1.5E-02
Adam12	911	-2.63	-1.39	5.6E-07	-2.60	-1.38	7.7E-07
Adam15	3573	3.00	1.58	9.2E-52	2.93	1.55	1.2E-49
Adam19	3857	-1.57	-0.65	1.3E-07	-1.46	-0.55	1.3E-05
Adam22	4153	-1.60	-0.68	1.7E-04	-1.45	-0.54	3.2E-03
Adam33	231	-2.35	-1.23	1.8E-03	-2.49	-1.32	8.6E-04
Adam8	1522	2.38	1.25	5.7E-17	2.21	1.14	2.4E-14
Adam9	4828	1.66	0.73	1.5E-44	1.65	0.72	1.2E-43
Adamts1	1953	-1.77	-0.82	4.0E-04	-1.74	-0.80	6.3E-04
Adamts12	2424	-1.77	-0.83	2.4E-04	-1.65	-0.72	1.5E-03
Adamts14	272	-1.71	-0.77	3.0E-02	-1.75	-0.81	2.4E-02
Adamts15	1767	-1.70	-0.76	1.0E-02	-1.76	-0.82	5.8E-03
Adamts18	484	-3.16	-1.66	2.9E-12	-2.65	-1.41	4.3E-09
Adamts2	893	-2.09	-1.06	5.1E-03	-2.11	-1.07	4.8E-03
Adamts20	2579	1.69	0.76	3.0E-07	1.91	0.94	1.9E-10
Adamts3	803	-1.39	-0.48	1.4E-02	-1.32	-0.40	4.5E-02
Adamts5	815	-2.10	-1.07	4.1E-04	-2.04	-1.03	7.0E-04
Adamts8	138	-1.90	-0.93	1.4E-04	-1.96	-0.97	7.6E-05
Adamtsl1	1146	-1.93	-0.95	3.5E-03	-1.71	-0.77	2.0E-02
Adamtsl2	585	-1.51	-0.59	7.3E-06	-1.63	-0.71	6.6E-08
Adamtsl3	186	-3.07	-1.62	1.8E-04	-2.33	-1.22	6.1E-03
Adap2	138	-1.48	-0.57	1.0E-05	-1.52	-0.60	2.5E-06
Adar	8383	1.32	0.40	3.5E-04	1.33	0.41	1.9E-04
Adarb1	2417	1.89	0.92	2.6E-18	1.90	0.92	2.4E-18
Adck1	1097	-1.58	-0.66	8.4E-16	-1.54	-0.63	3.0E-14
Adcy3	1057	-1.69	-0.76	1.4E-08	-1.81	-0.86	1.1E-10
Adcy4	713	-1.48	-0.57	1.9E-02	-1.47	-0.56	2.3E-02
Adcy7	424	-1.57	-0.65	5.6E-04	-1.46	-0.55	4.6E-03
Adcy9	825	1.95	0.96	8.7E-06	2.04	1.03	1.8E-06
Adcyap1	725	-2.68	-1.42	2.1E-15	-2.78	-1.48	1.6E-16
Add2	16044	-1.89	-0.92	2.8E-06	-1.87	-0.90	4.8E-06
Add3	8147	1.95	0.96	4.8E-14	1.96	0.97	3.6E-14
Adgra1	539	-1.85	-0.89	4.2E-06	-1.71	-0.78	6.8E-05
Adgra3	7782	-1.32	-0.41	1.3E-08	-1.38	-0.46	7.6E-11
Adgrb1	4790	-1.43	-0.52	3.8E-02	-1.52	-0.60	1.5E-02
Adgrb2	7542	1.56	0.64	2.6E-04	1.58	0.66	1.8E-04
Adgre5	1171	-1.53	-0.61	4.6E-04	-1.62	-0.69	6.3E-05
Adgrf5	2348	-1.37	-0.45	2.5E-05	-1.27	-0.34	1.7E-03
Adgrg1	13224	-2.36	-1.24	6.4E-16	-2.52	-1.33	2.9E-18
Adgrg2	336	-2.54	-1.34	4.5E-08	-2.07	-1.05	2.6E-05
Adgrg6	1070	-2.33	-1.22	2.5E-04	-2.01	-1.00	3.1E-03

Adgrl2	16496	-1.34	-0.42	2.9E-05	-1.32	-0.40	8.8E-05
Adgrv1	9048	1.65	0.73	2.2E-03	1.93	0.95	5.2E-05
Adi1	1022	-2.04	-1.03	1.2E-23	-2.31	-1.21	3.8E-32
Adipor2	9283	1.50	0.59	8.5E-31	1.43	0.52	2.1E-24
Adk	3332	1.30	0.37	1.4E-02	1.30	0.38	1.4E-02
Adnp	233	-1.63	-0.71	4.0E-07	-1.58	-0.66	3.0E-06
Adora2a	296	-1.25	-0.32	4.9E-02	-1.36	-0.45	4.9E-03
Adprs	1967	-1.31	-0.39	2.8E-06	-1.36	-0.44	6.9E-08
Adra2a	747	-1.66	-0.73	2.3E-09	-2.01	-1.01	1.1E-16
Adrb1	136	2.96	1.57	1.6E-19	2.57	1.36	4.2E-15
Adss	9487	1.32	0.40	2.7E-07	1.33	0.41	1.2E-07
Aen	4571	1.97	0.98	5.6E-47	1.90	0.93	3.4E-42
Afap1l1	1070	-1.37	-0.45	2.9E-03	-1.30	-0.38	1.4E-02
Aff1	2450	2.00	1.00	1.3E-17	2.09	1.06	1.3E-19
Aff3	5158	-1.41	-0.49	2.2E-05	-1.35	-0.43	2.3E-04
Afg1l	270	-1.72	-0.78	1.5E-12	-1.59	-0.67	1.7E-09
Afg3l1	4163	-1.56	-0.64	4.5E-12	-1.75	-0.80	1.9E-18
Afg3l2	6049	1.76	0.82	6.4E-25	1.82	0.86	1.9E-27
Afmid	234	2.34	1.23	3.4E-15	2.19	1.13	5.6E-13
Aftph	6785	1.51	0.59	2.3E-10	1.64	0.71	1.3E-14
Aga	449	-1.96	-0.97	3.0E-23	-1.92	-0.94	5.7E-22
Agbl5	4182	-1.54	-0.62	4.6E-13	-1.60	-0.68	2.2E-15
Agfg1	11006	1.30	0.38	3.7E-05	1.39	0.48	1.5E-07
Agfg2	2354	2.43	1.28	1.1E-24	2.10	1.07	1.9E-17
Aggf1	6715	1.26	0.33	4.6E-06	1.17	0.23	1.9E-03
Agk	1373	-1.77	-0.83	2.0E-36	-1.76	-0.81	4.3E-35
Agl	6683	1.28	0.36	3.8E-05	1.39	0.48	2.6E-08
Ago3	5603	1.60	0.68	3.5E-07	1.90	0.92	1.9E-12
Agpat1	6364	1.40	0.48	1.4E-07	1.31	0.39	2.9E-05
Agpat2	179	-1.97	-0.98	3.5E-05	-2.09	-1.06	6.7E-06
Agpat3	4554	-1.46	-0.54	3.6E-05	-1.49	-0.58	1.0E-05
Agpat5	5028	1.37	0.46	4.5E-11	1.41	0.50	6.3E-13
Agtr2	720	-6.44	-2.69	2.7E-04	-4.45	-2.15	4.1E-03
Agtrap	1685	2.30	1.20	3.0E-18	2.08	1.06	2.0E-14
Ahcyl2	4631	1.49	0.57	2.9E-28	1.51	0.59	4.6E-30
Ahi1	10423	1.57	0.65	1.1E-04	1.60	0.68	5.6E-05
Ahnak	9132	-3.07	-1.62	1.2E-07	-2.64	-1.40	5.6E-06
Ahrr	201	-3.20	-1.68	4.7E-26	-2.64	-1.40	1.8E-18
Ahsa2	8656	-1.26	-0.33	6.6E-04	-1.22	-0.29	3.4E-03
Al413582	586	2.61	1.38	1.1E-50	2.78	1.48	4.0E-57
Al429214	364	1.39	0.47	3.9E-07	1.44	0.52	2.1E-08
Al661453	130	-2.15	-1.10	3.0E-03	-2.03	-1.02	6.7E-03
Al837181	1415	-1.70	-0.77	1.5E-15	-1.85	-0.89	1.5E-20
Al987944	964	1.70	0.76	8.1E-15	1.79	0.84	1.3E-17
Aida	7488	1.42	0.50	1.4E-14	1.46	0.54	1.3E-16
Aifm1	5036	1.53	0.62	8.5E-11	1.46	0.55	1.0E-08
Aifm2	725	2.47	1.30	1.0E-17	2.10	1.07	2.9E-12



Aifm3	718	-1.38	-0.47	4.1E-03	-1.60	-0.68	2.1E-05
Aim2	1185	-1.50	-0.59	1.6E-03	-1.79	-0.84	3.7E-06
Aimp2	1731	-1.23	-0.30	9.2E-04	-1.32	-0.40	8.4E-06
Ak1	1321	-1.46	-0.54	2.0E-04	-1.41	-0.50	7.1E-04
Ak2	7116	1.41	0.49	2.2E-04	1.27	0.34	1.2E-02
Ak3	4309	-1.28	-0.35	1.5E-04	-1.34	-0.42	4.4E-06
Ak6	1427	1.50	0.58	1.4E-07	1.48	0.57	3.3E-07
Akap1	5233	1.78	0.83	3.8E-28	1.68	0.75	3.4E-23
Akap10	1782	-1.54	-0.62	3.6E-14	-1.47	-0.55	2.4E-11
Akap13	5952	1.25	0.32	1.5E-02	1.46	0.55	1.8E-05
Akap17b	2484	1.38	0.46	3.0E-07	1.43	0.51	1.3E-08
Akap5	1493	1.53	0.62	2.5E-07	1.53	0.61	3.1E-07
Akap7	976	-1.99	-0.99	9.9E-22	-2.16	-1.11	5.8E-27
Akap8	17422	-1.26	-0.34	3.2E-05	-1.29	-0.37	6.1E-06
Akap8l	8525	1.60	0.67	5.9E-12	1.61	0.69	2.6E-12
Akap9	18776	-2.30	-1.20	5.3E-09	-1.85	-0.89	2.4E-05
Akip1	342	-1.26	-0.34	1.6E-02	-1.50	-0.58	1.5E-05
Akirin1	7540	1.59	0.67	2.3E-16	1.54	0.62	2.1E-14
Akr1b10	542	1.79	0.84	9.7E-07	1.70	0.77	8.8E-06
Akr1b3	3895	1.43	0.51	1.5E-03	1.34	0.43	1.0E-02
Akr7a5	1487	1.51	0.60	1.6E-07	1.41	0.50	1.4E-05
Akt1	15951	-1.40	-0.48	5.5E-09	-1.45	-0.54	4.7E-11
Akt1s1	2273	-2.05	-1.03	7.0E-38	-2.20	-1.14	1.3E-45
Akt2	4906	-2.03	-1.02	2.9E-50	-2.08	-1.06	5.6E-54
Aktip	5460	1.47	0.56	2.3E-17	1.47	0.55	3.8E-17
Aldh16a1	1460	-1.64	-0.72	4.0E-08	-1.77	-0.82	2.7E-10
Aldh18a1	9896	1.58	0.66	5.9E-12	1.45	0.54	2.7E-08
Aldh1b1	643	2.12	1.08	1.4E-15	2.13	1.09	8.6E-16
Aldh2	6283	1.35	0.43	1.2E-03	1.30	0.38	4.9E-03
Aldh3a2	1949	-1.37	-0.46	1.4E-16	-1.37	-0.46	2.5E-16
Aldh4a1	1721	2.23	1.16	6.8E-42	2.16	1.11	1.6E-38
Aldh6a1	3320	1.56	0.64	6.0E-09	1.63	0.71	1.4E-10
Aldh7a1	5826	1.28	0.36	5.4E-04	1.24	0.31	3.3E-03
Aldoa	19582	1.32	0.40	1.1E-03	1.50	0.59	1.5E-04
Aldoa	19582	1.32	0.40	1.1E-03	1.25	0.32	1.2E-02
Aldoa	251	1.64	0.71	3.3E-06	1.50	0.59	1.5E-04
Aldoa	251	1.64	0.71	3.3E-06	1.25	0.32	1.2E-02
Alg13	3561	2.06	1.05	1.3E-25	1.97	0.98	2.2E-22
Alg3	980	-1.23	-0.30	3.8E-04	-1.33	-0.41	5.3E-07
Alg8	1473	-1.74	-0.80	4.9E-13	-1.78	-0.83	5.6E-14
Alkbh1	2871	-1.37	-0.46	5.8E-20	-1.40	-0.49	1.7E-22
Alkbh3	782	-1.69	-0.76	5.4E-14	-1.52	-0.60	3.5E-09
Alkbh4	826	1.41	0.50	5.5E-08	1.23	0.29	1.9E-03
Alkbh5	7600	1.28	0.35	2.0E-03	1.18	0.24	4.6E-02
Alkbh6	1091	1.46	0.55	2.1E-09	1.37	0.45	1.1E-06
Alpl	811	-1.66	-0.73	1.2E-05	-1.64	-0.71	2.1E-05
Als2	6429	1.63	0.70	3.2E-30	1.72	0.78	4.6E-37

Als2cl	363	1.41	0.50	1.0E-02	1.53	0.61	1.5E-03
Alx4	2332	-2.78	-1.47	2.2E-03	-3.42	-1.77	1.9E-04
Alyref	6003	-1.29	-0.36	5.2E-04	-1.39	-0.47	5.0E-06
Amacr	350	-2.04	-1.03	1.3E-19	-2.04	-1.03	1.7E-19
Amer3	1277	-2.39	-1.26	7.9E-05	-2.40	-1.26	7.3E-05
Amfr	7509	-1.43	-0.52	1.6E-12	-1.50	-0.58	8.6E-16
Amigo1	3006	1.68	0.75	1.2E-08	1.76	0.82	4.0E-10
Amigo3	338	2.13	1.09	4.8E-22	2.06	1.04	4.4E-20
Ammecr1	2133	-1.26	-0.33	1.1E-03	-1.24	-0.31	2.6E-03
Ammecr1l	5365	-1.22	-0.29	7.3E-04	-1.26	-0.34	5.8E-05
Amn1	2385	-1.55	-0.63	2.5E-09	-1.42	-0.50	2.9E-06
Amotl1	8448	-1.60	-0.68	2.3E-08	-1.48	-0.56	4.7E-06
Amotl2	6480	-1.60	-0.68	8.2E-11	-1.72	-0.78	4.1E-14
Ampd3	174	-3.19	-1.67	4.5E-11	-3.04	-1.61	2.9E-10
Anapc1	19417	-1.36	-0.45	1.8E-04	-1.27	-0.35	4.3E-03
Anapc11	3450	-1.20	-0.26	6.8E-03	-1.31	-0.39	3.1E-05
Anapc15	2482	-1.85	-0.88	1.6E-29	-1.85	-0.89	7.2E-30
Anapc7	6014	1.27	0.34	9.3E-08	1.24	0.31	1.8E-06
Angel1	1761	2.10	1.07	4.7E-41	2.11	1.08	9.2E-42
Angel2	4953	-2.17	-1.12	1.7E-48	-2.19	-1.13	2.2E-49
Angpt1	1607	-1.57	-0.65	5.2E-05	-1.48	-0.56	6.1E-04
Angpt2	223	-2.28	-1.19	6.3E-10	-2.33	-1.22	1.6E-10
Angptl1	297	-7.05	-2.82	8.4E-05	-5.19	-2.38	1.1E-03
Angptl4	809	-2.71	-1.44	1.8E-11	-2.77	-1.47	6.0E-12
Ank1	889	-1.75	-0.80	3.2E-04	-1.81	-0.86	1.2E-04
Ankhd1	9952	1.34	0.42	2.7E-02	1.63	0.70	1.3E-04
Ankib1	7029	1.34	0.42	1.1E-05	1.41	0.49	2.0E-07
Ankle2	4642	-1.42	-0.50	3.2E-24	-1.46	-0.55	1.8E-28
Ankrd12	8990	1.43	0.52	7.3E-03	1.69	0.76	6.4E-05
Ankrd13a	9540	2.21	1.15	3.1E-40	2.08	1.06	1.8E-34
Ankrd13d	1571	1.41	0.50	1.1E-04	1.40	0.49	1.6E-04
Ankrd24	1925	-1.27	-0.34	1.3E-02	-1.25	-0.32	2.5E-02
Ankrd27	3783	1.48	0.56	4.2E-19	1.49	0.58	4.6E-20
Ankrd28	8082	1.30	0.38	1.1E-04	1.33	0.42	1.9E-05
Ankrd33b	129	1.81	0.86	1.2E-06	1.79	0.84	2.7E-06
Ankrd34a	518	2.58	1.37	2.6E-11	2.73	1.45	1.6E-12
Ankrd34b	450	5.40	2.43	7.8E-20	6.84	2.77	2.8E-25
Ankrd35	295	4.05	2.02	5.4E-21	3.63	1.86	5.3E-18
Ankrd39	785	1.77	0.83	6.4E-21	1.78	0.83	3.4E-21
Ankrd42	1551	2.04	1.03	1.1E-33	2.25	1.17	2.4E-43
Ankrd44	2666	-1.88	-0.91	1.8E-11	-1.73	-0.79	8.1E-09
Ankrd54	2350	1.55	0.63	4.7E-11	1.42	0.51	1.2E-07
Ankrd9	290	1.82	0.86	2.2E-09	1.65	0.72	8.4E-07
Anks6	1065	1.54	0.62	2.2E-08	1.42	0.50	7.9E-06
Ankzf1	2571	1.33	0.42	2.0E-12	1.37	0.45	2.9E-14
Anln	4143	-1.43	-0.52	7.3E-04	-1.42	-0.50	1.1E-03
Ano1	1278	-2.06	-1.04	6.9E-10	-2.29	-1.20	9.7E-13



Ano10	3264	1.41	0.50	2.7E-09	1.47	0.56	2.2E-11
Ano4	413	-1.56	-0.64	8.1E-03	-1.41	-0.50	4.5E-02
Ano8	6678	-1.61	-0.69	4.3E-05	-1.73	-0.79	2.4E-06
Anp32b	15767	-1.75	-0.81	2.0E-06	-2.04	-1.03	9.7E-10
Antkmt	1730	1.65	0.72	6.9E-05	1.43	0.52	5.3E-03
Antxr1	3034	-2.63	-1.39	1.6E-11	-2.62	-1.39	1.8E-11
Antxr2	1034	-1.92	-0.94	7.5E-09	-1.96	-0.97	2.0E-09
Anxa1	480	-4.00	-2.00	4.4E-05	-3.16	-1.66	8.3E-04
Aoc2	1338	1.90	0.93	2.2E-15	1.92	0.94	1.0E-15
Ap1ar	7400	1.31	0.39	1.1E-11	1.25	0.32	3.9E-08
Ap1m1	7303	-1.57	-0.65	1.4E-24	-1.66	-0.73	8.4E-31
Ap1s2	5451	1.35	0.43	1.5E-03	1.33	0.41	2.7E-03
Ap1s3	359	3.17	1.66	4.5E-11	2.97	1.57	5.8E-10
Ap2a1	9022	1.36	0.45	6.8E-04	1.29	0.37	6.2E-03
Ap2a2	15202	1.38	0.46	3.0E-18	1.32	0.40	3.8E-14
Ap3d1	14765	1.28	0.36	1.4E-08	1.24	0.31	1.2E-06
Ap3m1	10524	1.32	0.40	1.2E-04	1.37	0.46	1.1E-05
Ap3m2	4202	1.37	0.45	1.4E-05	1.45	0.54	1.7E-07
Ap3s1	7782	1.36	0.45	2.4E-07	1.38	0.46	9.3E-08
Ap4m1	4211	-2.05	-1.03	3.1E-83	-2.15	-1.10	5.6E-94
Ap4s1	970	-1.99	-0.99	4.5E-21	-2.05	-1.03	8.7E-23
Ap5s1	904	1.45	0.53	1.1E-11	1.40	0.49	5.6E-10
Apaf1	8393	1.69	0.76	1.3E-37	1.77	0.82	4.7E-44
Apba2	6951	-1.57	-0.65	2.4E-04	-1.59	-0.67	1.3E-04
Apbb1ip	142	-1.73	-0.79	1.1E-04	-1.57	-0.65	1.7E-03
Apc2	25582	-1.41	-0.49	3.9E-02	-1.48	-0.57	1.7E-02
Apeh	4262	1.48	0.57	1.9E-09	1.46	0.55	7.3E-09
Apex2	1280	-1.55	-0.63	5.1E-15	-1.55	-0.63	6.2E-15
Aph1a	4926	1.43	0.52	2.2E-08	1.31	0.39	2.6E-05
Aph1b	4461	1.42	0.50	2.7E-06	1.44	0.53	1.0E-06
Aph1c	811	5.81	2.54	8.3E-124	6.10	2.61	9.0E-130
Api5	17264	1.38	0.47	5.7E-06	1.35	0.43	3.3E-05
Ap1f	1775	2.52	1.33	1.2E-96	2.52	1.33	6.5E-96
Ap1nr	1799	-2.28	-1.19	1.5E-24	-2.46	-1.30	7.7E-29
Ap1p2	22093	1.67	0.74	3.3E-41	1.73	0.79	2.3E-46
Apmap	2812	1.50	0.58	8.0E-20	1.44	0.53	2.1E-16
Apobec3	247	-1.83	-0.88	1.5E-13	-1.73	-0.79	4.6E-11
Apold1	534	1.52	0.60	3.0E-07	1.52	0.61	2.3E-07
Apoo	2242	1.27	0.34	5.5E-04	1.33	0.41	3.5E-05
Appl2	4832	1.21	0.28	2.7E-07	1.27	0.35	6.3E-11
Aptx	2949	-1.28	-0.36	2.4E-05	-1.33	-0.42	9.1E-07
Aqp1	1564	-1.90	-0.93	3.5E-02	-2.05	-1.04	1.8E-02
Aqp11	570	2.21	1.15	2.4E-22	2.13	1.09	2.5E-20
Araf	8449	-1.33	-0.41	2.4E-08	-1.30	-0.38	2.5E-07
Arap2	360	-1.70	-0.77	3.4E-04	-1.44	-0.52	1.8E-02
Arap3	1599	-1.61	-0.69	2.3E-06	-1.76	-0.82	1.6E-08
Arc	170	1.64	0.72	1.7E-04	1.66	0.73	1.4E-04

Arf2	10786	1.55	0.63	4.6E-19	1.53	0.62	4.2E-18
Arf3	12109	1.27	0.35	5.6E-06	1.20	0.26	9.6E-04
Arfgap2	5954	-1.56	-0.64	1.2E-19	-1.67	-0.74	6.8E-26
Arfgap3	2660	1.43	0.52	1.8E-25	1.34	0.42	7.3E-17
Arfgef2	3514	1.70	0.77	3.0E-19	1.78	0.83	4.9E-22
Arfip2	6408	1.42	0.50	9.9E-25	1.41	0.49	7.9E-24
Arfrp1	3761	-1.27	-0.34	1.5E-05	-1.32	-0.40	4.0E-07
Arglu1	25853	-1.21	-0.28	2.3E-02	-1.25	-0.32	7.1E-03
Arhgap18	2849	1.30	0.38	1.8E-06	1.33	0.41	2.4E-07
Arhgap20	2673	1.66	0.73	3.4E-08	1.71	0.77	4.9E-09
Arhgap21	15502	-1.42	-0.51	1.1E-04	-1.31	-0.39	3.3E-03
Arhgap22	170	2.12	1.08	1.6E-04	2.69	1.43	5.8E-07
Arhgap23	3685	1.44	0.53	2.1E-05	1.41	0.50	6.4E-05
Arhgap24	398	-1.80	-0.85	4.3E-04	-1.67	-0.74	2.4E-03
Arhgap26	817	1.81	0.85	2.4E-08	1.85	0.89	7.1E-09
Arhgap27	432	-1.52	-0.61	1.9E-05	-1.63	-0.71	5.5E-07
Arhgap30	138	-2.88	-1.53	1.6E-17	-2.93	-1.55	4.6E-18
Arhgap31	2522	-1.75	-0.81	9.8E-08	-1.75	-0.81	9.7E-08
Arhgap35	20557	-1.31	-0.39	3.6E-04	-1.27	-0.34	2.0E-03
Arhgap39	4939	1.51	0.59	7.1E-11	1.51	0.60	5.2E-11
Arhgap4	571	1.65	0.73	1.5E-12	1.81	0.85	7.0E-17
Arhgap42	1837	-3.86	-1.95	6.0E-65	-3.41	-1.77	9.9E-54
Arhgap6	177	-1.78	-0.83	3.5E-04	-1.61	-0.69	3.5E-03
Arhgdig	193	-1.88	-0.91	3.1E-02	-2.05	-1.03	1.4E-02
Arhgef10l	2812	-1.57	-0.65	2.7E-08	-1.69	-0.76	8.7E-11
Arhgef11	7475	1.47	0.56	9.8E-08	1.48	0.56	8.2E-08
Arhgef15	851	-2.42	-1.27	4.5E-24	-2.73	-1.45	1.3E-30
Arhgef18	4572	1.46	0.54	2.6E-16	1.43	0.52	8.1E-15
Arhgef2	9820	-1.95	-0.96	1.2E-15	-2.08	-1.06	9.6E-19
Arhgef28	730	-1.73	-0.79	9.6E-06	-1.50	-0.58	1.3E-03
Arhgef39	947	-1.82	-0.86	1.7E-06	-2.04	-1.03	9.7E-09
Arhgef5	758	-3.56	-1.83	1.8E-14	-3.47	-1.79	6.8E-14
Arhgef7	12176	-1.30	-0.38	7.5E-08	-1.35	-0.43	6.8E-10
Arid1a	20363	-1.49	-0.58	4.8E-04	-1.58	-0.66	5.9E-05
Arid1b	5659	-2.13	-1.09	1.2E-16	-2.17	-1.12	2.7E-17
Arid2	11217	-1.62	-0.70	2.8E-15	-1.59	-0.67	4.7E-14
Arid3b	1991	1.71	0.78	9.3E-07	1.47	0.56	6.1E-04
Arid4a	3784	1.23	0.30	2.1E-06	1.28	0.35	2.5E-08
Arid5a	365	2.65	1.41	2.9E-14	2.94	1.56	3.9E-17
Arid5b	4505	1.59	0.67	8.1E-13	1.81	0.86	2.5E-20
Arih2	5232	1.35	0.44	9.7E-15	1.31	0.39	4.1E-12
Arl10	1376	-1.26	-0.33	9.8E-03	-1.26	-0.33	1.1E-02
Arl13b	3545	2.03	1.02	1.9E-43	2.15	1.11	1.4E-50
Arl15	3996	1.26	0.34	1.0E-03	1.29	0.36	3.9E-04
Arl16	1235	1.49	0.58	2.2E-15	1.44	0.53	3.6E-13
Arl2	1908	-1.61	-0.68	1.2E-30	-1.65	-0.72	5.3E-34
Arl3	5824	1.55	0.63	2.0E-12	1.43	0.52	1.1E-08

Arl4a	5987	1.26	0.33	9.3E-04	1.25	0.32	1.7E-03
Arl5c	218	4.28	2.10	3.2E-49	4.10	2.04	2.1E-45
Arl6	2653	1.84	0.88	9.4E-21	1.90	0.93	1.1E-22
Arl6ip1	26887	1.42	0.50	5.7E-09	1.39	0.47	5.9E-08
Arl6ip5	4917	1.36	0.45	4.7E-11	1.42	0.51	7.1E-14
Arl6ip6	5014	1.65	0.72	2.9E-08	1.48	0.57	1.6E-05
Arl8b	8363	1.30	0.37	7.1E-11	1.27	0.34	2.8E-09
Armc1	6660	1.30	0.38	6.7E-07	1.28	0.36	2.1E-06
Armc2	481	1.50	0.58	1.8E-03	1.59	0.67	2.8E-04
Armc5	927	-1.88	-0.91	1.1E-13	-1.91	-0.93	3.2E-14
Armc6	1666	-1.47	-0.56	8.8E-06	-1.43	-0.51	5.0E-05
Armc7	682	1.34	0.42	2.8E-04	1.30	0.37	1.3E-03
Armc9	3088	2.29	1.20	9.0E-84	2.26	1.18	3.9E-81
Armcx1	4223	-2.14	-1.10	3.3E-52	-2.12	-1.08	1.4E-50
Armcx3	4569	1.46	0.54	1.2E-17	1.47	0.55	3.9E-18
Armh3	1724	-1.56	-0.64	1.9E-25	-1.69	-0.76	4.2E-35
Armh4	3827	1.38	0.47	1.9E-02	1.54	0.62	1.3E-03
Arnt2	18880	-1.34	-0.42	5.6E-03	-1.41	-0.50	1.1E-03
Arntl	1203	2.17	1.12	8.8E-45	2.07	1.05	1.6E-39
Arntl2	511	1.71	0.78	3.1E-06	2.17	1.12	1.2E-11
Arpc2	12830	1.25	0.32	8.6E-12	1.24	0.31	3.9E-11
Arpc5l	4951	1.37	0.46	8.4E-14	1.29	0.36	4.6E-09
Arpin	1002	-1.62	-0.70	6.5E-09	-1.76	-0.82	8.3E-12
Arpp19	15783	1.31	0.39	3.8E-09	1.33	0.41	5.4E-10
Arpp21	589	-3.31	-1.73	2.8E-06	-2.75	-1.46	9.2E-05
Arrib1	7323	-1.38	-0.47	2.7E-03	-1.33	-0.42	8.5E-03
Arrib2	3883	1.37	0.45	8.6E-06	1.29	0.37	3.4E-04
Arirdc1	1143	2.55	1.35	1.7E-38	2.40	1.26	6.2E-34
Arirdc3	6108	-1.47	-0.56	6.9E-06	-1.37	-0.45	3.6E-04
Arsb	1585	-1.66	-0.74	4.0E-12	-1.68	-0.75	1.3E-12
Arsi	441	-2.46	-1.30	2.2E-05	-2.61	-1.38	6.1E-06
Arsk	783	-1.26	-0.33	1.1E-03	-1.18	-0.24	2.2E-02
As3mt	858	-1.86	-0.90	1.1E-27	-1.68	-0.75	1.7E-19
Asah1	7276	1.75	0.80	3.8E-18	1.76	0.82	9.3E-19
Asah2	331	-2.27	-1.18	1.2E-06	-2.09	-1.06	1.6E-05
Asap3	1872	1.98	0.98	5.5E-12	2.03	1.02	7.9E-13
Asb1	3892	1.55	0.64	9.9E-16	1.61	0.69	3.7E-18
Asb13	1451	-1.37	-0.45	1.9E-05	-1.53	-0.62	2.8E-09
Asb3	1497	-1.48	-0.57	7.9E-10	-1.42	-0.50	6.2E-08
Asb6	1892	1.27	0.35	1.4E-04	1.16	0.22	2.2E-02
Asb7	2931	1.43	0.52	3.3E-10	1.38	0.47	2.1E-08
Ascc1	1461	-1.30	-0.38	4.4E-12	-1.33	-0.41	1.1E-13
Asf1b	2507	2.77	1.47	2.3E-13	2.31	1.21	2.6E-09
Ash1l	9264	-1.69	-0.75	1.4E-05	-1.40	-0.48	6.9E-03
Ash2l	7989	-1.37	-0.46	7.0E-14	-1.46	-0.55	2.3E-19
Asl	1544	2.09	1.06	7.5E-42	1.93	0.95	1.2E-33
Asns	2610	1.56	0.65	3.7E-09	1.57	0.65	2.4E-09

Asphd2	3058	1.61	0.68	4.7E-12	1.67	0.74	8.4E-14
Aspn	763	-7.74	-2.95	2.8E-05	-7.45	-2.90	4.1E-05
Aspscr1	3308	-1.36	-0.45	2.3E-13	-1.43	-0.51	1.8E-17
Asrgl1	3173	1.79	0.84	8.6E-24	1.77	0.82	8.8E-23
Aste1	987	1.35	0.44	8.0E-06	1.48	0.57	4.6E-09
Astn1	10065	-1.39	-0.48	6.5E-03	-1.34	-0.43	1.7E-02
Asxl1	9564	-1.39	-0.48	7.4E-06	-1.42	-0.51	1.8E-06
Asxl3	5208	-1.75	-0.81	1.5E-10	-1.57	-0.65	2.7E-07
Atad2b	7614	-1.87	-0.91	6.3E-25	-1.78	-0.83	5.1E-21
Atad3a	4669	1.36	0.45	1.1E-06	1.28	0.36	1.2E-04
Atad5	6034	1.31	0.39	9.0E-03	1.39	0.48	1.0E-03
Atf1	1643	-2.42	-1.28	6.1E-20	-2.75	-1.46	9.4E-26
Atf3	165	2.93	1.55	1.4E-10	2.24	1.16	2.3E-06
Atf4	7357	-1.27	-0.34	6.0E-06	-1.37	-0.45	1.2E-09
Atf5	2343	-1.41	-0.50	1.6E-02	-1.69	-0.75	1.6E-04
Atf6	4850	1.97	0.98	4.7E-32	2.09	1.06	1.8E-37
Atf7ip	13847	-1.60	-0.68	2.0E-13	-1.56	-0.64	4.3E-12
Atf7ip2	124	1.89	0.91	1.2E-02	1.71	0.77	3.7E-02
Atg10	362	-1.59	-0.67	1.1E-10	-1.63	-0.71	7.8E-12
Atg101	1809	1.46	0.54	1.2E-07	1.38	0.47	5.8E-06
Atg12	8267	1.53	0.61	4.6E-15	1.60	0.68	2.5E-18
Atg13	4511	1.36	0.45	1.5E-17	1.35	0.44	8.9E-17
Atg16l2	961	1.84	0.88	3.2E-27	1.70	0.76	7.5E-21
Atg2b	5427	1.30	0.38	4.4E-04	1.44	0.52	9.4E-07
Atg4b	7841	1.39	0.47	4.0E-21	1.42	0.51	2.4E-24
Atg4d	2225	1.45	0.54	6.9E-10	1.31	0.39	1.2E-05
Atg5	2643	1.25	0.32	8.8E-04	1.32	0.41	2.2E-05
Atl1	2686	-2.63	-1.39	2.5E-14	-2.61	-1.39	3.4E-14
Atl3	4777	-1.75	-0.81	2.3E-12	-1.60	-0.68	6.1E-09
Atmin	4631	1.44	0.52	2.0E-23	1.44	0.52	2.9E-23
Atn1	628	-1.57	-0.65	4.7E-02	-1.78	-0.83	9.9E-03
Atoh8	272	-1.46	-0.54	9.1E-03	-1.34	-0.43	4.6E-02
Atox1	1991	1.44	0.53	2.4E-08	1.41	0.50	1.5E-07
Atp10a	473	-1.89	-0.92	3.3E-16	-1.89	-0.92	4.2E-16
Atp10b	100	-4.83	-2.27	2.0E-04	-3.02	-1.59	1.2E-02
Atp13a2	8534	1.45	0.54	7.3E-05	1.41	0.49	3.4E-04
Atp13a3	9720	1.67	0.74	7.0E-22	1.72	0.78	1.0E-24
Atp1a2	4737	-1.68	-0.75	6.9E-03	-1.63	-0.71	1.1E-02
Atp1b2	3050	1.81	0.86	3.5E-08	1.69	0.75	1.6E-06
Atp1b3	9061	1.32	0.40	8.7E-17	1.26	0.33	1.2E-11
Atp23	769	2.30	1.20	4.7E-33	2.29	1.20	9.9E-33
Atp2b4	8446	1.45	0.54	3.0E-05	1.60	0.68	1.2E-07
Atp4a	133	3.99	2.00	7.4E-52	3.56	1.83	6.5E-42
Atp6ap2	6746	1.43	0.52	3.2E-13	1.50	0.59	1.2E-16
Atp6v0a2	6136	1.42	0.51	2.4E-14	1.40	0.49	2.6E-13
Atp6v0b	6380	1.68	0.74	1.2E-20	1.70	0.77	5.7E-22
Atp6v0d1	7619	1.29	0.37	2.4E-07	1.23	0.30	2.6E-05

Atp6v0e	2228	1.22	0.28	4.1E-04	1.28	0.36	5.5E-06
Atp6v1a	14716	1.74	0.80	1.7E-37	1.81	0.85	5.8E-43
Atp6v1d	6816	1.42	0.51	2.8E-16	1.46	0.55	4.4E-19
Atp6v1e1	7661	1.21	0.28	2.6E-05	1.26	0.33	3.0E-07
Atp6v1h	8350	1.23	0.30	2.2E-03	1.30	0.38	6.6E-05
Atp7b	677	1.90	0.93	7.2E-24	1.81	0.86	2.5E-20
Atp8a1	9431	1.84	0.88	1.1E-10	2.00	1.00	1.5E-13
Atp8b2	6504	1.44	0.52	6.7E-12	1.42	0.51	3.6E-11
Atp8b3	122	1.34	0.43	1.3E-02	1.29	0.37	3.5E-02
Atpaf1	881	-1.49	-0.58	6.9E-13	-1.56	-0.64	8.5E-16
Atpsckmt	1169	-1.80	-0.85	9.0E-08	-1.68	-0.75	3.2E-06
Atrx	29927	-1.80	-0.85	2.5E-06	-1.44	-0.52	5.0E-03
Atxn3	3712	1.22	0.29	3.1E-04	1.26	0.33	2.9E-05
Atxn7	2642	-1.81	-0.85	1.8E-14	-1.85	-0.89	1.6E-15
Atxn7l2	2048	-2.73	-1.45	6.1E-23	-2.93	-1.55	5.1E-26
AU021092	225	-1.57	-0.65	2.8E-04	-1.54	-0.62	5.7E-04
AU022252	8011	1.90	0.93	6.5E-31	1.92	0.94	2.0E-31
AU041133	486	-1.91	-0.93	1.1E-07	-1.58	-0.66	2.5E-04
Auh	1414	-1.25	-0.32	1.5E-07	-1.28	-0.36	5.7E-09
Aven	440	-3.43	-1.78	2.0E-36	-3.41	-1.77	7.0E-36
Avpi1	314	2.04	1.03	4.3E-08	1.78	0.83	1.2E-05
AW209491	1182	-1.26	-0.33	6.3E-06	-1.23	-0.30	4.6E-05
Azin1	23358	1.33	0.41	2.7E-08	1.34	0.43	7.6E-09
Azin2	1208	2.86	1.52	6.9E-31	3.06	1.61	9.4E-35
B230219D22Rik	12291	-1.27	-0.35	9.5E-07	-1.28	-0.35	8.5E-07
B3galnt2	4658	1.44	0.52	7.5E-10	1.38	0.46	6.5E-08
B3galt2	876	-1.75	-0.81	3.1E-03	-1.50	-0.59	3.7E-02
B3galt4	182	-2.31	-1.21	7.3E-14	-2.33	-1.22	4.2E-14
B3galt6	813	-1.37	-0.46	1.6E-09	-1.42	-0.51	1.3E-11
B3gat3	4425	1.25	0.32	8.4E-05	1.24	0.31	1.1E-04
B3glct	3008	-1.29	-0.37	5.0E-04	-1.29	-0.37	4.3E-04
B3gnt4	109	1.43	0.51	4.0E-04	1.26	0.34	2.4E-02
B3gnt5	6584	-1.38	-0.47	2.3E-06	-1.34	-0.42	3.1E-05
B3gnt7	252	1.47	0.56	1.3E-02	1.47	0.56	1.3E-02
B3gnt9	319	-2.48	-1.31	7.4E-09	-2.60	-1.38	1.2E-09
B4galnt4	4625	-1.58	-0.66	1.9E-13	-1.64	-0.71	1.1E-15
B4galt2	4167	-1.53	-0.62	5.9E-13	-1.57	-0.65	1.9E-14
B4galt5	3724	1.57	0.65	8.0E-10	1.44	0.53	7.8E-07
B4galt6	4780	1.33	0.41	8.6E-05	1.34	0.43	4.5E-05
B9d1	779	-1.49	-0.57	9.2E-08	-1.51	-0.59	2.9E-08
B9d2	594	-1.66	-0.73	4.5E-13	-1.59	-0.67	2.3E-11
Bace1	6271	1.83	0.88	4.3E-22	1.90	0.92	2.0E-24
Bag4	4451	1.43	0.52	3.5E-13	1.44	0.52	1.9E-13
Bahd1	5131	2.45	1.29	2.3E-18	2.18	1.12	4.6E-14
Baiap2	1884	2.79	1.48	6.0E-73	2.98	1.57	2.4E-82
Baiap2l1	386	3.78	1.92	2.5E-09	3.63	1.86	8.1E-09
Baiap2l2	100	2.75	1.46	2.4E-10	2.11	1.08	3.7E-06

Baiap3	573	2.07	1.05	2.5E-08	2.04	1.03	5.1E-08
Bak1	1703	-1.74	-0.80	8.9E-08	-1.87	-0.91	1.0E-09
Banf1	4611	-1.32	-0.40	3.1E-03	-1.50	-0.58	9.9E-06
Barhl1	964	-1.66	-0.73	2.1E-02	-1.95	-0.97	1.8E-03
Basp1	35657	-1.40	-0.48	1.5E-03	-1.46	-0.55	3.2E-04
Bax	1829	1.37	0.45	1.8E-04	1.24	0.32	1.1E-02
Baz2a	13887	1.76	0.82	1.2E-12	1.77	0.82	8.3E-13
Baz2b	10640	-1.60	-0.68	9.1E-08	-1.41	-0.50	1.2E-04
Bbc3	762	2.22	1.15	5.6E-19	2.14	1.10	1.9E-17
Bbip1	3597	-1.29	-0.37	6.9E-06	-1.25	-0.32	1.4E-04
Bbln	846	1.71	0.77	2.6E-23	1.56	0.64	1.8E-16
Bbof1	478	1.38	0.46	2.1E-02	1.61	0.68	4.8E-04
Bbs1	2679	-1.27	-0.35	1.6E-05	-1.31	-0.39	9.6E-07
Bbs10	554	-1.25	-0.32	1.5E-02	-1.39	-0.48	2.6E-04
Bbs2	2236	-1.32	-0.41	3.9E-14	-1.25	-0.32	2.1E-09
Bbs5	984	1.21	0.27	9.4E-05	1.28	0.35	3.7E-07
Bbx	4976	1.48	0.56	2.4E-09	1.74	0.80	9.1E-18
BC024063	540	-1.50	-0.59	2.7E-06	-1.21	-0.27	4.1E-02
BC024139	1571	-1.85	-0.89	3.0E-05	-1.46	-0.55	1.3E-02
BC024978	706	-2.49	-1.32	1.0E-17	-2.68	-1.42	2.2E-20
BC025920	665	-1.66	-0.73	3.2E-11	-1.69	-0.75	7.9E-12
BC028528	213	-1.84	-0.88	1.5E-08	-1.82	-0.86	3.7E-08
BC029722	645	-1.33	-0.41	3.5E-10	-1.26	-0.34	2.8E-07
BC034090	663	-3.26	-1.71	1.6E-48	-2.98	-1.57	3.0E-41
BC035947	114	-2.57	-1.36	1.3E-07	-3.09	-1.63	3.3E-10
Bcap31	3970	1.34	0.42	3.5E-07	1.28	0.36	1.4E-05
Bcar1	5039	1.29	0.36	2.5E-03	1.24	0.31	1.0E-02
Bcas1	279	-1.78	-0.83	1.5E-03	-1.52	-0.60	2.4E-02
Bcas2	6556	-1.19	-0.25	3.2E-03	-1.27	-0.35	2.4E-05
Bcat1	5539	-1.32	-0.40	1.3E-04	-1.37	-0.46	1.0E-05
Bcat2	1499	-1.61	-0.69	1.5E-10	-1.77	-0.83	8.1E-15
Bcdin3d	987	-1.23	-0.30	4.4E-03	-1.40	-0.49	1.6E-06
Bckdha	1962	1.26	0.34	1.7E-03	1.22	0.28	1.1E-02
Bckdhb	1363	1.32	0.40	8.1E-05	1.26	0.33	1.3E-03
Bckdk	2521	-1.23	-0.29	4.6E-03	-1.34	-0.43	2.9E-05
Bcl10	2338	1.68	0.75	2.6E-19	1.59	0.67	1.4E-15
Bcl11a	10078	-1.59	-0.67	6.6E-05	-1.70	-0.76	5.2E-06
Bcl11b	7112	-1.58	-0.66	1.7E-02	-1.67	-0.74	8.1E-03
Bcl2	2372	-1.32	-0.40	3.9E-03	-1.30	-0.37	7.5E-03
Bcl2l1	5311	-1.76	-0.81	3.0E-17	-1.91	-0.93	3.2E-22
Bcl2l11	2437	1.34	0.43	5.0E-06	1.35	0.43	5.0E-06
Bcl2l12	1325	-1.43	-0.52	1.8E-03	-1.60	-0.68	3.6E-05
Bcl7a	8903	-1.89	-0.92	4.0E-08	-1.95	-0.97	6.2E-09
Bcl7b	879	-2.11	-1.08	4.2E-18	-2.32	-1.22	8.9E-23
Bcl9	11054	-1.44	-0.52	1.1E-04	-1.52	-0.60	7.8E-06
Bcl9l	7001	1.33	0.41	5.5E-03	1.23	0.30	4.6E-02
Bclaf1	28096	-1.53	-0.61	6.9E-13	-1.44	-0.53	7.4E-10



Bcor1	4918	1.89	0.92	1.9E-10	1.80	0.85	5.5E-09
Bcr	9406	1.36	0.44	4.2E-03	1.35	0.43	5.0E-03
Bdh1	2911	-1.55	-0.63	3.9E-06	-1.60	-0.68	7.1E-07
Bdh2	169	-1.82	-0.87	6.5E-04	-1.66	-0.73	4.7E-03
Bdkrb2	181	1.57	0.65	3.4E-02	1.82	0.86	4.9E-03
Bdnf	423	2.57	1.36	9.7E-12	3.10	1.63	3.3E-16
Bdp1	6087	1.23	0.30	5.0E-02	1.43	0.51	5.8E-04
Bean1	143	-3.65	-1.87	3.4E-08	-3.24	-1.70	6.3E-07
Bend3	1944	-3.55	-1.83	3.6E-26	-4.02	-2.01	2.3E-31
Bend4	3105	1.68	0.75	2.7E-19	1.82	0.87	1.8E-25
Bend5	1357	-1.84	-0.88	3.8E-18	-1.83	-0.87	8.0E-18
Bex1	3571	1.43	0.52	7.1E-05	1.36	0.44	8.7E-04
Bex4	3020	1.52	0.60	5.9E-07	1.40	0.48	7.7E-05
Bgn	6732	-1.47	-0.55	1.5E-02	-1.54	-0.62	6.2E-03
Bhlhe22	1614	-2.33	-1.22	9.0E-03	-2.04	-1.03	3.0E-02
Bhlhe40	487	-1.44	-0.53	6.3E-05	-1.45	-0.53	5.8E-05
Bhlhe41	341	1.95	0.96	1.2E-07	1.93	0.95	1.6E-07
Bid	1333	2.75	1.46	5.9E-73	2.86	1.52	6.5E-78
Bin1	5487	-1.41	-0.49	2.8E-05	-1.34	-0.42	3.7E-04
Bin3	1758	1.54	0.62	6.1E-11	1.45	0.54	2.0E-08
Birc3	260	-3.35	-1.74	7.0E-11	-2.97	-1.57	5.6E-09
Bivm	2916	-1.62	-0.70	4.6E-26	-1.55	-0.63	9.0E-22
Bloc1s6	3335	-1.33	-0.41	9.3E-10	-1.41	-0.50	1.2E-13
Blvra	600	-1.52	-0.60	4.5E-12	-1.41	-0.50	1.6E-08
Blvrb	723	2.00	1.00	4.8E-07	1.85	0.89	1.0E-05
Bmerb1	3258	-1.45	-0.54	2.0E-02	-1.39	-0.48	4.1E-02
Bmf	5588	2.71	1.44	2.6E-26	2.81	1.49	3.8E-28
Bmi1	7346	-2.08	-1.05	4.9E-29	-2.12	-1.08	1.7E-30
Bmp1	6263	-1.80	-0.85	1.8E-09	-1.70	-0.77	5.9E-08
Bmp2	291	-1.49	-0.58	3.6E-02	-1.68	-0.74	6.3E-03
Bmp2k	2466	1.55	0.63	2.6E-25	1.55	0.64	1.2E-25
Bmp3	418	-2.22	-1.15	3.4E-05	-2.17	-1.12	6.5E-05
Bmper	990	-2.37	-1.24	6.5E-10	-2.22	-1.15	1.2E-08
Bmpr1b	1162	-1.94	-0.96	3.6E-14	-1.71	-0.77	1.3E-09
Bmt2	4931	1.66	0.73	2.2E-25	1.64	0.71	3.6E-24
Bnc2	799	-3.32	-1.73	1.3E-06	-2.34	-1.22	8.3E-04
Bnip1	1686	-1.49	-0.57	1.3E-17	-1.52	-0.61	1.9E-19
Bnip3	4078	1.79	0.84	4.4E-15	1.98	0.98	2.4E-20
Boc	4150	-1.69	-0.76	1.4E-11	-1.67	-0.74	4.6E-11
Bok	962	-1.98	-0.99	2.2E-13	-2.06	-1.05	7.1E-15
Bola1	708	-1.35	-0.43	3.3E-03	-1.41	-0.50	6.7E-04
Bola2	2477	1.59	0.67	2.6E-05	1.48	0.56	5.2E-04
Bop1	4752	1.96	0.97	1.3E-24	1.84	0.88	2.8E-20
Bora	3772	1.79	0.84	5.4E-08	1.66	0.73	2.9E-06
Borcs5	959	1.32	0.40	1.3E-06	1.19	0.25	2.9E-03
Borcs6	1007	2.28	1.19	1.5E-35	2.19	1.13	2.1E-32
Borcs7	761	-4.14	-2.05	1.8E-95	-4.37	-2.13	1.7E-102

Bphl	856	-1.27	-0.34	1.5E-04	-1.26	-0.34	2.4E-04
Bpnt1	1925	1.34	0.42	8.5E-11	1.31	0.39	2.7E-09
Bpnt2	17949	1.31	0.39	2.7E-08	1.31	0.39	2.2E-08
Bptf	13737	-1.93	-0.95	4.8E-18	-1.73	-0.79	6.8E-13
Brap	4740	1.39	0.48	5.0E-16	1.33	0.41	7.2E-12
Brat1	2214	1.34	0.42	1.1E-06	1.29	0.36	3.2E-05
Brca1	5043	1.43	0.52	4.0E-03	1.48	0.56	1.7E-03
Brd1	7073	-1.39	-0.48	1.9E-04	-1.47	-0.55	1.5E-05
Brd2	19021	-1.26	-0.33	1.3E-04	-1.35	-0.43	6.2E-07
Brd3	16321	-1.22	-0.29	3.1E-02	-1.32	-0.40	2.8E-03
Brd8	12694	-1.89	-0.92	4.6E-39	-1.87	-0.91	8.6E-38
Brd9	7341	-1.79	-0.84	4.6E-40	-1.73	-0.79	3.3E-35
Brdt	662	2.46	1.30	1.3E-38	2.56	1.36	1.1E-41
Brf1	5730	1.40	0.49	1.4E-07	1.33	0.42	1.0E-05
Bri3bp	6156	1.63	0.70	5.2E-20	1.57	0.65	2.2E-17
Brinp2	2925	2.82	1.49	2.7E-12	2.61	1.38	1.2E-10
Brinp3	271	-1.66	-0.74	3.7E-02	-1.74	-0.80	2.4E-02
Brpf1	5325	1.41	0.50	3.4E-07	1.31	0.39	9.2E-05
Brpf3	2554	-4.32	-2.11	2.5E-97	-4.82	-2.27	7.1E-112
Brsk1	6395	-1.46	-0.55	1.0E-02	-1.45	-0.54	1.3E-02
Brsk2	7140	-1.74	-0.80	2.6E-04	-1.86	-0.89	4.1E-05
Brwd1	13743	-1.37	-0.45	5.2E-06	-1.29	-0.37	2.3E-04
Brwd3	6365	1.42	0.50	2.2E-03	1.66	0.73	4.9E-06
Bsdc1	3880	1.42	0.50	2.2E-11	1.38	0.46	9.5E-10
Btaf1	10163	1.41	0.49	1.9E-02	1.62	0.70	6.9E-04
Btbd11	1822	1.72	0.79	3.2E-12	1.76	0.81	5.0E-13
Btbd17	734	-4.75	-2.25	6.4E-24	-5.87	-2.55	1.6E-30
Btbd19	161	-2.27	-1.18	1.6E-12	-2.31	-1.21	5.6E-13
Btbd6	759	-2.37	-1.25	9.8E-26	-2.28	-1.19	1.8E-23
Btd	733	-1.99	-0.99	4.2E-20	-2.02	-1.02	5.7E-21
Btf3l4	7993	-1.56	-0.64	7.6E-10	-1.58	-0.66	2.1E-10
Btg3	1481	1.92	0.94	1.5E-22	1.75	0.81	5.6E-17
Btn2a2	187	6.94	2.80	7.0E-27	7.96	2.99	2.5E-30
Bves	348	1.43	0.52	2.7E-03	1.86	0.89	1.1E-07
Bzw2	17444	1.54	0.62	4.4E-20	1.56	0.64	2.0E-21
C130074G19Rik	948	-1.97	-0.98	3.0E-18	-2.07	-1.05	1.0E-20
C1d	4742	-1.56	-0.64	3.1E-11	-1.52	-0.60	4.2E-10
C1galt1	3395	1.41	0.49	3.6E-04	1.57	0.65	1.5E-06
C1galt1c1	859	-1.41	-0.49	5.0E-08	-1.31	-0.39	2.2E-05
C1qa	319	-1.50	-0.58	1.6E-03	-1.52	-0.60	1.2E-03
C1qb	574	-1.29	-0.37	2.9E-02	-1.31	-0.39	2.2E-02
C1qc	389	-1.33	-0.42	1.0E-02	-1.40	-0.49	2.4E-03
C1ql1	439	1.80	0.85	8.0E-05	1.60	0.68	2.0E-03
C1qtnf1	444	-1.45	-0.53	2.7E-04	-1.43	-0.52	4.5E-04
C1qtnf2	139	-1.99	-0.99	1.2E-04	-2.13	-1.09	2.5E-05
C1qtnf3	468	-6.03	-2.59	4.3E-03	-5.12	-2.35	1.0E-02
C1qtnf6	999	-2.16	-1.11	2.3E-06	-2.26	-1.18	5.4E-07

C2cd2	2170	1.43	0.52	5.8E-15	1.43	0.51	1.8E-14
C2cd2l	2917	2.23	1.16	9.0E-17	1.99	0.99	1.3E-12
C2cd3	5598	-1.95	-0.97	2.3E-29	-1.78	-0.83	3.8E-22
C2cd4c	507	3.89	1.96	1.7E-25	3.76	1.91	3.0E-24
C2cd5	6100	-1.54	-0.62	1.9E-20	-1.50	-0.59	3.3E-18
C330018D20Rik	1208	-1.57	-0.66	1.9E-18	-1.57	-0.65	2.5E-18
C3ar1	150	-3.43	-1.78	1.9E-16	-4.18	-2.06	1.9E-21
C77080	1982	1.87	0.90	2.1E-13	1.69	0.76	9.7E-10
C9orf72	4763	1.74	0.80	6.8E-17	1.79	0.84	2.4E-18
Cabin1	8714	1.32	0.40	1.3E-05	1.33	0.42	5.1E-06
Cables1	400	-1.40	-0.49	4.5E-05	-1.35	-0.43	3.6E-04
Cabp1	1881	2.68	1.42	1.2E-09	3.27	1.71	1.9E-13
Cabp7	196	1.59	0.67	8.2E-03	1.59	0.67	8.2E-03
Cacna1b	6214	1.34	0.42	4.7E-02	1.42	0.50	1.7E-02
Cacna1c	3446	-1.47	-0.55	3.1E-03	-1.38	-0.47	1.5E-02
Cacna2d1	9393	-1.84	-0.88	2.7E-08	-1.59	-0.67	3.0E-05
Cacnb2	498	-2.08	-1.06	9.5E-13	-1.80	-0.85	1.2E-08
Cacng4	9218	-1.41	-0.50	4.0E-04	-1.39	-0.48	6.8E-04
Cacng5	350	2.70	1.44	7.1E-09	2.95	1.56	3.2E-10
Cacul1	8840	1.25	0.33	6.2E-06	1.20	0.26	4.4E-04
Cacybp	11670	1.44	0.53	9.8E-10	1.45	0.54	4.1E-10
Cadm1	12690	1.25	0.32	1.3E-02	1.28	0.36	5.3E-03
Cadm3	12942	1.41	0.50	3.4E-02	1.46	0.55	2.0E-02
Calcoco1	6000	1.69	0.75	5.4E-25	1.65	0.72	6.7E-23
Calcr1	1048	-1.37	-0.46	8.9E-03	-1.40	-0.49	5.1E-03
Calm1	52234	1.44	0.52	1.0E-23	1.44	0.53	2.4E-24
Calm14	151	-1.90	-0.93	5.4E-03	-1.71	-0.77	2.4E-02
Camk1	1971	-1.61	-0.69	5.9E-24	-1.60	-0.67	5.7E-23
Camk2a	4142	1.94	0.95	1.6E-07	1.84	0.88	1.4E-06
Camk2n2	1252	1.58	0.66	3.0E-03	1.57	0.65	4.0E-03
Camkk1	2077	2.66	1.41	7.2E-41	2.53	1.34	6.9E-37
Camkk2	5909	1.61	0.68	2.2E-08	1.59	0.67	4.2E-08
Camkv	1980	2.50	1.32	3.4E-28	2.30	1.20	1.1E-23
Camsap1	13218	-1.26	-0.33	1.6E-02	-1.27	-0.35	9.7E-03
Cand1	17691	-1.20	-0.26	8.7E-06	-1.26	-0.33	1.0E-08
Capn1	489	-1.80	-0.85	2.4E-03	-1.84	-0.88	1.6E-03
Capn2	7231	-1.71	-0.78	3.3E-17	-1.73	-0.79	1.1E-17
Capn5	2088	1.56	0.64	1.6E-07	1.64	0.72	4.5E-09
Capn7	8313	1.25	0.32	2.3E-03	1.31	0.39	1.3E-04
Capns1	8743	1.34	0.42	3.7E-07	1.28	0.36	1.7E-05
Caprin1	55348	-1.58	-0.66	1.3E-21	-1.59	-0.67	1.8E-22
Caprin2	3184	1.25	0.32	1.4E-03	1.31	0.39	1.0E-04
Car14	812	-1.43	-0.51	1.9E-02	-1.65	-0.72	6.9E-04
Car15	130	1.72	0.78	1.2E-03	1.64	0.71	3.3E-03
Car5b	228	5.57	2.48	5.3E-32	5.97	2.58	3.6E-34
Car8	332	2.53	1.34	2.6E-19	2.40	1.26	3.0E-17
Card10	814	2.42	1.28	3.3E-14	2.34	1.23	3.4E-13

Card19	435	2.20	1.13	1.2E-12	2.43	1.28	1.1E-15
Card6	193	-1.36	-0.44	5.6E-03	-1.27	-0.34	3.5E-02
Carf	1365	-1.32	-0.40	8.0E-05	-1.21	-0.28	8.2E-03
Carhsp1	20590	1.83	0.87	1.9E-25	1.65	0.72	9.2E-18
Carm1	6783	-1.40	-0.48	1.9E-06	-1.52	-0.61	1.4E-09
Carmil1	1707	-1.35	-0.43	4.6E-08	-1.37	-0.46	9.1E-09
Cars	3887	1.29	0.37	2.9E-06	1.19	0.25	2.4E-03
Casc1	491	3.30	1.72	1.3E-43	3.90	1.96	1.1E-55
Casd1	4406	-2.83	-1.50	1.1E-69	-2.67	-1.42	2.8E-62
Cask	10174	-1.30	-0.37	4.7E-03	-1.24	-0.31	2.3E-02
Casp3	16566	1.37	0.45	1.3E-13	1.40	0.49	1.0E-15
Casp6	1948	1.32	0.40	1.1E-03	1.21	0.28	2.8E-02
Casp7	707	-3.14	-1.65	6.0E-76	-3.16	-1.66	1.8E-76
Casp8	570	-2.31	-1.21	1.3E-09	-2.43	-1.28	1.0E-10
Casp8ap2	8583	1.32	0.40	1.6E-03	1.51	0.59	1.6E-06
Casp9	3031	1.53	0.62	4.9E-34	1.56	0.64	1.2E-36
Casq2	132	-14.04	-3.81	5.9E-04	-7.48	-2.90	1.1E-02
Castor1	129	1.99	0.99	1.3E-05	2.06	1.04	5.6E-06
Castor2	10331	2.01	1.00	1.3E-11	1.90	0.92	5.4E-10
Casz1	1306	2.43	1.28	2.5E-08	3.00	1.59	3.2E-12
Catsper2	311	-2.49	-1.31	4.5E-21	-2.32	-1.21	4.0E-18
Catsperg1	507	1.77	0.82	3.0E-05	1.97	0.98	5.1E-07
Cav1	1285	-2.23	-1.16	1.1E-05	-2.08	-1.05	7.4E-05
Cav2	468	-1.73	-0.79	3.3E-07	-1.60	-0.68	1.7E-05
Cavin2	477	-2.96	-1.56	8.5E-07	-2.44	-1.29	6.2E-05
Cavin3	596	-2.31	-1.21	6.8E-15	-2.62	-1.39	3.7E-19
Cavin4	374	-1.36	-0.44	4.9E-03	-1.41	-0.50	1.6E-03
Cbfa2t3	2680	-2.22	-1.15	6.2E-05	-2.21	-1.14	7.2E-05
Cbfb	7215	-1.39	-0.48	3.6E-07	-1.37	-0.46	1.2E-06
Cbln2	2008	-1.82	-0.87	1.5E-05	-1.71	-0.78	1.2E-04
Cbr4	986	-1.63	-0.70	4.3E-12	-1.68	-0.75	1.2E-13
Cbs	736	5.02	2.33	2.1E-38	5.08	2.35	7.7E-39
Cbwd1	1852	1.62	0.70	1.5E-14	1.58	0.66	4.1E-13
Cbx3	15310	-1.55	-0.63	4.3E-07	-1.63	-0.70	1.4E-08
Cbx4	1849	1.40	0.48	1.1E-06	1.32	0.41	5.5E-05
Cbx5	44773	-1.40	-0.48	2.2E-08	-1.40	-0.49	1.9E-08
Cbx7	1830	4.93	2.30	1.3E-101	4.72	2.24	7.4E-96
Cbx8	1833	1.49	0.58	5.5E-05	1.39	0.48	1.0E-03
Cc2d1a	2014	-1.38	-0.47	3.6E-03	-1.44	-0.52	1.1E-03
Cc2d1b	3193	-1.42	-0.51	5.1E-15	-1.41	-0.50	2.5E-14
Cc2d2a	1640	-2.47	-1.30	3.1E-60	-2.35	-1.23	8.5E-54
Ccar1	17537	-1.57	-0.65	3.0E-13	-1.60	-0.68	2.9E-14
Ccar2	12647	-1.19	-0.25	1.5E-02	-1.30	-0.38	1.3E-04
Ccdc102a	794	-2.77	-1.47	4.1E-17	-3.02	-1.59	6.1E-20
Ccdc103	151	2.25	1.17	2.1E-18	1.98	0.98	2.2E-13
Ccdc107	973	1.42	0.51	2.7E-25	1.46	0.55	5.4E-29
Ccdc112	3027	1.72	0.78	4.7E-39	1.64	0.72	3.3E-33

Ccdc117	3769	1.28	0.35	4.2E-07	1.23	0.30	2.3E-05
Ccdc12	1430	-2.35	-1.23	5.2E-17	-2.50	-1.32	2.3E-19
Ccdc125	149	-2.06	-1.04	6.0E-10	-2.25	-1.17	5.6E-12
Ccdc127	6622	1.26	0.34	6.5E-12	1.32	0.40	6.4E-16
Ccdc13	328	1.69	0.76	3.7E-08	1.61	0.69	6.3E-07
Ccdc130	666	-1.15	-0.20	1.2E-02	-1.25	-0.32	5.5E-05
Ccdc134	2442	1.86	0.90	6.7E-29	1.81	0.86	1.5E-26
Ccdc14	1920	1.28	0.36	3.4E-03	1.35	0.43	3.9E-04
Ccdc148	411	1.88	0.91	2.7E-08	1.86	0.89	5.4E-08
Ccdc149	486	-3.36	-1.75	4.8E-22	-3.59	-1.84	3.1E-24
Ccdc158	447	3.90	1.96	7.6E-48	3.97	1.99	1.3E-48
Ccdc160	275	1.76	0.82	1.3E-10	1.81	0.86	1.5E-11
Ccdc166	479	-1.30	-0.38	2.0E-04	-1.31	-0.39	1.7E-04
Ccdc167	1711	-1.80	-0.85	1.4E-16	-1.78	-0.83	5.9E-16
Ccdc171	970	1.68	0.75	8.3E-10	1.89	0.92	3.5E-14
Ccdc173	710	1.34	0.42	2.8E-04	1.34	0.42	3.0E-04
Ccdc174	2762	-1.16	-0.22	3.9E-03	-1.25	-0.32	1.5E-05
Ccdc177	2538	-1.77	-0.82	2.7E-05	-1.86	-0.89	4.6E-06
Ccdc18	1388	1.36	0.45	9.4E-03	1.62	0.70	2.9E-05
Ccdc181	1227	-1.27	-0.35	6.5E-10	-1.34	-0.42	5.9E-14
Ccdc184	1968	1.81	0.85	5.1E-05	1.77	0.82	9.9E-05
Ccdc186	6306	1.34	0.43	2.7E-04	1.54	0.62	6.7E-08
Ccdc187	525	-2.65	-1.41	3.0E-10	-2.45	-1.29	8.9E-09
Ccdc189	542	1.67	0.74	1.4E-18	1.70	0.76	1.9E-19
Ccdc190	141	-2.71	-1.44	1.3E-10	-3.21	-1.68	4.7E-14
Ccdc191	852	-2.36	-1.24	4.3E-42	-2.42	-1.28	1.9E-44
Ccdc25	3989	1.40	0.49	1.5E-07	1.24	0.31	1.3E-03
Ccdc28a	576	2.16	1.11	1.2E-23	2.26	1.18	3.8E-26
Ccdc28b	2212	1.31	0.39	5.8E-11	1.29	0.36	1.3E-09
Ccdc3	720	-1.78	-0.83	2.7E-04	-1.42	-0.51	3.3E-02
Ccdc30	1291	1.61	0.69	5.4E-13	1.66	0.73	1.5E-14
Ccdc32	2118	1.96	0.97	7.1E-77	1.99	0.99	3.2E-79
Ccdc39	1972	1.21	0.28	2.7E-02	1.41	0.49	4.6E-05
Ccdc40	1640	-1.32	-0.40	1.1E-04	-1.31	-0.39	1.5E-04
Ccdc50	15638	-1.34	-0.43	8.4E-07	-1.22	-0.28	1.6E-03
Ccdc57	660	-1.25	-0.32	3.4E-05	-1.28	-0.36	4.4E-06
Ccdc58	1615	-1.63	-0.70	1.6E-07	-1.64	-0.71	1.2E-07
Ccdc59	2734	-1.24	-0.31	4.7E-07	-1.27	-0.34	2.0E-08
Ccdc61	2023	2.16	1.11	1.4E-15	2.04	1.03	2.2E-13
Ccdc62	466	-1.28	-0.36	5.4E-04	-1.33	-0.41	6.5E-05
Ccdc65	140	1.47	0.56	8.7E-04	1.72	0.78	2.3E-06
Ccdc71l	1909	-1.35	-0.43	2.1E-04	-1.34	-0.42	3.2E-04
Ccdc77	1897	-1.25	-0.33	8.9E-03	-1.25	-0.32	1.2E-02
Ccdc8	3091	-1.52	-0.61	1.2E-05	-1.66	-0.73	1.0E-07
Ccdc80	1279	-1.83	-0.87	3.5E-02	-1.93	-0.95	2.1E-02
Ccdc81	105	1.72	0.78	3.2E-03	2.32	1.21	3.2E-06
Ccdc82	4387	1.77	0.82	3.2E-24	1.88	0.91	1.3E-29

Ccdc84	1702	1.76	0.82	1.2E-36	1.76	0.81	5.5E-36
Ccdc85a	698	-2.16	-1.11	1.1E-05	-2.08	-1.05	3.1E-05
Ccdc85b	1811	1.66	0.73	2.3E-18	1.56	0.64	2.7E-14
Ccdc85c	8705	1.90	0.93	4.9E-09	1.67	0.74	3.8E-06
Ccdc89	319	2.27	1.19	3.1E-16	2.35	1.23	1.9E-17
Ccdc9	3731	-1.25	-0.32	3.2E-02	-1.40	-0.48	8.4E-04
Ccdc90b	2338	-1.40	-0.48	2.8E-08	-1.43	-0.51	3.6E-09
Ccdc91	1888	-1.95	-0.96	2.9E-49	-1.82	-0.87	4.0E-40
Ccdc92	1216	1.71	0.77	4.3E-07	1.67	0.74	1.5E-06
Ccdc93	5120	1.41	0.49	4.3E-07	1.57	0.65	1.2E-11
Ccdc96	916	2.36	1.24	9.6E-26	2.25	1.17	5.4E-23
Ccdc9b	471	-3.05	-1.61	6.3E-20	-3.50	-1.81	7.4E-25
Cchr1	2513	1.51	0.59	2.9E-05	1.41	0.49	6.1E-04
Ccm2	3078	1.42	0.51	6.5E-14	1.36	0.44	9.3E-11
Ccm2l	212	-2.42	-1.28	2.5E-18	-2.59	-1.38	3.3E-21
Ccn3	158	-1.97	-0.98	9.4E-03	-2.01	-1.01	7.7E-03
Ccn4	1193	-2.74	-1.46	2.5E-05	-2.72	-1.44	3.1E-05
Ccnb1	10225	-1.36	-0.44	3.9E-02	-1.49	-0.58	6.1E-03
Ccnb2	2837	-1.51	-0.60	3.1E-03	-1.70	-0.76	1.3E-04
Ccnd1	17325	-1.54	-0.63	7.0E-03	-1.93	-0.95	2.8E-05
Ccne1	1957	1.85	0.89	1.6E-08	1.67	0.74	3.2E-06
Ccne2	2220	-1.32	-0.40	1.7E-02	-1.46	-0.55	9.0E-04
Ccng1	5463	1.49	0.57	2.9E-08	1.58	0.66	1.4E-10
Ccng2	9036	-1.43	-0.52	2.1E-09	-1.44	-0.53	1.2E-09
Ccnh	4084	1.61	0.69	1.3E-14	1.63	0.70	5.7E-15
Ccnj	3077	-1.80	-0.85	3.1E-08	-2.09	-1.06	2.8E-12
Ccnjl	1366	1.32	0.40	5.5E-03	1.26	0.33	2.7E-02
Ccnl1	7139	-1.48	-0.57	3.4E-21	-1.45	-0.53	9.0E-19
Ccnl2	14250	-1.53	-0.62	1.4E-22	-1.56	-0.64	2.4E-24
Ccnyl1	4081	1.64	0.71	1.9E-20	1.52	0.61	4.0E-15
Ccpg1	364	1.28	0.35	1.4E-02	1.30	0.38	8.6E-03
Ccsap	878	2.02	1.01	4.5E-17	1.95	0.96	1.9E-15
Ccz1	4162	-1.33	-0.41	4.0E-08	-1.34	-0.43	8.4E-09
Cd1d1	1511	-2.80	-1.49	9.0E-33	-2.75	-1.46	1.6E-31
Cd200	4220	-2.05	-1.03	1.3E-04	-2.05	-1.04	1.2E-04
Cd24a	41102	-1.71	-0.77	2.9E-09	-1.62	-0.70	9.9E-08
Cd276	3140	-2.13	-1.09	5.0E-36	-2.18	-1.13	2.4E-38
Cd2bp2	8250	-1.41	-0.50	1.0E-08	-1.55	-0.63	3.5E-13
Cd320	1616	1.42	0.50	1.8E-06	1.46	0.54	2.4E-07
Cd33	184	-2.17	-1.12	2.4E-16	-2.06	-1.05	1.2E-14
Cd36	285	-2.06	-1.04	1.3E-03	-1.67	-0.74	2.8E-02
Cd38	232	-1.84	-0.88	8.7E-05	-1.90	-0.93	3.5E-05
Cd3eap	2035	1.75	0.81	1.2E-17	1.61	0.69	5.0E-13
Cd40	239	1.34	0.42	2.4E-03	1.22	0.29	4.6E-02
Cd44	597	-1.79	-0.84	9.1E-03	-1.65	-0.72	2.8E-02
Cd46	481	-1.70	-0.77	9.4E-06	-1.71	-0.78	8.2E-06
Cd55	250	-2.57	-1.36	4.2E-05	-2.23	-1.16	5.9E-04



Cd68	471	-1.25	-0.33	6.6E-04	-1.48	-0.57	8.0E-10
Cd83	264	-1.94	-0.96	1.4E-05	-1.82	-0.86	1.1E-04
Cd93	3630	-1.56	-0.65	1.4E-14	-1.59	-0.67	1.2E-15
Cdan1	3766	1.34	0.42	2.6E-09	1.31	0.39	7.8E-08
Cdc14b	2432	1.80	0.85	1.0E-13	1.81	0.86	6.2E-14
Cdc20	4773	-1.38	-0.46	2.0E-02	-1.63	-0.71	2.3E-04
Cdc23	10337	-1.28	-0.36	1.2E-09	-1.34	-0.42	1.2E-12
Cdc26	5117	-1.31	-0.39	3.3E-05	-1.35	-0.43	3.8E-06
Cdc37	12052	1.31	0.39	7.2E-04	1.22	0.29	1.4E-02
Cdc40	4695	1.41	0.49	4.2E-10	1.45	0.54	9.1E-12
Cdc42bpb	14607	1.34	0.42	2.8E-04	1.31	0.39	9.7E-04
Cdc42ep1	456	-1.82	-0.87	8.3E-07	-1.93	-0.95	6.5E-08
Cdc42ep2	579	1.33	0.41	4.2E-02	1.42	0.51	1.2E-02
Cdc42ep3	1376	-1.42	-0.51	4.9E-06	-1.44	-0.53	2.1E-06
Cdca2	3963	-1.48	-0.56	7.6E-04	-1.52	-0.61	2.8E-04
Cdca4	4171	-1.25	-0.32	2.6E-02	-1.41	-0.49	4.2E-04
Cdh11	12820	-2.40	-1.26	2.1E-06	-2.37	-1.24	3.3E-06
Cdh2	18934	-1.42	-0.51	1.1E-06	-1.53	-0.62	2.5E-09
Cdh5	3922	-1.44	-0.53	9.4E-05	-1.57	-0.65	1.2E-06
Cdin1	1528	-1.24	-0.31	4.3E-04	-1.25	-0.32	3.3E-04
Cdip1	7843	1.37	0.45	1.3E-23	1.34	0.42	5.0E-20
Cdk1	5461	-1.27	-0.34	4.9E-02	-1.31	-0.39	2.4E-02
Cdk12	4941	-1.37	-0.45	3.4E-13	-1.34	-0.42	9.2E-12
Cdk18	156	2.59	1.37	2.5E-04	2.52	1.33	3.9E-04
Cdk2	6622	1.41	0.49	2.7E-04	1.34	0.42	2.0E-03
Cdk20	833	1.51	0.59	3.0E-06	1.36	0.45	5.6E-04
Cdk2ap1	6508	-2.04	-1.03	7.8E-18	-2.29	-1.19	1.9E-23
Cdk4	28254	-1.36	-0.45	6.5E-04	-1.52	-0.60	3.1E-06
Cdk5	4008	1.32	0.40	5.4E-11	1.28	0.36	4.3E-09
Cdk5r1	11497	-1.50	-0.58	2.3E-02	-1.52	-0.60	1.9E-02
Cdk5r2	2504	1.78	0.83	3.4E-05	1.72	0.78	1.1E-04
Cdk5rap1	577	-1.31	-0.39	1.7E-02	-1.56	-0.64	4.9E-05
Cdk5rap2	8016	-1.37	-0.45	6.2E-04	-1.27	-0.34	1.2E-02
Cdk6	3329	-1.68	-0.75	4.5E-07	-1.72	-0.78	1.6E-07
Cdka1	1026	-1.29	-0.36	1.9E-06	-1.34	-0.42	2.1E-08
Cdkl1	110	-1.52	-0.60	1.2E-02	-1.46	-0.55	2.4E-02
Cdkl3	1310	1.30	0.38	4.0E-05	1.36	0.45	1.5E-06
Cdkl5	3056	1.71	0.77	5.9E-08	1.95	0.96	9.5E-12
Cdkn1a	2143	2.19	1.13	3.0E-16	2.27	1.18	9.8E-18
Cdkn1c	22953	-1.44	-0.53	5.6E-03	-1.43	-0.51	7.3E-03
Cdkn2d	2103	1.74	0.80	1.5E-25	1.81	0.85	5.3E-29
Cdkn3	834	1.63	0.70	7.2E-04	1.55	0.63	2.5E-03
Cdo1	3567	-1.51	-0.59	5.1E-06	-1.44	-0.53	5.5E-05
Cdon	13736	-1.37	-0.45	4.4E-04	-1.20	-0.27	4.7E-02
Cdpf1	498	1.42	0.51	4.7E-06	1.38	0.46	3.8E-05
Cdr2	3434	1.61	0.69	2.1E-21	1.61	0.68	3.9E-21
Cds2	13091	1.52	0.61	1.7E-07	1.58	0.66	1.1E-08

Cdyl2	247	-1.56	-0.64	5.1E-04	-1.35	-0.44	2.3E-02
Cebpa	309	2.22	1.15	9.5E-05	2.31	1.21	3.9E-05
Celf6	1504	1.51	0.60	1.1E-03	1.44	0.53	4.8E-03
Cemip	1137	-1.97	-0.98	1.5E-03	-2.09	-1.06	5.6E-04
Cenpa	5877	-1.41	-0.50	3.5E-03	-1.51	-0.59	4.5E-04
Cenj	3591	1.54	0.62	1.2E-06	1.52	0.60	3.0E-06
Cenpp	917	1.59	0.67	1.3E-03	1.59	0.67	1.3E-03
Cenps	654	-2.01	-1.00	5.9E-10	-2.27	-1.18	2.4E-13
Cenpu	1602	1.76	0.82	3.9E-05	1.65	0.72	3.3E-04
Cenpx	1493	1.36	0.44	1.3E-06	1.25	0.32	4.6E-04
Cep126	1964	1.72	0.78	4.1E-28	1.95	0.96	3.6E-42
Cep135	2358	-1.51	-0.60	7.3E-09	-1.38	-0.46	9.7E-06
Cep152	2567	1.45	0.54	1.2E-03	1.52	0.61	2.7E-04
Cep162	4241	1.45	0.54	5.3E-07	1.60	0.68	1.4E-10
Cep164	5199	1.84	0.88	8.2E-20	1.80	0.85	1.2E-18
Cep170	22187	-1.49	-0.58	1.9E-04	-1.31	-0.39	1.6E-02
Cep192	9075	1.50	0.59	3.7E-04	1.70	0.77	2.1E-06
Cep20	3063	-1.50	-0.59	9.8E-16	-1.54	-0.62	1.6E-17
Cep250	8284	-1.40	-0.48	2.0E-05	-1.40	-0.48	1.8E-05
Cep41	1580	-1.91	-0.93	2.3E-44	-1.94	-0.96	1.8E-46
Cep44	2453	1.28	0.35	1.7E-07	1.36	0.44	6.8E-11
Cep5711	853	-1.99	-1.00	9.0E-30	-1.94	-0.96	1.8E-27
Cep63	2728	-1.97	-0.98	4.3E-57	-1.95	-0.97	1.5E-55
Cep68	4986	-1.29	-0.37	5.3E-12	-1.28	-0.36	3.3E-11
Cep72	1922	-1.46	-0.54	3.4E-06	-1.41	-0.50	2.3E-05
Cep78	4427	1.38	0.47	3.5E-07	1.33	0.41	9.9E-06
Cep83	5442	1.54	0.62	3.0E-21	1.56	0.65	8.8E-23
Cep85	3229	1.79	0.84	3.1E-37	1.78	0.84	1.5E-36
Cep97	3828	-1.35	-0.43	1.5E-04	-1.26	-0.34	3.7E-03
Cept1	2373	-1.33	-0.41	1.1E-09	-1.31	-0.39	7.5E-09
Cerk	2810	-1.27	-0.34	4.6E-03	-1.25	-0.33	7.6E-03
Cers2	3488	-2.42	-1.27	1.1E-71	-2.49	-1.32	1.5E-76
Cers5	4273	-1.42	-0.51	1.6E-12	-1.37	-0.46	2.7E-10
Cetn3	7685	-1.39	-0.48	2.7E-05	-1.37	-0.45	8.6E-05
Cfap126	172	-1.70	-0.77	1.5E-03	-1.59	-0.67	6.8E-03
Cfap20	4759	1.52	0.60	5.2E-27	1.40	0.48	9.6E-18
Cfap206	296	2.51	1.33	3.1E-10	2.84	1.51	8.6E-13
Cfap298	916	-1.56	-0.64	1.4E-12	-1.66	-0.73	6.3E-16
Cfap300	1539	1.66	0.73	2.5E-23	1.70	0.77	1.3E-25
Cfap36	4695	1.46	0.55	8.3E-15	1.47	0.56	2.7E-15
Cfap410	1559	1.53	0.62	7.3E-19	1.46	0.55	6.2E-15
Cfap45	282	2.89	1.53	2.4E-25	2.78	1.47	2.3E-23
Cfap53	101	1.79	0.84	4.2E-05	1.78	0.83	5.4E-05
Cfap54	468	1.55	0.63	6.9E-03	1.81	0.85	2.0E-04
Cfap69	2479	2.92	1.55	1.3E-45	3.42	1.77	1.9E-59
Cfap70	206	2.50	1.32	1.3E-13	2.45	1.29	4.4E-13
Cfap74	568	-1.40	-0.48	1.7E-06	-1.39	-0.48	2.5E-06

Cfap77	122	3.23	1.69	1.5E-26	3.01	1.59	3.7E-23
Cfap97	2423	-1.46	-0.54	3.7E-16	-1.37	-0.45	1.5E-11
Cfl2	11017	-1.27	-0.34	1.2E-03	-1.31	-0.39	2.2E-04
Cflar	1690	-1.35	-0.43	1.9E-06	-1.26	-0.34	2.8E-04
Cfp	1881	1.60	0.68	3.8E-09	1.55	0.64	4.4E-08
Cgn	2200	3.58	1.84	8.6E-68	3.79	1.92	1.4E-73
Cgref1	306	-2.15	-1.10	4.0E-06	-1.99	-0.99	4.0E-05
Cgrrf1	981	2.19	1.13	2.0E-27	2.01	1.00	8.4E-22
Chac1	122	2.27	1.18	1.6E-07	2.17	1.12	6.5E-07
Chac2	562	1.40	0.48	1.2E-05	1.39	0.48	1.7E-05
Chadl	173	-3.87	-1.95	1.1E-06	-3.53	-1.82	6.6E-06
Chaf1b	3562	2.01	1.01	9.2E-10	1.77	0.83	6.5E-07
Champ1	6108	-1.18	-0.24	1.0E-06	-1.25	-0.33	2.1E-11
Chchd1	2480	-1.43	-0.51	1.4E-07	-1.48	-0.56	8.2E-09
Chchd10	361	3.40	1.77	2.6E-37	3.34	1.74	6.1E-36
Chchd5	727	-1.29	-0.37	1.1E-04	-1.31	-0.39	5.1E-05
Chchd7	3824	3.11	1.64	4.1E-86	3.15	1.65	6.6E-88
Chd1l	784	-3.66	-1.87	4.5E-33	-4.14	-2.05	2.2E-39
Chd2	12282	1.21	0.28	2.5E-02	1.35	0.43	3.5E-04
Chd3	39510	-1.98	-0.99	9.7E-21	-2.00	-1.00	3.8E-21
Chd7	13012	-1.35	-0.44	1.4E-02	-1.33	-0.42	2.0E-02
Chfr	8151	1.31	0.39	1.1E-11	1.32	0.40	7.9E-12
Chga	3469	1.71	0.78	5.8E-05	1.76	0.82	2.3E-05
Chka	6804	1.63	0.71	1.0E-27	1.73	0.79	3.2E-34
Chmp2a	3720	-1.31	-0.39	1.4E-12	-1.32	-0.40	1.9E-13
Chmp2b	4359	1.74	0.80	2.0E-08	1.73	0.79	2.7E-08
Chmp3	3350	-2.78	-1.48	1.4E-199	-2.68	-1.42	5.3E-185
Chmp6	1978	-1.30	-0.38	4.5E-04	-1.41	-0.50	3.7E-06
Chn2	1592	-1.27	-0.34	9.9E-03	-1.35	-0.43	1.1E-03
Chodl	420	-2.04	-1.03	3.2E-03	-1.70	-0.76	3.3E-02
Chp1	9369	2.04	1.03	8.9E-62	2.00	1.00	9.8E-59
Chpf	2567	1.82	0.87	5.5E-13	1.71	0.77	1.6E-10
Chrac1	769	-2.63	-1.39	1.4E-41	-2.75	-1.46	2.6E-45
Chrm4	208	11.36	3.51	2.0E-48	8.27	3.05	5.5E-38
Chrna3	653	-3.04	-1.60	1.9E-19	-2.56	-1.35	3.8E-14
Chrna5	623	3.27	1.71	6.1E-13	4.22	2.08	1.7E-18
Chrna7	408	1.28	0.36	9.1E-03	1.42	0.51	1.9E-04
Chrn2	4806	-1.36	-0.44	2.1E-02	-1.31	-0.39	4.6E-02
Chrn4	184	1.99	0.99	1.6E-07	2.11	1.07	1.2E-08
Chst11	2891	1.29	0.37	4.1E-03	1.40	0.48	1.6E-04
Chst12	580	1.57	0.65	4.0E-04	1.48	0.57	2.2E-03
Chst14	715	-1.49	-0.58	2.8E-02	-1.61	-0.69	8.8E-03
Chst15	2424	-1.96	-0.97	1.4E-22	-2.03	-1.02	6.0E-25
Chst3	1295	-1.36	-0.44	6.1E-05	-1.43	-0.52	2.1E-06
Chst7	181	2.41	1.27	1.9E-19	2.33	1.22	5.7E-18
Chst8	639	1.32	0.40	3.0E-04	1.29	0.37	9.5E-04
Chtf18	2217	1.61	0.69	8.3E-04	1.36	0.44	3.9E-02

Chtop	18206	-1.44	-0.53	8.7E-23	-1.45	-0.53	3.6E-23
Churc1	154	-1.31	-0.39	2.0E-02	-1.26	-0.34	4.9E-02
Ciao1	3298	1.32	0.40	1.4E-14	1.32	0.41	7.6E-15
Ciao2b	1229	1.32	0.40	7.2E-05	1.18	0.24	2.4E-02
Cib1	1177	2.12	1.09	8.8E-21	1.88	0.91	6.9E-15
Cibar1	3133	-1.70	-0.76	3.3E-18	-1.66	-0.73	1.3E-16
Cilk1	5801	-1.24	-0.31	9.9E-03	-1.30	-0.38	1.6E-03
Cilp2	132	1.94	0.96	4.0E-04	2.18	1.13	3.0E-05
Cinp	2804	1.55	0.63	2.2E-14	1.51	0.59	8.5E-13
Cipc	5271	-1.29	-0.37	3.6E-03	-1.38	-0.47	1.8E-04
Cisd2	5288	-1.41	-0.50	1.0E-06	-1.53	-0.61	1.0E-09
Cisd3	485	2.01	1.00	5.9E-28	1.84	0.88	1.0E-21
Cish	654	1.36	0.44	5.7E-04	1.28	0.36	5.4E-03
Cited1	266	2.30	1.20	4.0E-22	2.14	1.10	8.1E-19
Ckap2	4326	-1.24	-0.31	3.8E-02	-1.29	-0.36	1.3E-02
Ckap2l	4485	-1.61	-0.69	1.2E-05	-1.77	-0.82	1.2E-07
Ckap4	7252	-1.41	-0.50	1.7E-04	-1.52	-0.60	5.0E-06
Clba1	343	2.73	1.45	6.4E-61	2.53	1.34	4.6E-53
Clcn1	1327	1.73	0.79	6.8E-08	1.74	0.80	4.8E-08
Clcn2	4232	1.41	0.49	4.1E-08	1.38	0.46	2.8E-07
Clcn3	10982	1.40	0.49	1.8E-07	1.46	0.54	4.1E-09
Clcn4	10609	-1.57	-0.65	1.3E-06	-1.48	-0.56	3.5E-05
Clcn6	8009	1.34	0.42	1.2E-06	1.31	0.39	6.2E-06
Clcn7	4232	1.25	0.32	5.5E-07	1.25	0.32	3.9E-07
Cldn15	125	3.24	1.70	2.4E-18	3.38	1.76	2.0E-19
Cldn34c1	671	-1.54	-0.63	2.4E-06	-1.55	-0.64	1.6E-06
Cldn5	1246	-1.61	-0.69	4.5E-07	-1.76	-0.82	1.6E-09
Cldnd1	5844	1.33	0.41	2.2E-19	1.32	0.40	3.2E-18
Clec14a	759	-3.29	-1.72	3.6E-27	-3.43	-1.78	6.6E-29
Clec16a	5184	1.68	0.75	6.9E-18	1.69	0.76	1.8E-18
Clec1a	118	-1.94	-0.95	1.7E-05	-1.72	-0.78	5.0E-04
Clec2d	138	-2.73	-1.45	9.0E-10	-2.87	-1.52	1.4E-10
Clec2l	312	-1.62	-0.69	1.3E-03	-1.62	-0.70	1.3E-03
Clic6	1509	-1.80	-0.85	3.4E-04	-1.58	-0.66	6.3E-03
Clip1	8820	-1.76	-0.81	2.0E-17	-1.70	-0.76	2.4E-15
Clk1	14069	-1.55	-0.63	2.0E-18	-1.47	-0.56	1.3E-14
Clk4	7583	-1.41	-0.49	1.1E-08	-1.34	-0.42	1.1E-06
Clmn	1658	-1.54	-0.62	5.0E-04	-1.39	-0.47	9.7E-03
Clmp	6553	-2.55	-1.35	9.1E-41	-2.47	-1.30	6.7E-38
Cln6	704	-1.48	-0.56	2.7E-05	-1.62	-0.70	1.8E-07
Cln8	2506	1.77	0.82	2.3E-31	1.68	0.75	4.8E-26
Clptm1	6600	1.28	0.35	3.2E-07	1.20	0.27	1.2E-04
Clspn	3913	-1.40	-0.49	8.2E-03	-1.59	-0.67	2.2E-04
Cltb	2795	1.51	0.60	1.9E-03	1.61	0.68	3.4E-04
Cluap1	1198	-1.30	-0.37	2.9E-06	-1.32	-0.41	3.8E-07
Cluh	5623	1.87	0.90	1.6E-20	1.84	0.88	2.2E-19
Clvs1	2618	-1.44	-0.53	2.3E-03	-1.36	-0.44	1.1E-02

Clvs2	420	-2.15	-1.10	8.9E-08	-2.02	-1.01	1.0E-06
Cmc2	1014	1.68	0.75	4.6E-10	1.69	0.76	3.6E-10
Cmc4	460	-1.27	-0.34	2.4E-03	-1.31	-0.39	4.4E-04
Cmklr1	181	-1.51	-0.59	1.3E-03	-1.60	-0.67	2.3E-04
Cmpk1	6914	-1.59	-0.67	9.0E-17	-1.64	-0.71	1.5E-18
Cmpk2	785	1.26	0.33	2.5E-02	1.26	0.33	2.4E-02
Cmss1	735	-1.21	-0.27	2.5E-02	-1.27	-0.34	3.8E-03
Cmtm3	1767	-2.68	-1.42	1.6E-13	-2.72	-1.45	6.9E-14
Cmtm4	9730	1.69	0.76	9.8E-31	1.80	0.85	2.4E-38
Cmtm6	2645	1.70	0.76	5.0E-21	1.64	0.71	2.3E-18
Cmtm8	340	1.77	0.83	2.6E-07	2.06	1.04	7.7E-11
Cmtr1	1355	1.43	0.51	2.0E-09	1.38	0.46	8.8E-08
Cmtr2	951	-1.61	-0.68	1.0E-14	-1.53	-0.61	7.0E-12
Cnbd2	267	1.27	0.34	1.5E-02	1.22	0.28	4.8E-02
Cndp2	5492	1.77	0.82	5.6E-22	1.67	0.74	4.3E-18
Cnih4	3610	1.38	0.47	4.7E-09	1.31	0.39	1.0E-06
Cnksr3	908	1.58	0.66	5.5E-09	1.44	0.53	3.9E-06
Cnmd	909	-4.16	-2.06	3.9E-03	-3.51	-1.81	1.2E-02
Cnm2	1491	2.06	1.04	1.6E-18	2.25	1.17	6.5E-23
Cnm4	1746	2.91	1.54	2.7E-34	2.79	1.48	9.9E-32
Cnot2	7847	-1.52	-0.61	7.8E-21	-1.53	-0.61	5.1E-21
Cnot6	21529	-1.36	-0.44	2.0E-05	-1.41	-0.49	1.7E-06
Cnot7	13952	-1.26	-0.33	6.4E-04	-1.31	-0.39	6.4E-05
Cnot8	4283	-1.24	-0.31	1.1E-07	-1.28	-0.35	1.2E-09
Cnpy2	3064	-1.54	-0.63	7.0E-12	-1.53	-0.62	1.3E-11
Cnpy4	2653	-1.45	-0.54	1.1E-07	-1.60	-0.68	1.9E-11
Cnr1	6596	-2.09	-1.07	6.8E-05	-1.84	-0.88	1.2E-03
Cnrip1	1388	-1.74	-0.80	3.6E-04	-1.68	-0.75	8.8E-04
Cntd1	112	-1.36	-0.44	7.8E-03	-1.42	-0.51	2.7E-03
Cntln	2662	-1.76	-0.82	4.9E-14	-1.69	-0.75	4.3E-12
Cntn2	19589	-1.55	-0.63	9.7E-03	-1.46	-0.55	2.7E-02
Cntnap2	11429	1.42	0.51	7.8E-04	1.26	0.33	3.6E-02
Cntrl	6499	-1.34	-0.42	1.6E-03	-1.24	-0.31	2.4E-02
Coa6	515	1.22	0.29	5.0E-04	1.34	0.42	2.0E-07
Coa7	1488	-1.47	-0.56	8.8E-14	-1.55	-0.63	2.1E-17
Cobl	961	-1.46	-0.55	8.8E-03	-1.44	-0.52	1.3E-02
Coch	684	1.53	0.61	1.6E-04	1.61	0.69	2.1E-05
Cog1	2647	-1.82	-0.86	2.4E-47	-1.85	-0.89	4.9E-50
Cog4	3889	-1.22	-0.29	1.5E-03	-1.31	-0.39	1.5E-05
Cog6	4067	-1.25	-0.32	5.5E-06	-1.20	-0.27	1.5E-04
Cog7	1381	-1.24	-0.31	2.4E-08	-1.28	-0.35	7.3E-11
Coil	2073	-2.22	-1.15	1.3E-47	-2.36	-1.24	7.5E-55
Col12a1	13954	-2.79	-1.48	6.4E-03	-2.53	-1.34	1.5E-02
Col14a1	1956	-2.72	-1.44	2.3E-02	-2.62	-1.39	3.0E-02
Col15a1	1651	-2.06	-1.04	3.0E-05	-2.04	-1.03	3.9E-05
Col16a1	3628	-2.17	-1.12	1.3E-02	-2.44	-1.29	3.8E-03
Col17a1	289	-4.53	-2.18	1.8E-02	-4.98	-2.32	1.2E-02

Col20a1	387	1.87	0.90	3.3E-04	2.41	1.27	3.2E-07
Col27a1	2555	-2.36	-1.24	4.8E-05	-2.07	-1.05	6.6E-04
Col2a1	22191	-2.13	-1.09	1.7E-03	-2.00	-1.00	4.6E-03
Col3a1	56698	-1.71	-0.77	1.7E-02	-1.80	-0.85	9.1E-03
Col5a2	17331	-1.65	-0.72	1.3E-02	-1.75	-0.81	5.2E-03
Col6a2	6048	-1.76	-0.82	2.1E-02	-1.75	-0.81	2.3E-02
Col6a3	8071	-2.05	-1.04	3.6E-03	-1.85	-0.89	1.4E-02
Col6a6	212	-4.15	-2.05	3.8E-04	-4.13	-2.05	4.2E-04
Col8a1	1772	-3.32	-1.73	1.7E-03	-2.95	-1.56	5.1E-03
Col9a1	3311	-3.79	-1.92	6.7E-03	-2.85	-1.51	3.7E-02
Col9a2	2538	-3.06	-1.62	2.7E-04	-2.57	-1.36	2.5E-03
Col9a3	3814	-3.25	-1.70	5.2E-04	-2.85	-1.51	2.3E-03
Commd3	3042	-1.28	-0.36	1.7E-05	-1.22	-0.29	5.1E-04
Commd4	2514	-1.29	-0.37	3.6E-05	-1.33	-0.41	3.0E-06
Commd7	2340	-1.36	-0.45	3.8E-13	-1.42	-0.51	9.3E-17
Copa	36394	1.28	0.35	2.5E-04	1.33	0.41	2.1E-05
Coprs	1510	1.44	0.52	1.1E-22	1.41	0.49	2.6E-20
Cops3	7303	-1.50	-0.58	1.9E-10	-1.51	-0.60	6.2E-11
Cops7a	2650	-1.42	-0.51	1.1E-10	-1.50	-0.59	4.2E-14
Coq10b	1729	1.44	0.52	9.3E-13	1.44	0.53	6.0E-13
Coq2	2309	-1.51	-0.59	1.4E-31	-1.52	-0.61	4.9E-33
Coq3	770	-1.20	-0.26	3.2E-03	-1.26	-0.34	1.3E-04
Coq7	1063	-2.45	-1.29	2.6E-22	-2.89	-1.53	8.6E-31
Coq8a	206	2.22	1.15	3.2E-06	2.46	1.30	1.2E-07
Coro1c	16337	1.54	0.62	1.6E-07	1.38	0.46	1.3E-04
Coro2b	4077	-1.92	-0.94	2.7E-08	-1.96	-0.97	8.4E-09
Coro7	4182	2.14	1.10	1.1E-33	2.07	1.05	6.5E-31
Cotl1	9672	1.60	0.67	1.7E-10	1.48	0.57	1.1E-07
Cox10	978	-1.58	-0.66	3.2E-08	-1.66	-0.73	8.6E-10
Cox15	1961	-1.52	-0.60	2.7E-18	-1.63	-0.71	7.6E-25
Cox5a	6087	1.34	0.42	4.6E-04	1.25	0.32	1.1E-02
Cox6a1	5372	1.35	0.44	6.6E-06	1.23	0.30	2.5E-03
Cox6b2	1118	2.93	1.55	3.4E-12	2.39	1.26	2.4E-08
Cpa4	183	-2.84	-1.51	2.0E-11	-3.27	-1.71	2.1E-14
Cpd	10366	1.55	0.63	8.9E-07	1.69	0.76	2.9E-09
Cpeb1	415	2.14	1.10	3.4E-08	2.44	1.29	8.7E-11
Cpeb3	1400	1.63	0.71	4.0E-03	1.63	0.70	4.5E-03
Cpeb4	8073	1.60	0.68	9.9E-05	1.56	0.64	2.5E-04
Cplane2	256	1.54	0.62	1.2E-07	1.52	0.61	2.2E-07
Cplx2	9065	-1.54	-0.62	3.9E-06	-1.57	-0.65	1.5E-06
Cpne2	688	-1.75	-0.81	7.2E-12	-1.99	-0.99	3.5E-17
Cpne3	5698	1.80	0.85	2.5E-13	1.98	0.98	1.4E-17
Cpox	1946	1.43	0.51	5.2E-06	1.31	0.39	6.6E-04
Cpped1	1131	-2.31	-1.21	3.4E-47	-2.30	-1.20	2.1E-46
Cpsf4	3745	1.32	0.40	8.0E-10	1.29	0.37	9.1E-09
Cpsf7	11294	-1.50	-0.58	5.6E-09	-1.61	-0.69	5.6E-12
Cpt1a	5622	2.78	1.47	2.8E-81	2.79	1.48	1.2E-81



Cpt1c	3037	-1.41	-0.50	6.1E-05	-1.46	-0.55	8.5E-06
Cpt2	1271	1.38	0.46	4.1E-04	1.29	0.37	5.1E-03
Cptp	1411	1.59	0.67	1.1E-23	1.42	0.50	7.4E-14
Cpxm1	2037	-1.64	-0.72	8.2E-03	-1.74	-0.80	3.1E-03
Cr1l	1897	-2.47	-1.30	3.7E-66	-2.48	-1.31	9.2E-67
Crabp2	5842	1.65	0.72	1.1E-02	1.54	0.62	3.1E-02
Cracd	9972	-2.63	-1.40	5.7E-15	-2.59	-1.37	1.6E-14
Cracr2a	123	-1.45	-0.53	3.5E-04	-1.25	-0.32	4.0E-02
Cradd	337	-2.41	-1.27	7.6E-29	-2.67	-1.42	1.1E-35
Crcp	2318	-1.41	-0.50	3.3E-10	-1.45	-0.54	8.6E-12
Creb3	2520	1.42	0.51	4.5E-15	1.43	0.52	1.2E-15
Crebbp	5496	-1.93	-0.95	1.7E-10	-2.06	-1.04	2.0E-12
Crebl2	736	1.50	0.58	4.5E-06	1.55	0.64	5.1E-07
Creg1	1453	2.29	1.20	9.4E-16	2.33	1.22	3.0E-16
Creg2	635	2.15	1.10	1.1E-05	2.50	1.32	1.2E-07
Creld1	1982	-1.33	-0.42	1.1E-03	-1.39	-0.48	1.6E-04
Creld2	2382	1.51	0.60	3.8E-08	1.42	0.51	3.4E-06
Crem	689	-1.46	-0.55	5.5E-11	-1.33	-0.41	1.2E-06
Crip2	6183	1.73	0.79	4.8E-11	1.60	0.68	1.9E-08
Crip3	184	1.55	0.63	2.9E-02	1.77	0.82	3.9E-03
Crispld1	1486	-2.10	-1.07	2.3E-04	-2.05	-1.04	3.6E-04
Cr1f2	205	-2.49	-1.31	1.3E-10	-2.23	-1.16	1.7E-08
Cr1f3	2219	1.35	0.44	1.5E-06	1.28	0.36	1.1E-04
Crnk1l	5053	1.36	0.44	5.4E-06	1.37	0.46	2.5E-06
Crppa	339	-4.16	-2.06	6.4E-39	-4.42	-2.14	6.6E-42
Crtac1	730	1.35	0.44	3.8E-02	1.40	0.49	2.1E-02
Crtap	1364	-1.77	-0.82	2.0E-03	-1.84	-0.88	9.6E-04
Crtc1	3923	-1.86	-0.89	2.8E-07	-1.99	-1.00	8.4E-09
Crtc3	1065	-2.32	-1.21	2.3E-15	-2.44	-1.29	3.7E-17
Cry1	3590	2.57	1.36	1.2E-98	2.41	1.27	5.4E-86
Cry2	3881	2.01	1.00	2.8E-27	1.94	0.95	1.1E-24
Cryab	123	-3.46	-1.79	1.5E-04	-3.23	-1.69	3.9E-04
Crybb3	192	6.07	2.60	1.2E-24	4.63	2.21	2.5E-18
Cryzl2	408	-1.24	-0.31	2.0E-03	-1.28	-0.36	3.3E-04
Cs	22561	1.44	0.52	9.5E-15	1.37	0.45	3.1E-11
Csad	1597	-2.54	-1.34	5.5E-62	-2.69	-1.43	6.2E-70
Csdc2	3302	1.69	0.76	6.3E-04	1.70	0.76	6.4E-04
Csde1	31901	-1.98	-0.99	6.1E-40	-2.01	-1.00	3.0E-41
Csf1	731	-1.61	-0.68	1.2E-07	-1.80	-0.85	4.1E-11
Csf1r	1501	-1.39	-0.47	8.8E-04	-1.46	-0.54	1.2E-04
Csf2ra	1229	-1.87	-0.90	4.1E-08	-1.79	-0.84	4.2E-07
Csgalnact1	179	-4.40	-2.14	2.5E-08	-3.40	-1.76	5.4E-06
Csnk1a1	29607	-1.40	-0.48	4.7E-15	-1.39	-0.47	1.5E-14
Csnk1e	14294	-1.44	-0.52	1.2E-06	-1.54	-0.62	6.5E-09
Csnk1g3	6823	1.27	0.34	9.6E-07	1.28	0.36	2.8E-07
Csnk2a1	16382	-1.27	-0.34	5.8E-08	-1.26	-0.34	8.2E-08
Csnk2a2	7023	1.29	0.37	2.4E-06	1.19	0.25	1.6E-03

Csnk2b	5717	1.39	0.48	1.0E-11	1.32	0.40	1.4E-08
Cspg4b	833	-2.63	-1.39	4.2E-07	-2.09	-1.06	1.6E-04
Csrnp1	316	2.98	1.57	1.1E-18	3.18	1.67	1.2E-20
Csrp1	4290	1.40	0.49	1.2E-02	1.46	0.55	4.7E-03
Cstf1	2832	-1.19	-0.25	1.7E-02	-1.28	-0.35	4.5E-04
Cstf2	8569	-1.27	-0.34	1.5E-04	-1.22	-0.29	1.7E-03
Cstf3	8664	1.54	0.62	1.4E-18	1.51	0.59	7.3E-17
Ctbp1	16292	-1.57	-0.65	9.3E-10	-1.72	-0.78	1.4E-13
Ctbp2	5708	-1.37	-0.45	4.3E-08	-1.49	-0.57	2.5E-12
Ctc1	6242	-1.46	-0.55	3.8E-14	-1.50	-0.59	3.3E-16
Ctcf	9148	-2.34	-1.23	1.8E-38	-2.56	-1.36	6.6E-47
Ctdnep1	3625	-1.31	-0.39	1.6E-04	-1.45	-0.54	1.1E-07
Ctdp1	2854	1.45	0.54	4.2E-06	1.29	0.37	2.1E-03
Ctdsp1	3876	-1.31	-0.39	1.1E-03	-1.37	-0.45	1.6E-04
Ctdspl	1742	-1.35	-0.43	2.2E-05	-1.40	-0.48	1.9E-06
Ctf1	217	-1.96	-0.97	7.0E-10	-1.82	-0.86	6.6E-08
Cth	764	2.80	1.48	3.5E-15	2.58	1.37	4.4E-13
Ctnnal1	3594	1.38	0.47	1.6E-05	1.36	0.45	3.8E-05
Ctnnbip1	5198	1.49	0.58	7.0E-14	1.42	0.50	1.1E-10
Ctnnbl1	5721	1.36	0.45	4.6E-05	1.29	0.37	8.7E-04
Ctns	2248	1.62	0.70	1.4E-24	1.57	0.65	2.5E-21
Ctps	6445	-1.23	-0.30	3.5E-04	-1.28	-0.35	2.2E-05
Ctr9	13165	1.54	0.62	1.2E-27	1.54	0.62	1.4E-27
Ctsf	2119	1.51	0.59	2.2E-14	1.58	0.66	1.1E-17
Ctsk	939	-1.80	-0.85	1.6E-04	-1.73	-0.79	4.9E-04
Ctsl	7274	1.76	0.82	2.5E-17	1.84	0.88	5.9E-20
Ctso	456	-1.88	-0.91	2.0E-13	-1.86	-0.90	5.1E-13
Ctu2	1465	1.42	0.51	1.7E-06	1.29	0.37	7.8E-04
Ctxn1	4659	-1.61	-0.68	1.4E-07	-1.67	-0.74	1.1E-08
Cul1	12269	-1.66	-0.74	2.9E-19	-1.71	-0.78	2.3E-21
Cul4b	6130	-1.37	-0.46	4.5E-08	-1.34	-0.43	4.0E-07
Cul5	5670	-1.59	-0.67	5.2E-13	-1.59	-0.67	5.0E-13
Cul7	10139	-1.69	-0.75	4.5E-14	-1.80	-0.85	1.2E-17
Cuta	2284	1.88	0.91	8.5E-17	1.78	0.83	4.3E-14
Cutc	309	-1.96	-0.97	4.9E-10	-1.88	-0.91	5.8E-09
Cwc22	2985	-1.61	-0.69	3.1E-17	-1.71	-0.77	3.1E-21
Cwc27	1565	-1.52	-0.60	1.8E-07	-1.57	-0.65	2.1E-08
Cwf19l2	2645	-1.26	-0.34	1.1E-03	-1.25	-0.32	1.9E-03
Cx3cr1	687	-2.05	-1.04	1.2E-17	-2.28	-1.19	1.3E-22
Cxcl12	7565	-1.87	-0.90	4.5E-06	-1.77	-0.82	3.3E-05
Cxcl14	1869	-3.84	-1.94	2.6E-04	-3.31	-1.73	1.3E-03
Cxcl16	107	-1.57	-0.66	1.2E-02	-1.53	-0.61	2.2E-02
Cyb561	1603	1.77	0.82	3.0E-09	1.88	0.91	5.1E-11
Cyb561d1	1050	-1.83	-0.87	2.6E-13	-2.07	-1.05	8.3E-19
Cyb5d2	286	-2.36	-1.24	5.6E-29	-2.09	-1.06	1.7E-21
Cyb5r1	2107	2.19	1.13	1.2E-27	2.07	1.05	6.6E-24
Cyb5r3	8245	1.32	0.40	5.2E-04	1.19	0.26	3.2E-02

Cyb5rl	715	2.41	1.27	4.5E-21	2.17	1.12	1.3E-16
Cybc1	3699	1.28	0.36	5.3E-13	1.29	0.37	1.8E-13
Cyfip1	6506	-1.45	-0.54	1.4E-06	-1.45	-0.54	1.6E-06
Cyfip2	14832	1.38	0.46	3.9E-03	1.38	0.47	3.5E-03
Cyld	4587	1.98	0.98	2.2E-37	2.11	1.08	1.1E-44
Cyp1b1	971	-1.68	-0.75	1.1E-04	-1.57	-0.65	8.5E-04
Cyp20a1	1058	-1.96	-0.97	1.0E-23	-1.92	-0.94	2.7E-22
Cyp2j9	105	-1.97	-0.97	8.6E-07	-1.64	-0.71	4.8E-04
Cyp2u1	339	3.79	1.92	2.5E-30	3.25	1.70	5.2E-24
Cyp39a1	2465	1.65	0.72	8.5E-09	1.61	0.68	4.8E-08
Cyp46a1	2009	3.45	1.79	4.9E-32	3.13	1.65	2.8E-27
Cyp4f16	1154	-1.62	-0.70	5.5E-23	-1.51	-0.60	5.1E-17
Cyp4f17	1326	1.41	0.49	3.5E-07	1.41	0.50	2.5E-07
Cyp4x1	281	-2.15	-1.10	3.5E-04	-1.95	-0.96	2.1E-03
Cyp7b1	188	-3.56	-1.83	4.3E-19	-2.86	-1.52	1.7E-13
Cyria	5583	1.59	0.67	7.6E-03	1.78	0.83	7.5E-04
Cys1	127	-1.85	-0.88	8.1E-06	-1.55	-0.64	1.9E-03
Cystm1	331	1.68	0.74	2.3E-05	1.76	0.81	3.4E-06
Cyth2	6637	-2.00	-1.00	6.1E-19	-2.08	-1.06	5.1E-21
Cyth3	4357	1.54	0.62	2.3E-16	1.55	0.63	4.8E-17
Cyth4	285	-2.70	-1.43	1.2E-21	-2.85	-1.51	1.3E-23
Cyyr1	443	-2.12	-1.08	4.0E-15	-2.11	-1.08	6.5E-15
Czib	2721	-2.23	-1.15	9.0E-93	-2.22	-1.15	6.9E-92
D030056L22Rik	4096	1.41	0.50	2.4E-07	1.39	0.47	1.1E-06
D11Wsu47e	1846	1.38	0.46	4.6E-07	1.44	0.52	1.1E-08
D130043K22Rik	412	1.69	0.76	6.1E-04	1.98	0.99	6.0E-06
D16Ertd472e	2077	1.33	0.41	4.6E-07	1.30	0.37	4.5E-06
D2hgdh	868	-2.34	-1.23	1.2E-86	-2.15	-1.11	2.8E-70
D3Ertd751e	1750	1.32	0.40	1.2E-03	1.37	0.46	1.8E-04
D430041D05Rik	2958	-1.62	-0.70	9.4E-03	-1.49	-0.58	3.6E-02
D5Ertd579e	8205	-1.31	-0.39	1.3E-03	-1.19	-0.26	4.2E-02
D630003M21Rik	489	-3.06	-1.61	4.7E-14	-2.85	-1.51	2.0E-12
D630045J12Rik	6799	-1.84	-0.88	2.8E-08	-1.91	-0.93	3.4E-09
D8Ertd738e	3382	1.30	0.38	4.9E-04	1.24	0.31	5.9E-03
Daam1	10455	1.41	0.50	2.0E-06	1.47	0.55	1.1E-07
Daam2	2596	-2.17	-1.12	3.1E-08	-1.88	-0.91	8.9E-06
Dab2	6440	-1.69	-0.76	1.0E-02	-1.63	-0.70	1.8E-02
Dach1	7194	-1.35	-0.43	1.8E-02	-1.45	-0.54	2.5E-03
Dach2	949	1.29	0.37	9.3E-03	1.34	0.42	2.4E-03
Dact3	3383	2.51	1.33	2.8E-37	2.43	1.28	1.1E-34
Dad1	4263	1.38	0.47	4.2E-11	1.36	0.44	6.1E-10
Dag1	13119	1.54	0.62	1.1E-10	1.46	0.55	1.7E-08
Dalrd3	2680	1.39	0.48	1.7E-08	1.36	0.44	2.1E-07
Dand5	279	-1.26	-0.33	1.3E-02	-1.31	-0.39	3.1E-03
Dap3	6410	1.46	0.54	1.9E-24	1.41	0.50	8.5E-21
Dapk3	1594	-1.34	-0.42	5.2E-05	-1.45	-0.54	1.4E-07
Dars2	2508	1.29	0.37	5.2E-04	1.27	0.35	1.2E-03

Dbn1	29718	-1.63	-0.70	3.2E-08	-1.72	-0.78	5.9E-10
Dbnidd1	1386	-1.32	-0.40	1.5E-02	-1.27	-0.35	3.6E-02
Dbnidd2	793	1.56	0.64	1.2E-03	1.56	0.64	1.3E-03
Dbp	617	2.06	1.04	6.1E-15	2.07	1.05	4.9E-15
Dbr1	1966	1.34	0.42	2.1E-04	1.25	0.32	7.1E-03
Dbt	2528	1.68	0.75	7.7E-27	1.66	0.73	6.3E-26
Dcaf10	3951	1.37	0.45	2.0E-08	1.39	0.47	4.1E-09
Dcaf11	6593	1.40	0.49	1.3E-15	1.39	0.48	3.5E-15
Dcaf12	6873	1.29	0.37	3.4E-08	1.21	0.27	5.3E-05
Dcaf12l1	807	-1.67	-0.74	4.7E-11	-1.74	-0.80	1.3E-12
Dcaf15	3609	-1.59	-0.67	4.4E-11	-1.70	-0.76	3.5E-14
Dcaf17	2623	-1.51	-0.59	3.7E-12	-1.46	-0.54	1.9E-10
Dcaf6	3572	1.53	0.61	1.2E-11	1.54	0.62	7.1E-12
Dcaf8	10297	-1.66	-0.73	1.4E-45	-1.67	-0.74	5.8E-47
Dcblld1	1946	1.71	0.78	2.1E-30	1.60	0.68	1.4E-23
Dcblld2	9176	1.74	0.80	2.6E-25	1.68	0.75	3.3E-22
Dchs1	14620	-2.27	-1.18	1.2E-19	-2.24	-1.16	4.8E-19
Dclre1a	861	-2.32	-1.22	2.6E-36	-2.13	-1.09	2.0E-29
Dclre1c	2028	1.82	0.87	1.3E-18	1.97	0.98	2.5E-23
Dcn	3091	-2.03	-1.02	4.2E-04	-1.80	-0.85	4.0E-03
Dcp1a	3802	-1.27	-0.35	3.3E-08	-1.28	-0.36	8.4E-09
Dcp1b	2376	-1.31	-0.39	1.6E-03	-1.36	-0.45	2.6E-04
Dcps	2121	-1.27	-0.34	3.8E-03	-1.34	-0.42	3.2E-04
Dct	331	-2.12	-1.09	2.9E-04	-1.62	-0.69	2.6E-02
Dctn3	3745	1.47	0.55	1.4E-11	1.37	0.46	3.5E-08
Dctn4	8294	-1.38	-0.47	3.3E-11	-1.38	-0.46	7.9E-11
Dctpp1	3129	1.58	0.66	8.0E-06	1.43	0.52	5.9E-04
Dcun1d2	3015	1.30	0.37	1.2E-09	1.34	0.42	7.9E-12
Dcun1d4	7950	1.63	0.70	5.2E-24	1.59	0.67	1.1E-21
Dcxr	432	4.29	2.10	7.8E-33	3.82	1.93	5.0E-28
Ddb2	1301	1.33	0.41	4.3E-13	1.34	0.42	1.2E-13
Ddc	823	-1.30	-0.38	1.8E-02	-1.35	-0.43	6.1E-03
Ddhd1	5364	1.50	0.59	2.7E-06	1.57	0.65	1.4E-07
Ddi2	7416	1.26	0.34	6.9E-05	1.23	0.30	5.0E-04
Ddit3	543	1.56	0.64	2.9E-09	1.46	0.54	7.1E-07
Ddn	163	2.13	1.09	1.0E-03	2.21	1.14	5.9E-04
Ddr1	11079	-1.86	-0.90	5.0E-10	-2.09	-1.06	1.2E-13
Ddr2	5445	-2.47	-1.31	2.6E-03	-2.11	-1.08	1.5E-02
Ddrgk1	1924	-1.73	-0.79	2.3E-15	-1.86	-0.89	3.8E-19
Ddx1	13757	-1.24	-0.31	2.2E-04	-1.31	-0.39	2.8E-06
Ddx10	4240	1.69	0.76	6.1E-22	1.65	0.73	2.8E-20
Ddx11	3633	1.54	0.62	1.4E-05	1.41	0.50	6.2E-04
Ddx18	3951	-1.18	-0.24	4.2E-02	-1.28	-0.35	2.3E-03
Ddx31	1299	1.29	0.37	5.9E-07	1.25	0.32	1.7E-05
Ddx39b	23977	-1.46	-0.55	3.8E-07	-1.63	-0.71	3.7E-11
Ddx3x	52188	-1.58	-0.66	5.5E-09	-1.63	-0.71	4.1E-10
Ddx4	255	1.62	0.69	8.2E-11	1.92	0.94	3.5E-18

Ddx43	183	4.49	2.17	3.7E-40	4.36	2.12	3.2E-38
Ddx46	18570	1.33	0.41	9.8E-09	1.40	0.49	5.5E-12
Ddx47	5207	-1.26	-0.33	1.3E-08	-1.30	-0.38	5.9E-11
Ddx5	96299	-1.55	-0.63	3.2E-16	-1.54	-0.62	6.8E-16
Ddx52	4427	-1.39	-0.47	6.5E-05	-1.38	-0.47	7.7E-05
Ddx59	785	-1.38	-0.46	4.6E-07	-1.42	-0.50	4.5E-08
Ddx6	31286	-1.65	-0.72	1.5E-13	-1.65	-0.72	1.2E-13
Deaf1	3240	-1.47	-0.55	4.7E-07	-1.57	-0.65	2.5E-09
Decr1	1576	-1.29	-0.37	5.7E-03	-1.35	-0.43	1.0E-03
Decr2	1465	-1.41	-0.49	4.0E-18	-1.48	-0.56	4.3E-23
Dedd2	2426	2.40	1.26	2.0E-34	2.27	1.18	2.8E-30
Def6	165	-2.25	-1.17	3.0E-13	-2.37	-1.25	6.7E-15
Def8	3147	-1.66	-0.73	3.4E-30	-1.77	-0.82	3.4E-38
Dele1	3442	-2.00	-1.00	3.5E-38	-2.12	-1.08	1.8E-44
Dennd1b	2370	-1.61	-0.69	5.6E-09	-1.54	-0.62	1.7E-07
Dennd2c	724	1.57	0.65	2.2E-03	1.69	0.75	3.3E-04
Dennd3	722	3.25	1.70	6.8E-49	3.32	1.73	4.3E-50
Dennd4a	3995	1.70	0.76	7.5E-10	1.95	0.96	4.8E-15
Dennd4b	1868	-1.35	-0.43	8.8E-04	-1.42	-0.51	8.1E-05
Dennd4c	3654	1.31	0.39	4.8E-03	1.54	0.62	3.5E-06
Depdc1a	2152	-1.61	-0.68	3.2E-05	-1.58	-0.66	5.9E-05
Depdc5	6414	1.60	0.68	1.5E-25	1.66	0.73	5.1E-29
Depdc7	341	3.69	1.88	5.7E-45	2.96	1.57	9.6E-32
Deptor	656	2.82	1.49	3.6E-08	3.42	1.77	4.7E-11
Desi1	5067	1.87	0.90	2.9E-22	1.72	0.78	5.3E-17
Desi2	156	2.14	1.10	1.5E-03	1.65	0.72	4.6E-02
Det1	761	-1.56	-0.64	5.1E-13	-1.63	-0.70	1.6E-15
Deup1	152	-2.16	-1.11	5.9E-05	-1.90	-0.93	9.2E-04
Dexi	1203	1.73	0.79	2.2E-28	1.73	0.79	7.7E-28
Dffa	2410	1.46	0.54	1.7E-07	1.39	0.47	7.1E-06
Dffb	721	-1.22	-0.28	4.0E-04	-1.34	-0.42	9.8E-08
Dgat2	654	1.83	0.88	3.1E-15	1.75	0.81	3.9E-13
Dgke	4603	1.70	0.77	2.4E-11	1.93	0.95	9.4E-17
Dgkh	2714	1.35	0.43	2.3E-02	1.65	0.72	8.2E-05
Dgkq	4510	1.47	0.56	3.0E-10	1.43	0.52	6.1E-09
Dgkz	5474	1.29	0.36	1.2E-04	1.21	0.27	5.1E-03
Dglucy	138	-2.10	-1.07	7.0E-08	-1.77	-0.82	5.3E-05
Dguok	1403	-1.42	-0.50	5.4E-21	-1.43	-0.52	6.9E-22
Dhcr24	11186	1.71	0.77	6.2E-07	1.53	0.62	9.2E-05
Dhcr7	4286	1.56	0.64	6.0E-08	1.38	0.46	1.2E-04
Dhdds	4891	1.45	0.53	4.8E-12	1.35	0.43	3.1E-08
Dhdh	392	-2.06	-1.04	5.1E-10	-2.38	-1.25	6.0E-14
Dhfr	4614	1.56	0.64	3.7E-04	1.38	0.47	1.1E-02
Dhrs1	3342	1.39	0.47	5.1E-10	1.37	0.45	3.9E-09
Dhrs11	413	1.60	0.67	2.0E-04	1.57	0.65	3.7E-04
Dhrs13	824	-1.49	-0.57	3.0E-06	-1.56	-0.64	1.3E-07
Dhrs3	373	-2.92	-1.54	1.4E-07	-2.74	-1.46	8.1E-07

Dhrs4	1450	-1.80	-0.85	4.4E-15	-1.86	-0.90	9.1E-17
Dhrs7	292	1.40	0.49	1.1E-05	1.34	0.42	2.1E-04
Dhtkd1	2346	2.25	1.17	1.1E-34	2.45	1.29	3.8E-42
Dhx16	4807	1.45	0.54	1.6E-07	1.31	0.39	1.7E-04
Dhx29	6663	1.59	0.67	1.0E-18	1.60	0.68	4.3E-19
Dhx30	9045	-1.55	-0.63	3.6E-20	-1.65	-0.72	7.1E-26
Dhx32	3663	1.46	0.54	2.5E-06	1.27	0.35	3.8E-03
Dhx34	1346	-1.48	-0.57	3.7E-05	-1.58	-0.66	1.4E-06
Dhx35	1732	-1.39	-0.48	2.0E-08	-1.47	-0.55	6.8E-11
Dhx38	4641	-1.31	-0.39	4.5E-04	-1.47	-0.56	2.6E-07
Dhx40	7658	1.49	0.58	7.0E-09	1.36	0.44	1.6E-05
Dhx58	230	1.68	0.75	1.2E-06	1.69	0.76	1.1E-06
Diaph1	5191	1.37	0.46	6.0E-07	1.29	0.36	9.0E-05
Dido1	10630	-1.25	-0.32	1.7E-04	-1.18	-0.24	6.3E-03
Dip2b	6915	-1.26	-0.34	3.0E-03	-1.28	-0.36	1.7E-03
Dip2c	3203	-2.00	-1.00	2.1E-11	-1.94	-0.95	1.9E-10
Dipk1a	1834	1.25	0.32	1.1E-04	1.24	0.31	2.3E-04
Dipk1b	877	-1.64	-0.71	6.3E-10	-1.72	-0.79	7.5E-12
Dipk1c	399	-2.10	-1.07	6.2E-10	-2.52	-1.33	1.2E-14
Diras1	1287	-1.61	-0.69	1.0E-02	-1.50	-0.58	3.2E-02
Dis3l	1606	-4.79	-2.26	9.0E-221	-5.27	-2.40	1.1E-246
Dis3l2	2406	-1.30	-0.38	6.4E-12	-1.31	-0.39	1.3E-12
Disc1	150	-2.17	-1.12	8.3E-13	-1.71	-0.78	1.1E-06
Disp3	1853	1.66	0.73	4.6E-03	1.86	0.89	5.0E-04
Dixdc1	6724	1.41	0.50	1.4E-06	1.50	0.59	1.0E-08
Dlat	4593	1.26	0.33	1.9E-07	1.20	0.26	8.0E-05
Dlec1	384	2.92	1.55	7.0E-15	3.07	1.62	4.1E-16
Dleu7	201	-2.27	-1.19	1.0E-04	-2.42	-1.27	2.8E-05
Dlg5	6522	-2.95	-1.56	3.9E-61	-2.96	-1.57	1.3E-61
Dll3	1323	-1.96	-0.97	2.5E-04	-2.48	-1.31	4.6E-07
Dll4	467	-1.23	-0.29	9.3E-03	-1.30	-0.38	7.5E-04
Dmac2	961	-1.59	-0.67	4.6E-32	-1.66	-0.74	2.7E-38
Dmac2l	751	1.27	0.34	3.6E-06	1.35	0.44	3.4E-09
Dmc1	448	1.52	0.61	2.9E-06	1.53	0.61	2.6E-06
Dmpk	2879	1.32	0.40	4.3E-03	1.26	0.33	2.2E-02
Dmrt3	463	-1.61	-0.69	3.2E-02	-1.95	-0.96	2.2E-03
Dmrtb1	808	-1.66	-0.73	5.7E-04	-1.86	-0.89	2.0E-05
Dna2	2001	-1.73	-0.79	1.3E-09	-1.81	-0.86	4.5E-11
Dnaaf2	349	1.88	0.91	1.5E-07	1.71	0.77	1.1E-05
Dnaaf3	789	5.09	2.35	1.9E-32	4.34	2.12	1.6E-26
Dnaaf9	13174	-1.27	-0.35	2.2E-03	-1.22	-0.29	1.4E-02
Dnah1	1064	-1.18	-0.24	4.2E-02	-1.35	-0.43	2.0E-04
Dnah10	231	2.35	1.23	4.2E-06	2.49	1.32	8.6E-07
Dnah17	157	5.09	2.35	4.6E-23	5.86	2.55	7.3E-27
Dnah2	868	1.43	0.51	2.1E-02	1.71	0.77	3.7E-04
Dnah7a	128	-1.32	-0.40	8.3E-03	-1.35	-0.44	4.9E-03
Dnai1	162	2.08	1.05	3.7E-12	2.28	1.19	5.6E-15



Dnai4	1831	1.64	0.72	2.0E-11	1.76	0.81	2.2E-14
Dnaja1	33803	-1.39	-0.47	9.3E-09	-1.37	-0.46	2.9E-08
Dnajb11	5675	1.34	0.43	6.2E-10	1.23	0.30	1.6E-05
Dnajb12	1385	-2.19	-1.13	3.3E-27	-2.49	-1.31	3.7E-36
Dnajb14	3074	-1.60	-0.68	1.4E-09	-1.46	-0.55	1.6E-06
Dnajb3	233	-1.25	-0.32	3.5E-02	-1.37	-0.46	2.7E-03
Dnajb4	3434	1.49	0.58	7.3E-22	1.51	0.59	6.6E-23
Dnajc1	4220	1.42	0.50	1.9E-06	1.46	0.55	1.9E-07
Dnajc12	1458	4.40	2.14	5.0E-179	4.66	2.22	1.6E-192
Dnajc15	2498	1.45	0.54	3.7E-09	1.48	0.57	3.9E-10
Dnajc16	3084	1.34	0.43	1.1E-07	1.36	0.45	2.3E-08
Dnajc17	720	-1.80	-0.85	5.3E-11	-1.91	-0.94	3.7E-13
Dnajc19	1159	-1.35	-0.44	1.9E-05	-1.46	-0.55	7.3E-08
Dnajc21	2760	1.29	0.36	1.1E-04	1.24	0.31	1.3E-03
Dnajc27	1872	-1.48	-0.57	1.1E-20	-1.51	-0.59	5.3E-22
Dnajc28	827	1.56	0.64	6.2E-14	1.64	0.71	3.5E-17
Dnajc3	5172	1.39	0.48	1.1E-05	1.49	0.58	9.0E-08
Dnajc7	16769	-1.41	-0.49	1.5E-16	-1.44	-0.52	1.4E-18
Dnai1	4156	1.22	0.29	1.0E-03	1.33	0.41	3.3E-06
Dnase2a	1349	2.87	1.52	2.5E-30	2.61	1.39	2.5E-25
Dnhd1	1087	2.57	1.36	1.4E-14	3.22	1.69	1.1E-21
Dnlz	2018	-1.70	-0.76	1.6E-19	-1.84	-0.88	1.0E-25
Dnm2	8421	1.83	0.88	3.1E-27	1.74	0.80	1.2E-22
Dnmt3a	15809	-2.22	-1.15	4.4E-38	-2.11	-1.07	3.4E-33
Dnmt3b	1342	2.05	1.04	3.0E-09	1.94	0.96	5.0E-08
Dnpep	5429	1.56	0.64	5.8E-19	1.43	0.51	2.0E-12
Doc2a	401	1.74	0.80	3.8E-08	1.56	0.64	1.5E-05
Dock1	4066	-1.49	-0.58	7.5E-04	-1.38	-0.47	7.5E-03
Dock11	5389	-1.52	-0.60	6.0E-08	-1.40	-0.49	1.4E-05
Dock5	1163	-1.66	-0.73	3.3E-04	-1.59	-0.67	1.1E-03
Dock6	4532	1.37	0.46	8.8E-03	1.29	0.37	3.8E-02
Dock8	232	-2.26	-1.18	2.3E-04	-2.08	-1.06	1.0E-03
Dok1	427	1.81	0.86	2.5E-07	1.62	0.70	3.4E-05
Dok2	207	-2.13	-1.09	1.0E-14	-2.02	-1.02	6.3E-13
Dok3	943	1.93	0.95	3.9E-10	1.81	0.85	2.0E-08
Dolk	1049	1.29	0.37	1.9E-04	1.22	0.28	5.4E-03
Donson	2658	1.28	0.35	5.2E-07	1.24	0.31	9.9E-06
Dop1b	4122	1.41	0.50	4.7E-03	1.47	0.56	1.5E-03
Dot1l	8282	-1.24	-0.31	1.4E-02	-1.25	-0.32	1.4E-02
Dpf3	2106	2.45	1.29	5.1E-06	2.85	1.51	7.5E-08
Dph1	786	1.57	0.65	5.9E-09	1.55	0.63	1.9E-08
Dph2	1551	1.56	0.64	8.5E-10	1.37	0.45	2.0E-05
Dph3	2461	-1.86	-0.90	1.4E-37	-1.96	-0.97	8.2E-44
Dph5	733	-1.35	-0.44	2.0E-07	-1.39	-0.48	1.3E-08
Dph6	1587	-1.49	-0.57	1.2E-15	-1.56	-0.64	2.6E-19
Dpm1	1536	1.52	0.60	2.2E-11	1.49	0.58	1.7E-10
Dpp4	163	-1.87	-0.90	5.5E-03	-1.69	-0.75	2.3E-02

Dpp7	1375	1.33	0.41	1.4E-10	1.38	0.46	7.7E-13
Dpy19I3	4852	1.73	0.79	2.6E-32	1.81	0.85	1.8E-37
Dpy19I4	5668	1.22	0.28	2.8E-03	1.33	0.41	1.1E-05
Dpysl2	11973	-1.40	-0.48	2.7E-02	-1.70	-0.77	2.8E-04
Dpysl3	81721	-1.46	-0.55	4.0E-03	-1.42	-0.51	8.2E-03
Dqx1	269	2.72	1.44	1.9E-17	2.83	1.50	1.0E-18
Dr1	6353	1.43	0.52	6.5E-09	1.31	0.39	1.7E-05
Draxin	7093	-1.46	-0.54	1.0E-02	-1.48	-0.56	8.0E-03
Drd2	191	1.98	0.98	7.8E-06	1.92	0.94	2.1E-05
Drp2	4079	-1.67	-0.74	1.2E-04	-1.67	-0.74	1.3E-04
Dsc2	211	-4.09	-2.03	1.9E-03	-4.13	-2.05	1.9E-03
Dscc1	692	-1.34	-0.42	1.9E-02	-1.44	-0.53	3.0E-03
Dse	2031	-1.82	-0.86	5.7E-04	-1.85	-0.89	4.1E-04
Dsn1	2055	-1.29	-0.37	7.6E-03	-1.35	-0.43	1.8E-03
Dtd1	889	-1.44	-0.53	7.4E-07	-1.42	-0.51	1.8E-06
Dtd2	894	1.56	0.64	2.9E-09	1.48	0.56	2.8E-07
Dtna	2903	2.01	1.00	9.3E-15	1.91	0.93	7.3E-13
Dtnbp1	2370	1.52	0.60	3.6E-21	1.49	0.58	1.6E-19
Dtwd1	519	-1.30	-0.37	6.3E-05	-1.24	-0.31	1.3E-03
Dtwd2	221	-4.39	-2.13	4.5E-49	-5.13	-2.36	1.5E-57
Dtx3I	382	-2.88	-1.53	1.7E-23	-2.71	-1.44	6.4E-21
Dtx4	7804	-1.27	-0.34	4.4E-03	-1.31	-0.39	9.2E-04
Dtymk	5211	-1.31	-0.39	1.1E-05	-1.41	-0.49	2.1E-08
Dus2	902	-1.70	-0.77	2.1E-16	-1.82	-0.86	2.3E-20
Dus3I	2652	-1.91	-0.94	1.2E-16	-1.94	-0.96	2.6E-17
Dusp1	1299	-1.64	-0.71	5.0E-09	-1.77	-0.82	9.9E-12
Dusp10	751	1.47	0.55	2.4E-06	1.39	0.48	5.5E-05
Dusp14	524	1.97	0.98	6.0E-14	2.02	1.01	8.1E-15
Dusp15	477	2.05	1.03	1.4E-05	2.24	1.16	9.4E-07
Dusp22	1088	-1.40	-0.49	5.1E-09	-1.29	-0.37	1.5E-05
Dusp23	361	2.06	1.04	8.3E-19	2.10	1.07	7.5E-20
Dusp27	234	-2.23	-1.15	1.3E-04	-2.54	-1.35	6.9E-06
Dusp28	458	1.52	0.60	2.1E-08	1.45	0.54	7.5E-07
Dusp3	1149	-1.29	-0.37	1.1E-05	-1.28	-0.36	2.1E-05
Dusp5	207	3.15	1.65	2.6E-17	2.63	1.39	1.3E-12
Duxbl1	200	-3.71	-1.89	7.7E-19	-4.26	-2.09	2.1E-22
Dvl1	5782	1.40	0.48	2.0E-06	1.32	0.40	9.8E-05
Dvl2	4139	1.46	0.55	6.6E-06	1.35	0.43	4.4E-04
Dym	1916	1.28	0.36	1.1E-08	1.18	0.24	1.9E-04
DynII1	18125	1.46	0.55	6.3E-11	1.41	0.49	5.2E-09
DynII2	41071	1.50	0.59	1.2E-03	1.36	0.44	1.8E-02
Dynlt1f	2100	-1.60	-0.68	1.2E-17	-1.62	-0.69	3.5E-18
Dyrk1a	7472	-1.44	-0.52	2.6E-08	-1.54	-0.62	2.1E-11
Dyrk1b	1249	-2.21	-1.14	3.1E-12	-2.12	-1.09	3.7E-11
Dyrk3	1300	1.38	0.47	1.7E-04	1.33	0.42	1.0E-03
Dzank1	2463	1.87	0.90	5.0E-08	2.02	1.02	6.4E-10
Dzip1I	2016	-1.26	-0.33	5.5E-05	-1.22	-0.28	6.3E-04

E130114P18Rik	1187	-2.86	-1.52	1.5E-18	-2.71	-1.44	1.0E-16
E130311K13Rik	149	-2.95	-1.56	4.8E-23	-2.42	-1.28	9.7E-16
E4f1	2294	-1.24	-0.31	1.3E-02	-1.30	-0.37	2.9E-03
Eaf2	184	3.27	1.71	1.0E-22	2.80	1.48	2.2E-17
Eapp	2895	-1.47	-0.55	3.6E-12	-1.48	-0.57	1.1E-12
Ears2	1104	-1.37	-0.46	1.6E-08	-1.36	-0.45	4.7E-08
Ebf1	6893	-1.54	-0.62	6.9E-05	-1.34	-0.42	9.0E-03
Ebf3	12814	-1.68	-0.75	2.6E-04	-1.60	-0.68	1.1E-03
Ebpl	917	-1.78	-0.83	2.6E-56	-1.96	-0.97	8.2E-75
Ecd	3036	-2.25	-1.17	3.7E-66	-2.43	-1.28	9.2E-79
Ece1	4433	1.48	0.56	1.7E-07	1.41	0.50	4.5E-06
Ech1	1513	-1.73	-0.79	1.0E-10	-1.72	-0.78	2.2E-10
Echdc2	513	-1.29	-0.37	1.0E-02	-1.34	-0.42	3.9E-03
Echs1	4538	-1.19	-0.25	3.1E-03	-1.25	-0.33	8.1E-05
Eci1	764	-1.64	-0.72	5.1E-11	-1.90	-0.93	1.4E-17
Ecpas	9645	-1.62	-0.70	2.0E-10	-1.50	-0.58	1.6E-07
Ecscr	463	-1.77	-0.82	8.0E-15	-1.77	-0.82	8.7E-15
Eda	935	1.60	0.68	9.6E-10	1.54	0.63	2.4E-08
Eda2r	381	2.03	1.02	1.5E-18	2.07	1.05	1.4E-19
Edaradd	238	-1.78	-0.83	4.3E-05	-1.87	-0.90	1.1E-05
Edem1	3750	1.35	0.43	6.5E-11	1.31	0.39	3.9E-09
Edem3	10282	1.57	0.65	9.5E-11	1.72	0.78	3.4E-15
Edn3	547	-2.36	-1.24	1.4E-10	-2.12	-1.08	2.8E-08
Ednra	1262	-2.67	-1.42	8.0E-05	-2.60	-1.38	1.4E-04
Ednrb	7012	-2.12	-1.09	3.8E-15	-1.87	-0.90	8.9E-11
Edrf1	4278	1.29	0.37	1.1E-05	1.35	0.43	2.4E-07
Eea1	5899	1.27	0.34	3.7E-03	1.46	0.55	2.1E-06
Eef1akmt2	1990	-1.47	-0.55	1.8E-06	-1.44	-0.53	5.8E-06
Eef1akmt4	244	1.80	0.85	1.7E-07	1.60	0.68	3.8E-05
Eef1d	11624	1.35	0.44	7.9E-05	1.25	0.33	3.9E-03
Eef1e1	2925	-1.34	-0.42	7.1E-07	-1.27	-0.34	6.7E-05
Eef2k	3029	-1.43	-0.52	4.0E-10	-1.50	-0.58	1.4E-12
Eepd1	753	1.91	0.94	1.6E-11	1.93	0.95	8.0E-12
Efcab14	4204	1.31	0.39	3.9E-08	1.32	0.41	1.2E-08
Efcab2	998	-1.67	-0.74	3.2E-18	-1.53	-0.61	1.4E-12
Efcab5	152	-1.85	-0.89	6.5E-05	-1.73	-0.79	4.6E-04
Efcab6	111	2.66	1.41	7.2E-09	2.66	1.41	6.8E-09
Efhb	184	1.75	0.81	1.8E-07	1.77	0.82	1.5E-07
Efhd1	206	3.86	1.95	8.1E-44	3.21	1.68	2.5E-33
Efl1	1990	1.38	0.46	2.0E-08	1.37	0.46	3.6E-08
Efna3	1500	2.61	1.38	1.2E-19	2.86	1.51	3.1E-23
Efna5	4440	-1.71	-0.78	9.9E-07	-1.90	-0.92	4.3E-09
Efr3a	5605	1.74	0.80	1.0E-15	1.91	0.94	5.7E-21
Efs	1843	-3.12	-1.64	6.1E-42	-3.18	-1.67	4.0E-43
Egfl6	1461	-2.63	-1.40	6.5E-03	-2.18	-1.13	3.2E-02
Egfl7	1234	-1.34	-0.42	4.1E-04	-1.43	-0.52	1.1E-05
Egflam	1500	-1.66	-0.73	2.2E-03	-1.70	-0.77	1.4E-03

Egfr	1567	-1.89	-0.92	1.1E-02	-1.69	-0.76	3.9E-02
Egln2	3902	-1.51	-0.59	7.8E-10	-1.59	-0.67	2.3E-12
Egln3	1020	2.18	1.13	4.0E-23	2.35	1.23	2.3E-27
Egr1	400	1.74	0.80	2.8E-04	1.71	0.77	4.8E-04
Ehd2	1794	-1.51	-0.59	1.2E-02	-1.49	-0.58	1.6E-02
Ehd3	1653	1.41	0.50	1.8E-08	1.38	0.47	1.4E-07
Ehd4	1799	1.95	0.96	1.5E-07	1.79	0.84	5.0E-06
Ehhadh	313	1.60	0.68	1.1E-03	1.58	0.66	1.6E-03
Ehmt1	11001	-1.32	-0.40	3.2E-07	-1.44	-0.53	5.5E-12
Ei24	10552	1.34	0.42	4.3E-12	1.30	0.38	5.6E-10
Eif1	19564	-1.35	-0.44	1.9E-05	-1.47	-0.56	3.8E-08
Eif1a	6290	1.38	0.46	4.7E-05	1.38	0.47	3.8E-05
Eif1b	5344	-1.24	-0.32	2.6E-02	-1.33	-0.41	3.4E-03
Eif2a	5182	-1.26	-0.33	8.3E-04	-1.19	-0.25	1.4E-02
Eif2ak1	6552	1.40	0.49	1.8E-14	1.37	0.45	2.3E-12
Eif2ak3	3360	1.66	0.74	1.2E-36	1.64	0.72	9.9E-35
Eif2ak4	3967	1.65	0.73	3.6E-28	1.76	0.82	1.6E-35
Eif2b2	3102	1.34	0.42	6.5E-08	1.19	0.25	2.5E-03
Eif2d	2628	-1.32	-0.40	1.4E-10	-1.36	-0.45	9.0E-13
Eif3b	17521	1.30	0.38	5.4E-06	1.20	0.26	2.3E-03
Eif4a1	54504	-1.46	-0.54	2.9E-08	-1.54	-0.62	1.4E-10
Eif4a2	34220	-1.54	-0.63	2.4E-11	-1.41	-0.50	1.5E-07
Eif4b	28381	-1.25	-0.33	3.4E-13	-1.27	-0.34	2.5E-14
Eif4ebp1	706	1.61	0.69	2.7E-03	1.45	0.54	2.1E-02
Eif4ebp2	26725	1.59	0.67	4.9E-06	1.41	0.50	9.0E-04
Eif4g2	151975	-1.58	-0.66	2.1E-18	-1.59	-0.67	1.8E-18
Eif5	26189	-1.47	-0.56	6.0E-10	-1.55	-0.63	2.3E-12
Eif5a2	3776	2.20	1.13	2.3E-26	2.41	1.27	1.2E-32
Eif5b	19023	1.30	0.38	4.0E-06	1.27	0.35	3.3E-05
Eif6	5069	1.57	0.65	4.5E-11	1.43	0.52	1.9E-07
Elac1	1298	-1.29	-0.36	1.5E-08	-1.27	-0.34	1.1E-07
Elac2	3479	1.44	0.53	4.5E-12	1.32	0.40	2.5E-07
Elavl4	13824	-1.58	-0.66	1.1E-05	-1.45	-0.54	4.3E-04
Elf1	1314	-1.54	-0.63	5.5E-14	-1.64	-0.72	6.2E-18
Elf4	973	1.37	0.46	1.9E-02	1.31	0.39	4.7E-02
Elf5	101	-10.13	-3.34	1.0E-02	-14.82	-3.89	2.8E-03
Elk1	4408	1.40	0.49	8.7E-06	1.47	0.56	3.7E-07
Elk3	2200	-1.68	-0.75	6.9E-07	-1.60	-0.68	8.7E-06
ElI2	1029	2.67	1.42	6.1E-20	2.67	1.42	5.9E-20
Elmo2	11087	1.89	0.92	1.1E-50	1.89	0.92	8.8E-51
Elmod3	1141	1.49	0.58	4.7E-17	1.56	0.64	1.3E-20
Eln	1922	-3.09	-1.63	5.3E-04	-2.83	-1.50	1.5E-03
Eloa	5844	1.39	0.48	1.4E-07	1.36	0.44	1.4E-06
Elovl4	3897	1.60	0.68	3.2E-13	1.64	0.71	1.7E-14
Elovl5	8373	2.20	1.14	1.2E-38	2.13	1.09	9.9E-36
Elovl7	200	2.09	1.06	3.7E-07	2.02	1.01	1.6E-06
Elp3	7801	-1.30	-0.38	2.7E-17	-1.35	-0.43	4.6E-22

Elp5	5319	1.51	0.60	8.5E-18	1.50	0.58	6.3E-17
Elp6	1035	-3.00	-1.59	1.0E-81	-3.22	-1.69	7.7E-92
Emc10	3890	-1.48	-0.56	2.3E-12	-1.58	-0.66	1.0E-16
Emc2	3514	1.29	0.36	6.1E-05	1.29	0.37	4.7E-05
Emc8	5610	1.60	0.68	5.8E-17	1.50	0.58	9.8E-13
Emc9	270	1.54	0.63	8.8E-05	1.55	0.63	8.0E-05
Emcn	748	-2.03	-1.02	2.7E-06	-2.03	-1.02	2.8E-06
Eme1	1560	-1.42	-0.51	3.2E-02	-1.63	-0.71	2.2E-03
Emilin1	4377	-2.01	-1.01	1.7E-02	-2.20	-1.13	7.0E-03
Emilin3	724	-1.78	-0.83	1.6E-02	-1.70	-0.77	2.8E-02
Eml2	2644	1.77	0.82	1.3E-09	1.64	0.71	1.8E-07
Eml3	2022	1.27	0.34	1.2E-03	1.22	0.28	8.9E-03
Eml4	15217	1.40	0.49	2.8E-17	1.48	0.57	2.3E-23
Eml5	16668	1.95	0.97	7.4E-08	2.10	1.07	2.0E-09
Emp1	4540	-3.07	-1.62	4.5E-08	-2.63	-1.39	3.0E-06
Emp2	457	-1.49	-0.57	4.9E-02	-1.62	-0.70	1.6E-02
Emp3	587	-1.83	-0.87	2.6E-04	-1.74	-0.80	8.3E-04
Enah	27791	-1.27	-0.35	5.4E-05	-1.31	-0.39	7.1E-06
Endod1	886	-1.92	-0.94	4.3E-12	-1.92	-0.94	5.9E-12
Endog	173	-1.42	-0.51	2.5E-05	-1.50	-0.58	1.1E-06
Endov	3296	-1.36	-0.44	4.5E-06	-1.43	-0.52	7.6E-08
Eng	1751	-1.31	-0.39	1.5E-02	-1.40	-0.49	2.3E-03
Engase	898	2.13	1.09	2.2E-20	2.01	1.00	1.7E-17
Enho	1731	-1.53	-0.61	3.6E-06	-1.39	-0.48	3.8E-04
Enkd1	1285	1.61	0.68	3.6E-05	1.42	0.50	3.1E-03
Eno1	41339	1.30	0.38	1.9E-03	1.23	0.30	1.7E-02
Eno1b	1567	1.33	0.41	1.1E-03	1.30	0.38	2.9E-03
Eno2	2586	2.76	1.46	2.9E-16	2.82	1.49	7.1E-17
Enoph1	2270	1.73	0.79	8.1E-29	1.64	0.71	8.5E-24
Enox2	1188	-1.37	-0.45	2.7E-05	-1.27	-0.35	1.5E-03
Enpep	313	-2.79	-1.48	1.9E-04	-2.55	-1.35	7.4E-04
Enpp4	875	1.33	0.41	6.2E-09	1.42	0.50	1.0E-12
Ensa	9994	-1.46	-0.54	5.2E-26	-1.49	-0.57	9.7E-29
Entpd1	1019	-2.00	-1.00	3.6E-33	-1.92	-0.94	3.2E-29
Entpd5	2041	1.41	0.49	1.2E-08	1.44	0.52	1.1E-09
Entpd6	2345	1.30	0.38	4.7E-06	1.32	0.40	1.4E-06
Entpd7	1194	1.48	0.57	1.8E-06	1.32	0.40	9.3E-04
Eola1	1192	1.38	0.46	2.3E-08	1.39	0.47	1.2E-08
Eomes	3938	-1.81	-0.85	1.6E-02	-1.86	-0.89	1.1E-02
Ep300	10587	-1.39	-0.48	1.2E-05	-1.31	-0.39	4.0E-04
Epb41l1	5748	-2.00	-1.00	4.9E-09	-2.08	-1.06	6.4E-10
Epb41l2	9234	1.33	0.42	6.0E-04	1.40	0.49	4.6E-05
Epb41l3	7883	-1.36	-0.45	1.8E-05	-1.26	-0.33	1.7E-03
Epb41l5	5238	1.94	0.96	4.1E-16	1.84	0.88	9.9E-14
Epc1	5451	-1.97	-0.98	1.6E-20	-2.09	-1.06	3.7E-24
Epc2	5022	-3.53	-1.82	7.0E-57	-3.45	-1.79	8.2E-55
Epdr1	1016	-1.45	-0.54	5.7E-09	-1.55	-0.63	4.6E-12

Epha10	2594	2.50	1.32	1.6E-07	2.58	1.37	5.6E-08
Epha2	858	2.11	1.07	4.7E-07	2.00	1.00	3.2E-06
Epha8	1177	1.69	0.75	3.5E-03	1.46	0.54	4.1E-02
Ephb2	25546	1.44	0.52	1.4E-03	1.29	0.37	2.8E-02
Ephb6	1846	-1.44	-0.53	6.5E-04	-1.56	-0.64	2.8E-05
Ephx1	339	2.87	1.52	4.9E-08	3.13	1.64	3.6E-09
Epm2a	334	-3.79	-1.92	1.3E-36	-3.98	-1.99	4.4E-39
Epop	1631	3.78	1.92	8.7E-28	3.08	1.62	3.6E-20
Epor	184	2.54	1.35	4.0E-12	2.64	1.40	6.6E-13
Eprs	22041	1.32	0.40	6.4E-07	1.40	0.48	1.3E-09
Eps8	1184	1.27	0.35	3.0E-02	1.32	0.40	1.2E-02
Epyc	353	-2.80	-1.48	5.5E-03	-2.61	-1.39	1.0E-02
Eral1	1356	-1.39	-0.48	1.6E-15	-1.49	-0.58	2.5E-22
Erap1	425	-1.99	-0.99	4.2E-10	-2.11	-1.07	1.2E-11
Erbin	14418	-2.02	-1.02	2.6E-26	-1.88	-0.91	3.6E-21
Erc1	11179	1.36	0.45	1.9E-03	1.50	0.58	4.0E-05
Erc2	5173	1.59	0.66	2.0E-11	1.47	0.55	3.4E-08
Erc3	2601	-1.21	-0.27	9.5E-05	-1.27	-0.35	3.8E-07
Erc6	3104	-2.05	-1.04	3.7E-45	-1.92	-0.94	3.0E-37
Erc6l2	2908	-1.79	-0.84	1.2E-15	-1.69	-0.76	7.3E-13
Erc8	1754	1.30	0.38	3.6E-05	1.31	0.39	2.8E-05
Erg	1097	-2.37	-1.25	4.0E-09	-2.44	-1.29	1.2E-09
Ergic2	6972	-1.39	-0.48	2.8E-08	-1.35	-0.44	5.2E-07
Eri1	5184	1.54	0.62	2.7E-21	1.57	0.65	2.7E-23
Eri2	3184	-1.51	-0.59	1.1E-10	-1.50	-0.59	2.0E-10
Erich1	884	1.67	0.74	2.2E-21	1.57	0.65	8.7E-17
Erich2	208	2.30	1.20	8.8E-19	2.12	1.08	1.9E-15
Erich3	262	-1.67	-0.74	2.2E-04	-1.38	-0.46	2.5E-02
Erlec1	2417	-1.50	-0.58	4.2E-08	-1.39	-0.47	1.0E-05
Erlin1	2755	1.27	0.35	4.8E-07	1.25	0.32	4.4E-06
Ermap	432	-2.82	-1.49	8.0E-03	-3.09	-1.63	3.9E-03
Ermard	630	-2.02	-1.01	6.6E-38	-1.85	-0.89	3.0E-29
Ern1	3334	2.07	1.05	2.2E-28	2.16	1.11	6.6E-32
Ero1a	4175	1.46	0.54	3.8E-11	1.51	0.60	3.3E-13
Ero1b	1506	2.60	1.38	2.1E-44	2.60	1.38	2.3E-44
Erp44	4425	1.39	0.48	2.3E-16	1.39	0.47	5.7E-16
Esam	977	-1.91	-0.94	8.4E-27	-2.07	-1.05	3.2E-33
Esd	8994	1.36	0.45	6.3E-06	1.31	0.39	8.5E-05
Esf1	5083	1.29	0.36	8.6E-04	1.25	0.32	3.3E-03
Esrp2	159	-2.97	-1.57	2.7E-02	-3.92	-1.97	5.0E-03
Esrrg	3114	1.54	0.62	8.5E-03	1.67	0.74	1.6E-03
Esyt1	4184	1.68	0.75	3.1E-07	1.63	0.70	1.5E-06
Esyt2	5362	1.23	0.30	2.3E-04	1.31	0.39	1.5E-06
Esyt3	111	5.12	2.36	8.5E-21	6.66	2.74	3.8E-26
Etf1	14961	1.27	0.35	2.4E-04	1.23	0.30	1.9E-03
Etfa	4000	1.28	0.36	1.6E-03	1.21	0.28	1.7E-02
Etfbkmt	315	-1.43	-0.52	2.2E-04	-1.51	-0.59	2.1E-05



Etfdh	4623	1.64	0.71	1.1E-27	1.66	0.73	3.6E-29
Etfrf1	1202	-1.35	-0.44	2.0E-05	-1.31	-0.38	2.2E-04
Ethe1	687	2.65	1.41	3.5E-40	2.51	1.33	6.9E-36
Etl4	2994	-1.90	-0.92	8.4E-15	-1.81	-0.86	6.8E-13
Etnk1	20437	1.43	0.52	5.8E-06	1.64	0.72	2.6E-10
Etnk2	538	3.78	1.92	2.7E-42	3.47	1.79	5.1E-37
Ets2	2942	-1.45	-0.54	8.6E-03	-1.42	-0.50	1.5E-02
Etv4	452	-1.41	-0.49	2.5E-02	-1.36	-0.45	4.7E-02
Eva1b	400	-1.75	-0.80	2.5E-03	-1.82	-0.86	1.2E-03
Evc2	1346	-1.48	-0.57	1.7E-05	-1.63	-0.71	7.2E-08
Evi5l	7872	1.50	0.58	5.0E-06	1.45	0.53	3.6E-05
Ewsr1	37253	-1.31	-0.39	2.3E-11	-1.36	-0.45	1.4E-14
Exd1	115	1.77	0.82	3.0E-06	1.83	0.87	1.0E-06
Exoc3	8530	-1.26	-0.33	7.8E-06	-1.23	-0.30	4.7E-05
Exoc3l2	133	-1.70	-0.77	3.9E-04	-1.70	-0.76	4.4E-04
Exoc6	1031	-1.67	-0.74	5.4E-12	-1.60	-0.68	2.1E-10
Exosc10	4863	-2.34	-1.23	1.6E-128	-2.43	-1.28	5.7E-139
Exosc7	1863	-1.31	-0.39	5.0E-04	-1.40	-0.49	7.8E-06
Exosc8	3595	-1.28	-0.36	8.1E-04	-1.29	-0.36	7.1E-04
Exosc9	4861	1.27	0.35	3.1E-03	1.25	0.32	6.2E-03
Ext1	5543	1.28	0.35	3.9E-04	1.29	0.37	2.6E-04
Extl1	449	5.64	2.50	1.8E-16	5.82	2.54	5.8E-17
Extl2	2463	1.65	0.72	1.1E-25	1.76	0.81	4.8E-32
Eya1	1127	-2.29	-1.19	9.7E-07	-2.10	-1.07	1.4E-05
Eya3	5720	1.27	0.34	1.4E-05	1.27	0.34	1.5E-05
Eya4	1779	-2.09	-1.06	3.7E-05	-1.89	-0.92	4.2E-04
Ezr	9712	1.47	0.55	1.6E-07	1.39	0.48	7.4E-06
F13a1	1708	-1.39	-0.47	1.5E-02	-1.40	-0.48	1.4E-02
F2rl1	139	2.31	1.21	2.3E-02	2.17	1.12	3.9E-02
F8	193	-2.40	-1.26	6.2E-07	-2.06	-1.04	5.3E-05
Faap20	1527	-1.54	-0.62	3.1E-12	-1.70	-0.77	6.6E-18
Fabp5	12171	-1.45	-0.54	1.2E-07	-1.46	-0.55	7.7E-08
Fabp7	24237	-1.40	-0.48	5.0E-04	-1.29	-0.37	9.7E-03
Fads2	13692	-1.50	-0.59	1.0E-07	-1.76	-0.81	9.2E-14
Faf2	5627	-1.25	-0.33	2.0E-15	-1.30	-0.37	5.1E-20
Fahd1	725	-1.41	-0.49	4.7E-07	-1.41	-0.49	5.4E-07
Fahd2a	715	-1.25	-0.33	7.8E-06	-1.29	-0.37	4.5E-07
Faim	2662	1.46	0.55	2.4E-15	1.42	0.51	2.3E-13
Fam102a	2258	1.52	0.60	4.3E-08	1.50	0.59	1.1E-07
Fam102b	6586	1.45	0.54	9.7E-06	1.53	0.61	4.5E-07
Fam104a	2897	1.50	0.58	4.5E-20	1.38	0.47	3.1E-13
Fam107a	219	-3.39	-1.76	9.2E-05	-3.53	-1.82	5.4E-05
Fam107b	6022	1.35	0.43	1.1E-11	1.32	0.40	2.1E-10
Fam111a	4379	1.55	0.63	3.7E-05	1.57	0.65	2.1E-05
Fam114a1	1545	-1.70	-0.77	8.8E-03	-1.75	-0.81	5.9E-03
Fam117a	1339	2.73	1.45	1.9E-13	2.69	1.43	5.3E-13
Fam117b	9506	1.31	0.39	2.2E-02	1.29	0.36	3.3E-02

Fam118a	1972	1.58	0.66	5.0E-20	1.50	0.58	1.2E-15
Fam118b	3527	1.41	0.50	9.7E-09	1.39	0.48	4.0E-08
Fam120b	6222	1.22	0.29	2.6E-04	1.27	0.35	1.0E-05
Fam122b	1710	1.50	0.58	1.1E-09	1.54	0.62	7.4E-11
Fam126a	12417	1.68	0.75	6.5E-18	1.82	0.87	8.3E-24
Fam131b	3839	1.27	0.35	5.7E-03	1.22	0.29	2.5E-02
Fam131c	183	2.05	1.04	2.2E-04	1.65	0.72	1.2E-02
Fam135a	9395	1.28	0.36	1.9E-03	1.44	0.52	3.3E-06
Fam13a	1152	1.86	0.90	2.3E-20	1.91	0.93	1.0E-21
Fam13c	1917	-1.61	-0.69	2.4E-11	-1.62	-0.70	1.2E-11
Fam149a	829	-1.62	-0.70	7.9E-08	-1.56	-0.64	9.6E-07
Fam149b	3470	-1.58	-0.66	2.8E-35	-1.60	-0.68	1.5E-36
Fam151b	114	-2.12	-1.09	1.3E-09	-2.20	-1.14	1.9E-10
Fam160a1	194	2.05	1.03	1.6E-02	2.65	1.41	8.8E-04
Fam160a2	6107	1.38	0.46	1.3E-09	1.40	0.48	3.1E-10
Fam161a	329	-1.46	-0.55	1.7E-05	-1.36	-0.44	6.9E-04
Fam161b	1588	1.36	0.44	2.3E-07	1.36	0.44	2.0E-07
Fam163a	413	-1.86	-0.89	2.4E-04	-1.93	-0.95	9.2E-05
Fam168a	15927	-1.28	-0.35	1.5E-02	-1.23	-0.30	4.5E-02
Fam168b	28932	-1.47	-0.55	2.2E-09	-1.54	-0.62	1.6E-11
Fam169a	2275	-1.31	-0.39	7.2E-03	-1.29	-0.36	1.4E-02
Fam171a1	4578	-1.95	-0.96	2.3E-29	-1.99	-0.99	3.4E-31
Fam171a2	4922	-1.31	-0.39	3.7E-03	-1.35	-0.44	9.8E-04
Fam174b	1868	-1.51	-0.59	8.4E-05	-1.42	-0.51	9.2E-04
Fam177a2	339	1.93	0.95	3.5E-08	1.68	0.75	1.6E-05
Fam184a	2615	1.67	0.74	4.7E-13	1.89	0.92	1.3E-19
Fam185a	723	1.60	0.68	1.3E-20	1.58	0.66	3.2E-19
Fam189a2	598	1.65	0.72	1.2E-05	1.66	0.73	9.5E-06
Fam193a	7160	-1.31	-0.39	3.0E-04	-1.37	-0.45	3.1E-05
Fam199x	3512	1.66	0.73	1.5E-14	1.74	0.80	7.2E-17
Fam204a	2660	-1.47	-0.56	1.5E-08	-1.38	-0.46	3.5E-06
Fam20a	144	-1.98	-0.98	1.4E-07	-2.11	-1.08	6.1E-09
Fam210b	4597	2.98	1.58	1.3E-37	3.08	1.62	8.7E-40
Fam214a	3614	-1.26	-0.33	3.0E-03	-1.19	-0.25	3.2E-02
Fam217b	976	1.60	0.68	8.8E-04	1.76	0.82	5.6E-05
Fam219a	5230	1.87	0.91	5.6E-09	1.75	0.81	2.4E-07
Fam219b	1632	-1.66	-0.73	1.9E-21	-1.73	-0.79	6.3E-25
Fam221a	677	3.24	1.70	1.2E-122	3.43	1.78	9.2E-131
Fam222a	973	1.71	0.77	7.3E-05	1.41	0.50	1.3E-02
Fam228a	125	-2.93	-1.55	4.6E-18	-2.28	-1.19	2.7E-11
Fam228b	258	-3.29	-1.72	8.0E-17	-2.76	-1.46	1.8E-12
Fam229b	532	-2.07	-1.05	6.8E-20	-2.05	-1.04	1.6E-19
Fam234a	2112	1.45	0.54	1.3E-07	1.39	0.48	3.4E-06
Fam241a	671	2.62	1.39	2.3E-28	2.96	1.57	1.3E-35
Fam241b	954	-1.84	-0.88	1.7E-05	-1.68	-0.75	2.9E-04
Fam32a	7381	-1.33	-0.41	2.3E-08	-1.27	-0.35	2.2E-06
Fam3a	992	-2.33	-1.22	2.6E-81	-2.37	-1.24	3.5E-84

Fam50a	3391	1.52	0.60	1.3E-10	1.38	0.47	9.0E-07
Fam53a	2076	1.27	0.35	7.3E-04	1.18	0.24	2.4E-02
Fam53c	6809	1.59	0.67	2.6E-19	1.39	0.47	3.7E-10
Fam76a	2920	1.43	0.51	6.3E-23	1.31	0.38	2.8E-13
Fam78a	234	1.99	0.99	1.1E-03	2.17	1.12	2.3E-04
Fam81a	711	1.30	0.38	2.2E-03	1.31	0.39	2.0E-03
Fam83g	141	4.13	2.05	7.6E-17	3.90	1.96	1.9E-15
Fam83h	667	1.60	0.68	1.9E-08	1.59	0.67	2.8E-08
Fam98b	7756	-1.32	-0.41	2.1E-03	-1.47	-0.56	1.7E-05
Fam98c	976	2.59	1.37	4.5E-43	2.47	1.31	5.2E-39
Fanca	3134	1.64	0.71	7.8E-06	1.63	0.71	9.9E-06
Fancc	1041	-1.99	-0.99	2.1E-24	-2.03	-1.02	1.2E-25
Fancd2	1668	-1.85	-0.89	3.7E-07	-1.79	-0.84	2.0E-06
Fance	1589	1.35	0.43	1.5E-07	1.27	0.34	4.0E-05
Fancg	1810	1.57	0.66	1.5E-26	1.43	0.51	1.4E-16
Fanci	1724	-1.33	-0.41	4.1E-02	-1.40	-0.48	1.4E-02
Fancl	966	-1.54	-0.62	1.6E-06	-1.59	-0.67	2.1E-07
Fancm	5418	2.10	1.07	7.9E-16	2.27	1.18	4.3E-19
Fank1	216	1.71	0.77	4.6E-08	2.03	1.02	3.6E-13
Fap	313	-3.11	-1.64	2.7E-03	-2.64	-1.40	1.2E-02
Far1	14928	1.24	0.31	1.8E-03	1.38	0.47	1.6E-06
Far2	180	-2.03	-1.02	2.3E-02	-2.09	-1.07	1.8E-02
Farp1	6684	-1.72	-0.78	5.0E-11	-1.72	-0.78	7.1E-11
Farp2	1216	2.44	1.29	1.7E-10	2.99	1.58	3.7E-15
Fars2	691	-1.61	-0.68	1.2E-15	-1.65	-0.73	1.4E-17
Fastk	3314	-1.28	-0.35	5.9E-07	-1.34	-0.43	1.3E-09
Fat2	174	-5.11	-2.35	4.0E-04	-4.15	-2.05	2.3E-03
Fat4	13221	-1.48	-0.56	1.0E-05	-1.32	-0.40	2.4E-03
Faxc	6099	-2.28	-1.19	4.8E-12	-2.08	-1.05	1.1E-09
Fbln7	142	-1.80	-0.84	5.9E-04	-2.16	-1.11	4.6E-06
Fbxl12	1954	1.29	0.37	8.4E-07	1.20	0.26	7.5E-04
Fbxl15	588	1.28	0.36	3.5E-04	1.20	0.26	1.2E-02
Fbxl17	2918	-1.41	-0.50	1.1E-05	-1.37	-0.45	7.3E-05
Fbxl19	11669	-1.45	-0.53	6.8E-05	-1.52	-0.60	6.1E-06
Fbxl21	373	3.18	1.67	2.4E-56	3.23	1.69	2.4E-57
Fbxl22	405	1.29	0.37	1.0E-02	1.26	0.33	2.2E-02
Fbxl3	4323	-1.77	-0.82	5.5E-43	-1.70	-0.77	2.2E-37
Fbxl6	2515	1.36	0.45	8.2E-08	1.24	0.31	3.5E-04
Fbxl7	1539	-2.08	-1.06	1.4E-17	-2.13	-1.09	1.3E-18
Fbxo10	3410	1.60	0.68	2.3E-24	1.47	0.56	1.1E-16
Fbxo11	13248	-1.37	-0.46	3.5E-04	-1.41	-0.49	1.1E-04
Fbxo2	214	3.52	1.81	1.3E-13	3.87	1.95	2.1E-15
Fbxo22	3710	-1.47	-0.55	3.5E-10	-1.56	-0.64	1.7E-13
Fbxo25	3316	1.33	0.41	1.3E-05	1.33	0.41	1.1E-05
Fbxo27	347	1.47	0.55	8.3E-05	1.39	0.48	8.8E-04
Fbxo31	2805	2.07	1.05	7.4E-16	1.94	0.96	2.2E-13
Fbxo33	1584	1.59	0.67	1.5E-17	1.51	0.59	6.6E-14

Fbxo36	343	3.19	1.67	3.1E-30	2.87	1.52	4.4E-25
Fbxo4	284	-1.59	-0.67	9.7E-12	-1.47	-0.56	1.6E-08
Fbxo42	4700	1.43	0.52	2.0E-09	1.39	0.48	4.0E-08
Fbxo46	1348	1.31	0.39	2.3E-04	1.28	0.35	9.7E-04
Fbxo7	624	-2.04	-1.03	1.5E-11	-2.18	-1.12	1.6E-13
Fbxo8	1641	1.32	0.40	3.2E-08	1.33	0.41	2.0E-08
Fbxw17	1384	-1.44	-0.52	1.7E-14	-1.43	-0.52	3.6E-14
Fbxw4	698	-1.86	-0.90	6.8E-22	-2.07	-1.05	1.3E-29
Fbxw7	5430	1.62	0.70	7.8E-20	1.59	0.67	3.6E-18
Fcgr3	267	-1.59	-0.66	7.3E-04	-1.55	-0.63	1.4E-03
Fcho1	4276	1.86	0.89	1.5E-07	1.70	0.77	7.5E-06
Fchsd1	2990	3.28	1.71	1.2E-54	3.24	1.70	1.4E-53
Fchsd2	5823	-1.31	-0.39	3.3E-03	-1.29	-0.36	6.2E-03
Fcrls	592	-1.55	-0.63	9.4E-05	-1.50	-0.59	2.9E-04
Fcsk	1452	1.39	0.48	3.2E-07	1.26	0.33	5.5E-04
Fdxacb1	471	-2.83	-1.50	1.9E-55	-3.04	-1.61	3.6E-63
Fdxr	1181	1.25	0.32	1.4E-02	1.26	0.33	1.1E-02
Fem1b	27041	1.31	0.39	2.7E-05	1.32	0.40	2.4E-05
Fermt1	105	-5.84	-2.55	4.8E-04	-5.28	-2.40	1.1E-03
Fes	460	-2.58	-1.37	2.7E-23	-2.77	-1.47	1.4E-26
Fez2	1807	1.40	0.48	1.6E-18	1.36	0.44	9.9E-16
Fezf2	1417	-1.73	-0.79	5.8E-03	-1.99	-1.00	4.1E-04
Fgd3	1058	-1.33	-0.41	1.0E-02	-1.43	-0.51	1.1E-03
Fgd4	4039	-2.39	-1.26	3.5E-15	-2.16	-1.11	4.8E-12
Fgd5	1667	-1.42	-0.50	2.1E-04	-1.38	-0.46	7.7E-04
Fgd6	3623	2.21	1.14	3.2E-34	2.39	1.26	4.2E-41
Fgf11	2991	2.83	1.50	2.1E-29	2.81	1.49	5.0E-29
Fgf15	1934	-1.55	-0.64	5.4E-04	-1.80	-0.85	2.5E-06
Fgf18	123	-2.31	-1.21	3.5E-05	-2.11	-1.08	2.5E-04
Fgf2	295	-2.94	-1.56	3.9E-15	-2.79	-1.48	1.1E-13
Fgf3	153	-1.90	-0.92	1.7E-02	-2.55	-1.35	3.6E-04
Fgfbp3	1992	-1.61	-0.68	6.1E-04	-1.74	-0.80	5.3E-05
Fgfr1op2	6435	1.26	0.33	5.9E-05	1.31	0.38	3.4E-06
Fgfr3	7687	-1.49	-0.57	4.4E-04	-1.69	-0.76	2.3E-06
Fgfrl1	1853	1.59	0.67	6.8E-05	1.47	0.55	1.1E-03
Fhdc1	667	1.32	0.40	2.6E-03	1.46	0.55	3.0E-05
Fhl2	217	-1.51	-0.59	2.1E-02	-1.74	-0.80	1.6E-03
Fhod1	1722	2.00	1.00	2.7E-09	1.74	0.80	2.7E-06
Fibin	898	-4.54	-2.18	3.6E-04	-3.82	-1.93	1.8E-03
Fig4	3204	2.15	1.10	4.9E-48	2.21	1.15	1.8E-51
Fitm2	1371	1.22	0.28	1.5E-07	1.25	0.33	1.1E-09
Fiz1	2808	-2.09	-1.06	9.1E-28	-2.25	-1.17	1.9E-33
Fjx1	2433	-1.32	-0.40	1.6E-03	-1.42	-0.51	5.1E-05
Fkbp11	289	1.65	0.73	7.9E-05	1.56	0.64	6.1E-04
Fkbp14	3396	2.54	1.34	2.1E-33	2.71	1.44	4.8E-38
Fkbp5	5988	1.62	0.69	2.1E-10	1.50	0.58	1.3E-07
Fkbp1	574	1.24	0.31	4.2E-03	1.28	0.36	9.7E-04

Fkrp	1757	-2.59	-1.38	4.4E-61	-2.66	-1.41	1.7E-64
Fktn	3633	-1.32	-0.40	2.5E-06	-1.29	-0.37	2.2E-05
Flad1	1338	-1.49	-0.57	6.5E-14	-1.53	-0.62	6.9E-16
Fli1	720	-2.11	-1.08	9.2E-08	-2.34	-1.22	1.0E-09
Flot1	2825	1.57	0.65	2.2E-12	1.42	0.51	6.3E-08
Flrt2	7693	-1.73	-0.79	2.6E-08	-1.52	-0.60	3.0E-05
Flvcr1	2493	1.91	0.94	2.4E-29	1.76	0.82	1.7E-22
Flvcr2	242	1.53	0.61	6.7E-05	1.37	0.45	3.9E-03
Fmc1	463	-1.39	-0.48	4.4E-03	-1.39	-0.47	5.1E-03
Fmn1	217	-2.81	-1.49	7.2E-04	-2.01	-1.01	2.7E-02
Fmo1	1524	-2.21	-1.15	1.8E-05	-2.37	-1.24	3.1E-06
Fn3k	279	1.68	0.75	2.1E-14	1.71	0.78	2.9E-15
Fn3krp	1919	1.83	0.87	9.1E-37	1.73	0.79	1.4E-30
Fnbp1l	43753	-1.68	-0.75	6.0E-06	-1.60	-0.68	5.4E-05
Fndc3b	3394	-1.38	-0.46	2.6E-03	-1.25	-0.33	4.1E-02
Fndc4	3380	-1.30	-0.38	7.1E-09	-1.37	-0.45	2.9E-12
Fnip1	5694	1.57	0.65	6.2E-11	1.69	0.76	1.2E-14
Fnip2	4024	1.38	0.47	3.1E-05	1.41	0.49	1.1E-05
Fntb	1654	-1.75	-0.81	2.8E-25	-1.82	-0.86	1.9E-28
Focad	2776	1.50	0.59	2.5E-11	1.55	0.63	7.3E-13
Folr1	192	-1.60	-0.68	1.6E-02	-1.70	-0.76	6.8E-03
Fos	108	1.92	0.94	1.0E-03	2.49	1.32	3.2E-06
Foxa1	549	-1.47	-0.55	2.2E-02	-1.75	-0.81	5.7E-04
Foxc1	1824	-1.79	-0.84	6.9E-04	-2.13	-1.09	7.9E-06
Foxf2	516	-1.34	-0.42	8.5E-03	-1.35	-0.43	7.6E-03
Foxj1	1534	1.24	0.31	4.0E-02	1.30	0.38	1.1E-02
Foxj2	1949	1.29	0.36	8.3E-03	1.26	0.34	1.5E-02
Foxk1	6300	1.42	0.51	2.6E-04	1.33	0.41	3.6E-03
Foxl2	300	-1.93	-0.95	6.5E-03	-2.40	-1.26	2.5E-04
Foxm1	5223	-1.42	-0.50	4.9E-03	-1.62	-0.69	8.1E-05
Foxo1	2595	1.84	0.88	2.8E-13	1.80	0.85	1.8E-12
Foxo3	4755	1.66	0.74	1.9E-11	1.70	0.77	2.6E-12
Foxo4	3776	1.37	0.45	1.8E-05	1.36	0.44	3.1E-05
Foxo6	990	1.56	0.64	1.2E-02	1.50	0.59	2.3E-02
Foxp2	6899	-1.49	-0.58	2.2E-08	-1.58	-0.66	1.6E-10
Foxq1	238	-1.28	-0.35	2.2E-02	-1.40	-0.49	1.2E-03
Fpgt	1526	-1.27	-0.35	4.3E-04	-1.17	-0.23	2.5E-02
Frat1	1231	1.85	0.89	2.6E-09	1.57	0.65	1.8E-05
Frat2	1496	1.65	0.73	9.8E-08	1.49	0.57	3.2E-05
Frg2f1	271	-1.33	-0.41	2.7E-02	-1.35	-0.44	2.0E-02
Frk	338	-3.44	-1.78	2.6E-06	-3.42	-1.77	3.2E-06
Frmd3	746	-2.44	-1.29	1.1E-05	-2.05	-1.04	5.0E-04
Frmd4a	12232	-2.17	-1.12	1.5E-26	-2.10	-1.07	2.1E-24
Frmd4b	5483	-1.30	-0.38	3.1E-09	-1.30	-0.38	4.9E-09
Frmd8	2840	1.94	0.96	7.5E-18	1.90	0.92	1.0E-16
Frmpd1	237	-1.38	-0.47	1.4E-02	-1.35	-0.43	2.5E-02
Frrs1	547	-1.68	-0.75	1.6E-07	-1.75	-0.81	1.4E-08

Fryl	10889	1.65	0.73	2.4E-09	1.74	0.80	4.0E-11
Fsbp	229	-1.98	-0.99	1.0E-08	-2.01	-1.00	6.7E-09
Fsd1	2961	1.42	0.50	1.8E-04	1.36	0.44	1.1E-03
Fst	1006	-1.41	-0.49	2.3E-02	-1.83	-0.87	3.1E-05
Fstl3	146	3.32	1.73	1.3E-09	2.98	1.58	4.5E-08
Ftsj1	2682	1.47	0.56	4.7E-19	1.42	0.51	8.5E-16
Ftsj3	8106	1.50	0.58	1.9E-08	1.42	0.50	1.7E-06
Fubp1	40486	-1.33	-0.41	7.9E-08	-1.27	-0.34	7.3E-06
Fuca1	2707	1.96	0.97	5.8E-98	1.80	0.85	7.0E-75
Fundc1	2603	-1.71	-0.77	1.1E-19	-1.63	-0.70	2.4E-16
Fundc2	3228	-1.31	-0.39	1.1E-06	-1.31	-0.39	1.6E-06
Fus	58452	-1.32	-0.40	6.0E-03	-1.49	-0.58	5.2E-05
Fut10	3079	2.19	1.13	1.4E-16	2.16	1.11	3.9E-16
Fut4	139	-1.42	-0.50	2.4E-02	-1.51	-0.59	8.1E-03
Fuz	1216	-1.23	-0.30	5.2E-03	-1.32	-0.40	1.4E-04
Fv1	1634	2.05	1.04	1.8E-51	2.05	1.04	3.0E-51
Fxn	615	-1.96	-0.97	1.2E-17	-2.04	-1.03	1.4E-19
Fyb	173	-2.30	-1.20	1.2E-08	-2.25	-1.17	3.3E-08
Fyco1	2757	1.46	0.55	6.1E-07	1.51	0.59	6.2E-08
Fyttd1	12474	1.30	0.38	1.9E-06	1.35	0.43	5.6E-08
Fzd5	608	2.35	1.24	1.0E-10	1.80	0.85	1.3E-05
G0s2	110	-2.25	-1.17	1.6E-06	-2.30	-1.20	7.9E-07
Gaa	4614	1.31	0.39	1.1E-02	1.32	0.41	8.5E-03
Gab3	120	2.53	1.34	5.1E-17	2.09	1.07	1.9E-11
Gabarapl1	8427	1.45	0.53	2.4E-12	1.40	0.49	1.9E-10
Gabarapl2	6142	1.32	0.40	7.4E-06	1.32	0.40	5.2E-06
Gabbr2	570	-2.47	-1.30	7.9E-03	-2.25	-1.17	1.9E-02
Gabpa	6018	-1.47	-0.56	1.2E-15	-1.48	-0.57	5.0E-16
Gabpb1	3868	-1.53	-0.62	1.9E-09	-1.69	-0.76	6.4E-14
Gabpb2	5710	-2.39	-1.26	9.2E-30	-2.20	-1.14	1.6E-24
Gabra1	591	-1.75	-0.81	2.6E-03	-1.68	-0.75	5.9E-03
Gabra2	1504	-1.66	-0.73	1.8E-02	-1.77	-0.83	7.2E-03
Gabra4	739	2.46	1.30	3.0E-08	2.63	1.39	2.6E-09
Gabre	736	2.44	1.29	1.4E-36	2.45	1.29	7.5E-37
Gabrg1	541	3.41	1.77	5.3E-16	3.10	1.63	7.7E-14
Gabrg2	3554	-2.47	-1.30	5.0E-07	-2.25	-1.17	7.1E-06
Gabrq	1039	3.52	1.81	1.1E-36	3.63	1.86	1.9E-38
Gad1	3462	-2.50	-1.32	1.0E-04	-2.54	-1.35	7.7E-05
Gad2	5532	-3.18	-1.67	2.9E-08	-3.38	-1.76	4.9E-09
Gadd45gip1	1310	-1.72	-0.78	2.2E-16	-1.74	-0.80	4.7E-17
Gal3st3	791	-1.33	-0.41	8.2E-03	-1.47	-0.56	2.5E-04
Galc	2296	-1.30	-0.38	1.1E-07	-1.32	-0.40	2.5E-08
Gale	1183	1.89	0.92	1.8E-20	1.73	0.79	1.6E-15
Galns	568	1.50	0.59	3.9E-04	1.44	0.53	1.7E-03
Galnt1	7835	-1.43	-0.52	1.3E-08	-1.43	-0.52	1.1E-08
Galnt10	4324	1.96	0.97	2.5E-16	1.91	0.93	4.3E-15
Galnt12	352	2.15	1.10	3.3E-06	1.85	0.89	2.4E-04



Galnt14	565	-2.75	-1.46	7.3E-21	-2.53	-1.34	1.2E-17
Galnt5	124	-3.70	-1.89	2.6E-03	-3.74	-1.90	2.6E-03
Galnt7	2010	-1.47	-0.56	1.3E-10	-1.45	-0.53	7.3E-10
Gamt	468	1.43	0.52	5.3E-03	1.42	0.50	7.4E-03
Gan	3930	1.39	0.47	5.0E-05	1.40	0.48	3.5E-05
Garem1	2204	1.92	0.94	1.6E-12	2.20	1.14	1.2E-17
Garnl3	2398	1.85	0.89	2.1E-10	2.05	1.04	7.2E-14
Gart	10721	1.96	0.97	9.5E-18	1.77	0.82	4.6E-13
Gas1	5642	-1.78	-0.83	7.0E-06	-1.92	-0.94	3.1E-07
Gas2	1719	-1.55	-0.63	2.7E-04	-1.45	-0.54	2.1E-03
Gas2l1	2396	2.68	1.42	1.2E-27	2.51	1.33	3.1E-24
Gas2l3	2510	1.30	0.38	2.3E-04	1.32	0.40	7.5E-05
Gas6	1399	1.51	0.59	8.8E-05	1.41	0.50	1.2E-03
Gas7	1662	-1.64	-0.71	6.9E-03	-1.67	-0.74	4.8E-03
Gas8	3924	1.49	0.58	2.1E-10	1.40	0.49	1.1E-07
Gask1b	385	-3.66	-1.87	9.1E-10	-3.38	-1.76	1.0E-08
Gata2	1069	-1.56	-0.64	5.1E-03	-1.74	-0.80	4.6E-04
Gatad2a	7326	1.45	0.54	2.5E-07	1.32	0.40	1.6E-04
Gatb	739	-1.90	-0.92	1.5E-20	-1.78	-0.83	5.3E-17
Gatd1	1870	-1.44	-0.53	1.2E-13	-1.59	-0.67	2.1E-21
Gba	2522	1.47	0.55	4.2E-14	1.46	0.55	8.1E-14
Gba2	6864	1.51	0.59	2.2E-13	1.45	0.53	5.0E-11
Gbe1	851	-1.62	-0.70	4.7E-07	-1.67	-0.74	7.3E-08
Gbp7	141	-2.29	-1.20	2.9E-12	-2.25	-1.17	9.1E-12
Gbp9	205	-2.37	-1.24	2.7E-08	-2.59	-1.37	6.4E-10
Gbx1	311	-2.29	-1.20	3.5E-03	-2.39	-1.26	2.2E-03
Gca	1493	3.99	2.00	2.3E-40	3.93	1.97	1.9E-39
Gcat	161	2.19	1.13	2.0E-07	2.25	1.17	8.8E-08
Gcdh	3383	2.08	1.06	7.6E-69	1.95	0.96	3.5E-57
Gch1	460	5.58	2.48	7.6E-65	5.25	2.39	1.8E-60
Gck	180	-1.50	-0.59	1.3E-03	-1.80	-0.85	2.0E-06
Gclc	5236	1.89	0.92	7.7E-41	1.93	0.95	2.0E-43
Gcsh	4319	1.49	0.57	1.6E-06	1.41	0.50	4.2E-05
Gdap2	2521	1.47	0.56	2.0E-10	1.48	0.56	1.5E-10
Gde1	4093	1.41	0.49	6.3E-10	1.42	0.51	1.9E-10
Gdf10	847	-2.94	-1.56	1.1E-04	-2.43	-1.28	1.7E-03
Gdf11	5930	1.88	0.91	2.4E-15	1.64	0.72	7.1E-10
Gdf5	103	-3.07	-1.62	8.0E-12	-2.66	-1.41	3.7E-09
Gdpd1	4982	-1.60	-0.67	1.5E-05	-1.58	-0.66	2.7E-05
Gdpd2	998	-1.39	-0.48	5.4E-03	-1.43	-0.52	2.6E-03
Gdpd5	3727	1.47	0.55	2.2E-04	1.41	0.50	1.0E-03
Gdpgp1	755	2.34	1.22	7.5E-40	2.27	1.18	5.4E-37
Gem	273	1.98	0.98	3.5E-16	1.90	0.92	2.2E-14
Gemin5	6237	1.82	0.86	1.5E-23	1.83	0.87	6.5E-24
Gemin6	770	-1.37	-0.46	1.4E-03	-1.39	-0.48	8.7E-04
Get4	2170	-1.25	-0.32	2.9E-04	-1.31	-0.38	1.4E-05
Gfer	1341	-1.40	-0.49	7.1E-11	-1.45	-0.53	9.2E-13

Gfod1	1416	1.47	0.56	9.5E-03	1.54	0.62	3.8E-03
Gfpt2	1177	1.67	0.74	1.2E-07	1.78	0.83	2.5E-09
Gfra1	3622	-1.55	-0.63	2.1E-04	-1.28	-0.36	4.4E-02
Gfra4	183	-2.28	-1.19	5.0E-06	-2.08	-1.05	6.2E-05
Gga1	3531	-1.46	-0.54	6.5E-05	-1.56	-0.64	1.8E-06
Gga2	8276	1.33	0.41	3.9E-09	1.25	0.32	5.8E-06
Ggact	204	-1.29	-0.36	9.5E-03	-1.27	-0.34	1.7E-02
Ggct	639	1.83	0.87	4.2E-37	1.96	0.97	1.9E-45
Ggcx	132	2.65	1.41	6.9E-05	-1.68	-0.75	4.4E-02
Ggn	146	2.21	1.14	1.2E-18	2.04	1.03	1.9E-15
Ggt5	149	-1.64	-0.71	1.5E-04	-2.05	-1.04	1.6E-08
Ggta1	834	-1.34	-0.42	1.3E-02	-1.35	-0.43	1.0E-02
Ghdc	476	1.40	0.49	1.6E-02	1.34	0.42	4.2E-02
Ghr	1697	-1.85	-0.88	9.4E-04	-1.60	-0.68	1.4E-02
Gid4	5221	1.66	0.73	3.4E-16	1.59	0.67	9.9E-14
Gimap4	212	-2.02	-1.01	3.3E-11	-2.00	-1.00	5.6E-11
Gimap6	412	-1.64	-0.71	1.5E-05	-1.36	-0.44	9.9E-03
Gimap8	132	-2.59	-1.37	2.0E-19	-2.54	-1.35	1.6E-18
Gin1	729	-1.71	-0.78	1.1E-17	-1.60	-0.67	1.2E-13
Gins1	1687	-1.49	-0.58	9.9E-04	-1.63	-0.70	5.1E-05
Gins2	2081	1.55	0.63	4.5E-04	1.39	0.48	9.5E-03
Gins3	1696	1.68	0.75	2.4E-07	1.63	0.70	1.4E-06
Gins4	2733	1.39	0.48	4.0E-04	1.29	0.37	8.4E-03
Gipc1	4619	1.42	0.51	2.3E-06	1.28	0.36	9.8E-04
Gipc2	110	1.63	0.70	3.4E-05	1.76	0.81	1.4E-06
Gipr	596	2.14	1.10	1.2E-07	2.07	1.05	3.9E-07
Git1	8435	1.65	0.72	1.2E-09	1.55	0.63	1.5E-07
Git2	4258	1.31	0.39	2.4E-10	1.36	0.44	8.0E-13
Gja1	9093	-2.66	-1.41	7.9E-22	-2.96	-1.57	1.3E-26
Gja4	397	-1.39	-0.47	3.6E-04	-1.50	-0.59	7.4E-06
Gja5	313	-3.74	-1.90	5.9E-11	-3.94	-1.98	9.2E-12
Gjb6	465	-5.42	-2.44	4.9E-20	-5.69	-2.51	5.1E-21
Gjc1	5342	-1.22	-0.29	4.4E-02	-1.33	-0.41	2.9E-03
Gjd2	871	-1.98	-0.98	2.2E-04	-1.93	-0.95	3.8E-04
Gk	1714	2.06	1.04	6.2E-32	2.06	1.05	4.3E-32
Gk5	932	1.74	0.80	1.9E-06	2.11	1.08	9.5E-11
Gkap1	2822	1.43	0.51	9.3E-09	1.36	0.44	9.4E-07
Gla	1237	2.24	1.17	1.5E-33	2.08	1.05	1.8E-27
Glb1l	1778	-1.33	-0.42	2.4E-07	-1.32	-0.40	7.8E-07
Glb1l2	428	1.34	0.42	1.3E-03	1.27	0.34	1.1E-02
Glce	4012	1.43	0.51	1.4E-04	1.57	0.65	1.1E-06
Gli2	2735	-1.79	-0.84	1.0E-07	-1.89	-0.92	5.9E-09
Gli3	7586	-1.36	-0.44	6.1E-03	-1.44	-0.53	9.1E-04
Glis3	662	-1.49	-0.57	6.5E-04	-1.44	-0.52	2.0E-03
GImp	2725	1.48	0.57	1.1E-07	1.44	0.53	8.9E-07
Glrx	1131	1.88	0.91	4.3E-22	2.01	1.01	1.5E-26
Glrx5	3014	1.77	0.82	1.4E-14	1.60	0.68	3.5E-10

Gls2	319	4.06	2.02	2.3E-62	4.84	2.28	4.0E-75
Glt1d1	409	-2.54	-1.34	8.5E-15	-2.94	-1.56	2.3E-19
Glt8d1	4240	-1.42	-0.50	2.8E-21	-1.44	-0.53	2.5E-23
Glt8d2	236	-3.39	-1.76	2.4E-06	-2.98	-1.57	2.9E-05
Glyctk	135	-2.01	-1.01	4.5E-06	-2.18	-1.12	3.5E-07
Gm10037	225	-1.41	-0.49	8.4E-03	-1.39	-0.48	1.2E-02
Gm10226	301	1.28	0.36	6.1E-03	1.30	0.38	3.8E-03
Gm10406	198	-3.41	-1.77	1.8E-22	-4.09	-2.03	2.2E-28
Gm1141	166	2.05	1.03	8.4E-11	1.97	0.98	6.1E-10
Gm11627	194	-2.44	-1.29	3.0E-09	-2.58	-1.37	3.2E-10
Gm12184	863	-1.91	-0.93	2.9E-11	-2.11	-1.08	1.2E-14
Gm13199	201	3.05	1.61	1.1E-16	2.56	1.36	2.6E-12
Gm13889	360	-1.49	-0.57	4.6E-02	-1.64	-0.71	1.2E-02
Gm14403	283	1.42	0.50	5.0E-03	1.70	0.77	1.3E-05
Gm14443	290	1.45	0.53	3.1E-05	1.52	0.60	2.4E-06
Gm14698	269	1.28	0.35	3.7E-02	1.31	0.39	2.0E-02
Gm15446	2257	1.25	0.33	4.2E-03	1.36	0.44	8.4E-05
Gm17655	130	1.46	0.55	5.5E-04	1.44	0.53	8.3E-04
Gm19426	193	-2.31	-1.21	3.1E-12	-2.52	-1.33	2.0E-14
Gm20075	1385	-1.74	-0.80	2.5E-09	-1.76	-0.82	8.2E-10
Gm2115	108	-2.38	-1.25	8.6E-08	-2.52	-1.33	1.0E-08
Gm21992	810	2.55	1.35	5.5E-08	2.18	1.12	7.5E-06
Gm2237	528	-1.70	-0.77	1.8E-10	-1.73	-0.79	6.3E-11
Gm2897	350	-1.55	-0.63	5.9E-05	-1.50	-0.59	2.3E-04
Gm29695	1260	-3.27	-1.71	1.4E-22	-3.49	-1.80	5.6E-25
Gm2974	142	-3.33	-1.74	2.1E-08	-3.31	-1.73	2.2E-08
Gm2a	1586	1.89	0.92	4.4E-28	1.92	0.94	3.2E-29
Gm3055	181	-1.65	-0.72	1.4E-06	-1.52	-0.60	7.9E-05
Gm3252	108	-3.00	-1.59	4.3E-09	-3.33	-1.74	1.4E-10
Gm32687	231	-2.16	-1.11	3.1E-15	-2.18	-1.13	2.3E-15
Gm3468	248	-2.62	-1.39	6.3E-18	-2.47	-1.30	8.6E-16
Gm35339	1143	1.34	0.42	1.7E-02	1.36	0.45	1.2E-02
Gm3636	685	-1.64	-0.71	2.8E-12	-1.71	-0.78	2.1E-14
Gm3667	153	-3.80	-1.93	2.8E-16	-3.58	-1.84	9.5E-15
Gm3696	169	-3.32	-1.73	9.1E-26	-3.10	-1.63	7.4E-23
Gm3739	365	-1.70	-0.77	3.1E-09	-1.67	-0.74	1.2E-08
Gm3752	139	-2.99	-1.58	1.1E-08	-3.93	-1.97	6.6E-13
Gm3854	398	-2.85	-1.51	9.7E-29	-2.65	-1.41	2.6E-25
Gm42372	3027	2.41	1.27	4.9E-34	2.40	1.26	1.0E-33
Gm42688	115	1.55	0.63	2.9E-04	1.63	0.71	5.1E-05
Gm42715	288	-2.72	-1.44	3.8E-07	-3.55	-1.83	8.3E-11
Gm45902	1531	1.21	0.27	3.1E-03	1.31	0.39	2.1E-05
Gm4924	793	-2.05	-1.03	8.3E-16	-2.03	-1.02	1.6E-15
Gm49322	172	-1.49	-0.58	2.5E-03	-1.68	-0.75	6.3E-05
Gm49336	7744	1.34	0.42	4.1E-06	1.36	0.44	1.1E-06
Gm49396	191	-2.29	-1.19	9.4E-14	-2.51	-1.33	1.4E-16
Gm50387	243	1.54	0.62	2.1E-05	1.45	0.54	2.4E-04

Gm5148	214	1.38	0.47	2.6E-02	1.49	0.58	5.2E-03
Gm6169	103	-1.57	-0.65	1.6E-03	-1.74	-0.80	8.9E-05
Gm7072	2178	-1.27	-0.35	1.5E-05	-1.20	-0.26	1.6E-03
Gm7694	1043	1.48	0.57	2.2E-05	1.30	0.38	5.8E-03
Gm8113	439	-1.77	-0.83	4.1E-08	-1.39	-0.48	2.4E-03
Gm8251	473	4.56	2.19	3.6E-16	6.85	2.78	3.6E-25
Gm8281	342	-2.96	-1.56	3.2E-23	-2.69	-1.43	1.4E-19
Gm8773	153	-1.91	-0.93	8.4E-15	-1.77	-0.83	7.8E-12
Gm960	252	3.27	1.71	2.1E-12	3.13	1.65	1.4E-11
Gm973	140	-2.27	-1.18	5.4E-08	-1.72	-0.78	4.1E-04
Gm9833	2800	-1.48	-0.57	2.4E-08	-1.43	-0.51	5.7E-07
Gmeb1	3965	-1.74	-0.80	5.1E-33	-1.80	-0.85	5.8E-37
Gmeb2	2345	-2.62	-1.39	1.7E-34	-2.80	-1.48	2.9E-39
Gmfg	119	-1.36	-0.45	2.2E-02	-1.34	-0.42	3.3E-02
Gmnc	454	-5.89	-2.56	6.1E-21	-6.17	-2.62	5.6E-22
Gmppb	1101	1.48	0.57	1.9E-08	1.51	0.60	3.3E-09
Gmpr	738	2.05	1.04	1.2E-19	2.01	1.00	2.0E-18
Gmpr2	2079	-1.55	-0.63	1.2E-15	-1.55	-0.63	1.9E-15
Gna11	6584	1.62	0.70	1.0E-16	1.47	0.56	3.9E-11
Gna12	7711	1.25	0.32	8.8E-04	1.17	0.22	2.8E-02
Gnai1	4191	1.42	0.50	4.4E-03	1.43	0.51	3.8E-03
Gnai2	27733	1.59	0.67	1.2E-07	1.42	0.50	9.8E-05
Gnai3	20244	1.24	0.31	1.6E-03	1.27	0.34	4.6E-04
Gnaq	15834	-1.32	-0.40	4.5E-03	-1.38	-0.46	1.1E-03
Gnaz	1957	1.67	0.74	1.4E-06	1.64	0.71	3.2E-06
Gnb1l	483	1.57	0.65	2.1E-15	1.60	0.68	1.3E-16
Gnb2	12033	-1.18	-0.24	2.2E-02	-1.26	-0.33	1.2E-03
Gnb4	3977	1.21	0.27	2.8E-02	1.32	0.40	1.1E-03
Gnb5	2854	2.17	1.12	1.5E-102	2.09	1.07	2.3E-93
Gne	1958	1.21	0.27	4.3E-03	1.29	0.36	9.5E-05
Gng11	698	-1.75	-0.80	1.1E-12	-1.84	-0.88	5.4E-15
Gng12	3927	1.73	0.79	6.0E-11	1.76	0.82	1.5E-11
Gng2	25537	-1.38	-0.47	5.3E-03	-1.38	-0.46	6.3E-03
Gng4	880	1.56	0.64	4.9E-02	1.66	0.74	2.2E-02
Gng7	1266	1.64	0.71	3.6E-10	1.64	0.71	3.2E-10
Gnl1	5018	1.61	0.68	7.8E-08	1.45	0.54	3.1E-05
Gnmt	141	4.21	2.07	7.8E-35	4.20	2.07	3.1E-34
Gnptab	4426	1.25	0.32	3.1E-03	1.29	0.37	6.9E-04
Gnrh1	223	2.28	1.19	1.3E-13	2.09	1.07	3.5E-11
Gns	7927	1.66	0.73	1.2E-17	1.62	0.70	4.2E-16
Golga1	4085	-1.53	-0.62	4.5E-16	-1.45	-0.54	2.2E-12
Golgb1	13900	1.52	0.60	2.2E-04	1.80	0.85	1.1E-07
Golm2	8324	1.42	0.51	2.5E-08	1.35	0.43	3.1E-06
Golph3l	3575	1.31	0.39	1.2E-05	1.41	0.50	2.5E-08
Gosr1	2574	-1.57	-0.65	7.1E-28	-1.66	-0.73	3.5E-34
Got1	4602	2.17	1.12	1.3E-48	2.01	1.00	1.7E-39
Gpaa1	3100	1.31	0.39	2.1E-05	1.28	0.36	1.0E-04

Gpam	5132	1.37	0.45	2.1E-14	1.40	0.48	3.9E-16
Gpank1	1132	1.40	0.49	2.6E-06	1.29	0.37	5.6E-04
Gpat4	12130	1.28	0.36	1.3E-15	1.22	0.28	4.7E-10
Gpatch3	462	-1.23	-0.30	1.6E-02	-1.39	-0.48	6.7E-05
Gpc1	11787	-1.31	-0.39	3.3E-03	-1.47	-0.56	1.5E-05
Gpcpd1	5896	-1.55	-0.63	1.3E-09	-1.47	-0.55	1.5E-07
Gpd1l	3737	1.89	0.91	1.0E-31	1.88	0.91	1.2E-31
Gper1	147	-1.95	-0.97	2.4E-04	-2.02	-1.02	1.1E-04
Gpkow	5534	1.29	0.37	2.7E-12	1.32	0.40	2.9E-14
Gpn2	827	1.26	0.34	3.1E-03	1.18	0.24	4.2E-02
Gpn3	1664	1.25	0.32	5.1E-04	1.18	0.24	8.9E-03
Gpr135	446	1.62	0.69	7.2E-07	1.74	0.80	9.0E-09
Gpr137c	3083	1.35	0.43	1.6E-04	1.29	0.37	1.5E-03
Gpr153	1775	-1.27	-0.34	3.6E-02	-1.37	-0.46	4.8E-03
Gpr155	1773	2.54	1.35	2.4E-23	2.85	1.51	5.2E-29
Gpr157	312	2.70	1.43	1.1E-13	2.56	1.35	2.7E-12
Gpr161	7389	-1.59	-0.67	3.4E-05	-1.61	-0.69	1.9E-05
Gpr162	3077	-1.63	-0.70	6.0E-03	-1.68	-0.75	3.5E-03
Gpr165	242	-1.59	-0.67	1.2E-02	-1.49	-0.57	3.5E-02
Gpr17	126	-7.49	-2.90	4.6E-21	-6.79	-2.76	4.2E-19
Gpr180	1468	1.40	0.49	5.6E-09	1.38	0.46	3.8E-08
Gpr21	504	-4.20	-2.07	6.5E-12	-4.37	-2.13	1.8E-12
Gpr27	1524	-1.63	-0.71	1.1E-02	-1.56	-0.64	2.3E-02
Gpr3	118	8.60	3.10	1.4E-40	12.12	3.60	3.2E-50
Gpr35	178	3.29	1.72	1.0E-14	2.91	1.54	3.8E-12
Gpr4	302	3.41	1.77	7.1E-31	3.56	1.83	8.0E-33
Gpr45	762	-1.90	-0.93	3.8E-12	-1.78	-0.83	5.2E-10
Gpr50	342	2.18	1.12	1.7E-05	1.56	0.64	1.9E-02
Gpr88	221	-2.28	-1.19	3.7E-03	-2.10	-1.07	9.6E-03
Gprc5a	115	1.85	0.89	3.1E-03	1.75	0.81	7.8E-03
Gprin2	3251	1.58	0.66	1.9E-03	1.67	0.74	4.2E-04
Gpsm1	8087	-1.40	-0.49	1.5E-04	-1.48	-0.57	7.8E-06
Gpt	1344	1.71	0.78	1.5E-07	1.64	0.71	2.0E-06
Gpt2	4155	1.87	0.91	3.4E-42	1.80	0.84	1.0E-36
Gpx7	796	-2.06	-1.04	1.7E-05	-2.19	-1.13	2.8E-06
Gramd1a	13884	-1.45	-0.54	2.0E-05	-1.46	-0.54	1.8E-05
Gramd1c	308	-1.75	-0.81	2.0E-06	-1.71	-0.77	6.8E-06
Gramd2	314	2.60	1.38	1.8E-05	2.76	1.47	4.8E-06
Gramd3	1346	1.66	0.73	2.8E-05	1.69	0.76	1.4E-05
Gramd4	4172	-1.25	-0.32	1.7E-02	-1.29	-0.37	5.3E-03
Grap2	239	-2.41	-1.27	2.8E-03	-2.39	-1.25	3.3E-03
Grb10	45862	-1.51	-0.59	5.4E-03	-1.49	-0.58	6.7E-03
Grb14	635	1.47	0.55	2.9E-03	1.68	0.75	4.1E-05
Grb2	9573	1.44	0.53	5.9E-08	1.37	0.46	3.4E-06
Grcc10	360	-1.82	-0.86	1.6E-13	-1.80	-0.85	3.3E-13
Grem2	471	-2.21	-1.14	6.5E-04	-1.76	-0.81	1.9E-02
Grhl1	214	1.92	0.94	2.5E-03	1.97	0.98	1.7E-03

Grhpr	879	1.38	0.46	3.4E-03	1.30	0.38	1.7E-02
Grid2ip	169	2.70	1.43	6.3E-24	3.40	1.76	1.4E-34
Grik4	520	-1.44	-0.53	1.2E-03	-1.38	-0.47	4.7E-03
Grik5	7313	-1.31	-0.39	2.2E-02	-1.40	-0.49	3.6E-03
Grin2a	270	-2.28	-1.19	1.5E-08	-2.27	-1.18	2.0E-08
Grk1	127	6.57	2.72	2.6E-52	7.74	2.95	6.3E-57
Grk2	4821	-1.39	-0.48	4.8E-06	-1.50	-0.58	1.5E-08
Grk5	2884	1.76	0.81	2.1E-52	1.79	0.84	9.1E-56
Grk6	6916	1.34	0.42	3.6E-04	1.25	0.32	7.9E-03
Grm2	321	-1.39	-0.47	2.8E-02	-1.49	-0.57	7.1E-03
Grm3	394	-1.84	-0.88	2.7E-03	-1.59	-0.67	2.7E-02
Grn	4795	1.71	0.77	8.7E-09	1.61	0.69	3.9E-07
Grpel1	3863	1.42	0.51	1.0E-05	1.39	0.48	3.6E-05
Grtp1	1292	2.34	1.22	6.8E-57	2.28	1.19	8.5E-54
Gsap	411	-2.09	-1.07	1.1E-05	-1.84	-0.88	3.5E-04
Gsdmd	232	-2.82	-1.49	1.4E-23	-2.57	-1.36	1.3E-19
Gsdme	636	-2.27	-1.19	1.8E-24	-2.23	-1.16	2.1E-23
Gse1	7420	-1.26	-0.34	4.5E-02	-1.36	-0.44	7.4E-03
Gspt2	1761	1.39	0.47	2.3E-07	1.36	0.44	1.6E-06
Gsr	1705	-1.55	-0.63	5.0E-08	-1.64	-0.71	7.0E-10
Gsta4	2086	2.41	1.27	1.7E-10	2.19	1.13	1.4E-08
Gstk1	486	1.46	0.54	9.9E-05	1.61	0.69	5.3E-07
Gsto1	1957	1.60	0.68	4.5E-21	1.57	0.65	4.3E-19
Gstt1	316	1.80	0.84	5.0E-06	1.62	0.70	1.9E-04
Gstt2	285	1.88	0.91	1.8E-08	1.62	0.70	2.1E-05
Gstt3	130	2.88	1.53	1.2E-03	2.60	1.38	3.7E-03
Gstz1	2191	-1.43	-0.52	3.4E-13	-1.39	-0.48	2.6E-11
Gsx1	239	-2.00	-1.00	7.3E-04	-2.44	-1.29	1.0E-05
Gtf2a1	4806	-1.42	-0.51	1.0E-03	-1.64	-0.71	2.7E-06
Gtf2e2	5060	1.57	0.65	1.3E-17	1.58	0.66	5.0E-18
Gtf2f2	2453	1.52	0.61	1.9E-09	1.54	0.63	5.5E-10
Gtf2h1	4471	1.24	0.31	6.4E-04	1.25	0.32	4.0E-04
Gtf2h2	2883	-1.28	-0.36	1.4E-05	-1.30	-0.38	4.2E-06
Gtf2i	23958	-2.36	-1.24	1.2E-34	-2.54	-1.35	8.0E-41
Gtf2ird1	4286	-1.54	-0.62	5.8E-18	-1.67	-0.74	1.1E-24
Gtf2ird2	1253	-2.52	-1.33	7.4E-30	-2.63	-1.40	1.1E-32
Gtf3c3	3562	-1.90	-0.93	1.3E-31	-1.85	-0.89	4.4E-29
Gtf3c4	12558	1.31	0.39	7.5E-07	1.37	0.46	5.2E-09
Gtf3c5	3162	-2.05	-1.03	2.9E-32	-2.17	-1.12	2.4E-37
Gtf3c6	3797	-2.77	-1.47	7.5E-40	-2.96	-1.57	2.8E-45
Gtpbp1	6758	1.33	0.41	2.1E-09	1.22	0.29	3.2E-05
Gtpbp10	2227	-1.28	-0.36	8.1E-04	-1.30	-0.38	3.6E-04
Gtpbp3	2274	2.13	1.09	1.1E-20	1.92	0.94	1.2E-15
Gtpbp8	2089	-1.39	-0.48	1.3E-07	-1.36	-0.45	7.8E-07
Gucy1b1	2626	2.27	1.18	5.9E-13	2.44	1.28	4.3E-15
Gucy1b2	147	-2.85	-1.51	1.0E-07	-2.64	-1.40	1.0E-06
Guf1	7414	-1.39	-0.47	1.2E-09	-1.27	-0.34	1.5E-05



Gulp1	2021	-1.45	-0.53	1.4E-02	-1.46	-0.55	1.2E-02
Gusb	1547	-1.38	-0.46	7.6E-04	-1.43	-0.52	1.5E-04
Gxylt1	7302	1.48	0.57	2.0E-07	1.55	0.63	8.2E-09
Gypc	922	-2.16	-1.11	8.9E-08	-2.21	-1.14	3.7E-08
Gzf1	4642	1.56	0.64	4.8E-14	1.56	0.64	8.2E-14
Gzmm	159	2.08	1.06	2.3E-13	1.99	1.00	5.4E-12
H1f0	57016	3.20	1.68	1.7E-28	2.83	1.50	5.8E-23
H1f10	4974	1.70	0.77	2.0E-05	1.45	0.53	3.9E-03
H1f2	993	3.77	1.91	2.1E-31	4.02	2.01	2.3E-34
H2-Ab1	245	17.04	4.09	1.2E-73	13.41	3.75	4.0E-63
H2ac10	154	-1.57	-0.65	9.6E-03	-1.67	-0.74	3.2E-03
H2aj	2580	1.93	0.95	9.2E-18	1.75	0.81	3.1E-13
H2bc6	131	2.08	1.06	5.7E-12	1.99	0.99	9.6E-11
H2bu2	3332	-1.35	-0.43	1.4E-03	-1.33	-0.41	2.7E-03
H2-D1	2189	3.05	1.61	5.7E-53	2.71	1.44	2.2E-42
H2-DMa	345	2.02	1.01	2.1E-30	1.92	0.94	6.9E-26
H2-K1	1897	5.53	2.47	1.4E-29	4.36	2.12	3.1E-22
H2-M5	875	-1.67	-0.74	1.4E-04	-1.69	-0.76	8.3E-05
H2-Q4	756	3.41	1.77	3.7E-18	2.61	1.38	1.8E-11
H2-Q6	102	12.35	3.63	1.1E-43	7.20	2.85	1.1E-30
H2-Q7	283	3.27	1.71	3.3E-13	2.63	1.40	3.5E-09
H2-T23	263	-1.29	-0.36	3.2E-02	-1.31	-0.39	2.1E-02
H3f3b	103547	1.44	0.53	3.5E-13	1.43	0.51	1.9E-12
H60b	205	2.00	1.00	1.5E-05	2.09	1.07	4.1E-06
H6pd	838	-1.60	-0.68	3.9E-03	-1.68	-0.75	1.4E-03
Habp4	3625	2.54	1.34	4.3E-40	2.51	1.33	4.3E-39
Hacd1	399	-2.20	-1.14	5.1E-16	-2.02	-1.01	6.5E-13
Hacd2	1259	1.75	0.81	1.3E-31	1.52	0.60	3.5E-18
Hadh	4271	1.88	0.91	1.5E-08	1.80	0.84	1.9E-07
Hadha	10854	1.47	0.55	1.6E-09	1.45	0.54	5.1E-09
Hadhb	4314	1.64	0.72	2.3E-08	1.65	0.72	1.9E-08
Hagh	1445	2.73	1.45	1.7E-84	2.72	1.44	1.9E-83
Hap1	12514	1.96	0.97	2.8E-08	1.72	0.78	1.1E-05
Hapln1	1964	-4.31	-2.11	1.6E-05	-3.45	-1.79	3.0E-04
Hapln4	275	27.66	4.79	3.9E-126	23.71	4.57	2.8E-119
Has2	670	-2.71	-1.44	1.9E-07	-2.01	-1.01	3.6E-04
Haspin	987	1.46	0.54	1.2E-03	1.38	0.46	6.6E-03
Hat1	8050	1.38	0.47	4.1E-03	1.32	0.40	1.6E-02
Haus3	2447	1.30	0.38	5.2E-03	1.27	0.35	1.1E-02
Haus6	6494	1.41	0.49	3.9E-04	1.34	0.42	3.1E-03
Hax1	3290	-1.22	-0.29	5.4E-04	-1.29	-0.37	1.0E-05
Hbegf	484	1.45	0.53	3.9E-04	1.37	0.46	2.7E-03
Hbp1	6532	-1.41	-0.50	1.1E-08	-1.34	-0.42	1.8E-06
Hccs	2971	1.30	0.38	1.0E-05	1.30	0.38	1.1E-05
Hcfc1	17725	-2.30	-1.20	2.7E-29	-2.29	-1.20	4.5E-29
Hcls1	187	-1.39	-0.48	7.2E-03	-1.65	-0.72	3.2E-05
Hcn2	509	4.94	2.30	1.9E-20	4.59	2.20	1.0E-18

Hcn3	2701	2.06	1.04	1.5E-07	1.98	0.99	6.8E-07
Hdac1	12630	1.67	0.74	3.1E-11	1.53	0.61	5.4E-08
Hdac10	1291	-1.29	-0.37	7.8E-07	-1.28	-0.35	2.2E-06
Hdac11	4312	1.46	0.54	5.7E-08	1.49	0.57	9.5E-09
Hdac3	9789	1.27	0.34	1.1E-08	1.19	0.25	3.6E-05
Hdac5	8709	1.59	0.67	4.5E-09	1.52	0.61	1.4E-07
Hdac6	10541	1.56	0.64	1.2E-15	1.43	0.52	1.7E-10
Hdac7	4354	-2.07	-1.05	5.5E-18	-2.11	-1.07	8.5E-19
Hdac9	1503	-1.37	-0.46	2.9E-11	-1.28	-0.36	2.2E-07
Hddc3	865	-1.48	-0.57	3.4E-12	-1.47	-0.56	9.2E-12
Hdgfl2	10422	1.68	0.74	2.0E-09	1.51	0.59	2.5E-06
Hdgfl3	17974	-1.70	-0.77	8.9E-07	-1.64	-0.71	5.7E-06
Hdhd3	360	1.90	0.93	5.1E-14	1.79	0.84	1.2E-11
Hdhd5	1737	1.38	0.47	1.5E-17	1.37	0.45	2.7E-16
Hdlbp	25696	-1.29	-0.37	9.1E-03	-1.25	-0.32	2.5E-02
Hdx	1392	-1.61	-0.69	1.4E-07	-1.37	-0.45	7.0E-04
Heatr1	8066	1.48	0.57	4.6E-05	1.59	0.67	1.2E-06
Heatr5a	4914	1.31	0.39	8.5E-04	1.38	0.46	5.2E-05
Heatr5b	5065	1.23	0.30	1.9E-02	1.33	0.41	1.2E-03
Heatr6	3708	-1.59	-0.67	5.8E-16	-1.62	-0.69	6.4E-17
Hebp1	408	1.58	0.66	1.8E-03	1.47	0.56	9.6E-03
Heca	4999	1.57	0.65	1.5E-10	1.55	0.63	7.3E-10
Hectd1	13159	-2.01	-1.01	1.5E-13	-1.74	-0.80	6.0E-09
Hectd3	5325	1.91	0.93	5.9E-29	1.88	0.91	2.4E-27
Hecw1	4482	-2.00	-1.00	2.2E-03	-1.70	-0.76	2.3E-02
Hecw2	1165	-2.41	-1.27	4.0E-22	-2.08	-1.05	1.7E-15
Heg1	5703	-1.59	-0.67	2.3E-05	-1.72	-0.78	6.5E-07
Helb	1918	2.87	1.52	1.7E-93	2.79	1.48	2.9E-88
Helq	2316	1.33	0.41	1.2E-09	1.34	0.42	7.6E-10
Helz	6671	1.25	0.32	8.3E-04	1.29	0.36	1.3E-04
Hemk1	1325	-1.48	-0.57	4.2E-08	-1.41	-0.50	1.9E-06
Herc3	3540	1.81	0.85	6.3E-13	1.89	0.92	8.5E-15
Herc6	176	-1.28	-0.36	2.0E-02	-1.30	-0.38	1.3E-02
Hes1	1561	-1.52	-0.60	3.5E-06	-1.70	-0.77	2.6E-09
Hes7	133	15.80	3.98	1.4E-59	12.83	3.68	2.3E-53
Hexb	1597	1.36	0.44	5.3E-05	1.40	0.49	7.9E-06
Hexim2	362	-1.51	-0.59	6.0E-05	-1.52	-0.60	4.7E-05
Heyl	818	-1.59	-0.67	7.4E-05	-1.61	-0.69	4.4E-05
Hfm1	1011	-1.80	-0.85	1.3E-11	-1.50	-0.58	4.4E-06
Hgfac	114	1.56	0.64	3.3E-04	1.85	0.89	4.6E-07
Hhat	198	-4.83	-2.27	1.3E-29	-4.91	-2.30	3.1E-30
Hhipl1	540	-1.95	-0.96	1.2E-06	-2.28	-1.19	1.5E-09
Hhipl2	159	3.25	1.70	6.5E-22	3.83	1.94	1.1E-27
Hibadh	2808	1.33	0.41	5.1E-10	1.33	0.41	7.2E-10
Hibch	2245	1.36	0.45	1.9E-14	1.45	0.53	4.5E-20
Hic1	634	-3.80	-1.93	1.5E-08	-3.26	-1.70	6.6E-07
Hid1	4424	2.44	1.29	4.4E-34	2.21	1.14	4.9E-27

Hif1a	12695	-1.47	-0.55	1.9E-15	-1.47	-0.55	2.7E-15
Hif3a	2892	1.31	0.39	1.4E-04	1.39	0.48	2.9E-06
Higd1a	3706	1.48	0.56	2.2E-10	1.43	0.52	7.1E-09
Hinfp	4876	1.51	0.59	4.6E-08	1.61	0.69	1.6E-10
Hint3	411	-1.62	-0.70	7.2E-06	-1.57	-0.65	3.4E-05
Hip1r	3544	2.26	1.18	4.8E-18	2.31	1.21	6.6E-19
Hipk1	11888	1.27	0.35	9.8E-06	1.30	0.38	1.4E-06
Hipk3	3357	-2.01	-1.01	1.4E-18	-1.88	-0.91	2.9E-15
Hirip3	5800	-2.09	-1.06	9.5E-10	-2.44	-1.29	8.1E-14
Hivep1	7862	1.29	0.37	3.0E-03	1.35	0.43	4.7E-04
Hjurp	22332	-1.52	-0.61	1.0E-14	-1.46	-0.55	3.3E-12
Hk1	8782	1.89	0.92	5.8E-18	1.85	0.89	5.1E-17
Hk2	3714	2.13	1.09	1.5E-12	1.93	0.95	1.1E-09
Hlf	1314	1.69	0.76	1.5E-13	1.61	0.68	2.7E-11
Hltf	4546	1.28	0.36	8.3E-07	1.36	0.44	6.8E-10
Hmbox1	6274	-1.35	-0.43	9.4E-08	-1.29	-0.36	9.1E-06
Hmbs	1550	-1.94	-0.95	1.4E-06	-2.12	-1.08	3.4E-08
Hmces	1681	1.31	0.39	5.1E-07	1.16	0.22	7.1E-03
Hmg20a	6866	-1.82	-0.87	3.0E-61	-1.77	-0.83	6.9E-56
Hmg20b	3967	1.66	0.73	2.1E-06	1.52	0.60	1.1E-04
Hmgb1	26362	-1.34	-0.43	4.7E-03	-1.44	-0.52	4.7E-04
Hmgb2	24394	-1.43	-0.52	1.3E-02	-1.62	-0.69	7.5E-04
Hmgb3	18826	-1.41	-0.50	3.7E-04	-1.60	-0.68	9.1E-07
Hmgcl	2057	2.00	1.00	7.4E-38	1.85	0.89	6.3E-30
Hmgcll1	1224	-2.45	-1.29	1.6E-23	-2.48	-1.31	4.2E-24
Hmgcs2	417	-2.10	-1.07	1.6E-04	-1.80	-0.85	3.3E-03
Hmgn2	31781	-1.38	-0.46	1.0E-03	-1.56	-0.64	4.3E-06
Hmgn3	4436	1.56	0.64	2.0E-10	1.50	0.58	7.0E-09
Hmgxb4	4217	-1.80	-0.84	3.7E-29	-1.85	-0.88	6.7E-32
Hmox1	1128	1.40	0.49	5.2E-03	1.37	0.46	9.3E-03
Hmx2	110	-1.63	-0.70	5.9E-04	-1.53	-0.62	3.1E-03
Hnrnpa2b1	162044	-1.26	-0.33	5.7E-03	-1.36	-0.45	1.3E-04
Hnrnpab	47049	-1.53	-0.61	2.7E-05	-1.75	-0.81	1.5E-08
Hnrnpb1	93936	-1.60	-0.68	9.0E-14	-1.61	-0.68	5.2E-14
Hnrnpb3	14582	-1.34	-0.42	4.3E-03	-1.53	-0.62	1.8E-05
Hnrnpk	69304	-1.30	-0.38	9.0E-05	-1.36	-0.45	3.4E-06
Hnrnpl	25633	-1.47	-0.56	9.6E-09	-1.61	-0.68	1.2E-12
Hnrnp1l	11084	-1.45	-0.54	5.3E-09	-1.50	-0.59	1.4E-10
Hnrnplm	33103	-1.43	-0.52	6.8E-05	-1.62	-0.69	5.7E-08
Hnrnp1r	28816	-1.23	-0.29	1.6E-03	-1.26	-0.34	2.7E-04
Hnrnp1u	3018	-1.59	-0.67	3.3E-04	-1.59	-0.67	3.4E-04
Hnrnp1u1	16418	-1.25	-0.32	3.5E-04	-1.34	-0.42	1.6E-06
Homer1	5300	1.61	0.69	9.6E-20	1.63	0.71	7.6E-21
Homer3	3874	-1.27	-0.35	1.0E-02	-1.43	-0.51	9.4E-05
Homez	1824	1.89	0.92	1.5E-51	1.70	0.77	5.8E-36
Hook1	8347	1.27	0.34	6.6E-03	1.43	0.52	2.3E-05
Hook2	1648	1.25	0.33	3.9E-03	1.19	0.26	2.7E-02

Hp1bp3	20976	-1.82	-0.86	8.3E-50	-1.88	-0.91	3.2E-55
Hpcal1	1994	1.74	0.80	9.1E-29	1.79	0.84	2.5E-31
Hpgds	611	-1.44	-0.52	1.8E-03	-1.33	-0.41	1.8E-02
Hps1	1466	-1.36	-0.45	1.8E-05	-1.44	-0.53	3.7E-07
Hps3	2160	1.39	0.48	5.0E-09	1.44	0.53	9.8E-11
Hps4	2656	1.34	0.43	2.4E-06	1.34	0.43	2.5E-06
Hps6	307	2.52	1.33	7.4E-15	2.41	1.27	1.7E-13
Hrh1	125	12.12	3.60	1.8E-67	13.08	3.71	4.0E-67
Hrh3	823	2.58	1.37	5.1E-15	2.34	1.23	2.6E-12
Hs1bp3	1314	1.47	0.56	9.1E-07	1.41	0.49	1.9E-05
Hs2st1	12086	1.56	0.64	2.4E-17	1.47	0.56	2.2E-13
Hs3st3a1	299	-1.68	-0.75	1.0E-02	-1.70	-0.76	9.7E-03
Hs6st1	7939	1.60	0.68	1.0E-07	1.48	0.56	1.4E-05
Hs6st2	2902	-1.33	-0.41	3.6E-03	-1.36	-0.44	1.6E-03
Hscb	393	1.64	0.71	1.4E-08	1.48	0.57	7.9E-06
Hsd17b11	777	-1.30	-0.37	8.4E-03	-1.36	-0.45	1.5E-03
Hsd17b7	3103	1.90	0.93	6.8E-16	1.94	0.96	7.5E-17
Hsd11	7041	1.38	0.46	5.2E-05	1.32	0.41	4.4E-04
Hsd12	3424	2.16	1.11	6.0E-73	2.31	1.21	2.4E-86
Hspa12b	1268	-2.05	-1.04	2.3E-06	-2.16	-1.11	4.2E-07
Hspa14	3991	1.65	0.72	2.6E-10	1.54	0.62	5.6E-08
Hspa1a	235	6.27	2.65	1.4E-31	5.59	2.48	6.7E-28
Hspa1b	412	5.93	2.57	3.1E-35	5.20	2.38	1.9E-30
Hspa2	996	6.34	2.66	1.0E-96	6.09	2.61	1.8E-92
Hspa4	35409	1.28	0.35	8.5E-07	1.24	0.31	1.6E-05
Hspbap1	1511	1.91	0.93	6.4E-44	1.80	0.85	1.0E-36
Hspbp1	1929	-1.19	-0.25	3.6E-03	-1.27	-0.35	3.4E-05
Hsph1	17576	1.48	0.56	1.2E-13	1.41	0.50	6.5E-11
Htr2a	167	-1.63	-0.70	9.8E-04	-1.59	-0.67	1.8E-03
Htra2	2586	1.64	0.72	8.4E-15	1.48	0.57	1.1E-09
Hunk	4047	-1.60	-0.68	3.0E-12	-1.72	-0.78	5.3E-16
Hvcn1	308	-3.11	-1.64	7.2E-13	-3.41	-1.77	7.8E-15
Hyal1	396	1.50	0.58	6.6E-05	1.28	0.36	1.7E-02
Hykk	1143	1.83	0.87	4.0E-14	1.82	0.87	4.9E-14
Hyou1	13989	1.52	0.60	2.3E-10	1.45	0.53	2.4E-08
Hypk	437	1.72	0.78	1.4E-14	1.71	0.78	3.3E-14
Iba57	547	-2.57	-1.36	2.7E-23	-2.68	-1.42	3.0E-25
Ibsp	120	-8.11	-3.02	2.3E-02	-7.07	-2.82	3.6E-02
Ibtk	6460	-1.63	-0.71	2.9E-33	-1.60	-0.67	3.8E-30
Ica1	848	-1.41	-0.49	2.3E-04	-1.30	-0.38	5.0E-03
Ica1l	573	-2.37	-1.25	1.1E-03	-2.19	-1.13	3.3E-03
Icam2	259	-2.22	-1.15	1.1E-10	-2.23	-1.16	7.9E-11
Icam5	104	16.47	4.04	6.4E-39	16.73	4.06	3.0E-37
Ice2	2118	-1.69	-0.76	1.2E-11	-1.47	-0.56	8.2E-07
Icmt	4406	1.33	0.41	1.3E-08	1.30	0.38	1.6E-07
Icosl	192	1.48	0.57	9.5E-03	1.45	0.54	1.4E-02
Id2	3994	-1.42	-0.51	1.7E-03	-1.33	-0.41	1.2E-02

ld3	3101	-1.50	-0.58	4.0E-02	-1.76	-0.82	3.3E-03
ld4	21596	-1.43	-0.52	3.5E-02	-1.49	-0.58	1.8E-02
ldh2	9459	-1.21	-0.27	2.6E-03	-1.29	-0.37	3.2E-05
ldh3a	7492	1.95	0.96	7.7E-63	1.87	0.90	4.7E-55
ldh3g	5378	-1.25	-0.32	1.0E-06	-1.28	-0.36	2.1E-08
ldi1	5613	1.48	0.56	3.6E-03	1.34	0.42	3.4E-02
ldnk	2715	2.11	1.08	3.9E-38	2.02	1.02	3.9E-34
ldua	719	-1.59	-0.67	9.4E-12	-1.74	-0.80	3.1E-16
ler2	1311	1.69	0.76	8.4E-07	1.61	0.69	9.0E-06
ler3	242	2.27	1.18	2.6E-17	2.36	1.24	6.6E-19
ler3ip1	3017	1.24	0.31	6.8E-04	1.29	0.36	7.1E-05
ler5	3457	1.29	0.36	5.8E-03	1.21	0.28	4.0E-02
lffo1	2039	1.39	0.47	8.9E-05	1.29	0.37	3.2E-03
lffo2	1872	1.96	0.97	1.8E-17	1.89	0.92	1.1E-15
lfi27	240	-2.18	-1.12	8.8E-05	-2.21	-1.14	6.5E-05
lfit2	673	-1.91	-0.93	9.0E-14	-1.89	-0.91	2.5E-13
lfitm1	167	-1.64	-0.72	1.6E-02	-1.54	-0.63	3.8E-02
lfnar2	657	-2.25	-1.17	9.4E-56	-2.45	-1.30	4.4E-67
lfngr1	1370	1.49	0.58	2.2E-06	1.43	0.51	3.2E-05
lfngr2	2471	1.40	0.48	2.6E-08	1.39	0.47	5.9E-08
lfrd1	4234	1.27	0.35	2.9E-03	1.20	0.26	2.7E-02
lft122	2446	-1.72	-0.78	5.9E-67	-1.69	-0.76	2.2E-62
lft140	5845	1.69	0.76	1.8E-25	1.71	0.78	1.4E-26
lft20	3147	1.53	0.61	1.1E-28	1.49	0.57	3.6E-25
lft22	2643	1.41	0.50	3.1E-13	1.30	0.38	2.9E-08
lft27	2598	1.60	0.68	1.0E-09	1.41	0.50	1.0E-05
lft52	2607	-1.36	-0.44	2.2E-07	-1.45	-0.54	2.7E-10
lft57	2127	1.82	0.86	8.1E-56	1.81	0.85	1.3E-54
lft80	4843	1.51	0.59	5.6E-13	1.63	0.70	6.9E-18
lgdcc4	4547	-1.87	-0.90	4.1E-16	-1.81	-0.86	1.7E-14
lgf1	2781	-3.30	-1.72	8.9E-04	-3.18	-1.67	1.3E-03
lgf2	1793	-2.59	-1.37	1.7E-03	-2.82	-1.50	6.0E-04
lgf2bp2	7288	-1.42	-0.51	7.5E-04	-1.59	-0.67	6.5E-06
lgf2r	18313	1.42	0.51	2.4E-03	1.64	0.72	1.4E-05
lgfbp3	1355	-2.79	-1.48	6.3E-05	-2.34	-1.23	1.1E-03
lgfbp5	21794	-2.57	-1.36	5.4E-09	-2.37	-1.24	1.2E-07
lghmbp2	1000	-1.70	-0.76	1.7E-15	-1.80	-0.85	8.5E-19
lgsf3	10994	1.44	0.52	1.8E-05	1.51	0.60	9.0E-07
lgsf8	7797	1.67	0.74	5.1E-07	1.59	0.67	7.6E-06
lgsf9b	7558	1.92	0.94	1.2E-09	1.97	0.98	2.5E-10
lho1	199	1.40	0.49	1.0E-04	1.22	0.29	2.7E-02
lkbip	2039	1.45	0.53	2.7E-04	1.58	0.66	4.7E-06
lkbkb	7244	1.40	0.48	4.4E-14	1.45	0.54	5.9E-17
lkbkg	3453	-1.29	-0.37	7.3E-05	-1.22	-0.29	2.3E-03
lkzf1	271	-1.58	-0.66	1.5E-05	-1.59	-0.67	1.2E-05
lkzf4	1884	-1.58	-0.66	3.7E-04	-1.68	-0.75	5.0E-05
ll10rb	191	-1.99	-0.99	1.2E-12	-2.03	-1.02	5.0E-13

Il16	121	-2.78	-1.47	2.0E-07	-2.40	-1.27	1.1E-05
Il17d	192	-1.77	-0.82	8.3E-08	-1.88	-0.91	2.3E-09
Il17ra	1921	3.40	1.76	1.7E-57	3.83	1.94	7.9E-69
Il17rd	5562	1.54	0.63	2.7E-06	1.70	0.77	6.3E-09
Il18	351	-1.75	-0.81	2.1E-06	-1.89	-0.92	7.2E-08
Il1rap	1176	1.50	0.59	6.1E-04	1.73	0.79	3.1E-06
Il1r12	235	-2.05	-1.04	6.7E-05	-1.86	-0.90	6.9E-04
Il20rb	249	1.78	0.83	1.1E-08	1.60	0.68	4.2E-06
Ilf3	19523	-1.64	-0.71	2.8E-19	-1.73	-0.79	1.4E-23
Ilrun	7355	1.28	0.36	1.1E-04	1.20	0.26	6.4E-03
Ilvbl	2182	1.30	0.38	3.9E-06	1.31	0.39	1.7E-06
Imm1p1	2141	1.34	0.42	1.5E-04	1.41	0.49	6.9E-06
Imp3	1956	1.27	0.34	4.0E-05	1.23	0.30	4.0E-04
Imp4	5720	1.59	0.67	1.8E-20	1.55	0.63	3.9E-18
Impa2	1044	2.29	1.19	1.2E-17	2.24	1.16	1.0E-16
Impdh1	3231	1.62	0.69	1.2E-09	1.48	0.57	8.2E-07
Impdh2	8677	1.32	0.40	3.5E-04	1.21	0.27	1.8E-02
Impg2	400	2.09	1.07	9.0E-12	2.40	1.26	6.0E-16
Inafm1	1121	1.25	0.32	3.3E-04	1.20	0.26	3.3E-03
Inafm2	2534	2.04	1.03	4.2E-20	1.86	0.90	1.6E-15
Ing1	5645	1.28	0.36	2.5E-06	1.17	0.22	4.6E-03
Ing2	1279	1.68	0.75	2.1E-27	1.55	0.63	1.1E-19
Ing3	2264	-1.26	-0.34	1.9E-04	-1.30	-0.38	2.4E-05
Ing4	221	-2.15	-1.10	6.4E-12	-1.91	-0.93	1.0E-08
Ing5	1826	-2.42	-1.27	3.8E-47	-2.41	-1.27	1.2E-46
Inip	5102	1.43	0.51	1.2E-06	1.35	0.43	5.3E-05
Inka2	980	1.91	0.93	5.7E-26	1.91	0.93	9.2E-26
Ino80	2782	-1.76	-0.82	1.6E-36	-1.74	-0.80	1.7E-34
Ino80b	1537	1.57	0.65	1.7E-13	1.51	0.59	2.4E-11
Ino80c	1239	-2.98	-1.57	3.8E-84	-2.99	-1.58	1.3E-84
Ino80d	4072	-1.79	-0.84	3.2E-09	-1.81	-0.86	1.3E-09
Inpp1	1129	-2.01	-1.00	6.8E-32	-2.01	-1.01	8.4E-32
Inpp4a	5834	1.63	0.71	1.2E-06	1.61	0.69	2.6E-06
Inpp5a	2354	1.54	0.63	3.1E-12	1.53	0.61	1.3E-11
Inpp5b	3385	1.73	0.79	1.4E-32	1.75	0.80	1.8E-33
Inpp5d	366	-1.78	-0.83	1.4E-09	-1.82	-0.86	3.2E-10
Inpp5e	2670	-1.19	-0.25	2.0E-05	-1.26	-0.34	5.9E-09
Inpp5k	3089	1.58	0.66	2.6E-16	1.60	0.68	3.3E-17
Insig2	2536	1.42	0.51	1.1E-16	1.43	0.51	5.7E-17
Insl5	114	8.84	3.14	2.4E-42	9.24	3.21	1.1E-44
Insl6	170	5.11	2.35	8.7E-23	6.14	2.62	1.3E-27
Insm1	4447	-1.38	-0.47	3.7E-02	-1.53	-0.61	5.6E-03
Insyn1	1174	-1.42	-0.51	1.6E-02	-1.44	-0.53	1.2E-02
Insyn2b	577	-1.58	-0.66	5.6E-03	-1.45	-0.54	2.7E-02
Ints10	5797	1.20	0.26	3.0E-04	1.25	0.33	5.4E-06
Ints12	2087	-1.47	-0.56	5.9E-12	-1.50	-0.58	6.1E-13
Ints14	2799	-2.49	-1.32	3.0E-42	-2.59	-1.37	1.2E-45



Ints2	5845	-1.49	-0.58	3.3E-13	-1.41	-0.49	7.3E-10
Ints3	7990	-1.19	-0.25	1.5E-03	-1.28	-0.35	5.0E-06
Ints5	2837	1.33	0.41	3.6E-05	1.21	0.27	8.5E-03
Ints6	3398	-1.53	-0.62	3.8E-20	-1.47	-0.55	2.7E-16
Ints6l	7039	-1.46	-0.55	1.8E-06	-1.30	-0.38	1.1E-03
Ints7	5990	-1.89	-0.92	1.2E-40	-1.95	-0.96	3.7E-44
Ints9	3292	1.47	0.56	7.9E-08	1.32	0.40	1.6E-04
Invs	1538	-1.37	-0.45	5.6E-13	-1.27	-0.35	5.6E-08
Ip6k2	1224	-1.63	-0.70	3.5E-04	-1.78	-0.83	1.9E-05
Ipcef1	153	-3.60	-1.85	1.3E-13	-3.91	-1.97	3.5E-15
Ipmk	4642	1.68	0.74	1.3E-27	1.58	0.66	5.4E-22
Ipo13	7274	1.83	0.87	7.3E-34	1.77	0.82	2.3E-30
Ipo5	30086	1.32	0.40	1.4E-03	1.25	0.32	1.2E-02
Ipo7	26828	1.22	0.28	5.5E-04	1.27	0.35	2.0E-05
Iqcc	1401	-1.26	-0.34	2.2E-08	-1.27	-0.34	2.0E-08
Iqcg	764	2.20	1.14	1.7E-23	2.18	1.13	5.8E-23
Iqgap3	4143	1.40	0.49	1.9E-03	1.39	0.47	2.5E-03
Iqsec2	1627	1.47	0.56	8.2E-05	1.40	0.49	7.0E-04
Irag1	160	-3.10	-1.63	1.2E-18	-2.75	-1.46	4.0E-15
Irak1	3461	-1.98	-0.99	1.1E-53	-2.18	-1.13	2.3E-69
Irak2	155	-1.82	-0.87	2.3E-05	-2.11	-1.07	1.3E-07
Irak4	345	1.62	0.70	7.7E-07	1.62	0.69	1.1E-06
Irf1	346	1.81	0.85	7.1E-07	1.56	0.64	2.7E-04
Irf2bpl	5211	-1.30	-0.38	2.7E-02	-1.52	-0.60	3.4E-04
Irf3	3445	1.56	0.64	6.3E-15	1.55	0.63	2.2E-14
Irf8	271	2.06	1.05	2.5E-09	1.87	0.90	3.8E-07
Irf9	2001	1.39	0.48	1.1E-06	1.29	0.37	2.4E-04
Irgm2	123	-1.62	-0.69	3.6E-03	-1.57	-0.65	7.0E-03
Irs2	3664	1.30	0.38	6.3E-04	1.22	0.29	1.1E-02
Irs4	831	2.25	1.17	2.2E-11	1.68	0.74	3.1E-05
Isca1	5555	1.69	0.76	5.1E-39	1.72	0.78	3.5E-41
Iscu	1586	1.36	0.44	2.5E-06	1.32	0.40	2.7E-05
Isl1	3389	-1.54	-0.62	1.4E-03	-1.45	-0.53	6.9E-03
Islr	2279	-1.93	-0.95	2.4E-04	-1.85	-0.89	6.5E-04
Isoc2a	1669	2.02	1.01	6.4E-21	1.82	0.87	1.5E-15
Isy1	1105	-1.79	-0.84	2.6E-18	-1.96	-0.97	3.4E-24
Isyna1	4556	1.55	0.63	3.6E-06	1.43	0.52	1.6E-04
Itfg2	1573	-2.14	-1.10	5.3E-38	-2.35	-1.23	2.1E-47
Itga10	613	1.41	0.50	4.3E-03	1.49	0.58	8.8E-04
Itga2	669	-2.23	-1.16	2.5E-13	-1.94	-0.96	1.8E-09
Itga3	1680	1.42	0.50	2.6E-03	1.53	0.62	1.7E-04
Itga6	7402	1.47	0.55	2.0E-18	1.48	0.57	2.3E-19
Itga7	472	1.79	0.84	2.7E-02	2.16	1.11	3.1E-03
Itgav	3580	-1.29	-0.37	4.2E-03	-1.21	-0.27	4.2E-02
Itgb1	18966	-1.39	-0.48	2.2E-03	-1.30	-0.38	1.6E-02
Itgb1bp2	259	-1.83	-0.87	2.2E-02	-1.75	-0.81	3.7E-02
Itgb4	216	-3.23	-1.69	1.3E-03	-2.90	-1.54	3.9E-03

Itgb8	6530	-1.44	-0.53	5.0E-03	-1.33	-0.41	3.2E-02
Itgb11	163	-1.98	-0.98	3.0E-03	-2.11	-1.07	1.1E-03
Itpk1	2507	2.59	1.37	4.0E-31	2.55	1.35	5.0E-30
Itпка	175	17.28	4.11	1.1E-58	10.83	3.44	3.3E-44
Itpkc	1319	1.35	0.43	1.7E-06	1.29	0.37	4.9E-05
Itpr1	4428	1.77	0.82	6.2E-07	2.01	1.01	6.7E-10
Itpr3	1378	1.60	0.67	3.0E-03	1.68	0.75	9.9E-04
Itprid2	2892	1.64	0.72	4.2E-10	1.75	0.81	1.3E-12
Itprip	1837	1.58	0.66	2.3E-06	1.45	0.53	1.6E-04
Itpripl1	1070	1.32	0.40	1.3E-05	1.20	0.26	5.5E-03
Itpripl2	1637	-2.01	-1.01	2.7E-08	-1.97	-0.98	6.7E-08
Itsn2	2301	-1.77	-0.83	5.7E-11	-1.52	-0.61	2.2E-06
lws1	8227	-1.56	-0.64	3.9E-15	-1.50	-0.58	1.6E-12
Jade1	2510	-1.59	-0.67	7.2E-12	-1.61	-0.69	1.6E-12
Jag2	3207	1.48	0.56	2.4E-04	1.45	0.54	4.7E-04
Jak1	8991	1.25	0.32	5.9E-03	1.31	0.39	7.7E-04
Jazf1	715	-1.96	-0.97	5.4E-07	-1.82	-0.86	9.7E-06
Jdp2	392	-1.34	-0.43	2.5E-02	-1.36	-0.45	2.0E-02
Jmjd4	3149	1.34	0.42	4.6E-05	1.42	0.51	8.2E-07
Jmjd8	2988	-1.64	-0.72	3.8E-31	-1.74	-0.80	4.3E-38
Josd1	4103	1.53	0.62	1.6E-21	1.52	0.60	1.2E-20
Jph2	121	-3.23	-1.69	1.4E-04	-2.35	-1.23	6.8E-03
Jrkl	2004	1.25	0.32	4.0E-04	1.30	0.38	2.2E-05
Junb	206	2.19	1.13	5.8E-10	2.20	1.14	5.4E-10
Kank3	1409	1.41	0.50	1.5E-08	1.29	0.36	5.1E-05
Kans1	8932	-1.43	-0.51	1.0E-14	-1.47	-0.56	3.6E-17
Kans11	2089	-1.80	-0.85	1.7E-19	-1.61	-0.68	4.1E-13
Kans12	5771	-1.35	-0.43	1.8E-10	-1.43	-0.51	2.0E-14
Kantr	1925	1.61	0.69	6.1E-07	1.49	0.58	3.2E-05
Kars	12303	1.32	0.40	3.2E-05	1.25	0.32	1.1E-03
Kat14	2292	-1.55	-0.64	3.2E-11	-1.68	-0.74	6.1E-15
Kat2a	3607	-1.46	-0.54	3.7E-06	-1.53	-0.61	1.8E-07
Kat2b	1923	-1.71	-0.78	1.0E-09	-1.73	-0.79	4.2E-10
Kat5	3136	-2.02	-1.02	3.0E-52	-2.04	-1.03	2.5E-53
Kat6b	7883	-2.68	-1.42	1.9E-23	-2.43	-1.28	3.8E-19
Kat7	5227	-1.29	-0.36	4.0E-08	-1.38	-0.46	2.5E-12
Katnal1	2730	-1.97	-0.98	2.7E-24	-2.04	-1.03	9.5E-27
Katnb1	3482	1.81	0.85	6.1E-23	1.69	0.75	4.7E-18
Katnip	3767	1.32	0.40	1.3E-06	1.35	0.43	1.6E-07
Kbtbd11	3918	-1.56	-0.64	8.4E-07	-1.45	-0.54	4.3E-05
Kbtbd2	4187	-1.24	-0.31	1.2E-05	-1.31	-0.39	2.0E-08
Kbtbd8	1457	1.41	0.50	1.5E-05	1.45	0.54	2.5E-06
Kcmf1	4316	-1.26	-0.33	3.4E-07	-1.28	-0.36	2.8E-08
Kcna1	358	1.97	0.97	1.1E-03	2.34	1.22	3.3E-05
Kcna5	191	-1.64	-0.71	3.9E-05	-1.93	-0.95	4.1E-08
Kcna6	2547	1.69	0.76	4.5E-06	1.79	0.84	4.2E-07
Kcnab1	333	-1.75	-0.81	1.5E-03	-1.62	-0.69	7.4E-03

Kcnab2	2430	2.11	1.08	6.4E-17	1.96	0.97	7.1E-14
Kcnab3	1102	4.03	2.01	7.6E-61	3.63	1.86	3.9E-52
Kcnb1	1903	1.44	0.52	4.3E-03	1.49	0.58	1.6E-03
Kcnb2	823	-2.71	-1.44	3.4E-07	-2.29	-1.20	2.8E-05
Kcnc3	5043	5.14	2.36	3.4E-42	4.74	2.24	3.4E-38
Kcnd1	719	1.59	0.67	3.5E-09	1.60	0.67	2.7E-09
Kcne1l	432	-1.50	-0.58	9.8E-04	-1.38	-0.46	1.1E-02
Kcne2	425	-2.54	-1.35	3.1E-03	-2.49	-1.32	4.0E-03
Kcne4	181	-2.35	-1.23	1.5E-03	-2.33	-1.22	1.8E-03
Kcng1	529	2.01	1.01	3.1E-04	2.08	1.05	1.6E-04
Kcnh1	270	-2.05	-1.03	2.8E-03	-1.85	-0.89	1.2E-02
Kcnh3	315	2.13	1.09	2.8E-03	1.95	0.97	8.8E-03
Kcnh8	391	-2.58	-1.37	3.1E-15	-2.40	-1.26	5.3E-13
Kcnip2	325	1.65	0.72	1.9E-03	1.63	0.71	2.4E-03
Kcnj10	1277	2.72	1.44	9.7E-28	2.66	1.41	1.8E-26
Kcnj5	154	-2.10	-1.07	1.1E-05	-2.11	-1.08	9.2E-06
Kcnj8	268	-4.32	-2.11	5.2E-17	-4.71	-2.24	6.2E-19
Kcnk10	2769	-1.47	-0.55	1.1E-03	-1.68	-0.75	7.7E-06
Kcnk2	1372	-2.84	-1.51	8.1E-19	-3.12	-1.64	4.1E-22
Kcnk5	925	2.04	1.03	3.1E-06	1.72	0.78	5.2E-04
Kcnk6	220	-1.65	-0.72	6.6E-03	-1.48	-0.56	4.0E-02
Kcnmb4	843	-1.68	-0.75	6.3E-18	-1.71	-0.77	5.2E-19
Kcnn3	2098	2.69	1.43	5.6E-09	3.26	1.71	2.2E-12
Kcnq5	265	-2.13	-1.09	9.7E-07	-1.70	-0.77	8.3E-04
Kcrg	233	1.70	0.77	7.0E-05	1.76	0.82	2.2E-05
Kctd12	13048	-1.60	-0.67	3.3E-03	-1.51	-0.60	1.0E-02
Kctd12b	1142	-1.53	-0.61	8.6E-06	-1.42	-0.51	2.8E-04
Kctd14	139	-2.40	-1.26	1.2E-15	-2.37	-1.25	4.1E-15
Kctd15	3599	-2.13	-1.09	7.3E-16	-2.26	-1.17	4.0E-18
Kctd18	2322	-1.26	-0.33	7.3E-05	-1.15	-0.21	1.6E-02
Kctd21	700	1.37	0.45	1.8E-08	1.25	0.32	1.1E-04
Kctd9	2584	1.40	0.48	4.6E-06	1.38	0.47	8.9E-06
Kdelr1	5091	-1.31	-0.39	1.5E-11	-1.36	-0.44	1.2E-14
Kdm1a	15192	-1.26	-0.33	6.0E-05	-1.39	-0.47	5.8E-09
Kdm1b	5673	2.26	1.18	3.4E-130	2.28	1.19	4.1E-133
Kdm4a	11601	-1.61	-0.69	2.1E-13	-1.70	-0.77	2.2E-16
Kdm5c	12138	-1.40	-0.48	1.1E-14	-1.53	-0.61	3.7E-23
Kdm6b	8176	-1.30	-0.38	4.8E-02	-1.51	-0.59	1.4E-03
Kdm8	397	-3.65	-1.87	2.5E-33	-3.86	-1.95	4.9E-36
Kdr	5366	-1.35	-0.43	9.8E-08	-1.37	-0.46	1.6E-08
Kdsr	2243	1.48	0.57	7.9E-15	1.50	0.59	6.2E-16
Keap1	2944	-1.44	-0.52	5.1E-14	-1.55	-0.63	5.1E-20
Khdc4	9694	-1.26	-0.33	3.3E-11	-1.27	-0.34	1.3E-11
Khk	296	1.37	0.46	5.6E-03	1.30	0.38	2.6E-02
Khynyn	4786	1.32	0.40	2.1E-04	1.31	0.39	4.0E-04
Khsrp	12134	-1.35	-0.43	1.1E-02	-1.53	-0.61	1.9E-04
Kif13a	3851	-1.99	-0.99	6.3E-38	-2.02	-1.01	1.6E-39

Kif13b	3411	1.29	0.36	4.0E-03	1.48	0.56	4.3E-06
Kif14	2071	-1.46	-0.54	4.8E-04	-1.48	-0.56	2.9E-04
Kif17	387	4.17	2.06	2.5E-27	4.83	2.27	1.1E-32
Kif1c	6763	1.43	0.51	1.3E-04	1.33	0.41	2.6E-03
Kif20a	6033	-1.41	-0.49	1.3E-02	-1.53	-0.61	1.8E-03
Kif24	2027	1.69	0.76	9.8E-05	1.76	0.81	2.9E-05
Kif26b	5534	-2.50	-1.32	1.3E-11	-2.26	-1.18	2.1E-09
Kif27	755	2.09	1.07	3.6E-29	2.25	1.17	9.1E-35
Kif3b	7784	1.40	0.48	3.7E-08	1.44	0.52	2.1E-09
Kif4	5927	-1.35	-0.43	2.8E-02	-1.42	-0.51	8.5E-03
Kif6	249	1.66	0.74	7.6E-08	1.84	0.88	1.2E-10
Kif7	2665	2.22	1.15	4.7E-21	2.09	1.07	3.0E-18
Kifap3	11972	-1.30	-0.38	1.6E-03	-1.24	-0.31	1.0E-02
Kifc2	2883	2.76	1.46	5.5E-16	2.75	1.46	6.8E-16
Kifc3	1352	1.55	0.64	2.0E-06	1.59	0.67	5.4E-07
Kifc5b	1917	1.56	0.65	3.3E-04	1.37	0.46	1.4E-02
Kiss1r	156	1.93	0.95	9.5E-07	2.00	1.00	2.7E-07
Klc4	3631	1.34	0.43	1.2E-05	1.27	0.35	3.8E-04
Klf11	1422	-1.62	-0.70	6.2E-36	-1.67	-0.74	2.2E-40
Klf15	380	2.00	1.00	1.4E-08	2.02	1.02	7.9E-09
Klf16	1425	2.00	1.00	1.5E-16	1.78	0.83	8.3E-12
Klf3	3631	-1.51	-0.60	2.9E-15	-1.46	-0.55	7.9E-13
Klf4	882	-1.56	-0.64	1.3E-02	-1.59	-0.67	9.9E-03
Klf7	6968	-1.26	-0.34	2.5E-02	-1.27	-0.34	2.3E-02
Klf9	778	4.16	2.06	4.4E-45	3.97	1.99	4.3E-42
Klhdc1	283	-1.47	-0.56	1.1E-02	-1.45	-0.54	1.5E-02
Klhdc10	18793	1.28	0.35	1.6E-03	1.24	0.31	5.7E-03
Klhdc2	13166	-1.32	-0.40	6.1E-07	-1.33	-0.41	2.5E-07
Klhdc3	8405	1.30	0.38	1.1E-06	1.22	0.28	3.8E-04
Klhdc7a	156	-4.69	-2.23	6.7E-20	-4.23	-2.08	1.3E-17
Klhdc8b	3415	1.27	0.35	6.3E-05	1.17	0.22	1.4E-02
Klhl13	8680	-1.37	-0.46	1.8E-06	-1.39	-0.48	6.0E-07
Klhl15	1585	1.56	0.65	5.0E-10	1.46	0.54	2.3E-07
Klhl21	994	2.11	1.08	5.1E-09	1.99	0.99	8.9E-08
Klhl23	5853	-1.73	-0.79	1.4E-09	-1.79	-0.84	1.1E-10
Klhl24	11392	-1.71	-0.78	2.2E-10	-1.53	-0.62	6.6E-07
Klhl25	3590	2.04	1.03	1.6E-47	1.97	0.98	4.3E-43
Klhl26	1693	1.63	0.71	1.4E-18	1.58	0.66	2.2E-16
Klhl28	5847	1.48	0.57	2.7E-06	1.70	0.77	1.4E-10
Klhl3	898	-2.18	-1.12	1.0E-08	-2.16	-1.11	1.6E-08
Klhl32	1209	1.94	0.95	2.1E-11	2.09	1.06	6.6E-14
Klhl35	324	-6.75	-2.75	1.8E-27	-7.46	-2.90	2.9E-30
Klhl36	744	2.71	1.44	2.0E-47	2.56	1.35	2.8E-42
Klhl4	635	-1.77	-0.82	3.8E-04	-1.61	-0.69	3.4E-03
Klhl42	1888	-1.30	-0.38	7.5E-08	-1.30	-0.38	9.6E-08
Klhl5	5569	1.26	0.33	1.0E-04	1.24	0.31	2.9E-04
Klhl6	383	-1.37	-0.45	1.0E-03	-1.46	-0.54	7.0E-05

Klhl8	1637	1.25	0.33	1.7E-02	1.30	0.38	4.9E-03
Kmt2e	18204	-1.33	-0.41	3.4E-04	-1.36	-0.45	8.9E-05
Kmt5b	6543	-6.45	-2.69	2.2E-62	-6.59	-2.72	9.4E-64
Knop1	15778	1.57	0.65	7.1E-13	1.52	0.61	2.9E-11
Kpna3	14148	1.27	0.34	5.0E-05	1.28	0.35	2.4E-05
Kpnb1	44199	-1.47	-0.56	8.8E-07	-1.62	-0.69	6.2E-10
Kptn	941	-2.00	-1.00	4.4E-45	-2.16	-1.11	2.4E-55
Kras	16185	1.38	0.46	2.1E-07	1.32	0.40	6.2E-06
Kremen1	4278	2.41	1.27	1.0E-34	2.46	1.30	3.4E-36
Krt1	134	-3.54	-1.82	5.3E-05	-3.14	-1.65	2.9E-04
Krt10	289	-2.75	-1.46	9.3E-13	-2.61	-1.39	1.5E-11
Krt14	629	-8.89	-3.15	2.2E-03	-9.84	-3.30	1.4E-03
Krt15	501	-5.82	-2.54	9.5E-03	-4.33	-2.11	3.4E-02
Krt17	127	-10.18	-3.35	1.3E-04	-7.14	-2.84	1.4E-03
Krtcap2	3095	1.35	0.43	5.8E-05	1.25	0.32	3.3E-03
Kxd1	1417	-1.30	-0.38	1.0E-06	-1.40	-0.48	3.1E-10
Kyat3	996	2.74	1.45	4.8E-26	2.99	1.58	2.1E-30
L2hgdh	2708	2.54	1.35	3.4E-100	2.56	1.35	4.1E-101
L3hypdh	561	1.45	0.53	1.0E-05	1.56	0.64	1.0E-07
L3mbtl1	236	2.23	1.15	1.1E-05	2.42	1.28	1.1E-06
Lactb	1520	2.50	1.32	1.6E-60	2.52	1.34	9.3E-62
Lactb2	1288	1.66	0.73	6.8E-08	1.83	0.87	8.5E-11
Lage3	1477	-1.23	-0.30	1.1E-02	-1.39	-0.48	2.4E-05
Lair1	178	-1.92	-0.94	9.0E-08	-1.75	-0.81	5.7E-06
Lama3	271	-3.18	-1.67	8.9E-06	-2.09	-1.07	6.3E-03
Lama4	4671	-1.49	-0.57	1.6E-03	-1.38	-0.47	1.2E-02
Lama5	3349	2.39	1.26	2.7E-09	2.73	1.45	6.1E-12
Lamb1	8515	-1.45	-0.54	4.2E-03	-1.39	-0.48	1.3E-02
Lamc1	11716	1.25	0.32	2.2E-02	1.33	0.41	2.9E-03
Lamp2	10284	1.26	0.33	2.0E-02	1.35	0.43	2.2E-03
Lamp5	587	-6.05	-2.60	9.0E-04	-4.36	-2.13	7.7E-03
Lamtor1	2306	-2.19	-1.13	1.7E-49	-2.29	-1.20	6.3E-55
Lamtor2	4312	1.52	0.60	3.5E-05	1.40	0.49	1.0E-03
Lamtor3	3349	1.34	0.42	2.2E-13	1.31	0.39	1.3E-11
Lancl1	4659	1.22	0.29	5.6E-04	1.25	0.33	8.5E-05
Lancl2	4527	-2.54	-1.34	4.9E-49	-2.70	-1.43	1.2E-55
Laptm4b	3095	1.53	0.62	4.7E-11	1.59	0.67	7.5E-13
Larp1b	901	2.87	1.52	2.6E-47	2.71	1.44	3.1E-42
Larp4b	11106	1.38	0.46	7.8E-18	1.39	0.48	5.8E-19
Larp6	215	-2.27	-1.18	1.4E-07	-2.29	-1.20	9.7E-08
Larp7	4216	-2.29	-1.20	1.2E-14	-2.53	-1.34	3.8E-18
Las1l	6968	1.40	0.49	4.1E-24	1.37	0.46	1.2E-21
Lat2	610	3.03	1.60	5.1E-19	2.64	1.40	6.3E-15
Lax1	162	4.73	2.24	1.2E-23	6.18	2.63	2.9E-31
Layn	181	3.02	1.60	2.8E-16	2.68	1.42	4.9E-13
Lbh	9353	-1.31	-0.39	6.9E-06	-1.39	-0.47	3.5E-08
Lbhd1	915	1.37	0.46	6.5E-06	1.29	0.36	4.1E-04

Lbp	122	-1.62	-0.70	2.9E-02	-1.85	-0.88	5.2E-03
Lck	258	-1.33	-0.41	8.4E-04	-1.38	-0.47	1.1E-04
Lclat1	2797	1.53	0.61	5.2E-25	1.55	0.63	3.2E-26
Lcmt1	3502	1.71	0.77	6.8E-36	1.76	0.82	2.8E-40
Lcp2	129	-2.55	-1.35	6.3E-13	-2.19	-1.13	1.5E-09
Lct	129	2.20	1.14	4.8E-11	2.62	1.39	2.5E-15
Ldah	2921	-1.40	-0.48	8.0E-13	-1.39	-0.47	2.9E-12
Ldb1	15935	-1.30	-0.38	6.7E-05	-1.40	-0.49	3.0E-07
Ldb3	118	-4.27	-2.09	1.0E-03	-3.63	-1.86	4.0E-03
Ldlr	2768	-1.36	-0.44	3.2E-02	-1.57	-0.65	1.1E-03
Ldlrap1	1021	1.80	0.85	8.7E-04	1.67	0.74	3.9E-03
Lekr1	546	1.29	0.37	2.3E-06	1.25	0.32	5.2E-05
Lemd1	426	-2.08	-1.06	7.0E-08	-1.93	-0.95	1.6E-06
Leng1	1294	1.84	0.88	8.2E-14	1.72	0.79	3.0E-11
Leng8	22520	-1.25	-0.32	1.4E-02	-1.34	-0.42	1.2E-03
Letm1	3858	-1.46	-0.55	1.3E-12	-1.53	-0.62	9.3E-16
Lfng	1615	-1.64	-0.72	8.8E-08	-1.69	-0.76	1.3E-08
Lgals7	208	-1.83	-0.87	2.7E-03	-1.52	-0.61	4.4E-02
Lgals8	1760	1.66	0.73	1.4E-20	1.72	0.78	2.3E-23
Lgals9	363	-1.66	-0.73	1.5E-03	-1.65	-0.72	2.0E-03
Lgi1	361	-3.37	-1.75	1.6E-06	-2.98	-1.57	1.9E-05
Lgi4	135	-2.19	-1.13	1.5E-03	-1.81	-0.85	2.0E-02
Lgmn	3063	1.31	0.38	7.3E-04	1.32	0.40	4.2E-04
Lgr4	5083	1.38	0.47	7.1E-04	1.46	0.55	6.4E-05
Lgr6	150	-2.42	-1.28	1.0E-02	-3.09	-1.63	9.2E-04
Lhfpl2	3650	-1.69	-0.75	1.5E-04	-1.71	-0.77	1.0E-04
Lhx8	610	-2.58	-1.37	7.4E-03	-2.81	-1.49	3.5E-03
Lhx9	7621	-1.85	-0.89	1.5E-03	-2.00	-1.00	3.3E-04
Lias	2575	-1.22	-0.29	4.3E-05	-1.27	-0.35	9.5E-07
Lig3	7660	-1.35	-0.43	8.4E-10	-1.36	-0.44	3.6E-10
Lig4	2648	1.29	0.36	1.5E-07	1.26	0.33	1.9E-06
Limch1	6122	-1.62	-0.69	1.6E-10	-1.43	-0.52	2.1E-06
Limd1	5555	1.28	0.36	1.7E-04	1.24	0.32	1.0E-03
Limd2	4598	-1.98	-0.99	9.5E-19	-2.17	-1.12	9.7E-24
Limk1	7085	1.66	0.73	1.4E-10	1.58	0.66	8.8E-09
Limk2	10289	1.28	0.36	1.3E-05	1.31	0.39	2.5E-06
Lims1	9873	1.40	0.49	1.2E-04	1.45	0.54	2.2E-05
Lin37	976	1.46	0.54	1.4E-10	1.32	0.40	4.0E-06
Lin52	1684	1.30	0.38	1.4E-06	1.25	0.32	5.2E-05
Lin7b	298	6.34	2.67	4.5E-69	6.45	2.69	1.5E-69
Lin9	1581	-1.81	-0.86	5.3E-15	-1.81	-0.85	7.9E-15
Lingo1	1683	-1.58	-0.66	2.3E-02	-1.52	-0.61	4.0E-02
Lingo3	150	2.55	1.35	4.5E-15	2.34	1.23	1.9E-12
Lins1	1541	-1.54	-0.62	1.6E-35	-1.51	-0.59	5.3E-32
Lipa	3263	1.69	0.76	1.3E-08	1.64	0.71	1.2E-07
Lipe	975	1.97	0.98	4.4E-20	1.90	0.92	6.8E-18
Lipo3	689	-2.83	-1.50	6.6E-45	-3.13	-1.64	2.0E-53



Lipt2	411	-1.44	-0.53	2.1E-05	-1.42	-0.51	4.4E-05
Litaf	2654	1.46	0.54	6.8E-07	1.50	0.59	7.7E-08
Lix1l	12076	1.36	0.44	6.4E-07	1.28	0.36	6.7E-05
Llgl2	368	2.79	1.48	9.8E-07	2.83	1.50	7.5E-07
Llph	3168	1.35	0.43	4.9E-03	1.24	0.32	4.5E-02
Lmbr1l	4606	1.54	0.62	4.1E-11	1.47	0.55	5.6E-09
Lmbrd2	164	1.49	0.58	9.5E-05	1.41	0.50	9.5E-04
Lmf1	769	-1.75	-0.81	8.0E-14	-1.77	-0.83	2.3E-14
Lmo1	1246	-1.39	-0.47	3.2E-02	-1.54	-0.62	3.9E-03
Lmo2	1194	-1.86	-0.90	4.5E-14	-2.14	-1.10	1.5E-20
Lmtk2	4256	1.29	0.37	7.0E-03	1.26	0.33	1.8E-02
Lmx1a	1011	-1.57	-0.65	1.5E-03	-1.81	-0.86	1.9E-05
Lnpep	6564	1.21	0.28	7.6E-04	1.25	0.32	8.7E-05
Lnpk	5745	1.28	0.35	3.6E-03	1.46	0.55	3.3E-06
Lnx2	1049	1.51	0.59	3.1E-10	1.48	0.56	2.5E-09
Lonp1	8249	1.49	0.58	1.4E-08	1.35	0.43	3.0E-05
Lonp2	7629	1.57	0.65	1.5E-30	1.63	0.71	2.4E-36
Lonrf3	714	3.43	1.78	1.6E-15	4.34	2.12	1.8E-21
Lox	5374	-2.76	-1.46	1.5E-05	-2.58	-1.37	6.0E-05
Lpar1	2608	-1.97	-0.98	5.8E-06	-1.99	-0.99	4.4E-06
Lpar2	1612	1.27	0.34	2.5E-07	1.22	0.29	2.0E-05
Lpar6	1124	-1.83	-0.87	2.3E-10	-1.86	-0.90	6.0E-11
Lpcat2	491	1.34	0.42	2.6E-02	1.56	0.64	6.1E-04
Lpcat3	1550	1.31	0.39	4.7E-05	1.31	0.38	5.1E-05
Lpgat1	9502	-1.52	-0.60	7.8E-11	-1.43	-0.51	3.3E-08
Lpin1	2745	1.49	0.58	1.1E-08	1.53	0.61	1.3E-09
Lrfn1	2114	1.32	0.40	2.5E-03	1.24	0.31	2.5E-02
Lrfn3	1428	1.47	0.56	1.0E-05	1.35	0.43	8.8E-04
Lrfn4	2999	-2.18	-1.13	9.9E-20	-2.31	-1.21	1.2E-22
Lrguk	610	1.82	0.86	5.3E-14	2.25	1.17	2.3E-24
Lrif1	2501	1.26	0.34	3.3E-06	1.29	0.36	4.3E-07
Lrp10	3105	1.91	0.93	9.3E-21	1.71	0.77	1.4E-14
Lrp2	2856	1.43	0.52	3.2E-02	1.64	0.71	2.8E-03
Lrp3	5457	-1.37	-0.45	1.1E-04	-1.50	-0.58	4.7E-07
Lrp4	4657	-1.50	-0.59	6.6E-10	-1.55	-0.63	3.0E-11
Lrp6	10654	-1.26	-0.33	1.0E-04	-1.14	-0.19	3.4E-02
Lrpap1	6185	1.44	0.53	9.5E-23	1.43	0.52	6.0E-22
Lrpprc	8740	1.63	0.71	1.8E-21	1.61	0.69	2.4E-20
Lrr1	597	1.70	0.76	6.7E-05	1.49	0.58	3.2E-03
Lrrc1	2446	1.64	0.71	7.0E-12	1.59	0.67	9.9E-11
Lrrc10b	118	2.31	1.21	2.9E-13	1.73	0.79	2.9E-06
Lrrc17	1709	-2.33	-1.22	4.0E-03	-2.22	-1.15	7.0E-03
Lrrc20	2243	1.31	0.39	2.3E-06	1.20	0.26	2.1E-03
Lrrc23	263	-1.33	-0.41	1.3E-02	-1.38	-0.46	5.7E-03
Lrrc28	1998	1.88	0.91	1.7E-44	1.90	0.92	7.3E-46
Lrrc3	1388	2.38	1.25	1.2E-29	2.60	1.38	1.4E-35
Lrrc4	888	-3.27	-1.71	1.1E-12	-3.64	-1.86	8.2E-15

Lrrc40	5790	1.31	0.38	7.8E-04	1.31	0.39	6.7E-04
Lrrc41	3730	-1.41	-0.50	3.8E-14	-1.40	-0.49	1.0E-13
Lrrc42	4775	1.83	0.87	9.5E-30	1.68	0.75	2.1E-22
Lrrc45	6089	1.34	0.42	3.7E-05	1.29	0.37	3.9E-04
Lrrc49	4403	-1.92	-0.94	7.1E-19	-1.84	-0.88	1.9E-16
Lrrc4b	4217	-2.74	-1.46	6.3E-12	-2.98	-1.58	8.4E-14
Lrrc51	184	1.29	0.37	1.8E-02	1.31	0.39	1.1E-02
Lrrc58	7447	-1.24	-0.31	2.1E-02	-1.36	-0.44	6.2E-04
Lrrc59	14255	1.31	0.39	1.3E-07	1.21	0.27	2.8E-04
Lrrc61	1302	-2.43	-1.28	1.5E-40	-2.85	-1.51	6.2E-56
Lrrc73	581	2.51	1.33	5.2E-17	2.35	1.24	7.8E-15
Lrrc75a	1592	2.01	1.01	6.6E-43	1.96	0.97	8.3E-40
Lrrc75b	1622	-3.53	-1.82	2.0E-11	-3.80	-1.93	1.1E-12
Lrrc8b	3769	-1.51	-0.60	9.8E-09	-1.45	-0.54	3.2E-07
Lrrc8d	2753	-1.33	-0.41	2.6E-04	-1.43	-0.52	2.4E-06
Lrrc9	597	1.48	0.57	1.9E-02	1.97	0.98	2.8E-05
Lrrfip1	2511	1.27	0.35	4.8E-04	1.37	0.45	4.8E-06
Lrrk1	709	-2.99	-1.58	2.8E-13	-2.85	-1.51	3.1E-12
Lrrk2	647	-2.40	-1.26	1.1E-08	-2.20	-1.14	2.9E-07
Lrrn4cl	131	1.84	0.88	2.9E-07	1.91	0.94	5.2E-08
Lrrtm1	551	-2.92	-1.55	3.0E-22	-2.75	-1.46	6.4E-20
Lrrtm4	422	-1.66	-0.73	1.5E-03	-1.53	-0.61	8.7E-03
Lrtm2	305	1.88	0.91	3.4E-02	2.02	1.01	1.9E-02
Lrwd1	2507	-1.32	-0.40	1.9E-05	-1.47	-0.56	9.1E-10
Lsm1	1777	1.33	0.42	2.8E-08	1.28	0.35	3.1E-06
Lsm10	531	-1.47	-0.56	9.1E-14	-1.58	-0.66	4.8E-19
Lsm11	4238	1.29	0.37	2.7E-02	1.31	0.38	2.1E-02
Lsm12	3551	-1.18	-0.24	1.6E-03	-1.31	-0.38	3.1E-07
Lsm6	4424	-1.48	-0.56	2.8E-06	-1.63	-0.70	3.3E-09
Lsp1	523	-2.44	-1.29	3.1E-06	-2.54	-1.35	1.0E-06
Lss	7158	1.25	0.32	1.7E-02	1.23	0.30	2.7E-02
Lta4h	6868	1.56	0.64	2.7E-16	1.53	0.61	5.1E-15
Ltbp1	2596	-1.92	-0.94	1.9E-03	-1.64	-0.71	2.2E-02
Ltbp2	136	-3.60	-1.85	9.4E-03	-3.17	-1.66	2.1E-02
Ltbp3	3021	-1.66	-0.74	1.4E-04	-1.57	-0.65	7.9E-04
Ltbp4	3390	1.74	0.80	1.8E-06	1.61	0.69	5.1E-05
Ltbr	659	-2.63	-1.40	5.9E-24	-2.73	-1.45	1.4E-25
Luc7l	15156	-1.34	-0.42	6.6E-08	-1.29	-0.37	2.7E-06
Luc7l2	24711	-1.62	-0.70	1.7E-08	-1.65	-0.72	5.4E-09
Lum	7596	-1.94	-0.95	1.1E-03	-1.92	-0.94	1.3E-03
Lurap1	660	3.74	1.90	2.6E-89	3.80	1.92	3.3E-90
Lxn	1279	-1.84	-0.88	2.5E-10	-1.68	-0.75	9.4E-08
Ly6e	2255	-1.27	-0.34	1.1E-07	-1.32	-0.40	4.3E-10
Ly75	515	1.83	0.87	1.0E-05	2.05	1.03	1.6E-07
Ly86	164	-1.52	-0.61	8.7E-04	-1.44	-0.53	4.5E-03
Lyl1	193	-1.77	-0.82	5.9E-06	-1.72	-0.78	2.0E-05
Lyn	618	-1.26	-0.34	1.8E-02	-1.34	-0.42	2.7E-03

Lynx1	536	4.01	2.00	3.1E-30	3.76	1.91	1.6E-27
Lypd6	1468	1.77	0.82	6.8E-17	1.69	0.76	1.3E-14
Lypd6b	164	-2.04	-1.03	1.9E-04	-2.09	-1.06	1.3E-04
Lyplal1	543	-1.66	-0.73	1.0E-11	-1.61	-0.69	2.0E-10
Lyrn2	1993	-1.69	-0.76	1.9E-14	-1.72	-0.79	2.2E-15
Lyrn9	2462	1.86	0.89	1.6E-13	1.88	0.91	5.3E-14
Lysmd2	268	-2.63	-1.40	6.8E-15	-2.71	-1.44	1.3E-15
Lysmd3	3487	1.43	0.51	2.3E-05	1.55	0.63	1.6E-07
Lyst	3193	1.41	0.50	2.9E-02	1.80	0.85	1.3E-04
Lyve1	462	-1.85	-0.89	3.0E-07	-1.93	-0.95	3.9E-08
Lyz2	356	-1.45	-0.54	2.1E-02	-1.60	-0.68	3.1E-03
Lzic	2336	-1.20	-0.26	2.4E-07	-1.27	-0.34	5.6E-12
Lztr1	7298	-1.32	-0.40	3.1E-15	-1.33	-0.41	6.8E-16
Lzts2	3586	-1.20	-0.27	3.2E-02	-1.33	-0.42	5.7E-04
Lzts3	2386	2.00	1.00	6.1E-16	1.84	0.88	1.9E-12
M6pr	6568	1.48	0.57	6.5E-07	1.42	0.51	9.3E-06
Mab21l1	3550	-1.65	-0.72	5.9E-04	-1.51	-0.59	5.3E-03
Mab21l3	237	1.90	0.92	9.2E-07	1.91	0.94	7.1E-07
Macir	3330	-1.23	-0.30	2.5E-02	-1.30	-0.38	3.4E-03
Maco1	10206	-1.27	-0.34	1.5E-04	-1.33	-0.41	3.7E-06
Macrocl1	174	1.57	0.65	9.6E-05	1.48	0.56	8.5E-04
Macroh2a2	11646	-2.12	-1.08	1.9E-34	-2.39	-1.26	3.1E-46
Mad2l2	2438	1.28	0.35	3.3E-07	1.24	0.31	7.7E-06
Madd	10647	1.63	0.71	2.1E-05	1.63	0.70	2.6E-05
Maea	8647	1.32	0.40	3.1E-07	1.23	0.30	1.6E-04
Maf	3212	-1.63	-0.70	3.8E-06	-1.64	-0.71	2.8E-06
Mafa	182	1.95	0.97	5.3E-03	2.98	1.57	3.4E-06
Mafb	999	-1.57	-0.65	8.5E-05	-1.71	-0.78	2.2E-06
Maff	259	1.61	0.69	6.0E-07	1.55	0.63	5.4E-06
Maged2	13167	-1.29	-0.36	2.5E-03	-1.26	-0.33	6.8E-03
Magi1	9802	-1.96	-0.97	2.7E-20	-2.01	-1.01	1.4E-21
Magi3	4987	1.43	0.51	3.7E-10	1.53	0.61	7.5E-14
Magohb	733	-1.46	-0.55	1.5E-05	-1.42	-0.51	6.7E-05
Mak	566	5.75	2.52	4.7E-48	6.92	2.79	1.1E-57
Malt1	1476	2.13	1.09	8.0E-14	2.48	1.31	2.3E-19
Mamdc2	168	-1.92	-0.94	4.9E-07	-2.11	-1.08	8.2E-09
Mamdc4	859	-1.55	-0.63	5.9E-07	-1.56	-0.64	3.6E-07
Maml1	3053	-1.49	-0.57	1.3E-08	-1.57	-0.65	9.3E-11
Maml2	1738	-1.27	-0.34	5.0E-08	-1.29	-0.37	5.1E-09
Man1c1	1997	2.20	1.14	1.2E-21	2.02	1.01	2.5E-17
Man2b1	3263	1.69	0.76	1.0E-16	1.58	0.66	8.6E-13
Man2b2	852	-1.35	-0.43	8.6E-03	-1.43	-0.52	1.4E-03
Man2c1	3909	-1.36	-0.45	1.8E-11	-1.41	-0.50	7.0E-14
Manba	721	1.92	0.94	1.1E-13	2.10	1.07	2.8E-17
Manbal	1636	-1.48	-0.57	3.9E-13	-1.59	-0.67	4.4E-18
Manf	6389	1.53	0.61	3.9E-12	1.46	0.55	5.6E-10
Maoa	3840	1.36	0.44	9.8E-05	1.39	0.48	2.0E-05

Map10	976	1.39	0.47	1.4E-15	1.36	0.45	8.4E-14
Map1a	10875	1.62	0.69	2.0E-04	1.61	0.69	2.3E-04
Map1lc3b	12691	1.56	0.64	4.5E-30	1.58	0.66	2.3E-31
Map1s	2513	-1.42	-0.50	4.4E-05	-1.54	-0.62	4.0E-07
Map2	68999	-1.59	-0.67	2.1E-04	-1.41	-0.49	7.8E-03
Map2k1	4241	1.70	0.77	2.3E-18	1.67	0.74	3.6E-17
Map2k2	5166	-1.19	-0.25	9.3E-03	-1.31	-0.39	3.1E-05
Map2k3	2130	1.60	0.68	1.6E-05	1.53	0.62	8.9E-05
Map2k5	1956	-1.25	-0.32	1.2E-06	-1.35	-0.43	4.4E-11
Map2k6	3115	1.62	0.70	3.2E-24	1.59	0.67	1.6E-22
Map2k7	2563	-2.07	-1.05	6.2E-18	-2.22	-1.15	3.6E-21
Map3k10	4529	1.54	0.63	1.2E-06	1.48	0.56	1.5E-05
Map3k13	3556	1.29	0.37	4.1E-02	1.34	0.42	2.0E-02
Map3k14	709	1.82	0.86	5.6E-10	1.64	0.72	3.7E-07
Map3k15	270	2.08	1.06	1.2E-12	1.98	0.98	3.9E-11
Map3k20	1614	1.27	0.35	1.6E-04	1.29	0.36	9.5E-05
Map3k3	3929	1.29	0.37	1.7E-08	1.23	0.30	5.4E-06
Map3k5	380	-1.77	-0.83	6.1E-04	-1.75	-0.81	9.3E-04
Map3k7	13156	1.34	0.42	5.0E-10	1.35	0.43	1.4E-10
Map4k1	311	-1.27	-0.35	6.1E-03	-1.37	-0.45	3.2E-04
Map4k4	38454	-1.65	-0.72	1.7E-19	-1.67	-0.74	3.9E-20
Map7d2	2946	1.74	0.80	9.0E-09	1.71	0.77	2.4E-08
Map7d3	405	2.19	1.13	1.1E-08	2.28	1.19	2.2E-09
Mapk1	20963	1.33	0.41	3.2E-15	1.29	0.37	7.0E-13
Mapk11	3675	-1.26	-0.33	2.9E-02	-1.41	-0.49	9.9E-04
Mapk12	1570	1.81	0.85	2.5E-07	1.58	0.66	9.8E-05
Mapk14	7022	1.55	0.64	4.6E-40	1.52	0.60	9.9E-36
Mapk15	391	3.12	1.64	3.3E-28	2.79	1.48	4.8E-23
Mapk1ip1l	10734	-1.23	-0.30	6.1E-03	-1.32	-0.40	1.9E-04
Mapk6	16863	-1.38	-0.46	5.1E-09	-1.44	-0.52	3.1E-11
Mapk8ip1	12031	1.45	0.54	1.9E-07	1.37	0.46	1.0E-05
Mapk9	10625	1.65	0.72	1.4E-14	1.80	0.85	1.0E-19
Mapkapk2	8710	1.49	0.58	2.1E-07	1.33	0.41	3.7E-04
Mapkapk3	645	3.87	1.95	1.5E-23	3.78	1.92	1.1E-22
Mapre1	23742	-1.32	-0.40	7.0E-08	-1.33	-0.41	2.3E-08
Mapre2	14965	1.35	0.43	1.6E-05	1.37	0.46	4.6E-06
Mapre3	4964	1.36	0.44	1.3E-02	1.31	0.39	3.0E-02
Marchf2	2921	2.06	1.04	5.8E-39	2.15	1.10	3.3E-43
Marchf3	280	2.09	1.06	2.0E-09	2.03	1.02	9.6E-09
Marchf7	11402	-1.29	-0.36	9.0E-04	-1.21	-0.28	1.4E-02
Marcks	64056	-2.10	-1.07	3.1E-25	-2.26	-1.18	2.7E-30
Marcksl1	49573	-1.44	-0.53	3.9E-11	-1.55	-0.63	2.4E-15
Mark1	5757	-1.39	-0.48	3.0E-03	-1.42	-0.50	1.7E-03
Mark4	5821	1.52	0.60	5.5E-05	1.40	0.49	1.2E-03
Mars1	6851	1.25	0.32	8.5E-05	1.18	0.24	3.8E-03
Mars2	3923	2.16	1.11	2.3E-27	2.29	1.20	1.5E-31
Marveld1	1808	-1.59	-0.66	1.3E-03	-1.56	-0.64	1.9E-03

Marveld2	138	-2.05	-1.04	9.7E-04	-2.58	-1.37	1.1E-05
Marveld3	145	3.70	1.89	1.2E-22	3.18	1.67	5.6E-18
Maskbp3	102	1.44	0.53	2.1E-02	1.73	0.79	4.1E-04
Masp1	3860	-2.88	-1.52	2.5E-18	-2.81	-1.49	1.5E-17
Mast3	433	2.89	1.53	1.1E-05	2.18	1.13	1.5E-03
Mast4	5669	1.35	0.43	6.9E-03	1.51	0.59	1.7E-04
Matk	460	2.03	1.02	3.9E-06	2.13	1.09	8.7E-07
Matn1	333	-15.73	-3.98	2.2E-03	-11.44	-3.52	7.4E-03
Matn2	712	-2.14	-1.09	3.0E-03	-2.04	-1.03	5.8E-03
Matn4	1519	-6.04	-2.59	6.0E-03	-5.27	-2.40	1.2E-02
Matr3	23931	-1.27	-0.34	3.7E-03	-1.21	-0.28	2.0E-02
Mavs	1242	1.63	0.70	1.7E-05	1.58	0.66	5.4E-05
Max	5377	1.73	0.79	2.7E-37	1.58	0.66	7.3E-26
Maz	16904	-1.71	-0.77	4.9E-09	-1.90	-0.92	2.2E-12
Mb21d2	2045	-1.25	-0.32	2.0E-02	-1.23	-0.30	3.2E-02
Mbd2	2535	1.31	0.39	3.7E-07	1.19	0.25	1.8E-03
Mbd3	6414	-2.01	-1.01	1.9E-13	-2.27	-1.18	3.7E-18
Mbd4	2576	1.30	0.37	1.3E-05	1.33	0.41	1.8E-06
Mblac2	1590	2.37	1.24	5.2E-14	2.25	1.17	1.4E-12
Mbnl2	6663	1.25	0.32	4.7E-02	1.36	0.44	5.7E-03
Mboat2	6334	1.25	0.33	1.3E-05	1.28	0.36	1.3E-06
Mboat7	5265	1.93	0.95	3.0E-26	1.91	0.94	2.5E-25
Mbp	2022	1.26	0.33	3.0E-04	1.19	0.26	6.0E-03
Mbtps1	9913	-1.40	-0.48	9.0E-08	-1.39	-0.47	1.9E-07
Mc4r	165	1.45	0.54	6.3E-03	1.60	0.67	6.3E-04
Mcam	4295	1.79	0.84	4.6E-17	1.65	0.72	5.1E-13
Mcat	1582	-1.28	-0.36	9.0E-06	-1.38	-0.46	5.5E-09
Mcee	606	1.35	0.43	1.7E-06	1.38	0.46	2.9E-07
Mcf2l	7583	-2.10	-1.07	2.1E-07	-2.16	-1.11	7.2E-08
Mcfd2	3212	1.29	0.37	9.2E-05	1.28	0.35	2.2E-04
Mcidas	133	-4.10	-2.04	1.0E-13	-3.80	-1.93	1.4E-12
Mcl1	13988	-1.20	-0.26	6.8E-05	-1.26	-0.34	2.8E-07
Mcm3ap	5291	-3.54	-1.83	1.2E-114	-3.59	-1.85	5.1E-117
Mcm9	1058	-1.31	-0.39	4.3E-06	-1.29	-0.37	2.3E-05
Mcoln1	4522	1.35	0.43	1.2E-05	1.29	0.37	1.8E-04
Mcrip2	211	3.23	1.69	2.1E-26	2.97	1.57	9.2E-23
Mcrs1	4070	-1.89	-0.92	8.1E-32	-2.11	-1.08	2.3E-43
Mcts1	3739	-1.31	-0.39	6.6E-05	-1.24	-0.32	1.4E-03
Mcub	136	2.23	1.15	4.6E-22	1.96	0.97	5.5E-16
Mdfic	1291	-2.33	-1.22	7.0E-17	-2.50	-1.32	1.3E-19
Mdh1	19514	1.53	0.62	7.9E-14	1.63	0.70	9.6E-18
Mdk	9601	-1.57	-0.65	4.2E-03	-1.77	-0.82	2.3E-04
Mdm1	7281	2.48	1.31	4.4E-50	2.41	1.27	5.8E-47
Mdm2	5593	-1.29	-0.37	4.5E-04	-1.41	-0.49	1.9E-06
Mdm4	17786	-1.36	-0.44	1.7E-05	-1.19	-0.25	1.9E-02
Mdn1	11812	1.59	0.67	1.6E-03	1.93	0.95	5.1E-06
Mdp1	2372	-1.28	-0.36	7.1E-07	-1.28	-0.36	5.5E-07

Me1	1309	-1.46	-0.55	8.6E-05	-1.39	-0.47	9.3E-04
Meaf6	4406	-2.01	-1.01	5.3E-12	-2.16	-1.11	1.8E-14
Mecom	1546	-1.69	-0.76	5.4E-03	-1.53	-0.61	2.8E-02
Mecp2	11258	-1.59	-0.67	2.3E-05	-1.54	-0.63	7.6E-05
Mecr	1644	1.95	0.96	2.9E-23	1.86	0.90	2.0E-20
Med10	3468	1.47	0.56	3.9E-16	1.38	0.47	1.1E-11
Med11	678	-1.95	-0.97	7.8E-22	-1.89	-0.92	9.4E-20
Med12	7067	-1.57	-0.65	7.3E-11	-1.45	-0.53	1.6E-07
Med14	9015	1.22	0.29	1.0E-02	1.30	0.38	4.8E-04
Med16	2471	-2.03	-1.02	6.5E-41	-2.18	-1.12	2.3E-49
Med22	6460	1.33	0.41	1.0E-09	1.26	0.33	1.2E-06
Med24	6283	-1.62	-0.69	1.1E-26	-1.65	-0.72	5.1E-29
Med6	2093	-1.57	-0.65	1.2E-09	-1.62	-0.70	6.8E-11
Med9	1312	-1.19	-0.25	1.6E-02	-1.26	-0.33	1.2E-03
Mef2a	6251	-1.34	-0.42	3.2E-04	-1.28	-0.35	3.3E-03
Mef2d	6108	1.54	0.62	1.3E-05	1.47	0.56	1.1E-04
Megf10	3621	-1.96	-0.97	6.1E-22	-1.80	-0.84	9.4E-17
Megf9	12905	1.41	0.49	4.8E-07	1.43	0.52	1.2E-07
Meioc	118	2.85	1.51	1.8E-03	4.19	2.07	1.6E-05
Meis2	15231	-1.49	-0.57	9.6E-04	-1.39	-0.47	7.0E-03
Memo1	4132	-1.22	-0.29	1.6E-03	-1.28	-0.36	6.5E-05
Meox2	259	-3.50	-1.81	7.2E-03	-2.77	-1.47	3.3E-02
Mepce	2915	-1.45	-0.54	1.1E-06	-1.54	-0.63	8.9E-09
Mest	36402	-1.38	-0.47	3.6E-02	-1.45	-0.53	1.7E-02
Metap1	5356	1.39	0.47	4.4E-15	1.44	0.53	8.6E-19
Metap1d	2494	-1.43	-0.51	8.3E-09	-1.23	-0.30	1.4E-03
Metrn	4092	2.39	1.26	5.0E-10	2.07	1.05	2.6E-07
Mettl14	3357	-1.18	-0.24	1.8E-02	-1.26	-0.34	9.1E-04
Mettl15	259	-1.58	-0.66	1.3E-07	-1.61	-0.69	5.8E-08
Mettl16	4340	-1.46	-0.55	6.6E-33	-1.44	-0.53	1.9E-30
Mettl17	2775	1.34	0.42	2.0E-10	1.30	0.38	9.5E-09
Mettl21a	888	-1.51	-0.59	2.9E-13	-1.53	-0.62	2.8E-14
Mettl22	504	-2.07	-1.05	5.4E-16	-2.19	-1.13	2.3E-18
Mettl25	505	-2.81	-1.49	3.5E-46	-2.85	-1.51	4.1E-47
Mettl27	770	2.27	1.19	1.1E-17	2.28	1.19	1.1E-17
Mettl4	3171	-2.09	-1.06	1.3E-46	-1.90	-0.93	6.6E-36
Mettl6	4156	1.30	0.37	5.8E-06	1.27	0.35	3.0E-05
Mettl8	1816	1.49	0.57	2.5E-14	1.62	0.70	8.7E-21
Mettl9	8475	-1.38	-0.47	1.2E-06	-1.46	-0.55	1.1E-08
Mex3a	23844	-1.76	-0.81	1.1E-07	-2.00	-1.00	4.7E-11
Mex3b	7788	-2.08	-1.06	1.4E-23	-2.26	-1.18	5.5E-29
Mfap1a	3409	1.28	0.35	2.4E-09	1.29	0.36	6.8E-10
Mfap1b	1919	1.26	0.33	1.2E-05	1.26	0.33	8.8E-06
Mfap2	5735	-1.57	-0.65	3.9E-05	-1.58	-0.66	2.9E-05
Mfap3	9210	1.28	0.36	1.3E-05	1.36	0.44	7.5E-08
Mfap3l	1004	2.22	1.15	3.2E-18	2.68	1.42	4.1E-27
Mfap4	4350	-2.10	-1.07	2.9E-04	-1.97	-0.98	1.0E-03



Mfge8	3006	1.48	0.57	2.8E-05	1.35	0.44	1.7E-03
Mfhas1	3184	1.27	0.35	4.4E-03	1.22	0.29	1.9E-02
Mfng	3161	-2.22	-1.15	4.6E-08	-2.64	-1.40	1.9E-11
Mfsd1	5510	1.64	0.71	2.0E-14	1.60	0.68	3.1E-13
Mfsd10	1380	-1.93	-0.95	2.7E-21	-2.18	-1.12	3.5E-29
Mfsd11	2408	1.45	0.53	5.2E-21	1.51	0.59	1.9E-25
Mfsd12	2585	4.22	2.08	2.9E-55	3.84	1.94	1.8E-48
Mfsd13a	472	1.91	0.94	3.5E-11	1.82	0.86	1.4E-09
Mfsd14b	4325	1.30	0.38	4.5E-06	1.34	0.42	3.9E-07
Mfsd2b	505	1.50	0.58	1.6E-04	1.52	0.60	9.2E-05
Mfsd3	268	1.43	0.52	6.7E-06	1.38	0.46	6.7E-05
Mfsd4b4	1123	-1.39	-0.48	9.5E-13	-1.26	-0.33	1.2E-06
Mfsd6	1074	-2.97	-1.57	7.5E-21	-3.04	-1.60	1.2E-21
Mfsd9	638	3.03	1.60	4.9E-41	3.06	1.61	2.2E-41
Mgarp	268	1.96	0.97	7.6E-03	1.83	0.87	1.8E-02
Mgat1	3069	-1.35	-0.44	1.4E-07	-1.44	-0.52	2.4E-10
Mgat3	4905	-1.61	-0.69	9.8E-09	-1.67	-0.74	5.6E-10
Mgat4a	1876	1.31	0.39	2.7E-02	1.42	0.51	3.4E-03
Mgat5b	3614	-1.79	-0.84	7.9E-04	-1.85	-0.89	3.9E-04
Mgme1	683	-1.97	-0.98	4.3E-19	-1.98	-0.98	2.3E-19
Mgp	202	-5.29	-2.40	6.4E-06	-3.90	-1.96	2.8E-04
Mgrn1	8129	1.26	0.33	1.7E-06	1.22	0.29	3.4E-05
Mgst3	1564	1.59	0.67	3.8E-11	1.68	0.75	7.9E-14
Mib2	3792	1.39	0.48	1.5E-04	1.31	0.39	1.9E-03
Mical1	2455	-1.84	-0.88	7.2E-19	-2.06	-1.05	3.2E-26
Mical2	885	2.42	1.27	6.4E-15	2.31	1.21	1.5E-13
Mical3	6409	1.48	0.57	3.2E-04	1.44	0.53	8.1E-04
Micall1	4284	-1.33	-0.41	1.8E-04	-1.31	-0.39	3.8E-04
Micall2	1258	2.10	1.07	2.5E-20	2.01	1.00	5.7E-18
Micu1	5433	1.87	0.90	4.9E-71	1.86	0.89	2.2E-69
Micu2	3704	-2.11	-1.08	2.6E-46	-2.13	-1.09	2.3E-47
Mideas	3080	1.29	0.37	2.1E-04	1.28	0.36	4.1E-04
Midn	15309	-1.91	-0.93	3.1E-09	-2.18	-1.12	5.8E-13
Mier3	3964	-1.28	-0.36	1.4E-06	-1.22	-0.28	2.1E-04
Miga2	2929	1.72	0.78	1.2E-36	1.70	0.77	1.2E-35
Miip	3843	1.34	0.42	1.9E-05	1.20	0.26	1.1E-02
Minar1	411	1.86	0.89	5.2E-03	2.71	1.44	4.2E-06
Minar2	3572	-1.49	-0.58	9.5E-04	-1.42	-0.51	4.1E-03
Mindy1	2377	-1.64	-0.72	1.4E-44	-1.69	-0.76	9.4E-50
Mindy2	5630	1.45	0.54	6.3E-05	1.56	0.64	1.5E-06
Mindy3	3678	1.36	0.45	5.0E-09	1.39	0.47	4.8E-10
Mindy4	560	-5.12	-2.36	1.1E-97	-4.78	-2.26	3.3E-90
Mink1	6672	1.33	0.41	6.4E-04	1.25	0.32	9.3E-03
Mios	2877	-1.30	-0.38	2.3E-06	-1.19	-0.25	2.1E-03
Mis18a	1946	1.57	0.65	5.2E-05	1.46	0.54	8.4E-04
Misp	245	2.97	1.57	1.2E-07	3.14	1.65	2.5E-08
Mitf	516	2.23	1.15	3.3E-14	2.43	1.28	3.5E-17

Mki67	37376	-1.42	-0.50	4.5E-03	-1.33	-0.41	2.3E-02
Mknk1	3209	2.16	1.11	2.2E-70	2.23	1.16	2.9E-76
Mknk2	8080	1.76	0.82	1.5E-10	1.64	0.71	3.2E-08
Mks1	1023	-2.03	-1.02	1.4E-25	-2.08	-1.06	3.7E-27
Mlc1	600	-2.97	-1.57	1.8E-14	-3.17	-1.67	3.5E-16
Mlec	23501	1.44	0.53	1.3E-06	1.46	0.54	6.8E-07
Mlf1	943	1.63	0.71	3.3E-06	1.79	0.84	2.9E-08
Mlf2	14065	1.26	0.34	1.1E-04	1.21	0.28	1.9E-03
Mlh1	2263	-1.47	-0.56	8.7E-09	-1.57	-0.65	2.1E-11
Mlh3	1742	-1.77	-0.82	6.2E-28	-1.57	-0.65	5.7E-18
Mllt10	5619	-1.47	-0.56	2.0E-18	-1.50	-0.59	1.8E-20
Mllt11	16031	-1.56	-0.65	2.5E-03	-1.49	-0.57	8.0E-03
Mllt3	7786	-1.52	-0.61	4.1E-11	-1.47	-0.56	1.3E-09
Mlst8	2354	-2.67	-1.42	8.3E-74	-2.96	-1.57	6.3E-90
Mlxip	9877	2.09	1.06	2.1E-28	2.00	1.00	2.7E-25
Mlxipl	515	4.55	2.19	5.5E-31	3.73	1.90	1.1E-23
Mmab	1482	-1.85	-0.88	6.7E-26	-1.90	-0.93	2.9E-28
Mmachc	1470	-1.62	-0.70	1.1E-09	-1.74	-0.80	2.4E-12
Mmd	6246	1.48	0.57	2.4E-06	1.48	0.57	2.6E-06
Mmgt2	1037	-1.33	-0.41	2.3E-05	-1.45	-0.53	3.2E-08
Mmp14	5686	-2.88	-1.52	6.7E-19	-2.89	-1.53	5.1E-19
Mmp17	2242	2.88	1.52	1.5E-29	2.57	1.36	7.3E-24
Mmp23	259	1.97	0.98	1.6E-06	2.07	1.05	2.2E-07
Mmp24	2663	-1.59	-0.67	2.4E-02	-1.54	-0.62	3.8E-02
Mmp25	191	-1.45	-0.54	5.4E-03	-1.39	-0.47	1.6E-02
Mmrn2	804	-1.33	-0.41	2.3E-05	-1.34	-0.43	1.2E-05
Mms19	6431	1.64	0.71	8.3E-20	1.70	0.77	1.1E-22
Mms22l	3477	1.34	0.42	6.8E-03	1.33	0.41	8.9E-03
Mob2	1818	1.39	0.47	1.9E-14	1.40	0.49	4.7E-15
Mob3a	3676	1.55	0.63	2.5E-09	1.48	0.57	1.3E-07
Mob3c	423	-1.48	-0.56	4.6E-09	-1.71	-0.77	6.8E-16
Mocs2	4439	1.58	0.66	2.6E-26	1.62	0.69	7.4E-29
Mocs3	562	1.25	0.32	6.2E-06	1.29	0.36	3.9E-07
Mogat2	213	2.29	1.20	1.3E-05	1.78	0.83	3.1E-03
Mok	770	1.68	0.75	6.5E-21	1.80	0.85	2.6E-26
Mon1a	907	-1.30	-0.38	3.3E-04	-1.39	-0.48	3.8E-06
Mon1b	2895	1.36	0.44	9.1E-05	1.28	0.36	1.6E-03
Mon2	9326	1.28	0.36	3.3E-05	1.35	0.44	2.5E-07
Morc3	3727	-1.29	-0.36	9.7E-13	-1.24	-0.31	1.1E-09
Morc4	1402	1.49	0.58	2.7E-05	1.50	0.59	2.0E-05
Morf4l1	20022	-1.42	-0.51	1.4E-15	-1.48	-0.56	5.8E-19
Morn1	629	2.37	1.25	3.8E-47	2.23	1.16	1.3E-40
Mospd2	2650	1.27	0.34	4.1E-04	1.35	0.43	5.8E-06
Mov10	1177	-1.70	-0.77	5.7E-05	-1.84	-0.88	3.5E-06
Mpc1	1384	1.32	0.40	3.5E-04	1.40	0.49	1.2E-05
Mpc2	2092	1.24	0.31	1.5E-03	1.30	0.38	9.2E-05

Mpdu1	2495	-2.10	-1.07	2.0E-36	-2.28	-1.19	1.1E-44
Mpeg1	670	-1.43	-0.52	2.5E-03	-1.32	-0.40	2.0E-02
Mphosph8	7814	1.32	0.40	2.6E-07	1.30	0.38	1.4E-06
Mphosph9	3551	-1.49	-0.57	3.2E-06	-1.41	-0.49	6.6E-05
Mpi	3535	1.41	0.49	4.2E-14	1.35	0.43	3.6E-11
Mpp2	4567	1.88	0.91	4.0E-12	1.75	0.81	7.9E-10
Mpp3	3135	1.28	0.36	8.7E-03	1.29	0.36	7.6E-03
Mpp4	216	2.66	1.41	2.6E-10	3.07	1.62	4.0E-13
Mpp7	2944	1.78	0.83	6.8E-19	1.74	0.80	1.3E-17
Mppe1	364	-2.72	-1.45	5.3E-15	-2.59	-1.37	1.3E-13
Mpped2	4714	-2.58	-1.37	8.2E-12	-2.59	-1.37	6.9E-12
Mpst	1986	1.50	0.58	9.2E-11	1.35	0.43	2.3E-06
Mpv17l	761	2.04	1.03	1.2E-10	2.17	1.12	2.0E-12
Mpzl1	9286	1.61	0.69	7.5E-40	1.60	0.68	5.8E-39
Mpzl3	134	-4.67	-2.22	5.0E-42	-4.85	-2.28	3.0E-43
Mrc1	2082	-1.32	-0.40	1.5E-02	-1.34	-0.42	1.1E-02
Mrc2	4882	-1.66	-0.73	1.4E-04	-1.81	-0.86	6.4E-06
Mreg	417	2.03	1.02	3.4E-04	3.03	1.60	9.6E-09
Mrfap1	18037	-1.27	-0.34	9.8E-04	-1.38	-0.46	7.0E-06
Mrgpre	425	-1.50	-0.59	5.4E-06	-1.55	-0.63	9.1E-07
Mrm1	852	1.88	0.91	1.9E-20	1.90	0.93	3.6E-21
Mrm3	468	-1.20	-0.27	4.8E-03	-1.35	-0.43	2.3E-06
Mro	349	1.59	0.67	3.8E-07	1.58	0.66	5.4E-07
Mroh1	5037	2.01	1.00	4.9E-20	2.01	1.01	3.3E-20
Mrpl11	2893	-1.35	-0.43	1.9E-06	-1.40	-0.48	8.0E-08
Mrpl14	1093	1.30	0.37	1.9E-05	1.23	0.30	6.8E-04
Mrpl17	2490	1.31	0.40	5.8E-10	1.23	0.30	3.0E-06
Mrpl18	2767	-1.19	-0.25	2.6E-02	-1.28	-0.35	1.6E-03
Mrpl21	1573	-1.42	-0.50	2.3E-06	-1.52	-0.60	1.4E-08
Mrpl23	1564	-1.43	-0.52	3.5E-07	-1.53	-0.62	1.0E-09
Mrpl24	6353	1.30	0.38	8.3E-10	1.27	0.34	2.9E-08
Mrpl27	1124	-2.18	-1.13	6.8E-36	-2.22	-1.15	1.6E-37
Mrpl28	3257	1.41	0.50	1.8E-06	1.28	0.35	1.0E-03
Mrpl3	3732	-1.49	-0.57	9.9E-22	-1.58	-0.66	2.0E-28
Mrpl34	1952	1.37	0.45	1.3E-05	1.20	0.26	1.5E-02
Mrpl35	1437	-1.51	-0.59	6.3E-11	-1.48	-0.56	5.6E-10
Mrpl37	3517	-1.30	-0.37	6.0E-08	-1.36	-0.44	1.5E-10
Mrpl40	1394	-1.38	-0.46	3.1E-05	-1.44	-0.53	1.8E-06
Mrpl41	2210	1.36	0.45	2.9E-07	1.39	0.47	5.2E-08
Mrpl43	2286	1.53	0.61	5.6E-13	1.40	0.49	1.4E-08
Mrpl44	1438	-1.47	-0.55	4.6E-09	-1.52	-0.60	1.8E-10
Mrpl45	1841	-1.90	-0.92	2.6E-39	-2.03	-1.02	1.7E-47
Mrpl46	1168	-1.26	-0.33	3.0E-03	-1.30	-0.38	6.7E-04
Mrpl48	1790	-1.90	-0.93	1.5E-54	-1.85	-0.89	5.3E-50
Mrpl49	3480	1.53	0.61	1.7E-09	1.40	0.49	2.3E-06
Mrpl54	740	-2.53	-1.34	1.6E-19	-2.62	-1.39	8.1E-21

Mrpl55	1554	1.36	0.44	4.5E-06	1.29	0.36	2.0E-04
Mrpl58	2394	-1.50	-0.58	9.8E-08	-1.69	-0.76	2.2E-12
Mrps12	1130	1.32	0.40	4.0E-04	1.23	0.30	9.2E-03
Mrps15	1902	-1.48	-0.56	7.7E-18	-1.47	-0.56	1.9E-17
Mrps16	1164	-1.30	-0.38	2.7E-04	-1.37	-0.45	1.1E-05
Mrps18a	1426	-1.53	-0.62	1.7E-24	-1.60	-0.68	3.2E-29
Mrps22	2285	1.26	0.34	2.7E-04	1.30	0.38	3.2E-05
Mrps26	1920	1.27	0.35	1.5E-07	1.17	0.22	1.3E-03
Mrps28	457	-1.59	-0.67	9.3E-06	-1.60	-0.68	6.0E-06
Mrps30	1973	-1.32	-0.40	6.5E-07	-1.37	-0.46	1.6E-08
Mrps35	1439	-1.73	-0.79	1.9E-26	-1.90	-0.93	1.7E-35
Mrps5	4667	-1.31	-0.39	1.8E-12	-1.35	-0.43	1.3E-14
Mrps6	1363	1.55	0.63	1.2E-07	1.48	0.56	3.1E-06
Mrrf	1458	-1.64	-0.72	6.2E-40	-1.67	-0.74	3.2E-42
Mrs2	8554	1.23	0.30	4.0E-04	1.32	0.40	2.3E-06
Mrtfa	3292	1.38	0.46	1.4E-04	1.23	0.30	1.7E-02
Mrtfb	3074	-1.45	-0.54	6.7E-10	-1.39	-0.48	5.4E-08
Mrto4	2130	-1.22	-0.29	3.1E-03	-1.36	-0.45	2.4E-06
Ms4a6b	163	-1.99	-1.00	4.1E-06	-2.21	-1.15	1.0E-07
Ms4a6c	182	-2.07	-1.05	1.1E-07	-2.11	-1.08	4.2E-08
Msantd1	237	1.47	0.56	1.9E-05	1.45	0.53	5.5E-05
Msantd3	2656	-1.62	-0.70	8.5E-10	-1.79	-0.84	1.1E-13
Msh2	10003	1.36	0.45	1.9E-06	1.29	0.36	1.3E-04
Msh3	3059	-1.36	-0.45	7.2E-08	-1.37	-0.46	3.6E-08
Msh5	739	2.41	1.27	1.7E-16	2.29	1.19	9.1E-15
Msh6	10340	1.26	0.33	9.7E-03	1.20	0.26	4.7E-02
Msi1	10774	-2.33	-1.22	5.8E-07	-2.84	-1.51	5.1E-10
Msl1	15044	-1.86	-0.89	2.0E-14	-2.02	-1.01	3.0E-18
Msl3l2	386	-1.94	-0.96	1.6E-31	-2.03	-1.02	4.4E-35
Msmo1	7657	1.46	0.55	1.1E-03	1.41	0.49	3.7E-03
Msrb1	1392	2.02	1.02	4.7E-27	1.94	0.95	5.6E-24
Msrb2	231	-3.77	-1.91	1.4E-29	-3.82	-1.93	5.9E-30
Mt1	609	1.63	0.71	4.2E-05	1.61	0.69	6.5E-05
Mta1	7459	-1.24	-0.31	4.9E-02	-1.40	-0.49	1.4E-03
Mta3	1599	-1.65	-0.72	6.7E-18	-1.70	-0.77	5.2E-20
Mtap	5054	1.58	0.66	1.5E-05	1.43	0.52	9.2E-04
Mtarc2	2559	1.44	0.52	1.7E-08	1.52	0.60	7.6E-11
Mtch2	3929	1.29	0.37	9.8E-08	1.29	0.37	1.2E-07
Mterf3	2886	-1.39	-0.48	3.2E-07	-1.34	-0.42	7.0E-06
Mtfmt	1768	1.52	0.61	1.2E-38	1.53	0.61	5.8E-39
Mtfp1	351	2.31	1.21	6.1E-23	2.27	1.18	4.8E-22
Mtfr1	4828	1.43	0.52	5.5E-09	1.39	0.47	1.6E-07
Mtfr1l	6647	1.58	0.66	5.0E-36	1.57	0.65	4.0E-35
Mtfr2	863	1.84	0.88	3.5E-07	1.67	0.74	2.0E-05
Mtg1	878	-1.96	-0.97	1.4E-30	-1.93	-0.95	2.1E-29
Mtg2	1525	-1.22	-0.28	1.3E-03	-1.27	-0.35	7.0E-05

Mthfd1	4316	1.28	0.36	4.3E-03	1.19	0.26	4.7E-02
Mthfd1l	881	-1.83	-0.87	5.5E-05	-1.98	-0.98	5.0E-06
Mthfd2	2200	1.64	0.71	3.6E-07	1.53	0.61	1.6E-05
Mthfd2l	2867	-1.72	-0.78	7.9E-13	-1.66	-0.73	2.6E-11
Mthfsl	295	-2.34	-1.22	7.3E-19	-2.06	-1.04	6.8E-14
Mtif2	4422	-1.27	-0.34	1.2E-05	-1.26	-0.33	2.3E-05
Mtm1	1136	2.88	1.53	2.2E-42	3.11	1.64	2.6E-48
Mtmr1	2726	-1.58	-0.66	2.8E-06	-1.45	-0.53	1.8E-04
Mtmr10	2554	1.55	0.63	1.6E-16	1.61	0.68	3.2E-19
Mtmr11	1131	1.25	0.32	8.0E-03	1.31	0.39	1.1E-03
Mtmr12	2972	1.49	0.58	4.8E-18	1.49	0.58	7.4E-18
Mtmr14	3162	1.56	0.64	1.4E-14	1.45	0.53	2.7E-10
Mtmr2	4932	-1.58	-0.66	1.5E-16	-1.57	-0.65	2.3E-16
Mtmr6	8264	1.35	0.43	2.7E-08	1.41	0.50	1.6E-10
Mtmr9	5920	-1.26	-0.33	7.4E-04	-1.22	-0.28	4.4E-03
Mtor	10534	1.48	0.57	7.4E-11	1.56	0.65	1.1E-13
Mtpap	2047	-1.22	-0.29	1.2E-03	-1.25	-0.32	2.9E-04
Mtrf1	404	-1.89	-0.92	1.6E-30	-1.70	-0.77	9.6E-22
Mtrf1l	1065	1.46	0.54	2.6E-17	1.50	0.58	1.4E-19
Mtrr	1171	-1.54	-0.62	7.2E-26	-1.67	-0.74	8.2E-36
Mtss2	5444	-1.40	-0.48	5.0E-03	-1.48	-0.56	1.0E-03
Mturn	13174	1.56	0.64	7.3E-05	1.65	0.72	7.8E-06
Mtus1	4353	-2.09	-1.06	1.1E-42	-2.22	-1.15	6.9E-50
Mtx1	1889	-1.38	-0.46	2.9E-06	-1.52	-0.60	7.6E-10
Mtx2	3879	-1.28	-0.35	4.3E-05	-1.23	-0.30	6.2E-04
Mtx3	3934	-2.82	-1.49	3.3E-51	-2.51	-1.33	8.9E-41
Mul1	2768	1.51	0.60	1.8E-12	1.39	0.47	2.9E-08
Mvb12a	1557	1.66	0.73	1.4E-29	1.57	0.65	1.0E-23
Mvb12b	9118	-1.92	-0.94	2.8E-08	-2.02	-1.02	1.9E-09
Mvd	2606	1.87	0.90	8.7E-17	1.77	0.83	3.0E-14
Mvk	2925	1.82	0.87	5.6E-16	1.68	0.75	3.7E-12
Mvp	706	1.65	0.72	1.9E-12	1.48	0.56	5.3E-08
Mxd1	3518	1.83	0.87	4.4E-15	1.77	0.82	1.2E-13
Mxi1	5443	1.44	0.52	1.2E-09	1.40	0.48	3.0E-08
Mxra7	2547	1.90	0.93	1.9E-18	1.88	0.91	9.9E-18
Mybl1	2585	1.55	0.63	1.9E-06	1.70	0.77	5.0E-09
Mybph	185	-33.70	-5.07	4.2E-05	-15.23	-3.93	1.9E-03
Myc	840	-2.08	-1.05	1.1E-07	-2.04	-1.03	2.4E-07
Mycbp	1104	1.69	0.76	1.3E-08	1.72	0.78	4.8E-09
Mycbpap	316	1.51	0.60	2.1E-04	1.49	0.58	3.7E-04
Mycn	3287	-1.40	-0.48	2.1E-03	-1.51	-0.59	1.4E-04
Myct1	154	-2.06	-1.05	6.6E-08	-2.28	-1.19	9.7E-10
Myd88	307	-1.39	-0.48	1.5E-04	-1.45	-0.54	1.7E-05
Myef2	23440	-1.45	-0.53	5.0E-09	-1.41	-0.49	6.5E-08
Myh3	1854	-21.90	-4.45	8.0E-05	-12.37	-3.63	1.6E-03
Myh7	338	-7.07	-2.82	1.4E-04	-4.58	-2.20	3.7E-03
Myh8	737	-9.69	-3.28	9.6E-04	-8.45	-3.08	2.1E-03

Myl12b	341	1.54	0.63	3.8E-12	1.46	0.54	2.3E-09
Myl4	243	-15.83	-3.98	1.5E-05	-7.79	-2.96	1.6E-03
Myl6b	933	1.44	0.52	1.5E-02	1.43	0.52	1.6E-02
Mylk	1785	-1.20	-0.27	4.4E-02	-1.25	-0.32	1.5E-02
Mylk4	118	-10.43	-3.38	1.3E-04	-6.26	-2.65	3.4E-03
Myo1a	639	5.90	2.56	5.0E-60	5.49	2.46	1.8E-55
Myo1b	11754	-2.12	-1.08	1.4E-42	-2.08	-1.06	7.9E-41
Myo1e	3165	3.35	1.74	1.4E-64	3.28	1.71	2.9E-62
Myo1f	179	-1.59	-0.67	3.7E-04	-1.56	-0.64	8.2E-04
Myo5b	385	-1.89	-0.92	2.7E-04	-1.92	-0.94	1.9E-04
Myo6	5438	1.90	0.92	3.4E-28	2.05	1.04	3.5E-35
Myo7a	2242	-1.76	-0.81	1.5E-12	-1.75	-0.81	2.0E-12
Myo9b	12403	1.43	0.51	3.5E-08	1.52	0.61	5.1E-11
Myog	193	-29.97	-4.91	1.3E-03	-16.74	-4.07	8.7E-03
Myom1	412	-2.44	-1.29	3.6E-03	-1.90	-0.93	4.3E-02
Myorg	2371	3.42	1.77	1.3E-67	3.30	1.72	9.2E-64
Mypop	765	1.92	0.94	2.4E-17	1.76	0.82	4.0E-13
Myrip	448	1.53	0.61	1.2E-02	1.71	0.77	1.4E-03
Myt1	8901	-1.76	-0.81	1.9E-07	-1.81	-0.85	4.2E-08
Mzf1	456	-4.50	-2.17	9.2E-55	-4.22	-2.08	1.3E-50
N4bp2	9983	-1.56	-0.64	4.6E-13	-1.46	-0.54	1.4E-09
N4bp211	706	2.22	1.15	4.7E-13	2.33	1.22	1.3E-14
N4bp212	6276	-1.29	-0.37	3.1E-06	-1.23	-0.30	1.7E-04
N6amt1	946	-4.03	-2.01	1.1E-128	-4.09	-2.03	1.3E-130
Naa16	1973	-1.31	-0.39	6.6E-07	-1.29	-0.37	2.7E-06
Naa50	13698	1.45	0.53	3.4E-07	1.34	0.42	6.6E-05
Naalad2	290	-1.85	-0.89	1.1E-05	-1.85	-0.89	1.1E-05
Nabp1	1079	2.44	1.29	2.6E-51	2.61	1.38	6.6E-59
Nacad	4515	-2.17	-1.12	6.8E-07	-2.32	-1.21	7.2E-08
Naga	1940	1.85	0.89	6.5E-18	1.80	0.85	2.3E-16
Nagk	1716	-1.44	-0.52	1.9E-09	-1.51	-0.59	9.1E-12
Naglu	690	1.42	0.51	4.3E-05	1.42	0.50	6.4E-05
Naif1	341	-2.56	-1.35	2.8E-34	-2.98	-1.58	2.4E-45
Nanos2	219	3.81	1.93	2.2E-10	3.19	1.67	4.3E-08
Nans	4872	1.76	0.82	7.4E-31	1.65	0.73	1.4E-24
Nap1l5	3791	1.90	0.93	4.5E-09	2.04	1.03	5.8E-11
Napa	6805	1.33	0.41	2.0E-10	1.24	0.31	1.5E-06
Napepld	1868	2.18	1.12	3.1E-08	1.73	0.79	1.3E-04
Nars2	1491	1.89	0.92	1.3E-20	1.94	0.96	3.3E-22
Nasp	36412	-1.30	-0.38	1.7E-02	-1.39	-0.48	2.7E-03
Nat10	4931	1.30	0.38	1.8E-07	1.24	0.31	2.6E-05
Nat14	696	-1.32	-0.40	4.5E-03	-1.51	-0.59	1.4E-05
Nat8f4	594	-1.43	-0.52	2.7E-07	-1.48	-0.57	1.8E-08
Natd1	5000	1.26	0.33	3.8E-07	1.20	0.26	8.7E-05
Naxd	2877	-1.31	-0.39	2.3E-08	-1.35	-0.43	6.1E-10
Nbeal1	6207	1.52	0.60	3.3E-03	1.89	0.92	3.7E-06
Nbeal2	1295	2.27	1.19	3.1E-20	2.11	1.08	5.9E-17



Nbl1	1625	-1.81	-0.85	1.3E-03	-1.72	-0.79	3.3E-03
Nbn	1557	-3.74	-1.90	7.6E-65	-3.81	-1.93	1.8E-66
Ncald	3248	1.87	0.90	3.2E-09	1.74	0.80	1.7E-07
Ncapd3	5583	1.43	0.52	7.3E-05	1.52	0.61	2.9E-06
Ncbp1	12054	1.31	0.39	6.3E-06	1.30	0.37	1.4E-05
Ncdn	4818	1.34	0.42	3.0E-03	1.28	0.35	1.4E-02
Nceh1	1038	3.19	1.67	8.8E-90	3.22	1.69	1.8E-90
Ncf1	181	-2.08	-1.06	9.7E-11	-2.22	-1.15	2.0E-12
Nck2	2584	-1.21	-0.27	1.5E-04	-1.34	-0.43	1.8E-09
Ncl	55506	-1.28	-0.35	3.9E-03	-1.38	-0.46	1.4E-04
Ncln	4700	1.44	0.52	2.4E-05	1.32	0.40	1.7E-03
Ncoa2	6533	-1.45	-0.53	3.8E-09	-1.36	-0.44	1.4E-06
Ncoa3	5325	1.35	0.43	1.9E-06	1.38	0.46	3.7E-07
Ncoa5	9033	-1.33	-0.41	6.2E-05	-1.44	-0.53	1.4E-07
Ncoa6	9034	-1.38	-0.46	7.4E-09	-1.33	-0.41	3.7E-07
Ncoa7	1481	-2.09	-1.06	7.8E-22	-2.05	-1.03	9.9E-21
Ncs1	6683	-2.01	-1.01	3.8E-11	-2.09	-1.07	2.5E-12
Ncstn	6281	-1.57	-0.66	1.5E-30	-1.62	-0.69	3.8E-34
Ndel1	3903	1.24	0.31	2.1E-07	1.26	0.34	1.6E-08
Ndfip1	16911	1.25	0.32	2.4E-03	1.25	0.32	2.2E-03
Ndor1	767	1.37	0.46	6.7E-06	1.37	0.45	8.7E-06
Ndp	239	-2.13	-1.09	5.0E-10	-2.13	-1.09	5.4E-10
Ndr3	6322	1.73	0.79	7.9E-29	1.72	0.78	3.8E-28
Ndr4	7781	1.44	0.53	1.1E-03	1.48	0.57	4.5E-04
Ndst1	10114	-1.30	-0.38	6.7E-06	-1.25	-0.32	1.3E-04
Ndst2	2010	-1.33	-0.41	1.0E-07	-1.38	-0.47	9.5E-10
Ndst3	2340	-1.64	-0.72	9.5E-05	-1.47	-0.55	3.0E-03
Ndufa2	2265	-1.29	-0.37	1.1E-02	-1.36	-0.44	2.0E-03
Ndufa7	3458	-1.25	-0.32	5.0E-05	-1.28	-0.36	5.6E-06
Ndufa9	5537	-1.26	-0.33	6.7E-05	-1.30	-0.37	4.5E-06
Ndufaf1	1120	-1.74	-0.79	9.5E-19	-1.88	-0.91	5.0E-24
Ndufaf2	1728	1.48	0.56	3.8E-06	1.44	0.53	1.7E-05
Ndufaf4	3275	1.33	0.41	2.8E-09	1.38	0.47	1.3E-11
Ndufaf6	453	1.36	0.44	6.5E-07	1.16	0.22	2.1E-02
Ndufaf7	1775	-1.58	-0.66	2.1E-33	-1.52	-0.60	4.2E-28
Ndufaf8	326	-1.99	-0.99	1.2E-08	-2.01	-1.01	7.1E-09
Ndufb3	2690	-1.27	-0.34	1.3E-02	-1.25	-0.32	2.1E-02
Ndufb6	2727	1.30	0.38	1.3E-03	1.29	0.37	2.0E-03
Ndufs7	1435	-1.26	-0.33	4.7E-04	-1.37	-0.46	8.4E-07
Ndufs8	2218	-1.46	-0.55	4.6E-08	-1.53	-0.62	7.3E-10
Ndufv3	3865	1.55	0.63	1.4E-19	1.52	0.60	7.6E-18
Neb	476	-8.89	-3.15	8.6E-04	-6.33	-2.66	5.6E-03
Necab3	636	1.30	0.38	1.9E-02	1.35	0.43	6.4E-03
Necap2	2857	1.37	0.46	6.9E-07	1.24	0.31	1.2E-03
Nectin2	3683	1.84	0.88	1.7E-15	1.83	0.87	3.9E-15
Nedd4	141961	-1.35	-0.43	3.0E-06	-1.32	-0.40	1.4E-05
Nedd4l	8509	-1.28	-0.36	4.7E-02	-1.32	-0.41	2.4E-02

Nedd9	3178	1.41	0.49	8.3E-12	1.38	0.46	1.7E-10
Neil1	491	-2.31	-1.21	2.0E-27	-2.33	-1.22	4.2E-28
Neil3	1825	-1.61	-0.68	5.5E-05	-1.66	-0.73	1.7E-05
Nek1	5685	1.59	0.67	6.8E-17	1.77	0.82	8.1E-25
Nek3	465	-1.67	-0.74	1.2E-08	-1.84	-0.88	7.2E-12
Nek4	2231	-1.41	-0.49	5.2E-11	-1.51	-0.59	1.9E-15
Nek9	9825	-1.36	-0.44	1.7E-14	-1.33	-0.41	5.1E-13
Nelfa	2468	-1.37	-0.46	3.0E-07	-1.52	-0.61	4.5E-12
Nelfb	5282	-1.26	-0.34	1.8E-05	-1.39	-0.47	1.1E-09
Nelfe	3000	1.53	0.61	1.1E-06	1.37	0.45	4.6E-04
Nemf	8657	1.24	0.31	2.1E-07	1.30	0.37	1.9E-10
Nemp1	3795	2.39	1.26	1.5E-27	2.38	1.25	1.9E-27
Nenf	818	-1.63	-0.71	1.4E-22	-1.63	-0.70	3.2E-22
Net1	3061	-1.46	-0.55	1.7E-02	-1.48	-0.57	1.4E-02
Neto2	6922	-1.66	-0.73	1.1E-03	-1.56	-0.65	4.5E-03
Neu1	1849	2.16	1.11	2.8E-37	2.09	1.06	3.8E-34
Neu3	382	1.68	0.75	2.6E-12	2.04	1.03	6.4E-22
Neur12	115	-1.48	-0.57	5.3E-03	-1.42	-0.50	1.5E-02
Neur13	151	2.73	1.45	3.4E-12	2.74	1.46	3.5E-12
Neurod1	2403	-1.43	-0.52	1.4E-03	-1.58	-0.66	3.5E-05
Neurog1	475	-2.00	-1.00	4.6E-03	-2.49	-1.32	1.5E-04
Nexmif	3129	-2.12	-1.09	1.7E-03	-1.76	-0.81	2.3E-02
Nexn	473	-2.54	-1.34	3.2E-05	-2.00	-1.00	2.5E-03
Nf1	8492	-1.34	-0.42	1.2E-04	-1.27	-0.35	1.9E-03
Nfam1	283	-1.52	-0.60	3.3E-04	-1.63	-0.71	2.2E-05
Nfatc1	689	-1.65	-0.72	4.9E-03	-1.60	-0.68	8.5E-03
Nfatc2	552	2.04	1.03	5.8E-07	2.24	1.17	1.4E-08
Nfatc2ip	2440	2.11	1.07	1.8E-20	1.90	0.93	1.7E-15
Nfatc4	3812	-2.04	-1.03	9.2E-09	-2.10	-1.07	2.2E-09
Nfe2	103	-2.15	-1.10	1.3E-02	-2.51	-1.33	2.6E-03
Nfe2l2	2059	1.43	0.52	1.3E-06	1.48	0.56	1.7E-07
Nfe2l3	803	4.19	2.07	8.5E-61	3.97	1.99	1.5E-56
Nfia	6750	-1.71	-0.78	1.4E-03	-1.83	-0.88	3.0E-04
Nfib	18590	-2.04	-1.03	5.5E-04	-2.04	-1.03	5.8E-04
Nfic	2525	-1.51	-0.60	7.9E-04	-1.57	-0.65	2.6E-04
Nfix	5859	-2.03	-1.02	4.0E-03	-2.11	-1.08	2.3E-03
Nfkb1	2019	-1.96	-0.97	8.9E-27	-2.00	-1.00	2.0E-28
Nfkb2	1194	3.15	1.66	1.6E-16	3.19	1.68	7.0E-17
Nfkbia	750	-1.87	-0.90	1.8E-23	-2.02	-1.02	2.5E-29
Nfkbib	867	1.41	0.50	1.5E-08	1.35	0.43	9.9E-07
Nfkbie	688	3.90	1.96	2.0E-69	3.57	1.83	1.0E-60
Nfkbi11	565	-1.27	-0.35	3.8E-03	-1.36	-0.44	1.8E-04
Nfkbi2	500	1.35	0.44	5.2E-03	1.41	0.50	1.4E-03
Nfu1	1593	-1.40	-0.48	2.2E-14	-1.34	-0.42	3.0E-11
Nfyb	4464	-1.51	-0.59	1.9E-12	-1.53	-0.62	1.7E-13
Nfyc	3064	-2.16	-1.11	3.0E-64	-2.19	-1.13	2.0E-66
Ngdn	2572	1.30	0.38	1.4E-04	1.32	0.41	3.7E-05

Ngef	397	2.08	1.06	3.1E-08	1.95	0.96	5.9E-07
Ngly1	1682	-1.47	-0.55	1.1E-10	-1.42	-0.51	3.7E-09
Nhej1	194	-2.15	-1.10	1.1E-16	-2.40	-1.26	3.4E-21
Nhlh1	2918	-1.63	-0.71	8.1E-06	-1.62	-0.70	1.1E-05
Nhlh2	5362	-2.89	-1.53	1.7E-16	-2.74	-1.46	4.9E-15
Nhlrc1	586	1.95	0.96	1.1E-15	1.87	0.91	4.7E-14
Nhlrc2	3753	-1.68	-0.75	5.2E-19	-1.62	-0.70	1.4E-16
Nhp2	3319	1.37	0.45	7.1E-04	1.26	0.34	1.4E-02
Nhsl2	1894	-1.38	-0.46	5.0E-04	-1.27	-0.34	1.2E-02
Niban1	371	-2.01	-1.01	2.0E-04	-1.68	-0.75	7.0E-03
Nif3l1	3005	-1.35	-0.43	4.7E-09	-1.36	-0.44	1.4E-09
Nim1k	551	1.63	0.70	9.0E-08	1.49	0.58	1.3E-05
Nin	4425	-1.32	-0.40	1.3E-03	-1.20	-0.26	4.2E-02
Ninj1	704	2.63	1.39	9.9E-19	2.80	1.48	5.7E-21
Nipa2	4612	1.32	0.40	9.0E-08	1.36	0.44	3.8E-09
Nipal1	136	2.53	1.34	1.4E-06	2.55	1.35	1.2E-06
Nipal2	164	-3.20	-1.68	1.0E-10	-3.71	-1.89	3.6E-13
Nipal3	2856	2.27	1.18	3.2E-24	2.31	1.21	3.0E-25
Nipsnap2	3417	-1.72	-0.78	1.0E-28	-1.81	-0.86	3.8E-34
Nisch	40348	-1.52	-0.61	2.4E-22	-1.51	-0.59	4.5E-21
Nit1	2863	1.25	0.32	2.9E-06	1.17	0.23	1.4E-03
Nkain4	1161	-1.36	-0.45	1.6E-04	-1.33	-0.42	4.7E-04
Nkapl	138	1.29	0.37	1.6E-02	1.31	0.39	1.1E-02
Nkd1	5147	1.71	0.77	1.6E-11	1.58	0.66	1.0E-08
Nkiras1	1723	1.97	0.98	8.1E-32	2.02	1.01	3.6E-34
Nkiras2	4808	1.27	0.34	1.8E-06	1.17	0.22	2.5E-03
Nlk	6570	1.45	0.53	4.7E-07	1.35	0.43	5.0E-05
Nln	4003	1.61	0.69	2.8E-21	1.71	0.77	1.5E-26
Nlrx1	296	-2.67	-1.41	5.2E-24	-2.61	-1.39	3.9E-23
Nmd3	3367	1.28	0.36	6.0E-06	1.25	0.33	3.9E-05
Nme4	974	-1.45	-0.53	1.6E-03	-1.43	-0.52	2.4E-03
Nme5	229	1.61	0.69	6.9E-06	1.66	0.73	1.8E-06
Nme6	1056	-1.43	-0.52	5.7E-06	-1.63	-0.71	3.7E-10
Nmi	175	-2.77	-1.47	1.1E-12	-2.45	-1.29	4.8E-10
Nmnat1	462	-3.63	-1.86	4.6E-55	-4.02	-2.01	3.3E-64
Nmnat3	168	2.21	1.14	6.9E-15	2.00	1.00	1.8E-11
Nmrk1	448	1.46	0.55	2.2E-03	1.67	0.74	3.0E-05
Nmt2	10711	1.52	0.61	3.0E-17	1.57	0.65	1.5E-19
Noa1	2066	1.80	0.84	7.9E-27	1.68	0.75	2.7E-21
Noc4l	2059	1.39	0.48	6.6E-05	1.30	0.38	1.8E-03
Noct	2475	1.53	0.61	4.3E-04	1.44	0.52	2.8E-03
Nod1	332	-1.51	-0.59	2.2E-03	-1.47	-0.55	4.6E-03
Nod2	134	6.06	2.60	2.1E-35	5.68	2.51	9.9E-33
Nog	443	-1.55	-0.63	2.8E-06	-1.53	-0.62	4.6E-06
Nol7	4572	-1.34	-0.42	4.2E-04	-1.43	-0.52	1.4E-05
Nolc1	10912	1.47	0.56	1.7E-08	1.35	0.44	1.5E-05
Nomo1	6606	1.70	0.76	2.5E-12	1.57	0.65	3.4E-09

Nono	51016	-1.20	-0.26	1.0E-02	-1.26	-0.34	7.0E-04
Nop10	3193	1.49	0.58	1.3E-06	1.38	0.46	1.5E-04
Nop14	4335	1.33	0.41	2.0E-08	1.29	0.37	4.4E-07
Nop16	2542	1.36	0.45	1.6E-06	1.29	0.37	8.8E-05
Nop53	4778	-1.53	-0.62	3.6E-12	-1.67	-0.74	5.0E-17
Nop9	3755	1.48	0.57	2.3E-09	1.32	0.40	2.8E-05
Nopchap1	9108	2.12	1.08	2.7E-36	2.07	1.05	6.9E-34
Nos3	594	-1.97	-0.98	8.6E-15	-2.23	-1.16	3.7E-20
Nosip	1793	-1.60	-0.68	2.9E-24	-1.65	-0.72	2.3E-27
Notch3	7321	-1.95	-0.96	1.0E-08	-2.07	-1.05	3.8E-10
Notch4	758	-2.88	-1.52	1.2E-31	-3.18	-1.67	1.1E-37
Nova1	10201	-1.90	-0.92	1.3E-05	-1.83	-0.87	4.2E-05
Nox4	332	-2.82	-1.50	2.6E-27	-2.71	-1.44	5.6E-25
Noxo1	262	-1.28	-0.35	1.3E-03	-1.27	-0.35	1.7E-03
Noxred1	289	1.80	0.85	4.9E-10	1.86	0.90	4.6E-11
Npas1	195	3.74	1.90	1.7E-10	3.38	1.76	4.0E-09
Npat	5328	1.47	0.55	8.5E-07	1.59	0.67	1.7E-09
Npc1	5127	1.74	0.80	2.8E-25	1.78	0.83	2.4E-27
Npepl1	1632	-1.80	-0.85	6.6E-17	-2.01	-1.01	4.3E-23
Nphp1	1991	-1.32	-0.40	1.8E-03	-1.40	-0.49	9.7E-05
Nphp3	1933	1.89	0.92	1.2E-26	1.93	0.95	5.3E-28
Nphp4	1152	1.44	0.52	2.4E-04	1.35	0.43	2.7E-03
Npl	736	2.03	1.02	2.8E-11	1.96	0.97	2.1E-10
Npm2	167	1.56	0.64	7.0E-06	1.67	0.74	2.2E-07
Npr2	2976	-1.77	-0.82	4.2E-12	-1.67	-0.74	5.3E-10
Npr3	1342	-2.27	-1.18	2.7E-06	-1.91	-0.94	2.6E-04
Nprl2	2232	1.98	0.98	1.2E-34	1.96	0.97	5.2E-34
Nprl3	1675	-1.37	-0.45	3.3E-11	-1.29	-0.37	1.2E-07
Nptn	7273	1.40	0.48	3.3E-05	1.51	0.59	2.5E-07
Nptx2	633	2.73	1.45	1.4E-30	2.31	1.21	1.4E-21
Nqo1	194	-1.64	-0.72	3.9E-03	-1.59	-0.67	7.6E-03
Nqo2	832	-1.51	-0.59	7.4E-05	-1.49	-0.58	1.2E-04
Nr1d1	234	2.42	1.27	2.9E-08	2.09	1.06	4.4E-06
Nr2c1	1652	-1.35	-0.44	1.7E-10	-1.45	-0.53	3.8E-15
Nr2c2	11778	-1.37	-0.46	3.7E-04	-1.35	-0.43	8.9E-04
Nr2c2ap	1179	1.88	0.91	4.7E-25	1.77	0.82	1.2E-20
Nr2f1	15518	-1.63	-0.70	9.4E-06	-1.93	-0.95	1.2E-09
Nr2f6	2061	1.42	0.50	1.7E-04	1.34	0.42	2.1E-03
Nr3c2	254	2.04	1.03	7.0E-04	2.10	1.07	4.3E-04
Nr4a3	749	1.52	0.61	1.5E-02	1.66	0.74	3.0E-03
Nr5a2	292	-1.71	-0.77	8.8E-04	-1.47	-0.56	2.0E-02
Nr6a1	1821	3.70	1.89	6.5E-75	3.87	1.95	1.0E-79
Nradd	814	-1.49	-0.57	5.4E-07	-1.51	-0.59	2.1E-07
Nrarp	4113	-1.29	-0.37	4.1E-02	-1.46	-0.55	1.8E-03
Nras	15777	-1.36	-0.44	4.5E-09	-1.42	-0.51	1.2E-11
Nrde2	1295	-4.22	-2.08	2.7E-140	-4.02	-2.01	5.3E-131
Nrep	61680	-1.33	-0.41	3.0E-04	-1.28	-0.36	2.1E-03

Nrg2	164	1.68	0.75	2.0E-03	1.55	0.63	9.6E-03
Nrgn	312	1.79	0.84	1.4E-04	2.09	1.06	1.3E-06
Nrip3	979	6.35	2.67	4.5E-53	7.23	2.85	3.0E-60
Nrn1	2888	-1.93	-0.95	3.8E-05	-1.94	-0.96	3.0E-05
Nrp1	3191	-2.00	-1.00	2.8E-06	-1.69	-0.76	5.2E-04
Nrros	320	-1.59	-0.67	4.6E-07	-1.60	-0.67	3.8E-07
Nrsn1	1282	1.57	0.65	7.9E-03	1.53	0.61	1.3E-02
Nrtm	152	3.30	1.72	1.8E-14	3.79	1.92	2.4E-17
Nsd1	20486	-1.74	-0.80	2.9E-11	-1.58	-0.66	4.4E-08
Nsd2	33101	-1.33	-0.41	1.0E-04	-1.28	-0.35	9.4E-04
Nsd3	13338	1.48	0.56	1.8E-14	1.54	0.62	1.8E-17
Nsdhl	3385	1.40	0.48	2.0E-04	1.27	0.35	8.8E-03
Nsf	7264	1.50	0.58	5.2E-09	1.48	0.57	1.1E-08
Nsg1	13587	-2.14	-1.10	3.4E-07	-2.10	-1.07	6.6E-07
Nsmaf	2891	-2.15	-1.10	4.1E-38	-2.08	-1.05	1.1E-34
Nsmce1	1642	-1.68	-0.74	1.9E-16	-1.72	-0.78	3.9E-18
Nsmce3	1585	1.44	0.53	1.8E-18	1.36	0.44	2.3E-13
Nsmf	6084	1.32	0.40	1.3E-03	1.34	0.43	6.8E-04
Nsun3	954	-1.42	-0.50	2.3E-07	-1.46	-0.54	1.8E-08
Nsun4	1118	-1.41	-0.50	7.2E-08	-1.49	-0.58	3.1E-10
Nsun6	1295	1.22	0.29	1.4E-02	1.34	0.42	3.5E-04
Nt5c	1466	-1.55	-0.64	8.8E-15	-1.60	-0.68	1.2E-16
Nt5c3b	3341	-1.40	-0.49	1.4E-16	-1.42	-0.51	3.8E-18
Nt5dc2	12248	1.42	0.51	2.6E-05	1.28	0.36	3.9E-03
Nt5dc3	3561	2.26	1.18	1.8E-06	2.36	1.24	5.0E-07
Nt5m	950	-1.98	-0.99	1.8E-25	-2.05	-1.04	4.6E-28
Ntan1	3319	-1.28	-0.35	2.5E-06	-1.28	-0.35	2.3E-06
Nthl1	501	-1.30	-0.38	5.3E-03	-1.57	-0.65	9.7E-07
Ntmt1	2942	1.58	0.66	2.7E-14	1.51	0.60	1.1E-11
Ntn3	1021	-1.57	-0.65	1.1E-02	-1.65	-0.72	4.6E-03
Ntn4	1222	-1.88	-0.91	2.1E-07	-2.09	-1.06	1.1E-09
Nubp1	1694	-2.10	-1.07	7.4E-27	-2.41	-1.27	3.3E-37
Nubp2	2616	1.91	0.94	2.0E-20	1.72	0.79	1.1E-14
Nucb1	6531	1.42	0.51	9.0E-06	1.34	0.43	2.2E-04
Nucb2	1637	1.21	0.28	1.0E-03	1.28	0.36	1.8E-05
Nucks1	17329	-1.39	-0.47	2.4E-03	-1.66	-0.73	1.4E-06
Nudcd1	4209	1.44	0.52	2.1E-07	1.42	0.51	4.4E-07
Nudt1	677	-2.08	-1.05	4.1E-16	-2.32	-1.21	6.8E-21
Nudt11	3096	1.40	0.48	2.3E-04	1.40	0.49	2.1E-04
Nudt12	918	1.52	0.61	1.0E-11	1.58	0.66	8.9E-14
Nudt14	674	-1.22	-0.29	4.8E-03	-1.35	-0.43	1.2E-05
Nudt15	319	-5.35	-2.42	7.3E-57	-5.27	-2.40	1.1E-55
Nudt16	567	-1.23	-0.30	3.6E-03	-1.34	-0.42	2.8E-05
Nudt16l1	2640	-1.28	-0.36	1.4E-07	-1.31	-0.39	7.4E-09
Nudt18	815	2.34	1.23	8.7E-53	2.16	1.11	2.0E-43
Nudt21	15711	1.27	0.34	1.9E-04	1.26	0.34	2.5E-04
Nudt22	893	2.70	1.43	9.1E-33	2.52	1.34	2.1E-28

Nudt3	6450	-1.81	-0.85	9.7E-08	-1.84	-0.88	3.7E-08
Nudt7	428	1.62	0.70	9.0E-07	1.65	0.73	3.0E-07
Nuf2	4458	-1.48	-0.57	3.8E-03	-1.65	-0.72	1.9E-04
Numa1	17622	-1.79	-0.84	9.1E-25	-1.73	-0.79	6.3E-22
Numb	4118	1.78	0.83	1.7E-17	1.69	0.76	1.6E-14
Nup205	10236	-1.54	-0.62	2.4E-08	-1.43	-0.52	4.6E-06
Nup210	3981	-1.32	-0.41	1.9E-03	-1.46	-0.55	2.2E-05
Nup210l	725	2.71	1.44	2.5E-37	2.93	1.55	7.6E-43
Nup37	1515	-1.35	-0.43	1.4E-02	-1.41	-0.50	4.1E-03
Nup62cl	337	4.31	2.11	3.0E-24	4.03	2.01	2.6E-22
Nup93	7692	1.62	0.70	6.5E-09	1.50	0.59	1.3E-06
Nupl2	803	-1.48	-0.57	1.8E-19	-1.54	-0.63	2.0E-23
Nwd1	819	1.83	0.87	4.2E-03	2.17	1.12	1.8E-04
Nwd2	615	-2.83	-1.50	2.4E-05	-2.31	-1.21	8.6E-04
Nxf1	17752	1.27	0.35	4.8E-08	1.26	0.34	1.6E-07
Nxn	6394	1.35	0.43	1.9E-03	1.25	0.33	2.2E-02
Nxpe3	1146	1.93	0.95	1.3E-47	1.84	0.88	6.4E-41
Nxph1	911	-2.60	-1.38	8.0E-07	-2.48	-1.31	3.3E-06
Nxph3	459	2.53	1.34	4.6E-11	2.29	1.20	5.4E-09
Oasl2	117	-3.25	-1.70	4.1E-14	-2.21	-1.14	3.9E-07
Oaz2	10228	1.33	0.41	1.9E-24	1.32	0.40	3.6E-24
Obscn	125	-3.39	-1.76	1.6E-02	-2.90	-1.53	4.1E-02
Obsl1	3857	-2.18	-1.13	4.5E-09	-2.29	-1.20	4.2E-10
Ocel1	242	-1.85	-0.89	6.2E-05	-1.78	-0.83	1.9E-04
Ociad2	772	-1.48	-0.56	4.8E-08	-1.47	-0.55	7.8E-08
Odad1	464	1.32	0.40	2.5E-03	1.35	0.43	1.2E-03
Odad3	507	1.42	0.51	6.9E-05	1.35	0.43	9.3E-04
Odc1	24222	1.49	0.58	5.0E-06	1.43	0.52	5.3E-05
Odf2	13484	1.55	0.63	2.7E-14	1.51	0.60	5.8E-13
Odf2l	2956	-1.91	-0.93	1.2E-26	-1.80	-0.85	3.6E-22
Odr4	2639	-1.84	-0.88	1.4E-44	-1.76	-0.82	2.1E-38
Ofd1	2004	-1.35	-0.44	8.8E-09	-1.34	-0.42	2.4E-08
Ogfod1	3673	2.50	1.32	6.9E-101	2.53	1.34	1.6E-103
Ogfod2	1349	2.09	1.07	3.6E-27	1.95	0.97	1.8E-22
Ogfod3	349	-1.89	-0.92	2.9E-28	-2.04	-1.03	4.6E-36
Ogfr	5977	-1.19	-0.25	8.5E-04	-1.30	-0.38	3.5E-07
Ogfrl1	2898	1.74	0.80	3.5E-28	1.73	0.79	1.1E-27
Ogn	2623	-3.11	-1.64	1.4E-04	-2.74	-1.45	8.3E-04
Ogt	39637	-1.51	-0.60	1.5E-06	-1.30	-0.38	2.8E-03
Ola1	7123	1.44	0.53	4.7E-10	1.38	0.46	7.2E-08
Olfml2a	1014	-2.01	-1.01	6.4E-04	-2.06	-1.04	4.0E-04
Olfml2b	548	-1.51	-0.59	5.4E-03	-1.37	-0.45	3.9E-02
Olfml3	1215	-2.55	-1.35	1.4E-05	-2.47	-1.31	2.9E-05
Olig1	341	2.11	1.08	7.4E-05	1.49	0.58	4.5E-02
Oma1	501	-1.32	-0.40	2.4E-05	-1.42	-0.50	6.0E-08
Onecut2	6783	1.40	0.48	1.2E-02	1.56	0.64	7.2E-04
Ooep	292	-1.33	-0.41	1.5E-03	-1.33	-0.42	1.4E-03



Opa3	3112	-1.80	-0.84	1.1E-19	-2.00	-1.00	5.1E-27
Opn3	438	2.62	1.39	1.3E-19	2.42	1.28	1.1E-16
Oprk1	186	2.83	1.50	4.7E-19	2.84	1.51	4.2E-19
Oprl1	3489	-1.91	-0.94	4.2E-05	-1.76	-0.82	4.1E-04
Optc	245	-1.82	-0.86	1.3E-08	-1.55	-0.63	4.2E-05
Optn	910	3.27	1.71	3.7E-58	3.23	1.69	5.0E-57
Orai1	674	2.23	1.16	3.1E-34	2.18	1.12	2.8E-32
Orai2	2262	1.43	0.52	2.0E-04	1.47	0.55	7.7E-05
Orai3	822	1.72	0.79	5.6E-10	1.73	0.79	3.8E-10
Orc1	857	1.62	0.69	4.8E-03	1.52	0.60	1.6E-02
Orc3	5370	-1.49	-0.57	1.0E-08	-1.42	-0.51	3.8E-07
Orc4	7212	1.35	0.43	5.6E-09	1.40	0.48	7.6E-11
Ormdl2	1450	2.52	1.33	3.2E-20	2.47	1.30	2.2E-19
Ormdl3	5815	1.81	0.86	1.7E-28	1.69	0.76	2.0E-22
Os9	10969	1.57	0.65	2.1E-16	1.56	0.64	7.7E-16
Osbpl10	323	-2.02	-1.01	7.4E-12	-2.16	-1.11	5.9E-14
Osbpl11	3981	1.29	0.36	2.9E-09	1.25	0.32	1.6E-07
Osbpl2	4577	1.60	0.68	1.5E-22	1.54	0.62	2.8E-19
Osbpl3	2059	1.82	0.86	3.8E-32	1.76	0.81	1.1E-28
Osbpl5	2180	-1.44	-0.52	4.4E-05	-1.36	-0.45	6.1E-04
Osbpl7	1261	1.29	0.36	1.2E-04	1.23	0.30	2.0E-03
Oscar	117	2.73	1.45	1.8E-17	2.83	1.50	4.9E-18
Oser1	1651	1.31	0.39	1.8E-05	1.21	0.27	3.0E-03
Osr1	634	-2.97	-1.57	1.0E-06	-2.98	-1.57	1.1E-06
Osr2	404	-3.54	-1.83	1.7E-02	-2.96	-1.57	4.4E-02
Ostf1	1558	1.82	0.87	5.3E-12	1.85	0.89	1.3E-12
Ostm1	4094	2.45	1.29	1.2E-52	2.36	1.24	3.0E-48
Otor	240	-2.88	-1.52	3.1E-04	-3.15	-1.65	8.8E-05
Otp	1318	-2.64	-1.40	2.1E-08	-2.31	-1.21	1.8E-06
Otub1	6816	-1.40	-0.49	2.4E-13	-1.43	-0.52	7.4E-15
Otub2	1001	-1.38	-0.46	9.9E-10	-1.39	-0.48	2.0E-10
Otud1	309	1.79	0.84	4.9E-11	1.67	0.74	8.2E-09
Otud3	956	1.51	0.59	9.3E-08	1.60	0.67	1.0E-09
Otud7b	5002	1.25	0.32	2.1E-04	1.22	0.28	1.2E-03
Otulin	1414	1.37	0.46	4.6E-06	1.26	0.33	1.4E-03
Otulinl	587	1.90	0.93	4.9E-11	1.81	0.86	1.4E-09
Ovgp1	794	2.58	1.37	1.7E-27	2.72	1.45	1.4E-30
Oxld1	146	-1.43	-0.52	1.7E-04	-1.29	-0.37	9.1E-03
Oxsm	612	-1.24	-0.31	3.2E-04	-1.28	-0.35	3.0E-05
Oxsr1	9488	1.67	0.74	1.9E-44	1.57	0.65	9.2E-35
P2rx4	252	-2.71	-1.44	4.0E-20	-2.71	-1.44	6.0E-20
P2rx7	210	-2.26	-1.18	6.8E-06	-1.67	-0.74	6.3E-03
P2ry1	533	1.31	0.39	3.2E-04	1.32	0.41	1.9E-04
P2ry12	179	-1.99	-1.00	2.4E-09	-2.31	-1.21	5.2E-13
P3h1	2999	1.41	0.49	1.1E-02	1.35	0.43	2.7E-02
P3h2	397	-2.34	-1.22	3.5E-08	-2.28	-1.19	9.9E-08
P3h3	3650	-1.85	-0.89	3.1E-11	-1.90	-0.93	3.2E-12

P4ha3	971	-2.60	-1.38	3.9E-07	-2.45	-1.29	2.0E-06
P4htm	556	-1.52	-0.60	3.7E-05	-1.59	-0.67	4.3E-06
Pa2g4	14613	1.35	0.43	2.2E-05	1.22	0.29	5.8E-03
Pabpc1l	274	4.48	2.16	2.0E-53	3.41	1.77	5.4E-37
Pabpc4l	818	-1.50	-0.59	4.0E-03	-1.38	-0.46	2.7E-02
Pabpn1	4363	-1.30	-0.38	6.8E-03	-1.41	-0.50	2.7E-04
Pacsin2	4329	1.44	0.53	6.0E-07	1.34	0.42	8.1E-05
Paf1	7865	2.08	1.06	2.0E-50	1.93	0.95	1.8E-40
Pafah1b1	29765	-1.30	-0.38	1.1E-04	-1.25	-0.32	1.5E-03
Pafah2	1333	1.56	0.64	3.2E-13	1.49	0.57	8.3E-11
Pag1	4748	1.91	0.93	6.8E-09	2.03	1.02	1.5E-10
Paics	23426	1.29	0.37	1.4E-02	1.27	0.34	2.3E-02
Paip1	12566	-1.36	-0.45	2.2E-03	-1.61	-0.69	1.2E-06
Paip2	14026	-1.31	-0.39	7.4E-09	-1.29	-0.36	5.8E-08
Paip2b	12791	1.56	0.64	4.0E-28	1.56	0.64	1.8E-28
Pak1ip1	3967	1.36	0.45	3.0E-05	1.34	0.42	9.0E-05
Pak4	1502	-1.70	-0.76	7.4E-07	-1.95	-0.96	3.1E-10
Pak5	2953	-1.54	-0.62	6.4E-04	-1.45	-0.53	3.8E-03
Pakap	139	-2.79	-1.48	1.9E-03	-2.35	-1.23	1.1E-02
Pald1	3174	1.53	0.62	3.3E-07	1.50	0.58	1.5E-06
Palm3	720	1.99	0.99	7.7E-06	1.89	0.92	4.2E-05
Palmd	688	-2.10	-1.07	2.4E-07	-1.87	-0.90	1.5E-05
Pals1	5339	1.45	0.53	1.6E-11	1.60	0.68	5.5E-18
Pam	5537	-1.30	-0.38	2.4E-06	-1.31	-0.39	8.8E-07
Pan2	5265	-1.91	-0.94	2.1E-30	-2.04	-1.03	2.9E-36
Pan3	5259	-1.26	-0.33	1.0E-03	-1.32	-0.40	7.0E-05
Pank1	1648	-1.41	-0.50	6.8E-09	-1.54	-0.63	1.2E-13
Pank4	3261	-1.31	-0.39	1.8E-14	-1.26	-0.34	6.3E-11
Panx1	6792	-1.42	-0.51	4.6E-03	-1.42	-0.51	4.7E-03
Panx2	332	-1.84	-0.88	1.0E-03	-1.81	-0.85	1.5E-03
Paox	1233	1.77	0.83	9.4E-24	1.68	0.75	1.6E-19
Pappa	1006	-2.45	-1.29	3.1E-13	-2.50	-1.32	9.2E-14
Papss1	8672	1.50	0.58	8.4E-30	1.44	0.53	1.7E-24
Papss2	732	-5.25	-2.39	1.2E-05	-5.18	-2.37	1.5E-05
Paqr3	2037	2.03	1.02	5.0E-23	2.12	1.08	1.6E-25
Paqr4	2309	1.91	0.94	2.9E-28	1.79	0.84	8.0E-23
Paqr8	2154	-1.37	-0.46	6.3E-04	-1.35	-0.43	1.3E-03
Pard3	5859	-1.41	-0.50	8.8E-16	-1.46	-0.54	1.2E-18
Pard6b	1257	1.96	0.97	3.1E-13	1.69	0.76	2.0E-08
Pard6g	4629	1.25	0.32	1.2E-04	1.16	0.21	1.4E-02
Parl	2551	-1.21	-0.28	7.2E-03	-1.27	-0.35	6.7E-04
Parn	2294	-1.63	-0.70	1.2E-24	-1.75	-0.81	2.7E-32
Parp11	4400	-1.84	-0.88	5.8E-21	-1.80	-0.85	1.7E-19
Parp12	362	-2.81	-1.49	5.0E-23	-2.74	-1.46	7.7E-22
Parp14	138	-2.69	-1.43	5.3E-09	-2.03	-1.02	3.7E-05
Parp2	2664	-1.60	-0.68	3.0E-13	-1.66	-0.73	3.9E-15
Parp8	1728	-2.15	-1.10	7.7E-17	-1.99	-0.99	7.2E-14

Parp9	269	-2.70	-1.43	3.1E-26	-3.01	-1.59	8.6E-32
Parva	8020	-1.52	-0.60	1.3E-03	-1.59	-0.67	3.4E-04
Pate2	225	1.31	0.39	5.5E-03	1.34	0.42	2.3E-03
Patj	1326	-2.29	-1.20	1.3E-31	-2.20	-1.14	1.1E-28
Patz1	5862	-2.10	-1.07	2.1E-22	-2.31	-1.21	2.9E-28
Pawr	1151	2.37	1.25	4.8E-16	2.11	1.08	2.8E-12
Pax7	1240	-1.74	-0.80	3.4E-03	-1.68	-0.75	7.0E-03
Paxx	871	-1.37	-0.45	2.8E-03	-1.47	-0.55	2.3E-04
Pbld2	122	-1.30	-0.38	1.8E-02	-1.28	-0.35	2.7E-02
Pbrm1	15819	-2.07	-1.05	4.6E-26	-1.93	-0.95	1.9E-21
Pbx2	7483	-1.51	-0.60	1.4E-05	-1.78	-0.83	7.6E-10
Pbx4	1111	2.22	1.15	1.2E-13	2.05	1.03	3.1E-11
Pbxip1	2932	1.44	0.52	8.7E-04	1.41	0.50	1.6E-03
Pcbd1	282	-1.63	-0.70	5.6E-07	-1.51	-0.60	2.6E-05
Pcbd2	201	-1.27	-0.34	5.0E-02	-1.31	-0.39	2.5E-02
Pcbp1	13191	-1.58	-0.66	3.0E-09	-1.78	-0.83	4.8E-14
Pcbp2	24042	-1.18	-0.24	3.6E-02	-1.30	-0.38	6.7E-04
Pcbp3	3242	2.03	1.02	6.0E-21	1.96	0.97	4.3E-19
Pcca	2377	1.50	0.59	4.9E-07	1.51	0.59	4.8E-07
Pccb	2484	-1.67	-0.74	1.1E-47	-1.81	-0.86	4.0E-63
Pcdh10	8761	1.47	0.55	4.4E-03	1.54	0.62	1.4E-03
Pcdh17	5315	1.73	0.79	7.1E-05	1.84	0.88	9.4E-06
Pcdh18	7448	-1.70	-0.76	1.9E-06	-1.57	-0.65	5.6E-05
Pcdh20	515	2.08	1.06	8.0E-08	2.36	1.24	2.5E-10
Pcdha11	113	-2.30	-1.20	2.5E-04	-1.94	-0.95	4.1E-03
Pcdha3	113	-2.00	-1.00	1.2E-03	-1.97	-0.98	1.7E-03
Pcdha7	112	-1.90	-0.93	1.3E-02	-2.01	-1.01	6.8E-03
Pcdhb10	103	-2.97	-1.57	1.4E-13	-3.10	-1.63	1.5E-14
Pcdhb11	128	-2.48	-1.31	1.1E-04	-2.58	-1.36	5.5E-05
Pcdhb14	113	-2.68	-1.42	1.7E-07	-2.56	-1.35	6.9E-07
Pcdhb16	221	-3.44	-1.78	1.5E-07	-2.48	-1.31	1.5E-04
Pcdhb17	469	-3.05	-1.61	6.5E-11	-2.53	-1.34	6.8E-08
Pcdhb18	214	-2.69	-1.43	5.7E-06	-2.31	-1.21	1.5E-04
Pcdhb19	430	-3.22	-1.69	5.0E-07	-2.44	-1.29	1.6E-04
Pcdhb20	386	-2.84	-1.51	1.3E-07	-2.54	-1.34	2.7E-06
Pcdhb21	150	-2.89	-1.53	3.0E-05	-2.23	-1.16	2.0E-03
Pcdhb22	483	-2.04	-1.03	3.7E-06	-2.04	-1.03	3.7E-06
Pcdhb3	192	-3.13	-1.65	3.4E-17	-2.79	-1.48	3.1E-14
Pcdhb4	178	-2.75	-1.46	2.3E-10	-2.71	-1.44	5.2E-10
Pcdhb5	218	-2.75	-1.46	2.6E-10	-2.61	-1.38	2.3E-09
Pcdhb6	116	-2.96	-1.57	2.4E-11	-2.78	-1.47	3.5E-10
Pcdhb7	405	-2.66	-1.41	1.3E-09	-2.23	-1.15	9.5E-07
Pcdhb8	178	-3.02	-1.59	1.1E-13	-2.75	-1.46	8.5E-12
Pcdhb9	192	-3.24	-1.69	2.5E-10	-2.84	-1.51	2.0E-08
Pcdhga1	217	-1.80	-0.85	2.7E-06	-1.54	-0.62	8.7E-04
Pcdhga10	517	-1.61	-0.69	3.6E-11	-1.59	-0.67	1.6E-10
Pcdhga11	947	-2.05	-1.04	6.7E-14	-2.11	-1.08	7.7E-15

Pcdhga12	709	-1.58	-0.66	2.0E-03	-1.62	-0.70	1.0E-03
Pcdhga2	580	-1.38	-0.47	5.3E-03	-1.35	-0.44	1.0E-02
Pcdhga3	664	-1.38	-0.46	1.8E-03	-1.53	-0.61	2.8E-05
Pcdhga4	302	-1.70	-0.77	4.2E-06	-1.56	-0.64	1.4E-04
Pcdhga5	473	-1.31	-0.39	4.4E-04	-1.37	-0.45	4.0E-05
Pcdhga6	405	-1.86	-0.90	1.2E-08	-1.85	-0.89	1.9E-08
Pcdhga7	584	-1.60	-0.68	3.0E-08	-1.73	-0.79	8.2E-11
Pcdhga8	335	-1.46	-0.54	9.1E-04	-1.32	-0.41	1.5E-02
Pcdhga9	322	-1.58	-0.66	2.1E-06	-1.75	-0.80	5.3E-09
Pcdhgb1	291	-1.71	-0.78	8.0E-05	-1.67	-0.74	2.0E-04
Pcdhgb2	424	-1.61	-0.69	6.2E-08	-1.61	-0.68	7.8E-08
Pcdhgb4	351	-1.55	-0.63	2.1E-07	-1.52	-0.60	9.3E-07
Pcdhgb5	462	-1.62	-0.69	2.2E-07	-1.71	-0.78	5.9E-09
Pcdhgb6	1079	-1.61	-0.68	4.9E-06	-1.64	-0.71	2.1E-06
Pcdhgb7	570	-1.73	-0.79	1.7E-11	-1.69	-0.76	1.5E-10
Pcdhgc3	6382	1.33	0.41	6.0E-03	1.30	0.38	1.1E-02
Pced1a	1376	-2.20	-1.14	1.6E-91	-2.24	-1.16	3.9E-96
Pced1b	191	-1.63	-0.70	2.7E-04	-1.76	-0.81	2.0E-05
Pcgf1	786	-1.35	-0.43	7.1E-14	-1.33	-0.41	1.2E-12
Pcgf2	5286	-1.69	-0.76	5.8E-07	-1.81	-0.86	1.5E-08
Pcgf3	10060	-1.24	-0.31	3.4E-06	-1.28	-0.36	6.0E-08
Pcgf5	1863	1.36	0.44	4.0E-03	1.44	0.53	5.1E-04
Pcid2	2970	-1.19	-0.25	4.4E-03	-1.28	-0.36	2.9E-05
Pcif1	4387	-1.45	-0.54	1.7E-07	-1.58	-0.66	9.3E-11
Pck2	1166	-1.50	-0.58	3.2E-07	-1.60	-0.67	2.5E-09
Pcnt	3373	-2.29	-1.19	1.0E-23	-2.22	-1.15	4.7E-22
Pcnx4	3878	2.25	1.17	2.6E-65	2.40	1.26	2.7E-75
Pcolce2	140	-4.38	-2.13	1.8E-19	-3.59	-1.85	6.6E-15
Pcp4l1	1133	2.40	1.27	3.6E-10	2.43	1.28	2.3E-10
Pcsk1	305	1.47	0.56	1.3E-02	1.62	0.70	1.9E-03
Pcsk2	2274	1.36	0.45	3.5E-02	1.40	0.49	2.2E-02
Pcsk4	207	2.36	1.24	1.3E-10	2.21	1.14	3.7E-09
Pcsk6	655	-1.79	-0.84	6.4E-07	-1.61	-0.69	5.4E-05
Pctp	515	1.88	0.91	5.1E-04	1.57	0.65	1.6E-02
Pcx	2714	1.60	0.68	6.8E-10	1.52	0.60	5.7E-08
Pcyox1	10636	1.30	0.37	5.3E-11	1.23	0.30	1.4E-07
Pcyt1a	7273	1.30	0.38	9.1E-09	1.30	0.37	1.3E-08
Pcyt1b	3430	-2.10	-1.07	1.2E-16	-2.03	-1.02	2.8E-15
Pcyt2	4545	1.54	0.62	6.2E-12	1.42	0.51	2.8E-08
Pdcd10	3779	1.22	0.28	2.8E-03	1.33	0.41	9.8E-06
Pdcl3	4311	1.30	0.37	4.0E-07	1.26	0.34	5.5E-06
Pde10a	2543	-1.55	-0.63	4.6E-03	-1.52	-0.61	6.8E-03
Pde3a	1410	-1.64	-0.71	2.0E-04	-1.64	-0.71	2.3E-04
Pde4a	1571	1.58	0.66	1.0E-03	1.45	0.53	9.6E-03
Pde5a	2634	-1.31	-0.39	2.3E-05	-1.24	-0.31	8.0E-04
Pde6d	2492	1.31	0.39	3.9E-08	1.23	0.30	3.9E-05
Pde7b	561	-2.00	-1.00	9.6E-07	-1.99	-1.00	1.1E-06

Pde8b	219	-1.66	-0.73	1.4E-03	-1.72	-0.78	5.8E-04
Pde9a	2649	1.65	0.73	1.3E-25	1.51	0.60	1.4E-17
Pdgfb	601	-1.22	-0.29	2.3E-02	-1.41	-0.50	5.6E-05
Pdgfc	1326	-2.05	-1.03	6.5E-06	-1.92	-0.94	5.0E-05
Pdgfd	180	-1.69	-0.75	3.4E-03	-1.87	-0.90	4.4E-04
Pdgfra	6469	-2.49	-1.31	1.5E-04	-2.10	-1.07	2.5E-03
Pdha1	12367	1.32	0.40	9.8E-07	1.26	0.34	4.9E-05
Pdhx	3130	1.25	0.33	3.0E-08	1.30	0.38	1.4E-10
Pdia5	1044	1.31	0.39	5.6E-03	1.35	0.43	2.6E-03
Pdk1	4064	1.24	0.31	1.1E-02	1.33	0.41	6.5E-04
Pdk2	1859	2.00	1.00	1.8E-19	2.02	1.02	3.9E-20
Pdk4	205	2.25	1.17	8.3E-12	2.53	1.34	7.2E-15
Pdlim4	1133	1.66	0.73	3.5E-05	1.70	0.77	1.5E-05
Pdlim5	4085	2.20	1.14	1.0E-29	2.15	1.11	3.0E-28
Pdlim7	3519	1.46	0.55	8.5E-07	1.34	0.42	1.9E-04
Pdp1	4889	1.33	0.41	2.7E-04	1.38	0.47	3.1E-05
Pdp2	2326	1.30	0.37	2.1E-07	1.30	0.37	2.4E-07
Pdpk1	9306	1.37	0.45	1.0E-06	1.39	0.47	3.2E-07
Pdrg1	4504	1.38	0.47	6.8E-20	1.40	0.48	2.9E-21
Pds5b	13938	-1.37	-0.45	2.7E-06	-1.22	-0.29	4.1E-03
Pdss1	1545	1.23	0.30	4.4E-03	1.29	0.37	3.6E-04
Pdss2	593	-1.38	-0.46	6.2E-09	-1.44	-0.53	2.4E-11
Pdxk	2900	2.25	1.17	9.8E-35	2.03	1.02	8.0E-27
Pdzd2	1144	-1.89	-0.92	1.7E-06	-1.79	-0.84	1.6E-05
Pdzd7	386	2.14	1.10	6.2E-06	1.92	0.94	1.2E-04
Pdzd8	8176	1.44	0.53	5.7E-22	1.50	0.58	1.2E-26
Pdzk1ip1	173	-1.77	-0.83	6.6E-03	-1.66	-0.73	1.8E-02
Pdzph1	221	-1.94	-0.95	2.0E-03	-2.24	-1.16	1.4E-04
Pea15a	27187	1.25	0.32	1.5E-04	1.22	0.29	8.5E-04
Peak1	2739	1.64	0.71	1.6E-04	2.02	1.01	3.8E-08
Pear1	972	-1.40	-0.48	4.6E-02	-1.52	-0.61	1.1E-02
Pecam1	2748	-1.22	-0.28	1.0E-02	-1.26	-0.33	2.4E-03
Pecr	490	1.35	0.43	2.6E-04	1.39	0.48	4.2E-05
Pef1	1858	-1.67	-0.74	1.2E-18	-1.75	-0.81	4.0E-22
Peg12	1943	-1.69	-0.76	1.1E-03	-2.01	-1.00	1.2E-05
Peli2	2869	1.31	0.39	1.1E-03	1.28	0.36	3.3E-03
Peli3	973	2.09	1.07	4.4E-14	2.01	1.01	1.3E-12
Penk	1392	-2.51	-1.33	5.1E-03	-1.98	-0.98	4.4E-02
Pepd	1988	1.60	0.68	2.8E-10	1.56	0.64	2.2E-09
Per1	3226	1.95	0.97	1.1E-11	1.77	0.83	8.2E-09
Per2	1092	1.71	0.77	1.0E-05	1.68	0.75	2.2E-05
Per3	1173	1.85	0.89	8.7E-21	1.92	0.94	5.5E-23
Perm1	293	2.66	1.41	5.1E-19	2.96	1.57	3.4E-23
Perp	438	-3.34	-1.74	3.0E-03	-2.66	-1.41	1.9E-02
Pex1	2115	-1.26	-0.33	1.5E-05	-1.18	-0.24	1.8E-03
Pex11a	846	1.90	0.93	2.3E-33	1.80	0.85	3.0E-28
Pex11g	212	-2.01	-1.01	9.0E-22	-2.07	-1.05	4.2E-23

Pex12	481	-1.39	-0.47	1.6E-09	-1.47	-0.56	1.0E-12
Pex13	4933	1.62	0.70	6.8E-20	1.67	0.74	5.9E-22
Pex16	961	1.31	0.39	6.5E-06	1.23	0.30	5.3E-04
Pex26	2397	1.85	0.89	1.9E-19	1.75	0.80	3.7E-16
Pex5	6802	1.58	0.66	2.9E-12	1.46	0.55	7.0E-09
Pex6	3890	1.39	0.48	4.6E-05	1.35	0.43	2.8E-04
Pex7	836	-2.40	-1.27	3.4E-59	-2.40	-1.26	1.2E-58
Pfdn1	3377	-1.57	-0.65	9.0E-08	-1.59	-0.67	4.1E-08
Pfdn6	5364	1.51	0.59	4.3E-04	1.32	0.40	1.9E-02
Pfkfb1	239	-1.57	-0.66	4.1E-07	-1.68	-0.75	8.9E-09
Pfkfb2	2491	1.36	0.44	1.3E-05	1.45	0.53	1.2E-07
Pfkfb3	3112	-2.18	-1.12	8.3E-18	-2.10	-1.07	2.2E-16
Pfkp	14468	1.88	0.91	3.6E-03	2.55	1.35	9.2E-06
Pfn1	10690	-1.27	-0.34	8.9E-03	-1.41	-0.49	1.1E-04
Pfn4	210	-3.99	-2.00	6.6E-25	-3.65	-1.87	5.1E-22
Pgam1	12146	1.35	0.43	7.1E-06	1.23	0.30	2.4E-03
Pgap1	15824	1.57	0.65	1.9E-04	1.85	0.88	2.8E-07
Pgap3	354	-4.11	-2.04	9.6E-76	-4.51	-2.17	2.2E-85
Pgbd1	590	-1.47	-0.56	1.3E-05	-1.64	-0.71	1.8E-08
Pgbd5	1690	2.38	1.25	4.9E-21	2.25	1.17	1.4E-18
Pgd	9982	1.36	0.44	7.4E-06	1.23	0.30	3.5E-03
Pgf	348	-1.27	-0.35	1.5E-02	-1.23	-0.30	3.8E-02
Pgghg	1129	-1.67	-0.74	1.9E-06	-1.75	-0.81	1.7E-07
Pgk1	25746	1.32	0.40	5.4E-04	1.25	0.32	7.0E-03
Pgm2	3130	1.84	0.88	9.7E-59	1.84	0.88	5.0E-59
Pgm3	2790	1.56	0.64	9.2E-14	1.61	0.69	1.2E-15
Pgp	2958	1.94	0.96	9.9E-33	1.76	0.82	5.2E-24
Pgpep1	5687	1.57	0.65	1.6E-08	1.51	0.60	2.3E-07
Pgr	169	1.60	0.68	8.3E-03	1.68	0.75	3.6E-03
Pgrmc2	5271	1.68	0.75	1.2E-16	1.51	0.59	6.8E-11
Phactr2	3670	-1.60	-0.68	6.7E-07	-1.48	-0.57	4.2E-05
Phactr3	2006	-1.60	-0.68	8.6E-03	-1.64	-0.71	6.1E-03
Phactr4	4597	-1.30	-0.38	1.1E-02	-1.40	-0.49	8.0E-04
Phaf1	2851	1.57	0.65	2.8E-36	1.52	0.61	1.9E-31
Phb	6881	1.29	0.37	2.3E-05	1.27	0.34	1.1E-04
Pheta1	3116	1.51	0.60	2.3E-10	1.39	0.47	6.6E-07
Pheta2	202	-3.57	-1.83	3.3E-20	-3.54	-1.83	9.5E-20
Phf11c	445	2.71	1.44	6.2E-50	2.84	1.50	8.2E-54
Phf13	3205	1.64	0.71	1.2E-16	1.54	0.62	5.5E-13
Phf14	11218	-1.74	-0.80	2.7E-18	-1.77	-0.82	2.0E-19
Phf19	335	-1.54	-0.62	6.7E-06	-1.78	-0.83	1.3E-09
Phf2	6735	-1.85	-0.88	5.0E-08	-2.00	-1.00	5.6E-10
Phf20	8339	1.24	0.31	1.2E-06	1.29	0.36	5.4E-09
Phka2	2953	1.20	0.27	1.4E-02	1.26	0.33	2.0E-03
Phkb	3910	-1.34	-0.42	3.3E-05	-1.21	-0.28	7.5E-03
Phkg2	3609	1.26	0.34	4.5E-08	1.19	0.25	4.8E-05
Phldb2	6885	-1.49	-0.58	6.4E-03	-1.41	-0.49	2.3E-02



Phldb3	132	4.83	2.27	8.7E-07	4.89	2.29	7.8E-07
Phospho2	2340	1.27	0.34	7.0E-05	1.35	0.44	2.4E-07
Phtf1	4560	-1.55	-0.64	3.4E-19	-1.56	-0.64	2.2E-19
Phtf2	3888	1.49	0.57	4.5E-16	1.53	0.62	3.0E-18
Phyh	1347	-1.43	-0.51	8.6E-20	-1.39	-0.47	8.3E-17
Phyhip	193	1.86	0.90	3.8E-07	1.70	0.77	1.8E-05
Pi16	115	-1.91	-0.93	4.3E-10	-2.48	-1.31	8.6E-19
Pi4k2a	5780	2.15	1.10	2.4E-66	2.08	1.06	4.4E-61
Pi4k2b	2638	2.20	1.14	8.8E-18	2.18	1.12	2.0E-17
Pias3	2259	-1.48	-0.57	1.7E-10	-1.56	-0.64	3.8E-13
Pick1	1257	-1.32	-0.40	2.5E-03	-1.38	-0.46	4.7E-04
Pid1	3366	-1.56	-0.64	8.0E-05	-1.36	-0.44	8.1E-03
Piezo2	1515	-2.22	-1.15	1.5E-03	-1.99	-0.99	7.2E-03
Piga	2529	1.66	0.74	3.0E-10	1.62	0.70	3.0E-09
Pigb	1251	-1.38	-0.46	1.0E-13	-1.34	-0.42	1.3E-11
Pigc	1658	-1.70	-0.77	7.5E-54	-1.64	-0.71	2.7E-46
Pigf	1493	2.44	1.29	3.4E-32	2.43	1.28	1.0E-31
Pigh	1044	-1.39	-0.47	5.5E-07	-1.38	-0.46	8.7E-07
Pigk	2989	-1.40	-0.49	9.3E-06	-1.40	-0.48	1.2E-05
Pigm	4879	1.59	0.67	6.9E-08	1.45	0.53	2.3E-05
Pign	4913	1.50	0.58	1.6E-07	1.71	0.77	1.6E-12
Pigo	2063	-1.51	-0.60	1.5E-13	-1.65	-0.72	2.7E-19
Pigp	2067	-1.62	-0.69	3.5E-20	-1.60	-0.68	1.9E-19
Pigq	4021	-1.44	-0.53	4.1E-23	-1.52	-0.61	1.0E-29
Pigs	4860	1.86	0.90	1.4E-24	1.75	0.81	4.3E-20
Pigu	2333	-1.36	-0.44	2.6E-12	-1.38	-0.47	1.0E-13
Pigv	1408	1.38	0.46	4.5E-07	1.37	0.46	6.2E-07
Pigw	537	-2.08	-1.05	1.4E-28	-2.16	-1.11	1.0E-31
Pigyl	880	1.31	0.39	2.5E-04	1.40	0.49	3.5E-06
Pih1d1	2553	-1.72	-0.78	1.2E-32	-1.82	-0.86	3.8E-39
Pih1d2	225	-1.42	-0.50	7.2E-04	-1.37	-0.46	2.6E-03
Pik3c2a	7213	1.25	0.32	3.7E-02	1.49	0.57	1.2E-04
Pik3c2b	4083	-1.65	-0.72	7.3E-06	-1.81	-0.86	9.1E-08
Pik3cb	2150	1.73	0.79	3.6E-22	1.77	0.82	1.2E-23
Pik3cg	194	-2.20	-1.14	4.0E-09	-2.41	-1.27	6.5E-11
Pik3ip1	790	-1.41	-0.50	5.9E-06	-1.39	-0.48	1.6E-05
Pik3r3	11699	-1.40	-0.49	7.0E-05	-1.43	-0.52	2.4E-05
Pik3r4	3800	1.26	0.34	3.3E-05	1.24	0.31	1.7E-04
Pik3r5	200	2.58	1.36	3.6E-06	2.72	1.44	1.0E-06
Pik3r6	177	1.29	0.36	7.9E-04	1.24	0.32	3.7E-03
Pikfyve	9674	2.16	1.11	2.3E-18	2.44	1.29	3.7E-24
Pim1	2603	1.54	0.62	2.4E-04	1.36	0.45	1.0E-02
Pim2	1367	2.05	1.04	7.2E-24	1.79	0.84	6.6E-16
Pin1	3848	1.63	0.71	4.5E-19	1.54	0.62	5.9E-15
Pip4k2a	2860	1.92	0.94	1.1E-39	1.94	0.96	5.0E-41
Pip4k2b	14253	1.51	0.59	3.0E-08	1.46	0.54	4.2E-07
Pip4k2c	2598	1.39	0.48	1.4E-09	1.39	0.48	1.4E-09

Pip4p1	4135	1.73	0.79	2.8E-39	1.61	0.69	1.8E-30
Pip4p2	4716	-1.55	-0.63	1.1E-12	-1.64	-0.71	6.1E-16
Pip5k1b	282	1.38	0.46	1.1E-03	1.23	0.29	4.6E-02
Pip5kl1	244	2.37	1.24	3.4E-21	2.22	1.15	2.3E-18
Pipox	593	-2.01	-1.00	5.0E-08	-2.35	-1.23	1.4E-11
Pithd1	1798	1.41	0.50	2.6E-12	1.22	0.29	6.4E-05
Pitpna	11361	1.47	0.56	5.8E-28	1.38	0.47	6.4E-20
Pitpnb	9524	1.32	0.40	2.6E-08	1.18	0.24	1.0E-03
Pitpnc1	6213	-1.35	-0.43	1.2E-05	-1.37	-0.45	4.9E-06
Pitpnm2	3374	-1.80	-0.85	2.7E-08	-1.82	-0.87	1.5E-08
Pitpnm3	349	-1.89	-0.92	9.2E-03	-1.69	-0.75	3.6E-02
Pitx1	157	-3.67	-1.88	5.1E-03	-5.34	-2.42	2.6E-04
Pja2	22678	1.22	0.28	2.0E-02	1.35	0.43	2.8E-04
Pkd2	5420	-2.73	-1.45	3.3E-43	-2.56	-1.36	5.7E-38
Pknox2	3828	1.26	0.34	1.6E-06	1.13	0.18	1.7E-02
Pkp1	127	-6.56	-2.71	6.8E-03	-6.69	-2.74	6.6E-03
Pkp2	686	5.35	2.42	1.6E-21	4.56	2.19	9.0E-18
Pkp4	8350	1.75	0.81	9.1E-41	1.72	0.78	2.5E-38
Pla2g4c	631	1.50	0.59	1.6E-05	1.54	0.62	6.0E-06
Plag1	2036	1.54	0.62	6.8E-06	1.86	0.90	5.8E-11
Plat	4185	1.56	0.64	2.9E-12	1.47	0.56	1.7E-09
Plbd2	2702	1.64	0.71	1.2E-11	1.55	0.64	1.7E-09
Plcb3	4809	2.01	1.01	8.8E-11	2.01	1.01	9.5E-11
Plcb4	2810	-1.46	-0.55	3.6E-05	-1.34	-0.43	1.6E-03
Plcd1	1522	1.32	0.41	1.7E-02	1.30	0.38	2.9E-02
Plcd3	496	3.47	1.79	2.2E-17	3.64	1.86	1.5E-18
Plce1	2831	-1.54	-0.62	8.1E-09	-1.31	-0.39	4.3E-04
Plcg2	339	1.95	0.97	1.2E-07	1.74	0.80	1.6E-05
Plch1	4955	1.53	0.61	7.1E-05	1.63	0.71	4.5E-06
Plcl2	2119	-1.75	-0.81	8.2E-13	-1.80	-0.85	6.2E-14
Plcx2	3734	1.95	0.96	1.3E-10	2.26	1.18	2.9E-15
Pld3	4215	1.49	0.58	1.6E-08	1.50	0.59	8.4E-09
Pld5	145	-3.74	-1.90	9.8E-11	-3.32	-1.73	4.9E-09
Plec	7010	1.45	0.53	1.3E-03	1.49	0.58	4.4E-04
Plek	727	-1.74	-0.80	4.3E-05	-1.68	-0.75	1.3E-04
Plekha3	2122	1.34	0.42	2.6E-13	1.28	0.35	1.4E-09
Plekha4	180	-2.70	-1.43	3.1E-04	-2.49	-1.32	1.0E-03
Plekha5	5411	-1.93	-0.95	1.5E-33	-1.95	-0.96	1.5E-34
Plekha6	8305	-1.51	-0.59	5.5E-04	-1.57	-0.65	1.5E-04
Plekha7	3088	2.13	1.09	5.6E-16	1.97	0.98	3.6E-13
Plekha8	5867	1.38	0.46	3.2E-12	1.37	0.45	1.2E-11
Plekha2	3773	1.69	0.75	1.9E-40	1.64	0.72	1.0E-36
Plekha1	330	4.68	2.23	4.1E-40	4.80	2.26	7.0E-41
Plekha3	2486	-2.09	-1.06	1.0E-17	-2.12	-1.08	2.3E-18
Plekha2	6442	-1.26	-0.34	1.8E-02	-1.34	-0.42	3.2E-03
Plekha4	1159	3.99	2.00	9.4E-32	4.23	2.08	2.5E-34
Plekha2	1655	1.52	0.61	8.4E-04	1.76	0.81	5.2E-06

Plekhh3	1070	2.69	1.43	4.8E-35	2.49	1.32	6.5E-30
Plekhm1	2965	1.68	0.75	4.1E-12	1.57	0.65	2.4E-09
Plekhm2	2297	-1.46	-0.54	1.3E-06	-1.57	-0.65	5.4E-09
Plekho1	3810	-1.79	-0.84	8.9E-15	-1.92	-0.94	3.0E-18
Plekho2	1761	2.46	1.30	6.5E-17	2.38	1.25	9.3E-16
Plin2	2216	-1.98	-0.99	2.2E-12	-2.00	-1.00	1.1E-12
Plk1	3447	-1.54	-0.62	5.4E-03	-1.83	-0.87	7.0E-05
Plk2	7132	-1.47	-0.56	5.9E-07	-1.48	-0.57	3.5E-07
Plod3	3582	-1.33	-0.41	2.0E-05	-1.42	-0.51	9.5E-08
Plp1	1332	-1.65	-0.72	4.4E-10	-1.54	-0.62	9.2E-08
Plp2	1038	-1.99	-0.99	7.4E-13	-2.04	-1.03	1.0E-13
Plpbp	3893	1.27	0.34	1.2E-07	1.33	0.42	9.8E-11
Plpp3	6037	-1.85	-0.89	3.7E-30	-1.85	-0.89	5.4E-30
Plpp5	1196	-2.43	-1.28	4.3E-46	-2.38	-1.25	5.6E-44
Plpp7	262	-1.87	-0.90	2.2E-07	-1.73	-0.79	7.2E-06
Plppr2	4711	1.41	0.50	9.0E-03	1.39	0.47	1.5E-02
Plppr3	14124	-1.44	-0.52	7.1E-06	-1.48	-0.57	9.5E-07
Plrg1	5822	1.27	0.34	4.5E-04	1.24	0.31	1.4E-03
Pls1	725	2.38	1.25	1.1E-12	2.43	1.28	3.7E-13
Pls3	7182	1.43	0.52	8.4E-05	1.47	0.55	2.2E-05
Plscr3	2888	-1.25	-0.32	5.6E-03	-1.32	-0.40	5.2E-04
Plscr4	146	-2.18	-1.12	6.2E-07	-2.14	-1.10	1.4E-06
Plxna3	18041	1.31	0.39	1.0E-02	1.39	0.47	1.9E-03
Plxnb1	17385	-1.79	-0.84	1.2E-08	-1.91	-0.93	2.6E-10
Pm20d2	108	-1.68	-0.75	1.5E-03	-2.26	-1.18	5.4E-07
Pmaip1	652	3.61	1.85	2.5E-10	3.13	1.65	2.2E-08
Pmf1	1767	-1.54	-0.63	2.9E-04	-1.90	-0.92	5.0E-08
Pmm1	1980	1.83	0.87	1.9E-26	1.78	0.83	4.4E-24
Pmm2	2334	-2.06	-1.04	1.8E-59	-2.10	-1.07	6.3E-62
Pmp22	1376	-2.34	-1.23	9.3E-06	-2.21	-1.14	4.2E-05
Pmpcb	4600	-1.25	-0.32	2.1E-04	-1.27	-0.34	5.9E-05
Pms2	2321	1.32	0.40	3.1E-07	1.30	0.38	1.6E-06
Pmvk	2886	1.34	0.42	1.1E-06	1.28	0.36	5.1E-05
Pnlsr	26071	-1.95	-0.96	1.5E-24	-1.81	-0.86	1.0E-19
Pnkd	3936	1.58	0.66	7.6E-13	1.52	0.61	6.3E-11
Pnkp	1824	1.32	0.40	5.0E-07	1.21	0.28	8.1E-04
Pnlc1	246	-1.36	-0.44	4.5E-04	-1.33	-0.41	1.2E-03
pnma1	143	-1.48	-0.57	1.3E-05	-1.66	-0.73	1.5E-08
Pnma2	3038	2.48	1.31	2.4E-23	2.61	1.39	5.1E-26
Pnma3	667	-1.39	-0.47	1.5E-02	-1.52	-0.61	1.4E-03
Pnn	20926	-1.23	-0.30	1.2E-02	-1.31	-0.38	1.0E-03
Pno1	2529	1.48	0.57	5.4E-05	1.37	0.45	1.6E-03
Pnoc	559	-3.08	-1.62	2.0E-09	-3.04	-1.60	3.1E-09
Pnpla2	1152	2.44	1.29	4.1E-28	2.33	1.22	2.1E-25
Pnpla3	284	3.75	1.91	3.1E-58	3.37	1.75	7.2E-50
Pnpla6	3170	-1.28	-0.35	1.2E-04	-1.27	-0.34	1.9E-04
Pnpla7	498	-1.27	-0.34	2.0E-03	-1.28	-0.35	1.4E-03

Pnp0	1163	1.61	0.68	9.1E-09	1.58	0.66	3.5E-08
Pnrc1	3055	-1.28	-0.36	2.7E-06	-1.34	-0.42	1.6E-08
Pnrc2	7960	-1.28	-0.36	1.7E-03	-1.32	-0.40	3.3E-04
Poc1a	907	1.83	0.87	5.8E-06	1.46	0.54	6.6E-03
Poc1b	3050	1.33	0.42	1.1E-04	1.20	0.26	2.0E-02
Poc5	3976	1.37	0.45	9.8E-14	1.37	0.46	1.0E-13
Podn	147	-2.59	-1.37	1.8E-05	-2.21	-1.14	4.4E-04
Podxl	7193	1.35	0.44	2.0E-08	1.27	0.34	1.7E-05
Pofut1	4371	-1.52	-0.61	7.4E-16	-1.57	-0.65	5.9E-18
Pogk	15161	-1.31	-0.39	3.1E-05	-1.27	-0.35	2.4E-04
Poglut2	2495	1.30	0.38	6.6E-06	1.33	0.41	1.2E-06
Poglut3	777	-3.15	-1.66	3.9E-14	-3.10	-1.63	1.1E-13
Pogz	8242	-2.18	-1.12	2.3E-29	-2.25	-1.17	8.9E-32
Pola2	4393	1.67	0.74	7.1E-08	1.57	0.65	3.1E-06
Poldip3	8934	-1.23	-0.30	2.0E-07	-1.31	-0.39	3.8E-12
Pole3	6772	1.48	0.57	9.6E-07	1.37	0.46	1.1E-04
Pole4	2215	-1.59	-0.67	5.1E-22	-1.66	-0.73	7.2E-26
Polg	7065	1.91	0.93	4.5E-43	1.84	0.88	3.0E-38
Polg2	704	1.30	0.38	8.0E-07	1.28	0.35	6.3E-06
Polk	1613	1.80	0.85	5.9E-20	2.05	1.03	9.1E-29
Poln	160	2.73	1.45	5.5E-13	2.82	1.49	1.6E-13
Polr1d	3958	1.47	0.56	4.9E-11	1.40	0.49	1.2E-08
Polr1e	2297	2.27	1.18	1.3E-43	2.22	1.15	3.5E-41
Polr1f	3119	1.30	0.38	5.8E-04	1.29	0.36	1.2E-03
Polr2a	20372	-1.35	-0.43	4.3E-04	-1.38	-0.47	1.2E-04
Polr2b	16783	1.74	0.80	7.9E-13	1.78	0.84	5.1E-14
Polr2e	3853	1.54	0.62	2.6E-06	1.40	0.49	3.3E-04
Polr2h	1978	1.31	0.39	1.6E-05	1.33	0.42	3.0E-06
Polr2i	980	-1.25	-0.32	1.6E-02	-1.32	-0.41	1.7E-03
Polr2j	2771	1.32	0.40	1.5E-04	1.23	0.30	5.3E-03
Polr2l	2673	1.59	0.67	5.6E-07	1.50	0.58	1.8E-05
Polr2m	16513	-1.51	-0.59	3.0E-09	-1.69	-0.76	2.6E-14
Polr3b	2647	-1.64	-0.71	4.9E-30	-1.60	-0.68	1.7E-27
Polr3d	1895	-1.33	-0.41	2.7E-05	-1.47	-0.55	7.3E-09
Polr3g	1463	2.19	1.13	2.2E-07	2.33	1.22	2.1E-08
Polr3gl	2913	1.77	0.83	5.7E-12	1.64	0.72	2.8E-09
Polr3h	2099	1.72	0.78	3.5E-35	1.68	0.74	4.0E-32
Pomgnt1	3228	-1.63	-0.70	1.2E-31	-1.69	-0.76	7.8E-37
Pomgnt2	1045	1.55	0.63	3.9E-07	1.51	0.59	2.6E-06
Pomk	1708	-1.41	-0.50	1.1E-24	-1.45	-0.54	2.0E-28
Pomt1	2351	-1.30	-0.37	2.8E-07	-1.29	-0.36	7.1E-07
Pomt2	2019	-1.52	-0.61	3.3E-42	-1.51	-0.59	7.2E-40
Pon2	1369	-1.72	-0.79	2.0E-18	-1.90	-0.92	6.9E-25
Pop5	1111	1.76	0.82	4.0E-17	1.61	0.69	2.2E-12
Pop7	676	-2.16	-1.11	9.9E-31	-2.24	-1.17	9.1E-34
Por	7940	1.90	0.92	7.1E-16	1.71	0.77	2.3E-11
Postn	6560	-3.00	-1.59	5.1E-03	-2.43	-1.28	2.7E-02

Pou6f1	6486	-1.58	-0.66	2.1E-03	-1.62	-0.69	1.4E-03
Pou6f2	614	-1.65	-0.72	4.4E-03	-1.48	-0.56	3.0E-02
Ppa2	1614	-1.37	-0.45	1.6E-09	-1.43	-0.51	7.3E-12
Ppard	2049	2.04	1.03	1.1E-12	1.97	0.98	1.2E-11
Ppargc1a	1179	1.65	0.72	2.5E-05	1.87	0.91	7.6E-08
Ppargc1b	174	2.17	1.12	5.2E-06	2.56	1.36	3.3E-08
Ppat	4071	1.75	0.81	5.0E-09	1.64	0.72	2.3E-07
Ppcdc	802	-1.80	-0.85	1.6E-41	-1.78	-0.83	9.3E-40
Ppdpf	3917	-1.37	-0.45	5.9E-07	-1.52	-0.60	1.7E-11
Ppfia3	3569	1.46	0.54	2.3E-03	1.34	0.42	2.1E-02
Ppfibp1	5507	1.50	0.59	1.5E-04	1.64	0.71	3.8E-06
Ppfibp2	512	-1.85	-0.89	2.4E-03	-1.70	-0.77	9.5E-03
Pphln1	6579	1.33	0.42	7.9E-06	1.28	0.35	2.0E-04
Ppia	52024	-1.22	-0.28	1.6E-02	-1.26	-0.34	3.9E-03
Ppif	2242	1.39	0.48	2.2E-07	1.32	0.40	2.3E-05
Ppih	1751	-1.30	-0.38	1.3E-02	-1.36	-0.44	3.5E-03
Ppil3	1497	-1.67	-0.74	9.9E-22	-1.71	-0.78	6.1E-24
Ppil6	216	3.62	1.86	5.0E-31	4.25	2.09	5.1E-38
Ppm1b	10545	1.42	0.50	1.1E-11	1.32	0.40	9.3E-08
Ppm1d	2918	1.33	0.41	2.6E-08	1.23	0.30	7.7E-05
Ppm1e	10602	1.50	0.59	3.3E-03	1.58	0.66	8.8E-04
Ppm1f	5811	1.26	0.34	1.6E-07	1.24	0.31	1.7E-06
Ppm1g	15251	1.68	0.75	3.1E-13	1.49	0.57	3.7E-08
Ppm1j	282	7.24	2.86	1.4E-36	7.60	2.93	4.4E-38
Ppm1k	2258	2.52	1.33	9.3E-39	2.37	1.25	7.1E-34
Ppme1	7854	1.40	0.48	4.5E-17	1.33	0.42	6.4E-13
Ppox	4532	1.40	0.48	7.0E-15	1.33	0.41	7.5E-11
Ppp1cb	23071	-1.40	-0.48	4.3E-10	-1.40	-0.49	2.9E-10
Ppp1r12a	8968	-1.31	-0.39	4.3E-11	-1.28	-0.36	3.0E-09
Ppp1r12c	6838	1.61	0.69	1.3E-18	1.53	0.61	7.4E-15
Ppp1r13l	1015	3.23	1.69	3.2E-23	3.11	1.64	9.1E-22
Ppp1r14b	7110	-1.22	-0.28	2.4E-02	-1.36	-0.45	2.3E-04
Ppp1r15a	1282	2.01	1.01	8.8E-23	2.09	1.06	5.4E-25
Ppp1r16a	3598	1.53	0.61	1.4E-12	1.41	0.50	1.2E-08
Ppp1r16b	1142	2.33	1.22	5.8E-12	2.21	1.14	1.3E-10
Ppp1r1a	1826	1.60	0.68	5.5E-14	1.61	0.69	2.4E-14
Ppp1r1b	299	3.35	1.74	1.3E-04	4.05	2.02	8.5E-06
Ppp1r21	4118	1.26	0.33	3.6E-04	1.27	0.34	2.4E-04
Ppp1r26	2297	-1.33	-0.41	1.9E-04	-1.29	-0.37	9.1E-04
Ppp1r35	1343	1.72	0.78	2.9E-10	1.60	0.68	5.1E-08
Ppp1r37	5590	1.35	0.43	4.0E-04	1.28	0.35	4.2E-03
Ppp1r3d	343	2.40	1.26	1.8E-07	2.77	1.47	1.1E-09
Ppp1r9a	8368	-1.91	-0.94	1.5E-09	-1.65	-0.72	3.9E-06
Ppp2r1b	7788	1.54	0.62	2.2E-11	1.44	0.53	2.0E-08
Ppp2r3c	3139	-1.70	-0.76	1.4E-14	-1.61	-0.69	3.3E-12
Ppp2r5a	3114	1.63	0.71	1.6E-22	1.59	0.67	4.4E-20
Ppp2r5d	10594	1.79	0.84	5.1E-25	1.68	0.75	2.5E-20

Ppp3cb	14492	-1.25	-0.32	1.0E-02	-1.29	-0.37	3.0E-03
Ppp3cc	516	-1.27	-0.34	6.9E-03	-1.25	-0.32	1.2E-02
Ppp3r1	9679	1.35	0.43	3.6E-04	1.31	0.39	1.2E-03
Ppp4r1	5377	-1.79	-0.84	5.1E-42	-1.90	-0.93	1.3E-50
Ppp4r2	9308	-1.40	-0.48	3.3E-09	-1.44	-0.53	7.2E-11
Ppp4r3a	11173	-1.34	-0.42	1.9E-05	-1.39	-0.47	1.5E-06
Ppp4r3b	9651	-1.28	-0.35	1.0E-03	-1.19	-0.25	2.4E-02
Ppp4r4	1187	2.34	1.23	1.0E-59	2.33	1.22	3.2E-58
Pprc1	3855	-1.56	-0.64	4.9E-09	-1.65	-0.72	3.3E-11
Ppt2	682	1.28	0.36	6.5E-03	1.37	0.46	4.5E-04
Pptc7	2419	1.48	0.57	2.8E-15	1.39	0.48	4.0E-11
Pradc1	708	1.82	0.87	5.0E-13	1.62	0.69	1.1E-08
Prdm10	2700	-3.68	-1.88	9.2E-56	-3.74	-1.90	5.9E-57
Prdm11	631	-2.67	-1.42	9.1E-11	-2.36	-1.24	1.9E-08
Prdm12	651	-1.97	-0.98	1.7E-04	-1.97	-0.98	1.9E-04
Prdm15	2046	-2.70	-1.43	1.6E-103	-2.59	-1.37	4.0E-95
Prdm16	2577	-2.00	-1.00	2.8E-12	-1.88	-0.91	2.5E-10
Prdm5	617	-2.13	-1.09	7.5E-11	-2.15	-1.10	4.6E-11
Prdm6	324	-2.15	-1.10	2.1E-04	-1.94	-0.95	1.6E-03
Prdm9	940	2.64	1.40	4.6E-31	2.47	1.31	4.5E-27
Preb	8107	1.29	0.36	5.0E-11	1.22	0.28	5.4E-07
Prelp	424	-2.69	-1.43	1.5E-07	-2.39	-1.26	4.8E-06
Prepl	9915	1.22	0.29	7.9E-03	1.31	0.39	3.3E-04
Prex1	6987	1.55	0.63	5.5E-08	1.62	0.69	2.4E-09
Prex2	1360	-1.96	-0.97	1.3E-06	-1.61	-0.69	8.7E-04
Prim2	3251	1.60	0.68	3.4E-07	1.58	0.66	9.0E-07
Prkab2	3272	1.68	0.75	4.6E-33	1.73	0.79	4.9E-36
Prkaca	10570	1.80	0.84	2.7E-22	1.62	0.69	2.1E-15
Prkag1	3170	-1.26	-0.33	3.6E-12	-1.35	-0.43	2.8E-20
Prkar2a	12648	1.30	0.38	6.2E-08	1.27	0.34	8.6E-07
Prkcd	4272	2.40	1.26	3.3E-53	2.53	1.34	1.2E-59
Prkci	8204	1.84	0.88	1.0E-59	1.87	0.91	4.1E-63
Prkcq	221	-2.05	-1.04	2.4E-05	-1.89	-0.91	2.3E-04
Prkd1	1487	1.33	0.41	9.2E-03	1.33	0.42	8.9E-03
Prkd2	1619	1.69	0.76	3.1E-11	1.65	0.72	3.4E-10
Prkg2	504	-1.90	-0.93	1.5E-10	-2.32	-1.21	2.9E-17
Prkx	4490	1.46	0.55	2.0E-06	1.44	0.52	7.1E-06
Prmt1	19553	-1.20	-0.27	5.6E-03	-1.31	-0.38	4.2E-05
Prmt3	1694	-1.61	-0.69	1.0E-20	-1.69	-0.76	8.8E-25
Prmt5	9545	1.27	0.34	3.3E-05	1.18	0.24	4.3E-03
Prmt8	1839	-1.47	-0.56	1.3E-03	-1.41	-0.50	4.8E-03
Prmt9	2548	1.22	0.28	5.7E-04	1.29	0.37	6.1E-06
Prnp	5047	1.51	0.60	1.0E-09	1.52	0.60	8.9E-10
Prob1	989	2.01	1.01	3.1E-15	1.98	0.99	1.2E-14
Procr	127	-1.53	-0.62	2.2E-03	-1.53	-0.61	2.4E-03
Prokr1	903	1.71	0.77	1.2E-08	1.87	0.91	1.7E-11
Prop	940	-1.55	-0.63	7.2E-13	-1.72	-0.78	4.1E-19



Prorsd1	386	-1.60	-0.68	1.3E-05	-1.78	-0.83	7.6E-08
Pros1	1393	-1.42	-0.51	5.8E-03	-1.41	-0.50	7.3E-03
Proser2	244	1.84	0.88	9.4E-07	2.07	1.05	4.0E-09
Proser3	1137	-2.04	-1.03	7.1E-13	-2.24	-1.16	5.1E-16
Prpf3	4753	1.26	0.34	4.9E-05	1.19	0.25	3.5E-03
Prpf6	9328	1.36	0.44	3.8E-11	1.33	0.41	1.2E-09
Prps1	3960	1.34	0.42	3.5E-06	1.31	0.39	1.6E-05
Prr15	502	2.11	1.08	4.1E-05	1.62	0.70	9.9E-03
Prr16	220	-2.05	-1.03	3.8E-04	-1.56	-0.64	3.5E-02
Prr18	491	-3.50	-1.81	3.6E-09	-3.61	-1.85	1.5E-09
Prr36	5899	-1.89	-0.92	2.0E-05	-2.20	-1.14	9.2E-08
Prr5	802	2.25	1.17	7.6E-13	2.07	1.05	1.3E-10
Prr5l	656	-2.22	-1.15	3.9E-11	-2.48	-1.31	4.1E-14
Prr7	478	-1.68	-0.75	8.2E-08	-1.90	-0.92	1.9E-11
Prrg1	882	-1.38	-0.46	1.8E-05	-1.30	-0.38	5.3E-04
Prrg2	447	-2.32	-1.21	1.3E-35	-2.30	-1.20	6.0E-35
Prrg3	2698	-1.36	-0.44	5.9E-06	-1.31	-0.39	7.7E-05
Prrg4	194	2.51	1.33	1.3E-05	3.23	1.69	2.4E-08
Prrt3	270	1.56	0.64	6.3E-04	1.44	0.53	5.3E-03
Prrx1	7465	-3.31	-1.73	2.9E-07	-3.15	-1.65	9.6E-07
Prss23	1182	-1.43	-0.52	2.6E-02	-1.52	-0.60	9.2E-03
Prss36	317	-1.77	-0.82	6.5E-25	-1.65	-0.72	1.7E-19
Prune1	3326	-1.33	-0.42	9.5E-06	-1.34	-0.42	5.9E-06
Prx	614	-1.27	-0.35	1.0E-02	-1.33	-0.41	2.3E-03
Prxl2b	931	1.77	0.82	1.5E-15	1.70	0.77	1.2E-13
Prxl2c	1128	1.56	0.64	2.0E-07	1.56	0.64	2.3E-07
Psat1	17607	1.37	0.45	1.1E-05	1.33	0.41	5.6E-05
Psen2	693	1.96	0.97	1.6E-27	1.90	0.93	4.1E-25
Pskh1	1945	-1.35	-0.43	5.9E-03	-1.43	-0.52	9.3E-04
Psma2	10930	1.26	0.33	1.4E-04	1.26	0.33	1.8E-04
Psma5	8361	1.25	0.33	5.4E-04	1.20	0.27	5.6E-03
Psmb10	401	-1.57	-0.65	6.3E-14	-1.48	-0.57	1.1E-10
Psmd2	29334	1.27	0.35	6.7E-05	1.19	0.25	4.2E-03
Psmd4	9072	1.27	0.34	8.8E-05	1.19	0.25	5.5E-03
Psmd5	5393	1.29	0.37	2.5E-04	1.24	0.31	2.7E-03
Psmd9	2434	1.38	0.47	1.2E-11	1.35	0.43	4.4E-10
Psme4	24645	1.39	0.48	1.1E-06	1.42	0.50	2.9E-07
Pspc1	5966	-1.49	-0.58	3.5E-08	-1.56	-0.64	8.0E-10
Ptbp2	26867	-1.53	-0.62	5.5E-08	-1.56	-0.65	1.3E-08
Ptbp3	8517	1.28	0.36	2.0E-02	1.44	0.53	4.8E-04
Ptch1	7873	-1.21	-0.27	4.8E-04	-1.26	-0.34	1.1E-05
Ptdss1	5032	1.32	0.40	6.1E-07	1.38	0.46	8.6E-09
Pten	12976	1.37	0.45	3.9E-06	1.37	0.45	3.9E-06
Ptger1	207	3.05	1.61	1.8E-10	3.58	1.84	2.1E-13
Ptger4	131	2.02	1.01	5.4E-03	2.75	1.46	4.6E-05
Ptges	739	2.61	1.39	5.4E-06	2.58	1.37	7.6E-06
Ptges2	1580	1.71	0.77	8.9E-27	1.68	0.75	4.3E-25

Ptgfr	113	-5.61	-2.49	9.9E-17	-6.27	-2.65	3.9E-18
Pth1r	1324	-1.60	-0.67	5.9E-03	-1.55	-0.63	1.1E-02
Ptk2b	117	1.75	0.80	1.6E-03	1.68	0.75	3.7E-03
Ptk7	9855	1.29	0.36	1.8E-02	1.27	0.35	2.5E-02
Ptms	25036	-1.32	-0.40	2.7E-02	-1.44	-0.52	3.6E-03
Ptn	20272	-1.55	-0.63	9.6E-05	-1.46	-0.54	9.5E-04
Ptp4a3	1474	-1.60	-0.68	1.3E-12	-1.62	-0.69	5.0E-13
Ptpa	9367	-1.29	-0.36	3.5E-08	-1.39	-0.48	2.4E-13
Ptpn1	7485	1.59	0.67	8.2E-10	1.45	0.53	1.3E-06
Ptpn11	16665	1.31	0.39	9.8E-16	1.27	0.35	8.7E-13
Ptpn12	6041	-1.37	-0.45	2.4E-10	-1.41	-0.50	2.4E-12
Ptpn13	8616	2.15	1.11	1.0E-18	2.34	1.23	8.8E-23
Ptpn2	2285	-1.75	-0.81	1.3E-31	-1.78	-0.83	3.6E-33
Ptpn3	1467	2.06	1.05	4.5E-04	2.66	1.41	1.4E-06
Ptpn4	9452	1.32	0.41	1.6E-02	1.60	0.68	3.4E-05
Ptpn5	4140	-1.59	-0.67	1.2E-02	-1.49	-0.57	3.7E-02
Ptpn6	230	-1.42	-0.50	3.0E-02	-1.58	-0.66	4.0E-03
Ptpn9	4302	-1.82	-0.87	2.3E-30	-1.88	-0.91	3.8E-33
Ptprb	1124	-1.77	-0.82	2.0E-08	-1.83	-0.87	2.6E-09
Ptprn	2345	1.94	0.95	5.4E-07	1.85	0.89	3.4E-06
Ptpro	3982	-1.70	-0.77	1.0E-02	-1.67	-0.74	1.4E-02
Ptpru	5216	1.56	0.65	3.2E-06	1.49	0.58	3.5E-05
Ptrh1	274	2.08	1.05	4.2E-16	1.97	0.98	6.8E-14
Ptrh2	3006	-1.27	-0.34	4.6E-04	-1.33	-0.41	2.1E-05
Ptrhd1	365	-3.12	-1.64	2.2E-44	-3.60	-1.85	2.7E-55
Pts	2565	-1.37	-0.46	3.0E-12	-1.39	-0.48	3.5E-13
Pttg1	1147	1.89	0.92	2.0E-16	1.92	0.94	5.6E-17
Pttg1ip	4768	1.30	0.38	1.4E-04	1.28	0.35	3.9E-04
Ptx3	1640	-3.37	-1.75	2.4E-20	-3.61	-1.85	1.3E-22
Puf60	8826	-1.63	-0.70	1.2E-15	-1.79	-0.84	8.1E-22
Pum1	8711	-1.32	-0.40	1.7E-03	-1.43	-0.52	4.2E-05
Pum2	25350	-1.43	-0.52	4.5E-08	-1.39	-0.47	6.8E-07
Pura	2394	1.32	0.40	2.7E-05	1.35	0.43	5.1E-06
Purg	3082	1.28	0.36	3.3E-03	1.22	0.29	1.9E-02
Pus10	3922	1.28	0.35	1.6E-03	1.33	0.42	1.8E-04
Pus3	1379	-2.12	-1.08	2.1E-27	-2.09	-1.06	2.2E-26
Pus7	3393	1.79	0.84	1.7E-45	1.76	0.82	3.4E-43
Pusl1	1434	1.60	0.67	1.1E-23	1.61	0.69	1.0E-24
Pvr	426	-2.25	-1.17	3.1E-12	-2.10	-1.07	2.4E-10
Pwwp2a	3963	-1.25	-0.33	4.5E-04	-1.36	-0.45	9.1E-07
Pwwp3b	3399	2.53	1.34	1.8E-23	2.67	1.42	3.2E-26
Pxdn	15773	-1.48	-0.57	4.5E-05	-1.38	-0.46	1.1E-03
Pxk	3371	1.63	0.70	6.0E-11	1.73	0.79	1.1E-13
Pxmp2	307	2.17	1.12	5.6E-26	2.39	1.25	7.7E-32
Pxmp4	1007	1.50	0.58	1.7E-07	1.43	0.52	3.8E-06
Pxn	6562	2.24	1.16	1.4E-25	2.20	1.14	1.2E-24
Pxylp1	3755	1.40	0.49	2.0E-10	1.42	0.50	5.2E-11

Pycard	123	-1.78	-0.83	2.5E-03	-1.53	-0.62	2.9E-02
Pygb	14633	1.74	0.80	1.1E-27	1.76	0.82	1.1E-28
Pygo1	5395	-2.65	-1.40	8.7E-22	-2.40	-1.27	6.8E-18
Pym1	1562	-1.86	-0.89	7.4E-17	-1.95	-0.96	1.7E-19
Pyroxd1	1521	-1.68	-0.74	3.7E-25	-1.55	-0.63	1.6E-18
Pyroxd2	193	-1.33	-0.42	1.5E-02	-1.31	-0.39	2.7E-02
Qars	9485	1.42	0.51	6.9E-06	1.34	0.43	1.9E-04
Qdpr	4362	1.55	0.64	4.2E-11	1.50	0.58	1.8E-09
Qk	28560	-1.64	-0.71	2.5E-12	-1.70	-0.77	3.4E-14
Qpctl	1773	1.64	0.71	1.6E-28	1.58	0.66	1.3E-24
Qrich1	7228	-1.22	-0.29	1.2E-05	-1.33	-0.41	2.3E-10
Qrs11	916	-2.30	-1.20	8.3E-54	-2.15	-1.10	3.2E-45
Qser1	10610	-1.36	-0.44	1.8E-05	-1.33	-0.41	8.5E-05
Qsox1	3638	1.72	0.78	1.6E-19	1.74	0.80	1.8E-20
Qsox2	2118	1.41	0.50	3.4E-09	1.33	0.41	1.7E-06
R3hdm2	7116	-1.65	-0.72	3.2E-09	-1.76	-0.81	2.3E-11
Rab11b	7660	-2.06	-1.05	2.8E-39	-2.14	-1.10	2.2E-43
Rab11fip1	1229	4.58	2.20	8.2E-26	4.36	2.12	3.4E-24
Rab11fip2	3691	-2.07	-1.05	1.4E-21	-2.06	-1.04	4.2E-21
Rab11fip5	3422	2.08	1.05	6.9E-20	2.09	1.06	3.7E-20
Rab12	5690	1.35	0.43	6.6E-07	1.28	0.36	4.0E-05
Rab15	1617	-1.75	-0.81	2.0E-06	-1.69	-0.76	9.5E-06
Rab1b	6869	-1.52	-0.61	7.0E-18	-1.59	-0.67	7.7E-22
Rab20	106	6.47	2.69	1.2E-23	6.84	2.77	1.0E-24
Rab21	5093	1.43	0.51	6.9E-07	1.31	0.39	2.1E-04
Rab26	128	8.08	3.01	1.4E-67	5.99	2.58	4.1E-53
Rab27b	323	-1.67	-0.74	2.1E-03	-1.58	-0.66	7.3E-03
Rab29	307	-1.29	-0.37	3.9E-03	-1.33	-0.41	1.3E-03
Rab2b	2907	-1.24	-0.31	5.1E-06	-1.28	-0.35	1.1E-07
Rab32	377	-1.39	-0.48	2.0E-02	-1.37	-0.45	3.0E-02
Rab33a	707	-1.67	-0.74	2.4E-05	-1.63	-0.71	5.0E-05
Rab34	1804	-2.39	-1.26	9.4E-51	-2.48	-1.31	5.4E-55
Rab37	184	2.33	1.22	5.5E-09	2.47	1.30	5.1E-10
Rab39	642	3.61	1.85	2.3E-66	3.29	1.72	9.2E-58
Rab3d	2350	2.68	1.42	2.9E-75	2.54	1.34	2.4E-67
Rab3gap1	2905	-1.47	-0.56	4.9E-34	-1.40	-0.48	1.2E-25
Rab3gap2	5920	1.24	0.31	1.5E-04	1.31	0.39	1.1E-06
Rab3il1	2078	1.36	0.44	1.2E-02	1.32	0.41	2.2E-02
Rab3ip	3408	2.08	1.05	6.1E-46	1.96	0.97	6.2E-39
Rab40b	500	2.63	1.39	5.6E-15	2.94	1.56	2.4E-18
Rab40c	3116	1.63	0.70	2.4E-13	1.53	0.62	1.7E-10
Rab4a	1257	1.46	0.55	6.4E-16	1.38	0.47	8.2E-12
Rab5if	4432	1.64	0.71	2.8E-21	1.59	0.67	8.2E-19
Rab6a	18719	1.25	0.33	2.4E-03	1.20	0.26	1.8E-02
Rab8a	6226	1.33	0.41	6.5E-07	1.22	0.29	6.1E-04
Rab8b	7534	1.33	0.41	8.0E-11	1.29	0.37	1.0E-08
Rab9	2389	1.27	0.35	2.2E-05	1.29	0.37	8.5E-06

Rab9b	861	-1.48	-0.57	1.2E-02	-1.49	-0.57	1.1E-02
Rabac1	2232	1.30	0.38	9.0E-04	1.39	0.47	3.5E-05
Rabep1	11994	1.35	0.43	3.8E-05	1.42	0.51	1.1E-06
Rabep2	905	-1.39	-0.47	1.1E-07	-1.50	-0.58	4.3E-11
Rabepk	1136	1.66	0.73	9.7E-18	1.68	0.75	2.1E-18
Rabgap1	11993	1.24	0.31	7.8E-06	1.27	0.35	6.7E-07
Rabgef1	2176	1.32	0.40	2.1E-08	1.30	0.38	1.5E-07
Rabggta	1174	-1.70	-0.76	2.2E-19	-1.78	-0.83	1.3E-22
Rabif	2051	-1.70	-0.76	1.9E-35	-1.72	-0.78	3.7E-37
Rabl2	2848	1.43	0.52	8.9E-13	1.33	0.41	2.8E-08
Rabl3	1138	-2.47	-1.31	7.6E-19	-2.78	-1.47	1.3E-23
Rabl6	6117	-1.21	-0.28	2.3E-07	-1.27	-0.35	6.1E-11
Rad21	24544	-1.30	-0.38	9.2E-06	-1.37	-0.46	7.5E-08
Rad23a	2592	-1.25	-0.33	2.1E-03	-1.33	-0.42	6.8E-05
Rad51c	899	-1.27	-0.35	1.0E-02	-1.43	-0.51	8.5E-05
Rad54l	3943	1.44	0.53	1.0E-02	1.36	0.44	3.4E-02
Rad9b	923	-1.31	-0.39	1.0E-04	-1.22	-0.29	5.1E-03
Radil	654	1.45	0.53	2.3E-03	1.32	0.40	2.6E-02
Raet1d	244	-1.51	-0.59	2.3E-02	-1.53	-0.62	1.8E-02
Raf1	11657	-1.62	-0.69	2.3E-24	-1.60	-0.68	1.8E-23
Rai1	7722	-1.57	-0.65	2.5E-07	-1.56	-0.64	3.3E-07
Rai14	9557	-1.43	-0.52	4.4E-04	-1.35	-0.43	4.2E-03
Ralb	3292	1.43	0.52	3.4E-08	1.49	0.57	1.0E-09
Ralgapa2	4401	1.38	0.46	5.3E-04	1.45	0.53	5.3E-05
Raly	16070	1.36	0.45	9.1E-05	1.24	0.31	7.2E-03
Ramp2	694	-2.41	-1.27	5.4E-48	-2.40	-1.26	2.5E-47
Ranbp17	928	-1.59	-0.67	3.6E-07	-1.48	-0.57	1.9E-05
Ranbp3	6406	-1.16	-0.21	1.3E-02	-1.27	-0.34	2.8E-05
Rangap1	18532	1.47	0.56	2.1E-06	1.34	0.42	4.4E-04
Rangrf	981	1.83	0.87	5.0E-09	1.62	0.69	4.5E-06
Rap2a	5118	1.39	0.47	1.4E-09	1.32	0.40	5.1E-07
Rap2c	7466	-1.25	-0.33	5.2E-06	-1.24	-0.31	1.8E-05
Rapgef1	10436	-1.42	-0.50	2.9E-06	-1.50	-0.59	4.5E-08
Rapgef5	5201	-1.58	-0.66	1.3E-03	-1.44	-0.53	1.1E-02
Rapgefl1	1691	2.22	1.15	2.2E-13	2.22	1.15	1.9E-13
Rarb	1030	-2.09	-1.07	2.6E-05	-2.27	-1.18	3.0E-06
Rarg	1854	-2.08	-1.05	4.1E-04	-2.10	-1.07	3.5E-04
Rars	8480	1.33	0.41	7.7E-04	1.32	0.40	1.1E-03
Rasa2	2217	-1.84	-0.88	3.1E-20	-1.72	-0.78	3.9E-16
Rasa3	4266	1.67	0.74	2.3E-36	1.65	0.72	1.1E-34
Rasa4	1701	2.43	1.28	1.7E-23	2.39	1.26	1.5E-22
Rasd2	225	6.17	2.62	6.5E-09	6.48	2.70	2.6E-09
Rasgef1c	131	-1.99	-0.99	9.5E-03	-1.77	-0.82	3.6E-02
Rasgrf1	381	3.65	1.87	1.8E-07	4.38	2.13	2.2E-09
Rasgrp3	853	-1.68	-0.75	7.6E-15	-1.58	-0.66	9.9E-12
Rasip1	598	-2.20	-1.14	8.0E-19	-2.21	-1.14	6.2E-19
Rasl10b	3257	1.71	0.77	8.4E-06	1.66	0.73	2.5E-05

Rasl11a	248	-1.31	-0.39	2.9E-02	-1.44	-0.53	2.8E-03
Rasl12	406	-1.26	-0.33	3.1E-04	-1.15	-0.20	3.5E-02
Rassf2	7103	1.57	0.66	1.4E-13	1.44	0.52	4.6E-09
Rassf3	1707	1.53	0.61	3.3E-03	1.59	0.67	1.3E-03
Rassf4	6296	2.38	1.25	5.6E-14	2.84	1.51	7.1E-20
Rassf5	168	1.54	0.62	2.2E-02	1.66	0.74	6.4E-03
Rassf7	1195	2.10	1.07	7.9E-19	1.96	0.97	1.4E-15
Rassf8	2738	1.47	0.55	4.1E-08	1.49	0.58	9.4E-09
Rassf9	175	-2.44	-1.29	2.7E-09	-2.25	-1.17	7.5E-08
Raver2	2460	1.54	0.62	4.5E-07	1.63	0.70	8.9E-09
Rb1	8425	1.44	0.53	4.1E-06	1.56	0.64	1.6E-08
Rbbp8	3246	-1.31	-0.39	1.1E-02	-1.33	-0.41	7.2E-03
Rbbp9	3562	-1.56	-0.64	5.5E-20	-1.59	-0.67	1.1E-21
Rbfa	1318	1.87	0.90	2.2E-22	1.69	0.76	3.3E-16
Rbfox2	29853	-1.30	-0.38	1.0E-02	-1.27	-0.35	1.9E-02
Rbl1	4163	-1.38	-0.46	8.9E-04	-1.42	-0.51	2.6E-04
Rbl2	3008	1.45	0.54	8.8E-16	1.47	0.56	8.1E-17
Rbm10	7185	-1.51	-0.60	1.5E-12	-1.65	-0.73	4.9E-18
Rbm11	391	4.61	2.20	3.3E-54	4.74	2.25	3.2E-56
Rbm12	3524	-1.73	-0.79	7.4E-15	-1.85	-0.88	2.0E-18
Rbm19	1975	-1.70	-0.76	5.1E-12	-1.89	-0.92	6.2E-17
Rbm20	667	-1.83	-0.88	6.6E-09	-1.82	-0.86	1.1E-08
Rbm22	4983	-1.33	-0.42	6.2E-05	-1.47	-0.56	5.1E-08
Rbm25	24288	-1.46	-0.54	1.8E-08	-1.46	-0.54	1.9E-08
Rbm28	10895	1.36	0.44	1.1E-20	1.39	0.47	3.3E-23
Rbm3	18751	-1.37	-0.46	4.9E-04	-1.49	-0.57	1.1E-05
Rbm33	11486	-1.50	-0.59	3.8E-08	-1.41	-0.50	3.5E-06
Rbm34	3179	1.35	0.44	3.3E-07	1.27	0.35	6.5E-05
Rbm38	2168	1.82	0.86	5.9E-06	1.59	0.67	6.0E-04
Rbm39	32934	-1.94	-0.95	4.7E-46	-1.83	-0.87	1.8E-38
Rbm43	384	-1.49	-0.57	5.0E-05	-1.49	-0.57	5.5E-05
Rbm46	346	1.48	0.56	8.2E-03	1.69	0.76	3.0E-04
Rbm47	199	-2.66	-1.41	2.1E-12	-2.81	-1.49	1.0E-13
Rbm4b	5862	-2.10	-1.07	2.0E-22	-2.03	-1.02	2.6E-20
Rbm5	23084	-1.69	-0.75	7.4E-24	-1.61	-0.69	6.4E-20
Rbms1	4901	-1.84	-0.88	1.6E-05	-1.70	-0.76	2.2E-04
Rbms2	3710	1.40	0.49	1.4E-04	1.42	0.50	8.1E-05
Rbmx	23217	-1.48	-0.57	1.3E-10	-1.51	-0.60	1.3E-11
Rbpj	11332	-1.25	-0.32	4.8E-06	-1.29	-0.37	1.5E-07
Rbpms2	573	1.66	0.73	1.7E-03	1.43	0.52	3.1E-02
Rbsn	4618	-1.35	-0.43	1.0E-22	-1.33	-0.42	8.4E-21
Rbx1	7621	-1.51	-0.60	1.4E-15	-1.55	-0.63	3.6E-17
Rcan1	3802	1.67	0.74	4.1E-27	1.59	0.67	4.6E-22
Rcbtb2	5810	-3.41	-1.77	4.0E-51	-3.46	-1.79	2.5E-52
Rcc1l	1129	-1.21	-0.28	2.7E-02	-1.34	-0.42	6.3E-04
Rcc2	17690	-1.39	-0.47	5.7E-03	-1.57	-0.65	1.0E-04
Rchy1	3161	-1.30	-0.38	2.9E-12	-1.34	-0.42	6.3E-15

Rcl1	1965	2.16	1.11	3.3E-21	2.11	1.07	6.3E-20
Rcn2	10029	-1.39	-0.48	2.0E-07	-1.48	-0.57	6.5E-10
Rcor3	680	-1.75	-0.81	1.2E-08	-1.52	-0.60	3.3E-05
Rcsd1	870	-1.67	-0.74	1.0E-06	-1.67	-0.74	9.3E-07
Rdh11	3707	1.44	0.52	1.3E-13	1.45	0.53	3.5E-14
Rdh12	110	1.33	0.42	1.3E-02	1.76	0.81	3.8E-07
Rdh13	2792	1.34	0.42	6.4E-14	1.28	0.36	3.4E-10
Rdh14	769	-1.89	-0.92	2.4E-20	-1.92	-0.94	2.2E-21
Rdm1	1015	-1.26	-0.33	5.5E-03	-1.34	-0.42	3.5E-04
Recql	4098	1.34	0.43	2.5E-08	1.30	0.38	6.9E-07
Reep3	6903	-1.26	-0.33	5.0E-10	-1.26	-0.33	5.5E-10
Reep4	1519	1.61	0.69	2.2E-05	1.46	0.55	9.5E-04
Reep6	623	6.74	2.75	3.5E-44	6.43	2.68	6.0E-42
Rel	493	2.35	1.23	7.1E-19	2.56	1.36	2.1E-22
Rela	1932	-1.48	-0.57	8.0E-09	-1.63	-0.70	4.3E-13
Relch	6621	1.42	0.50	4.6E-06	1.55	0.63	5.1E-09
Rel1	2397	2.36	1.24	7.2E-47	2.29	1.20	7.3E-44
Rel2	1180	1.72	0.79	1.9E-03	1.74	0.80	1.5E-03
Relt	367	2.54	1.34	2.0E-46	2.58	1.37	2.8E-47
Resf1	3872	-1.48	-0.57	2.0E-21	-1.44	-0.53	2.4E-18
Retreg3	7186	1.31	0.39	8.9E-17	1.25	0.32	1.0E-11
Retsat	307	-1.42	-0.51	1.1E-03	-1.40	-0.48	2.0E-03
Rex1bd	1297	-1.27	-0.34	1.4E-04	-1.36	-0.45	4.2E-07
Rfc5	2500	-1.38	-0.46	1.0E-03	-1.56	-0.64	3.0E-06
Rffl	1871	1.99	0.99	1.5E-17	1.91	0.94	1.1E-15
Rfk	4664	1.52	0.60	4.2E-12	1.42	0.51	6.4E-09
Rft1	805	-1.94	-0.96	6.4E-31	-1.97	-0.98	3.6E-32
Rftn2	1295	-1.42	-0.50	1.5E-06	-1.33	-0.41	1.1E-04
Rfx1	2234	-1.48	-0.56	7.1E-06	-1.53	-0.61	8.7E-07
Rfx2	1128	2.57	1.36	5.9E-26	2.32	1.21	9.6E-21
Rfx3	5786	-1.47	-0.56	5.0E-08	-1.45	-0.53	2.2E-07
Rfx4	2512	-1.73	-0.79	7.1E-04	-1.78	-0.83	3.4E-04
Rfxap	1885	1.46	0.54	2.2E-16	1.41	0.49	8.7E-14
Rgcc	529	-1.42	-0.50	3.9E-03	-1.35	-0.44	1.3E-02
Rgl1	3228	1.52	0.60	6.8E-18	1.44	0.53	5.9E-14
Rgl3	463	4.98	2.32	1.2E-41	4.13	2.05	6.5E-33
Rgma	6011	-1.29	-0.37	3.3E-02	-1.36	-0.45	8.9E-03
Rgs10	538	1.84	0.88	1.0E-06	1.74	0.80	9.7E-06
Rgs12	7398	-1.51	-0.60	2.5E-09	-1.68	-0.75	5.5E-14
Rgs13	112	-1.71	-0.78	2.0E-02	-2.13	-1.09	7.2E-04
Rgs17	1821	1.36	0.45	4.5E-02	1.55	0.63	3.9E-03
Rgs19	1294	-1.42	-0.50	7.4E-12	-1.51	-0.59	4.1E-16
Rgs3	2881	-1.74	-0.80	1.1E-19	-1.75	-0.80	4.5E-20
Rgs9bp	472	8.35	3.06	4.3E-75	6.94	2.80	4.6E-63
Rhbdd3	1075	-1.59	-0.67	9.8E-14	-1.67	-0.74	2.0E-16
Rhbdf2	535	3.88	1.96	2.4E-17	3.98	1.99	7.1E-18
Rhbd11	202	2.57	1.36	2.7E-11	2.56	1.36	4.0E-11



Rheb1	1255	1.58	0.66	2.5E-14	1.51	0.60	4.2E-12
Rhobtb1	1395	-3.17	-1.66	3.8E-53	-3.37	-1.75	1.2E-58
Rhobtb3	9159	-1.40	-0.49	2.7E-05	-1.44	-0.53	4.8E-06
Rhof	450	2.70	1.44	1.9E-30	2.77	1.47	1.1E-31
Rhoj	1113	-2.65	-1.41	9.4E-18	-2.44	-1.28	5.7E-15
Rhot2	1656	1.44	0.53	6.0E-05	1.27	0.35	1.1E-02
Rhou	2734	-1.48	-0.56	1.1E-07	-1.63	-0.70	2.5E-11
Rhpn1	1963	2.82	1.49	1.1E-36	2.53	1.34	9.8E-30
Rhpn2	911	6.67	2.74	5.4E-70	7.27	2.86	1.1E-75
Ric1	8113	1.48	0.56	4.6E-07	1.67	0.74	2.3E-11
Riad1	398	1.92	0.94	1.0E-11	1.94	0.95	8.2E-12
Rilpl1	1682	2.15	1.10	5.9E-24	2.05	1.03	4.1E-21
Rilpl2	1121	2.40	1.26	1.8E-34	2.27	1.18	2.8E-30
Rimbp3	433	2.31	1.21	1.9E-13	2.35	1.23	7.1E-14
Rims2	3497	-1.38	-0.47	1.1E-02	-1.48	-0.57	1.7E-03
Rims3	4156	1.95	0.97	2.0E-08	1.98	0.98	1.2E-08
Rims4	1715	1.77	0.83	1.1E-03	1.61	0.69	7.8E-03
Rin1	390	1.88	0.91	4.5E-13	1.64	0.71	2.2E-08
Rin2	2072	-1.58	-0.66	1.1E-09	-1.61	-0.69	2.6E-10
Rin3	463	-2.83	-1.50	2.1E-13	-3.14	-1.65	5.9E-16
Ring1	2355	-1.90	-0.93	2.7E-07	-2.18	-1.13	2.9E-10
Riok2	4907	1.42	0.51	2.7E-08	1.41	0.50	6.6E-08
Riox1	1052	1.28	0.36	1.9E-04	1.26	0.33	6.8E-04
Ripk1	1087	-2.06	-1.04	5.7E-34	-1.98	-0.99	2.6E-30
Ripk2	1145	2.81	1.49	2.9E-85	2.85	1.51	6.4E-87
Ripk3	526	1.96	0.97	1.5E-02	1.91	0.93	2.0E-02
Ripor1	3295	1.36	0.44	2.1E-03	1.29	0.36	1.3E-02
Ripor3	171	-3.13	-1.65	1.0E-05	-3.43	-1.78	1.9E-06
Rit1	2411	1.63	0.71	3.8E-30	1.60	0.68	4.9E-28
Rita1	1249	2.58	1.37	9.1E-42	2.63	1.40	2.3E-43
Rmc1	2865	2.07	1.05	2.3E-31	2.20	1.14	1.7E-36
Rmdn1	682	-1.34	-0.42	3.3E-04	-1.23	-0.30	1.4E-02
Rmdn2	218	-6.36	-2.67	3.3E-77	-7.53	-2.91	1.8E-87
Rmdn3	2672	1.32	0.40	1.4E-11	1.27	0.35	4.4E-09
Rmi1	1833	-1.41	-0.49	5.7E-15	-1.48	-0.57	1.4E-19
Rmnd5a	10131	1.53	0.61	3.3E-27	1.52	0.61	6.3E-27
Rmnd5b	2194	1.35	0.44	3.1E-10	1.32	0.40	7.3E-09
Rnaseh2a	2685	1.85	0.89	1.7E-11	1.67	0.74	2.4E-08
Rnaseh2b	1694	-1.96	-0.97	9.3E-12	-2.03	-1.02	6.7E-13
Rnaseh2c	2154	1.38	0.46	4.4E-03	1.28	0.35	3.6E-02
Rnasel	5478	-2.82	-1.49	3.1E-27	-2.68	-1.42	8.1E-25
Rnd1	1048	3.11	1.64	8.5E-31	2.84	1.51	3.3E-26
Rnd3	17191	-1.47	-0.56	1.3E-07	-1.44	-0.53	6.9E-07
Rnf10	22283	1.25	0.33	3.4E-04	1.18	0.24	1.2E-02
Rnf113a2	1062	1.33	0.41	7.3E-06	1.27	0.35	1.5E-04
Rnf115	5353	1.41	0.50	2.7E-10	1.35	0.43	5.9E-08
Rnf122	3323	-1.22	-0.29	5.8E-05	-1.32	-0.40	1.3E-08

Rnf128	202	1.59	0.67	1.6E-02	1.64	0.72	1.0E-02
Rnf13	3567	1.32	0.40	6.4E-06	1.40	0.49	4.1E-08
Rnf135	168	-1.99	-0.99	4.9E-08	-1.97	-0.98	8.1E-08
Rnf144a	5958	-1.52	-0.61	2.1E-15	-1.55	-0.63	1.3E-16
Rnf150	2619	-1.92	-0.94	5.1E-17	-1.74	-0.80	2.1E-12
Rnf166	1825	1.38	0.46	6.3E-11	1.33	0.41	1.1E-08
Rnf169	3609	-1.24	-0.31	1.5E-04	-1.25	-0.33	7.5E-05
Rnf180	865	-2.14	-1.10	3.9E-12	-1.97	-0.98	8.3E-10
Rnf182	2274	1.38	0.46	5.8E-03	1.36	0.45	8.1E-03
Rnf185	4524	1.62	0.70	4.4E-25	1.57	0.65	8.8E-22
Rnf187	17783	1.31	0.39	1.1E-06	1.25	0.32	1.0E-04
Rnf19b	2770	1.38	0.47	7.2E-05	1.32	0.40	7.2E-04
Rnf207	148	-1.31	-0.39	2.2E-02	-1.29	-0.36	3.5E-02
Rnf215	2115	-1.50	-0.58	8.3E-12	-1.54	-0.62	3.1E-13
Rnf217	1654	-1.53	-0.61	2.5E-04	-1.37	-0.45	7.7E-03
Rnf223	282	2.78	1.47	8.3E-22	2.61	1.39	1.8E-19
Rnf225	192	1.74	0.80	3.5E-10	1.60	0.68	1.7E-07
Rnf227	4542	1.44	0.53	1.4E-02	1.54	0.62	3.2E-03
Rnf31	2259	1.26	0.33	1.1E-03	1.25	0.32	1.7E-03
Rnf34	4614	1.49	0.57	1.2E-13	1.50	0.59	3.6E-14
Rnft1	1790	1.25	0.32	3.5E-03	1.27	0.35	1.6E-03
Rngtt	5063	1.79	0.84	2.0E-29	1.87	0.90	5.4E-34
Rnh1	2002	-1.90	-0.92	2.6E-12	-1.98	-0.98	7.1E-14
Rnmt	8419	1.40	0.49	7.8E-10	1.47	0.55	2.0E-12
Rnpc3	2700	-1.59	-0.67	3.2E-09	-1.37	-0.45	8.4E-05
Rnpep	3605	-1.32	-0.40	4.7E-09	-1.42	-0.50	1.5E-13
Rnpepl1	2631	-1.26	-0.34	3.0E-03	-1.36	-0.44	7.3E-05
Ro60	20892	1.83	0.87	5.0E-11	2.10	1.07	2.7E-16
Robo4	695	-2.11	-1.08	1.5E-17	-2.21	-1.15	1.1E-19
Rogdi	2534	1.34	0.43	1.7E-08	1.29	0.37	1.2E-06
Rom1	105	-1.71	-0.78	2.4E-06	-1.67	-0.74	8.5E-06
Ror2	1379	-1.42	-0.51	2.0E-02	-1.60	-0.68	1.5E-03
Rorc	321	2.31	1.21	2.2E-08	2.39	1.25	6.1E-09
Rp2	3024	1.59	0.67	2.8E-12	1.56	0.64	1.5E-11
Rpa1	12109	1.92	0.94	3.3E-17	1.78	0.83	1.4E-13
Rpa2	4235	1.53	0.61	7.9E-05	1.34	0.42	8.6E-03
Rpa3	2669	1.30	0.38	4.2E-03	1.26	0.33	1.5E-02
Rpain	1629	1.37	0.45	5.6E-09	1.33	0.41	1.7E-07
Rpap1	2974	-1.93	-0.95	1.2E-16	-2.07	-1.05	2.7E-20
Rpap2	1284	-1.25	-0.32	1.2E-04	-1.26	-0.33	8.5E-05
Rpf1	2309	-1.45	-0.54	1.5E-07	-1.50	-0.59	6.7E-09
Rpgrip1l	3644	1.47	0.55	2.0E-05	1.68	0.75	4.8E-09
Rpn1	12140	1.23	0.29	1.3E-03	1.27	0.34	1.8E-04
Rpp21	529	-1.64	-0.71	8.3E-18	-1.79	-0.84	1.0E-23
Rpp38	340	-1.69	-0.76	2.7E-10	-1.70	-0.77	1.9E-10
Rpp40	867	2.05	1.03	7.0E-15	1.95	0.96	4.4E-13
Rprd1a	7927	1.50	0.58	1.9E-17	1.51	0.60	2.9E-18

Rprd2	4254	-2.07	-1.05	4.0E-20	-2.15	-1.11	3.3E-22
Rprm	2788	-1.47	-0.56	7.8E-04	-1.37	-0.45	7.6E-03
Rps19bp1	1322	1.25	0.32	4.3E-05	1.19	0.25	1.3E-03
Rps6ka1	2855	2.84	1.51	4.1E-37	2.60	1.38	3.2E-31
Rps6ka2	5307	1.80	0.85	8.1E-20	1.80	0.85	8.6E-20
Rps6ka3	11427	1.21	0.27	3.3E-03	1.29	0.37	3.3E-05
Rps6ka5	2355	1.53	0.61	4.5E-05	1.63	0.71	2.1E-06
Rpusd3	444	-1.21	-0.28	3.8E-02	-1.46	-0.54	2.2E-05
Rragb	2829	1.56	0.64	9.6E-10	1.54	0.62	3.0E-09
Rras	533	1.63	0.71	3.5E-05	1.45	0.53	2.3E-03
Rras2	3016	1.79	0.84	3.7E-27	1.76	0.82	5.1E-26
Rrm2	12342	-1.61	-0.69	4.7E-03	-1.96	-0.97	4.6E-05
Rrm2b	1684	1.51	0.59	2.6E-25	1.51	0.59	1.9E-25
Rrp1	15728	1.30	0.38	8.1E-08	1.21	0.27	1.4E-04
Rrp12	3528	1.64	0.71	2.0E-12	1.54	0.63	7.9E-10
Rrp9	2358	2.03	1.02	2.3E-16	1.79	0.84	1.9E-11
Rsb1n1	8220	1.21	0.28	8.6E-03	1.30	0.38	2.0E-04
Rsf1	8543	-1.42	-0.50	1.3E-06	-1.27	-0.34	1.2E-03
Rskr	107	2.22	1.15	2.3E-17	2.39	1.26	3.6E-20
Rsph1	173	1.43	0.52	3.7E-03	1.53	0.61	5.0E-04
Rsph10b	544	2.03	1.02	8.3E-08	2.64	1.40	9.2E-14
Rsph3b	721	1.26	0.33	4.2E-07	1.12	0.17	1.5E-02
Rsph4a	231	1.58	0.66	1.1E-02	1.80	0.85	1.0E-03
Rsph9	558	1.40	0.49	1.0E-05	1.50	0.58	9.6E-08
Rspo2	1294	-1.65	-0.72	3.4E-03	-2.12	-1.09	6.2E-06
Rspo3	1820	-1.64	-0.71	1.5E-04	-2.02	-1.01	4.5E-08
Rsrc2	12072	-1.68	-0.75	9.5E-24	-1.62	-0.70	8.0E-21
Rtbdn	164	1.76	0.81	1.6E-03	1.86	0.90	4.9E-04
Rtca	4003	1.31	0.39	4.8E-07	1.24	0.31	9.7E-05
Rtel1	4172	-1.34	-0.43	2.1E-07	-1.39	-0.48	7.2E-09
Rtf1	12843	1.35	0.44	8.2E-13	1.27	0.34	2.3E-08
Rtf2	5214	1.28	0.36	1.0E-06	1.20	0.26	5.6E-04
Rtkn	1660	-2.02	-1.01	1.7E-08	-2.06	-1.04	5.7E-09
Rtl3	706	-5.16	-2.37	8.6E-06	-4.48	-2.16	5.5E-05
Rtl6	4845	-1.49	-0.57	1.3E-05	-1.58	-0.66	4.2E-07
Rtn4	30259	-1.65	-0.73	1.7E-12	-1.73	-0.79	1.0E-14
Rtn4rl2	469	2.04	1.03	4.0E-09	2.01	1.01	7.6E-09
Rtraf	11323	1.29	0.36	1.3E-04	1.30	0.37	7.9E-05
Rubcn	5545	1.54	0.62	2.6E-12	1.56	0.64	5.0E-13
Rufy1	1883	-1.35	-0.43	2.1E-09	-1.32	-0.40	1.8E-08
Rundc1	2598	1.54	0.62	2.8E-22	1.46	0.55	2.5E-17
Runx1	381	-3.19	-1.67	1.6E-04	-2.98	-1.57	4.3E-04
Runx1t1	7184	-1.62	-0.70	4.1E-03	-1.61	-0.69	4.8E-03
Runx2	782	-3.89	-1.96	1.5E-05	-3.99	-2.00	1.1E-05
Rusc2	5884	-1.98	-0.99	4.9E-05	-2.11	-1.08	8.5E-06
Rwdd2a	435	7.14	2.84	3.5E-147	6.82	2.77	5.2E-143
Rwdd2b	467	-3.44	-1.78	7.3E-118	-3.69	-1.89	2.2E-128

Rwdd3	521	-1.40	-0.48	5.4E-03	-1.33	-0.41	2.0E-02
Rwdd4a	5137	1.92	0.94	5.5E-29	1.87	0.90	6.3E-27
Rxfp3	166	-3.05	-1.61	1.0E-10	-3.54	-1.82	3.1E-13
Rxrb	4358	-1.27	-0.35	5.6E-06	-1.34	-0.42	3.0E-08
Rxylt1	2032	1.49	0.57	1.7E-13	1.51	0.59	2.6E-14
S100a10	2920	-1.48	-0.57	2.5E-02	-1.49	-0.57	2.4E-02
S100a13	157	-1.30	-0.38	2.4E-02	-1.27	-0.34	4.5E-02
S100a16	596	-2.17	-1.12	3.0E-18	-2.26	-1.18	4.2E-20
S100a6	439	-1.29	-0.37	6.2E-03	-1.27	-0.34	1.3E-02
S1pr1	1963	-1.25	-0.32	2.4E-06	-1.38	-0.46	4.0E-12
Sacm1	7648	1.55	0.64	7.9E-19	1.63	0.71	6.1E-23
Safb	14014	-1.45	-0.53	1.4E-04	-1.58	-0.66	2.2E-06
Sag	181	4.19	2.07	6.6E-33	4.68	2.23	8.3E-37
Sall1	4174	-1.84	-0.88	1.4E-04	-1.84	-0.88	1.5E-04
Sall2	8927	-1.72	-0.78	1.6E-12	-1.92	-0.94	1.6E-17
Sall3	1797	-1.48	-0.56	4.1E-03	-1.77	-0.82	1.8E-05
Sall4	546	2.37	1.24	8.3E-04	1.83	0.87	2.4E-02
Samd1	2620	-1.40	-0.49	5.6E-05	-1.55	-0.63	1.5E-07
Samd10	2579	-2.14	-1.09	1.5E-10	-2.11	-1.07	3.6E-10
Samd11	170	-1.90	-0.92	1.4E-04	-2.03	-1.02	2.3E-05
Samd14	10591	-1.54	-0.63	9.7E-05	-1.59	-0.67	2.8E-05
Samd3	400	-2.38	-1.25	2.3E-04	-2.84	-1.51	7.6E-06
Samd4b	6947	1.45	0.54	2.9E-06	1.35	0.43	2.5E-04
Samd5	2239	-1.88	-0.91	1.7E-20	-1.94	-0.95	3.0E-22
Samd8	6348	1.73	0.79	2.1E-14	1.70	0.77	1.4E-13
Samd9l	228	-1.98	-0.98	3.5E-05	-1.94	-0.96	5.7E-05
Samhd1	5052	1.53	0.61	2.2E-09	1.48	0.56	5.2E-08
Samm50	4748	-1.45	-0.54	4.5E-12	-1.56	-0.64	8.3E-17
Sap130	6963	1.36	0.45	2.1E-13	1.30	0.38	4.4E-10
Sap30l	1292	1.46	0.55	3.0E-15	1.46	0.55	3.7E-15
Saraf	8581	1.68	0.75	2.4E-20	1.72	0.78	1.1E-21
Sardh	489	-1.91	-0.94	3.8E-05	-1.93	-0.95	3.0E-05
Sars2	811	-2.53	-1.34	4.7E-23	-2.64	-1.40	4.4E-25
Sat1	2244	1.28	0.35	7.5E-05	1.32	0.40	4.6E-06
Sat2	685	1.40	0.49	1.2E-10	1.41	0.50	6.7E-11
Saxo2	296	1.31	0.39	3.0E-02	1.43	0.51	3.7E-03
Saysd1	366	-1.58	-0.66	2.3E-10	-1.66	-0.73	3.3E-12
Sbf1	12325	1.57	0.65	4.1E-08	1.53	0.61	2.8E-07
Sbk3	118	2.93	1.55	6.2E-06	3.13	1.65	1.7E-06
Sbno2	1513	-2.10	-1.07	3.2E-24	-2.26	-1.18	5.3E-29
Sc5d	7412	1.66	0.73	7.1E-30	1.66	0.73	1.9E-29
Scaf4	5878	1.30	0.38	4.1E-04	1.26	0.34	1.8E-03
Scaf8	5748	-1.42	-0.50	3.3E-15	-1.43	-0.52	6.4E-16
Scamp1	8509	1.28	0.36	7.8E-03	1.32	0.40	3.2E-03
Scamp2	2628	-1.36	-0.44	3.0E-19	-1.42	-0.51	8.1E-25
Scand1	1287	-1.28	-0.35	7.5E-03	-1.37	-0.46	4.2E-04
Scaper	3960	-1.65	-0.73	4.3E-05	-1.49	-0.58	1.4E-03

Scara3	922	-3.02	-1.59	6.1E-15	-3.17	-1.67	3.5E-16
Scara5	424	-2.38	-1.25	1.9E-03	-2.80	-1.49	1.9E-04
Scarb1	3129	2.56	1.35	9.4E-38	2.28	1.19	1.7E-29
Scarf1	312	-1.34	-0.42	6.7E-04	-1.51	-0.59	1.2E-06
Scarf2	1480	-2.40	-1.27	2.7E-04	-2.52	-1.33	1.3E-04
Scd1	3523	2.10	1.07	6.7E-06	1.71	0.78	1.4E-03
Scfd1	2748	-2.26	-1.18	1.7E-33	-2.12	-1.08	1.7E-28
Scft1	3048	1.26	0.34	2.5E-05	1.38	0.47	3.0E-09
Scly	1245	2.26	1.18	2.9E-34	2.15	1.11	2.4E-30
Scml2	716	-1.94	-0.95	1.6E-23	-1.85	-0.89	2.1E-20
Scn2b	833	-1.36	-0.45	1.1E-02	-1.36	-0.45	1.2E-02
Scn3a	8413	-2.01	-1.00	1.6E-05	-1.68	-0.74	1.8E-03
Scn5a	1085	2.19	1.13	4.6E-11	2.23	1.16	2.0E-11
Scnm1	2425	-1.35	-0.44	1.7E-06	-1.34	-0.43	3.0E-06
Scpep1	3033	1.39	0.47	3.5E-04	1.28	0.36	7.9E-03
Scrn2	719	-1.60	-0.68	2.3E-05	-1.71	-0.78	1.1E-06
Scrn3	647	-1.99	-0.99	9.8E-26	-1.97	-0.98	7.4E-25
Scrt1	3996	-2.00	-1.00	7.3E-05	-2.10	-1.07	2.0E-05
Scrt2	3779	-2.79	-1.48	1.5E-11	-2.73	-1.45	4.5E-11
Scube1	4902	1.46	0.54	5.4E-05	1.50	0.59	1.4E-05
Scube3	5734	-1.48	-0.57	1.9E-03	-1.65	-0.73	5.0E-05
Scx	108	-4.53	-2.18	5.3E-08	-3.56	-1.83	6.1E-06
Scyl2	7981	1.35	0.43	1.4E-11	1.42	0.51	1.4E-15
Sdc3	11979	-1.49	-0.57	3.1E-03	-1.52	-0.61	1.7E-03
Sdcbp	16088	1.53	0.62	2.3E-09	1.63	0.71	5.2E-12
Sdccag8	1430	1.51	0.59	2.7E-29	1.62	0.70	1.0E-39
Sdf2	2595	-1.29	-0.36	2.6E-06	-1.29	-0.37	1.8E-06
Sdf2l1	1277	1.98	0.99	4.4E-11	1.79	0.84	2.5E-08
Sdf4	6880	-1.33	-0.42	5.4E-17	-1.40	-0.49	1.1E-22
Sdr39u1	1162	-1.45	-0.54	3.7E-04	-1.52	-0.60	5.5E-05
Sdsl	200	-1.28	-0.35	1.7E-02	-1.38	-0.46	1.4E-03
Sec11c	2003	1.91	0.94	2.0E-26	1.98	0.99	3.6E-29
Sec14l1	12601	1.83	0.88	2.7E-20	1.74	0.80	3.4E-17
Sec14l2	403	1.32	0.40	4.4E-04	1.28	0.35	2.4E-03
Sec14l5	793	4.60	2.20	3.8E-27	5.41	2.44	8.2E-33
Sec16a	12641	1.29	0.37	8.7E-05	1.36	0.45	1.5E-06
Sec22c	4964	1.33	0.41	7.3E-04	1.22	0.29	2.1E-02
Sec23a	12547	1.24	0.32	3.1E-05	1.32	0.40	8.5E-08
Sec23b	6991	1.46	0.55	9.7E-08	1.42	0.50	1.4E-06
Sec24a	3464	1.29	0.37	1.1E-04	1.30	0.38	8.0E-05
Sec62	9104	-1.25	-0.32	8.2E-08	-1.23	-0.29	1.3E-06
Secisbp2	1609	-2.31	-1.21	4.5E-48	-2.49	-1.31	9.0E-57
Seh1l	5055	-2.36	-1.24	1.3E-47	-2.38	-1.25	2.6E-48
Sel1l	12129	1.28	0.35	7.3E-06	1.33	0.41	1.1E-07
Sel1l3	1613	-1.51	-0.59	9.2E-04	-1.46	-0.55	2.4E-03
Selenoi	7031	1.21	0.27	1.6E-03	1.28	0.36	1.9E-05
Selenon	4954	-1.90	-0.93	5.5E-17	-1.98	-0.99	4.4E-19

Sema3a	2749	-2.24	-1.16	2.5E-07	-1.77	-0.82	3.5E-04
Sema3b	220	-1.51	-0.59	6.9E-03	-1.53	-0.61	5.5E-03
Sema3c	3350	-1.87	-0.90	5.6E-07	-1.80	-0.85	2.9E-06
Sema3d	891	-2.64	-1.40	2.0E-03	-1.91	-0.93	4.7E-02
Sema3g	601	-1.64	-0.71	2.1E-08	-1.75	-0.81	1.6E-10
Sema4a	1676	-1.54	-0.63	2.2E-03	-1.61	-0.68	7.7E-04
Sema4c	4933	-1.84	-0.88	7.6E-13	-2.10	-1.07	1.5E-18
Sema4d	1612	1.90	0.93	4.8E-10	1.86	0.89	2.1E-09
Sema6a	5687	-1.29	-0.37	1.6E-03	-1.37	-0.45	7.8E-05
Sema6b	2249	1.88	0.91	4.5E-06	1.85	0.89	8.3E-06
Sema6d	5702	-1.66	-0.73	6.7E-04	-1.42	-0.51	2.2E-02
Senp2	8528	1.53	0.62	3.2E-24	1.48	0.57	1.3E-20
Senp3	8408	1.29	0.36	1.2E-19	1.24	0.31	2.0E-14
Senp6	10112	-2.39	-1.25	8.2E-61	-2.35	-1.23	1.4E-58
Sephs1	9449	-2.11	-1.07	6.2E-31	-2.22	-1.15	1.7E-35
Sephs2	3275	1.62	0.70	1.4E-10	1.41	0.50	6.9E-06
Sepsecs	2467	1.31	0.39	3.5E-07	1.37	0.45	4.7E-09
Septin1	808	-1.45	-0.54	1.8E-03	-1.80	-0.85	4.1E-07
Septin4	792	2.13	1.09	2.3E-16	2.27	1.18	4.4E-19
Septin7	20284	-1.31	-0.39	1.6E-05	-1.27	-0.35	1.2E-04
Septin9	12761	-1.25	-0.32	6.5E-03	-1.39	-0.47	3.4E-05
Serac1	2485	1.67	0.74	5.5E-11	1.88	0.91	4.7E-16
Sergef	851	1.27	0.34	4.5E-03	1.27	0.34	5.3E-03
Serinc2	2587	-2.01	-1.00	1.0E-31	-2.10	-1.07	7.5E-36
Serinc4	116	-4.90	-2.29	1.0E-28	-4.52	-2.18	4.8E-26
Serinc5	5207	1.90	0.92	2.9E-13	2.12	1.09	5.8E-18
Serp1	12830	1.26	0.34	2.6E-03	1.23	0.30	8.4E-03
Serpinb6a	2101	-1.30	-0.38	2.4E-02	-1.29	-0.37	2.9E-02
Serping1	1024	-1.99	-0.99	5.7E-12	-1.97	-0.98	1.1E-11
Serpini1	7446	1.35	0.43	4.5E-02	1.59	0.67	1.3E-03
Sertad2	4072	1.53	0.61	2.0E-13	1.50	0.58	3.5E-12
Sertad3	847	2.13	1.09	4.1E-24	1.95	0.96	4.7E-19
Sertad4	3346	-1.91	-0.94	3.2E-19	-1.95	-0.97	2.7E-20
Sertm1	1096	2.09	1.06	3.0E-09	2.03	1.02	1.2E-08
Sesn1	3981	1.42	0.51	3.3E-10	1.56	0.64	1.0E-15
Sesn2	1972	4.48	2.16	3.7E-70	4.10	2.04	3.1E-62
Sesn3	17785	1.60	0.67	4.1E-17	1.74	0.80	1.8E-23
Sestd1	12808	-1.41	-0.50	6.4E-04	-1.32	-0.40	8.0E-03
Set	42386	-1.41	-0.49	4.4E-04	-1.59	-0.66	1.3E-06
Setbp1	9254	-3.28	-1.71	1.7E-29	-3.22	-1.69	1.2E-28
Setd1b	4177	-2.04	-1.03	1.6E-07	-2.28	-1.19	1.1E-09
Setd3	10303	1.43	0.52	7.9E-41	1.44	0.53	2.1E-42
Setd4	686	-1.85	-0.88	1.3E-19	-1.92	-0.94	5.7E-22
Setd7	4188	-1.53	-0.61	6.4E-14	-1.52	-0.61	8.9E-14
Setdb2	1135	1.56	0.64	1.1E-07	1.63	0.71	5.2E-09
Setmar	331	-1.98	-0.99	8.2E-17	-1.87	-0.90	2.4E-14
Sf3a1	10723	-1.39	-0.47	4.3E-04	-1.56	-0.65	1.1E-06



Sf3b5	1896	1.48	0.56	5.4E-06	1.33	0.41	1.4E-03
Sf3b6	6240	1.30	0.38	7.3E-05	1.34	0.42	1.2E-05
Sfi1	1449	-1.52	-0.60	2.5E-14	-1.55	-0.64	9.6E-16
Sfmbt2	633	1.78	0.83	1.1E-08	1.94	0.95	5.7E-11
Sfpq	47502	-1.58	-0.66	1.8E-16	-1.58	-0.66	4.7E-16
Sfrp1	17728	1.45	0.54	1.1E-03	1.37	0.46	6.2E-03
Sfrp2	4464	-1.80	-0.84	4.0E-03	-1.75	-0.81	6.1E-03
Sfrp4	264	1.98	0.98	1.3E-20	1.84	0.88	2.2E-16
Sft2d2	3066	1.57	0.65	2.1E-06	1.52	0.60	1.1E-05
Sft2d3	601	-1.35	-0.43	9.2E-07	-1.37	-0.45	2.5E-07
Sfxn2	3160	1.92	0.94	4.0E-29	1.78	0.83	3.2E-23
Sgcb	2549	1.26	0.33	5.9E-04	1.29	0.36	1.4E-04
Sgce	1951	-1.87	-0.90	4.6E-34	-1.94	-0.96	2.3E-38
Sgf29	862	-1.84	-0.88	3.1E-24	-2.00	-1.00	8.2E-31
Sgk3	621	-1.99	-0.99	8.3E-07	-1.83	-0.87	1.8E-05
Sgo1	2634	-1.48	-0.56	1.5E-03	-1.63	-0.71	5.6E-05
Sgpl1	11314	1.43	0.52	1.0E-14	1.41	0.50	8.3E-14
Sgpp1	1571	1.51	0.60	6.5E-10	1.60	0.68	2.2E-12
Sgpp2	329	2.17	1.12	5.5E-04	2.28	1.19	2.5E-04
Sgsm1	2744	1.70	0.77	2.4E-10	1.60	0.68	2.9E-08
Sgsm2	4474	1.40	0.49	2.7E-04	1.34	0.42	1.8E-03
Sgsm3	2524	1.76	0.81	8.5E-29	1.69	0.75	8.3E-25
Sgtb	5003	2.59	1.37	4.7E-61	2.73	1.45	1.2E-67
Sh2b2	1643	1.33	0.41	1.7E-03	1.23	0.30	2.5E-02
Sh2b3	2074	2.26	1.18	1.9E-20	2.06	1.04	3.6E-16
Sh2d4b	1118	3.11	1.64	3.7E-16	3.31	1.73	7.1E-18
Sh2d5	969	2.34	1.23	1.0E-12	2.58	1.37	1.7E-15
Sh3bgr	135	1.74	0.80	1.1E-02	1.97	0.98	1.9E-03
Sh3bgrl2	2180	2.48	1.31	5.2E-53	2.71	1.44	3.1E-63
Sh3bp2	1827	-1.93	-0.95	2.7E-10	-2.20	-1.14	2.9E-14
Sh3bp4	3448	1.62	0.69	6.8E-16	1.60	0.67	5.5E-15
Sh3bp5	4917	-1.96	-0.97	6.8E-09	-2.03	-1.02	1.1E-09
Sh3d19	1865	-1.45	-0.53	1.5E-03	-1.45	-0.54	1.4E-03
Sh3glb2	5383	1.26	0.34	4.5E-03	1.29	0.36	2.1E-03
Sh3pxd2a	9733	-1.41	-0.50	5.9E-04	-1.31	-0.39	8.6E-03
Sh3pxd2b	8231	-1.73	-0.79	2.1E-11	-1.78	-0.83	1.2E-12
Sh3tc1	266	-1.45	-0.54	3.6E-04	-1.40	-0.48	1.6E-03
Sh3tc2	162	-3.02	-1.60	4.6E-11	-2.85	-1.51	6.3E-10
Sh3yl1	1332	1.48	0.56	8.1E-07	1.47	0.56	9.6E-07
Shank2	2071	-2.21	-1.14	1.8E-05	-2.32	-1.22	4.8E-06
Shb	1757	1.71	0.77	1.6E-04	1.55	0.63	2.7E-03
Shc2	2467	-1.42	-0.51	1.9E-05	-1.41	-0.50	3.2E-05
Shc4	325	-1.69	-0.75	1.4E-05	-1.50	-0.58	1.0E-03
Shd	2941	-1.46	-0.55	2.6E-06	-1.48	-0.56	1.3E-06
She	492	-1.98	-0.99	5.0E-16	-1.95	-0.96	3.2E-15
Shf	2446	1.58	0.66	2.1E-09	1.69	0.75	5.4E-12
Shfl	184	1.90	0.93	1.8E-05	1.88	0.91	2.9E-05

Shisa3	1066	-2.55	-1.35	1.7E-06	-2.31	-1.21	2.2E-05
Shisa4	1825	-1.22	-0.28	1.0E-02	-1.36	-0.44	4.1E-05
Shisa5	1429	-1.39	-0.47	4.7E-04	-1.45	-0.54	6.1E-05
Shisa6	651	-2.13	-1.09	1.8E-04	-1.85	-0.89	2.7E-03
Shisa1	2229	-1.91	-0.93	1.5E-05	-1.94	-0.96	9.5E-06
Shkbp1	2965	1.27	0.35	2.7E-05	1.14	0.19	3.2E-02
Shld1	402	-2.93	-1.55	1.7E-49	-2.73	-1.45	1.7E-43
Shld2	510	-1.72	-0.78	2.4E-14	-1.58	-0.66	1.5E-10
Shoc2	9766	1.27	0.35	7.7E-06	1.26	0.34	1.7E-05
Shox2	3795	-1.95	-0.97	6.0E-05	-2.26	-1.17	8.6E-07
Shpk	275	2.54	1.34	7.5E-22	2.51	1.33	3.7E-21
Shprh	9281	1.24	0.31	1.6E-02	1.42	0.51	5.7E-05
Shq1	1162	2.00	1.00	3.4E-36	1.92	0.94	4.7E-32
Shroom1	169	-1.89	-0.92	9.7E-05	-1.89	-0.92	1.1E-04
Shroom3	3100	1.77	0.82	3.0E-06	1.55	0.63	4.4E-04
Shroom4	1948	-1.34	-0.42	3.7E-03	-1.26	-0.33	2.6E-02
Siae	1336	1.34	0.42	4.0E-05	1.49	0.58	1.2E-08
Siah1a	2537	-1.65	-0.72	2.6E-15	-1.80	-0.85	5.3E-21
Siah1b	894	-1.32	-0.40	3.5E-02	-1.49	-0.57	1.9E-03
Siah2	779	1.79	0.84	7.6E-24	1.77	0.82	8.8E-23
Sidt2	5621	1.30	0.37	2.4E-05	1.26	0.34	1.6E-04
Sigmar1	2518	1.53	0.62	8.3E-08	1.33	0.41	4.7E-04
Sik1	2688	1.25	0.32	1.0E-02	1.26	0.33	8.0E-03
Sik2	2420	1.63	0.70	7.3E-09	1.76	0.82	1.2E-11
Sil1	709	-1.39	-0.48	2.8E-16	-1.45	-0.54	3.0E-20
Sim2	224	-2.06	-1.04	9.2E-03	-2.27	-1.18	2.9E-03
Sin3a	12950	1.69	0.76	3.1E-27	1.62	0.69	8.5E-23
Sipa1l2	9580	1.61	0.69	4.0E-10	1.63	0.70	1.7E-10
Sipa1l3	3720	1.80	0.85	1.7E-08	1.71	0.78	2.8E-07
Sirpa	2545	-1.49	-0.58	1.1E-05	-1.54	-0.62	2.4E-06
Sirt1	3366	-1.49	-0.57	5.2E-15	-1.48	-0.56	1.1E-14
Sirt2	5935	1.39	0.47	1.3E-18	1.39	0.48	8.1E-19
Sirt5	690	-1.98	-0.99	1.3E-31	-1.75	-0.81	1.9E-21
Sirt6	2279	-1.54	-0.62	3.6E-06	-1.74	-0.80	2.3E-09
Sirt7	2821	1.58	0.66	7.8E-19	1.48	0.56	8.0E-14
Siva1	2373	1.54	0.62	5.6E-05	1.45	0.53	6.3E-04
Six5	1478	-1.83	-0.87	1.2E-09	-1.96	-0.97	9.4E-12
Ska1	908	-1.47	-0.56	2.3E-03	-1.62	-0.69	1.2E-04
Ska2	6665	-1.50	-0.58	4.6E-07	-1.59	-0.67	6.7E-09
Skap1	123	1.53	0.62	7.1E-05	1.35	0.43	6.5E-03
Skida1	4816	-1.33	-0.41	2.1E-03	-1.45	-0.54	3.4E-05
Sla	178	-2.38	-1.25	1.7E-03	-2.74	-1.46	2.3E-04
Slbp	7176	1.36	0.44	7.3E-04	1.26	0.33	1.4E-02
Slc10a4	450	-1.75	-0.80	5.3E-05	-1.66	-0.73	2.9E-04
Slc11a2	3989	1.66	0.73	2.9E-36	1.68	0.75	2.9E-38
Slc12a7	5929	1.32	0.40	1.4E-03	1.31	0.38	2.2E-03
Slc12a9	2684	1.88	0.91	3.7E-15	1.80	0.85	2.8E-13

Slc13a5	110	2.16	1.11	1.6E-05	2.41	1.27	8.8E-07
Slc14a2	114	-1.82	-0.86	7.2E-06	-1.98	-0.99	2.4E-07
Slc15a4	1493	1.31	0.39	4.4E-07	1.31	0.39	3.5E-07
Slc16a1	3029	1.53	0.62	5.4E-04	1.42	0.51	5.0E-03
Slc16a12	204	-2.76	-1.46	6.9E-20	-2.47	-1.31	4.7E-16
Slc16a14	680	-2.34	-1.23	5.2E-10	-2.44	-1.29	7.2E-11
Slc16a3	1490	2.13	1.09	2.0E-06	1.98	0.98	2.1E-05
Slc16a4	131	-2.45	-1.29	5.1E-05	-2.02	-1.01	1.9E-03
Slc16a9	214	-1.69	-0.76	4.7E-03	-2.02	-1.02	1.2E-04
Slc17a5	1374	1.28	0.35	4.6E-07	1.26	0.34	1.6E-06
Slc17a6	5910	-2.41	-1.27	2.9E-09	-2.42	-1.28	2.4E-09
Slc17a7	847	1.63	0.70	1.3E-02	1.63	0.70	1.4E-02
Slc17a8	404	-1.72	-0.78	1.1E-03	-1.43	-0.52	3.8E-02
Slc17a9	221	5.87	2.55	1.2E-33	6.74	2.75	2.1E-38
Slc18b1	1524	-1.48	-0.57	1.6E-08	-1.51	-0.60	2.8E-09
Slc19a2	1507	2.19	1.13	2.1E-40	2.18	1.12	7.3E-40
Slc1a4	5038	1.38	0.46	1.1E-09	1.30	0.38	7.5E-07
Slc1a5	3713	3.00	1.59	9.5E-23	2.70	1.43	1.1E-18
Slc1a6	272	1.82	0.87	8.9E-07	1.71	0.77	1.4E-05
Slc20a1	6973	-1.82	-0.86	2.4E-26	-1.81	-0.86	4.7E-26
Slc20a2	1726	-1.76	-0.82	2.7E-20	-1.86	-0.90	3.2E-24
Slc22a15	1103	-2.14	-1.10	3.7E-39	-1.90	-0.93	6.7E-28
Slc22a21	450	2.16	1.11	2.7E-15	2.41	1.27	1.5E-19
Slc22a5	1147	1.38	0.47	1.8E-09	1.41	0.49	2.8E-10
Slc22a6	363	-2.08	-1.05	4.2E-03	-2.10	-1.07	3.8E-03
Slc22a8	124	-2.13	-1.09	9.8E-03	-2.17	-1.12	8.2E-03
Slc23a4	121	1.37	0.45	5.1E-03	1.60	0.68	1.9E-05
Slc24a3	797	-1.55	-0.63	3.3E-02	-1.63	-0.70	1.7E-02
Slc25a1	4306	1.73	0.79	6.5E-25	1.60	0.68	1.2E-18
Slc25a10	2480	2.44	1.29	1.6E-30	2.21	1.14	2.8E-24
Slc25a12	5108	1.38	0.47	2.3E-10	1.35	0.43	6.1E-09
Slc25a14	1611	1.30	0.37	3.8E-05	1.32	0.40	8.4E-06
Slc25a15	1643	1.65	0.73	7.3E-17	1.60	0.67	1.3E-14
Slc25a16	1638	1.61	0.69	2.1E-19	1.46	0.55	9.3E-13
Slc25a19	1683	1.46	0.55	8.6E-08	1.42	0.51	9.2E-07
Slc25a20	2698	1.49	0.58	2.6E-21	1.47	0.56	5.5E-20
Slc25a22	4225	1.38	0.47	5.5E-04	1.32	0.40	3.0E-03
Slc25a23	9786	1.77	0.82	4.4E-16	1.69	0.76	9.4E-14
Slc25a24	2430	-2.04	-1.03	1.5E-04	-2.07	-1.05	1.1E-04
Slc25a25	3581	1.47	0.56	7.0E-08	1.42	0.50	1.2E-06
Slc25a26	336	-3.95	-1.98	1.5E-63	-4.30	-2.10	3.8E-70
Slc25a28	2490	1.58	0.66	4.9E-14	1.42	0.50	2.0E-08
Slc25a29	727	2.28	1.19	1.4E-19	2.01	1.01	1.8E-14
Slc25a30	2817	1.93	0.95	2.1E-46	1.91	0.93	9.3E-45
Slc25a33	723	1.63	0.70	4.3E-27	1.73	0.79	5.4E-34
Slc25a35	349	2.48	1.31	3.3E-12	2.72	1.44	1.6E-14
Slc25a38	1131	-1.32	-0.41	2.9E-09	-1.39	-0.48	1.5E-12

Slc25a39	4509	1.70	0.77	1.8E-14	1.57	0.65	9.8E-11
Slc25a42	1225	2.10	1.07	9.8E-12	2.06	1.04	3.7E-11
Slc25a44	3891	1.56	0.65	3.2E-27	1.51	0.60	2.9E-23
Slc25a45	122	-2.49	-1.32	1.7E-10	-3.14	-1.65	1.0E-15
Slc25a53	1330	-1.35	-0.43	1.4E-07	-1.35	-0.44	1.4E-07
Slc26a10	171	1.95	0.96	1.7E-07	1.57	0.65	6.5E-04
Slc26a11	802	1.81	0.86	2.3E-19	1.70	0.77	1.6E-15
Slc26a2	2342	1.34	0.42	7.0E-03	1.52	0.61	6.4E-05
Slc27a1	5126	1.47	0.56	2.5E-04	1.50	0.58	1.3E-04
Slc27a2	336	-1.71	-0.78	1.4E-03	-2.16	-1.11	3.1E-06
Slc27a3	1164	-2.13	-1.09	2.8E-17	-2.06	-1.04	6.6E-16
Slc29a1	2220	1.90	0.93	7.2E-26	1.75	0.81	4.3E-20
Slc29a3	1740	-1.36	-0.44	5.8E-12	-1.33	-0.41	2.7E-10
Slc29a4	3649	1.55	0.64	1.5E-05	1.54	0.62	2.4E-05
Slc2a10	356	-1.90	-0.93	3.7E-08	-1.92	-0.94	2.5E-08
Slc2a12	396	-1.57	-0.65	6.9E-04	-1.44	-0.53	7.1E-03
Slc2a13	1621	1.64	0.71	9.7E-07	1.87	0.90	3.3E-10
Slc2a3	5543	2.39	1.26	1.6E-15	2.54	1.34	1.4E-17
Slc2a4	1131	1.97	0.98	5.7E-13	1.87	0.91	3.0E-11
Slc2a6	206	2.18	1.13	1.1E-15	2.27	1.18	4.4E-17
Slc2a8	1230	2.53	1.34	2.1E-46	2.46	1.30	1.6E-43
Slc30a5	4959	1.43	0.51	4.0E-14	1.38	0.46	1.3E-11
Slc30a7	4694	1.29	0.37	3.6E-04	1.43	0.52	2.8E-07
Slc30a9	10518	1.40	0.49	2.4E-20	1.45	0.54	1.8E-24
Slc31a1	7592	1.84	0.88	1.1E-30	1.84	0.88	1.3E-30
Slc31a2	837	1.75	0.81	6.9E-18	1.71	0.77	1.7E-16
Slc33a1	2313	1.59	0.67	5.1E-21	1.58	0.66	1.3E-20
Slc35a1	2184	-1.86	-0.90	1.7E-29	-1.83	-0.87	7.3E-28
Slc35a2	1860	1.42	0.51	3.9E-11	1.34	0.42	7.6E-08
Slc35a4	4201	-1.33	-0.41	6.4E-05	-1.43	-0.51	4.3E-07
Slc35b2	3654	1.25	0.33	5.3E-05	1.21	0.27	8.1E-04
Slc35c1	1025	1.73	0.79	1.8E-16	1.66	0.73	3.0E-14
Slc35c2	2757	1.44	0.53	1.1E-10	1.30	0.38	6.3E-06
Slc35d1	1412	-1.22	-0.28	3.8E-02	-1.36	-0.44	9.1E-04
Slc35e1	5103	1.48	0.56	2.7E-16	1.42	0.50	3.2E-13
Slc35e2	5105	1.40	0.49	4.7E-12	1.33	0.42	4.8E-09
Slc35e3	4828	1.30	0.38	3.1E-08	1.26	0.33	1.8E-06
Slc35e4	826	3.00	1.59	9.4E-58	2.93	1.55	2.5E-55
Slc35f5	2232	1.28	0.36	7.1E-05	1.30	0.38	2.4E-05
Slc35f6	1727	1.79	0.84	4.6E-26	1.80	0.85	1.5E-26
Slc35g2	423	2.42	1.28	1.2E-26	2.46	1.30	1.4E-27
Slc36a1	2256	1.31	0.39	4.0E-03	1.29	0.36	8.3E-03
Slc37a2	374	1.57	0.65	9.7E-11	1.41	0.49	1.3E-06
Slc37a4	1452	1.45	0.54	2.4E-12	1.43	0.51	3.0E-11
Slc38a1	18710	-1.71	-0.78	3.2E-11	-1.74	-0.80	9.4E-12
Slc38a10	11004	1.62	0.69	9.3E-17	1.52	0.60	6.0E-13
Slc38a2	22564	-1.52	-0.61	1.1E-19	-1.53	-0.61	6.5E-20

Slc38a3	1852	1.48	0.57	4.8E-08	1.48	0.57	4.4E-08
Slc38a7	2589	1.49	0.57	1.4E-11	1.42	0.50	3.8E-09
Slc38a9	3959	1.72	0.78	4.6E-31	1.81	0.86	4.1E-37
Slc39a10	10904	-1.53	-0.61	3.0E-13	-1.44	-0.53	3.1E-10
Slc39a14	2360	1.39	0.47	3.9E-10	1.47	0.55	1.4E-13
Slc39a2	894	1.61	0.69	1.2E-04	1.55	0.63	4.7E-04
Slc39a3	2642	-1.55	-0.63	9.3E-06	-1.63	-0.70	6.1E-07
Slc39a8	1275	-1.24	-0.31	3.4E-02	-1.30	-0.38	1.1E-02
Slc3a1	459	4.93	2.30	2.0E-30	4.72	2.24	8.7E-29
Slc41a2	228	-2.52	-1.33	1.4E-07	-2.33	-1.22	1.6E-06
Slc41a3	222	1.54	0.63	5.8E-05	1.58	0.66	2.2E-05
Slc43a2	2408	-1.85	-0.89	5.4E-06	-1.79	-0.84	1.9E-05
Slc44a2	7853	1.77	0.82	1.6E-35	1.78	0.83	1.6E-36
Slc45a3	744	1.97	0.98	8.6E-06	1.61	0.68	2.4E-03
Slc45a4	3192	1.96	0.97	6.4E-33	1.86	0.89	6.2E-28
Slc46a1	366	-1.35	-0.43	8.7E-06	-1.47	-0.55	5.6E-09
Slc46a3	384	3.68	1.88	1.6E-63	3.33	1.73	2.9E-54
Slc4a11	268	3.08	1.62	1.9E-33	2.68	1.42	1.0E-25
Slc4a2	4977	1.60	0.67	2.8E-11	1.60	0.68	1.8E-11
Slc4a3	2939	-2.67	-1.42	1.6E-33	-2.62	-1.39	2.2E-32
Slc4a4	967	-1.33	-0.41	1.5E-03	-1.29	-0.37	5.0E-03
Slc4a7	9417	-1.25	-0.32	1.5E-02	-1.21	-0.27	4.3E-02
Slc52a2	1559	1.50	0.59	3.9E-16	1.47	0.56	1.7E-14
Slc5a5	115	2.91	1.54	5.1E-15	2.21	1.15	8.4E-09
Slc5a7	304	-2.47	-1.30	1.4E-05	-2.05	-1.03	7.3E-04
Slc66a1	1131	2.06	1.04	1.1E-34	2.08	1.06	1.8E-35
Slc66a2	1359	1.67	0.74	1.5E-09	1.70	0.76	4.3E-10
Slc6a20a	146	-2.70	-1.43	2.9E-08	-2.54	-1.34	1.7E-07
Slc6a6	8286	-1.25	-0.32	1.6E-03	-1.36	-0.44	1.0E-05
Slc6a8	5359	1.72	0.78	5.6E-29	1.62	0.69	4.3E-23
Slc7a1	5217	1.31	0.39	5.3E-03	1.25	0.32	2.6E-02
Slc7a11	667	-3.25	-1.70	5.4E-15	-3.16	-1.66	2.5E-14
Slc7a2	1667	1.39	0.48	6.6E-03	1.61	0.69	6.6E-05
Slc7a3	316	2.75	1.46	5.8E-38	2.79	1.48	4.9E-39
Slc7a5	5758	1.57	0.65	2.8E-06	1.36	0.44	2.2E-03
Slc7a7	293	-1.48	-0.57	5.4E-05	-1.62	-0.70	4.5E-07
Slc7a8	851	1.33	0.41	1.0E-02	1.36	0.44	6.0E-03
Slc8a1	4042	-2.30	-1.20	2.5E-05	-1.79	-0.84	4.2E-03
Slc8a2	3842	1.99	0.99	4.1E-15	2.04	1.03	4.2E-16
Slc8b1	870	4.20	2.07	3.8E-30	3.89	1.96	4.1E-27
Slc9a3r1	2902	3.04	1.60	2.4E-31	2.94	1.55	1.9E-29
Slc9a5	3399	1.71	0.77	8.5E-15	1.62	0.69	4.4E-12
Slc9a6	7768	1.31	0.39	7.2E-03	1.39	0.47	1.1E-03
Slc9a8	1811	-3.13	-1.65	4.3E-99	-3.26	-1.70	1.3E-105
Slco1c1	419	-2.22	-1.15	9.3E-04	-2.01	-1.01	4.3E-03
Slco2a1	211	-2.43	-1.28	2.4E-07	-2.42	-1.28	3.1E-07
Slco2b1	431	-1.78	-0.84	2.5E-09	-1.85	-0.89	2.4E-10

Slco3a1	1369	-1.74	-0.80	5.1E-09	-1.55	-0.63	5.4E-06
Slco4a1	394	3.18	1.67	3.0E-19	3.17	1.67	4.2E-19
Slco5a1	5386	-2.26	-1.17	5.5E-15	-2.03	-1.02	1.3E-11
Slfn9	1857	-1.43	-0.51	1.5E-04	-1.33	-0.41	3.3E-03
Slirp	2316	-1.31	-0.38	1.3E-02	-1.39	-0.47	2.0E-03
Slit2	10361	1.31	0.39	2.6E-04	1.46	0.54	2.2E-07
Slitrk1	1872	-1.44	-0.53	8.6E-03	-1.46	-0.55	6.4E-03
Slitrk4	1131	1.62	0.70	2.8E-05	1.72	0.78	2.3E-06
Slitrk5	2183	-1.56	-0.64	6.1E-09	-1.59	-0.67	1.4E-09
Slk	10088	1.48	0.56	3.7E-13	1.61	0.68	4.7E-19
Smap	6971	1.39	0.47	4.8E-23	1.37	0.45	7.7E-21
Sltm	10413	-1.46	-0.54	1.3E-13	-1.48	-0.56	1.8E-14
Slx1b	1699	1.28	0.36	3.6E-03	1.26	0.34	7.2E-03
Slx4ip	2428	-1.63	-0.71	9.7E-23	-1.60	-0.68	9.2E-21
Smad1	3746	-1.35	-0.43	2.5E-06	-1.39	-0.48	1.6E-07
Smad3	5247	-1.64	-0.71	2.2E-08	-1.73	-0.79	5.3E-10
Smad5	15919	-1.45	-0.53	3.7E-20	-1.42	-0.51	1.4E-18
Smagp	124	1.42	0.50	2.2E-02	1.46	0.55	1.3E-02
Smap2	6084	1.47	0.56	7.9E-06	1.44	0.52	3.4E-05
Smarca2	10932	1.25	0.33	3.1E-02	1.28	0.35	2.0E-02
Smarca4	29774	-1.59	-0.67	5.2E-06	-1.69	-0.75	2.5E-07
Smarcad1	10508	-1.89	-0.92	2.4E-24	-1.87	-0.90	1.0E-23
Smarcal1	3318	-1.56	-0.64	2.4E-22	-1.52	-0.60	1.8E-19
Smarcb1	7275	-1.64	-0.72	2.2E-12	-1.76	-0.82	7.7E-16
Smarcc1	21646	-1.39	-0.48	1.0E-09	-1.46	-0.55	2.6E-12
Smarcc2	27817	-1.55	-0.64	1.9E-08	-1.63	-0.70	4.3E-10
Smarcd1	10186	-1.80	-0.85	7.4E-08	-2.05	-1.03	4.3E-11
Smarce1	23766	-1.53	-0.62	2.2E-12	-1.63	-0.70	1.1E-15
Smc1a	18407	-1.37	-0.45	2.0E-06	-1.37	-0.46	1.7E-06
Smc5	12744	1.29	0.37	8.8E-05	1.37	0.45	1.3E-06
Smchd1	15940	1.36	0.45	3.4E-05	1.51	0.59	2.6E-08
Smco4	361	-2.06	-1.04	3.9E-09	-2.29	-1.20	1.2E-11
Smg1	23470	1.46	0.55	3.4E-03	1.74	0.80	1.4E-05
Smg5	9291	-1.31	-0.39	1.1E-07	-1.39	-0.47	1.4E-10
Smg9	1076	-2.35	-1.23	2.7E-29	-2.42	-1.28	2.7E-31
Smim10l1	4598	-3.08	-1.62	3.7E-40	-3.04	-1.60	2.8E-39
Smim10l2a	482	-1.45	-0.54	3.7E-03	-1.50	-0.59	1.4E-03
Smim12	956	1.57	0.65	7.3E-09	1.43	0.51	6.2E-06
Smim15	4907	1.29	0.37	6.1E-04	1.32	0.40	1.8E-04
Smim18	289	-3.71	-1.89	5.4E-11	-3.28	-1.72	3.1E-09
Smim27	109	-1.69	-0.75	3.2E-03	-1.92	-0.94	2.2E-04
Smim3	322	-1.46	-0.55	1.6E-02	-1.51	-0.60	9.0E-03
Smim4	522	1.62	0.69	1.4E-05	1.65	0.73	5.9E-06
Smim8	791	-1.45	-0.53	4.0E-06	-1.45	-0.54	3.5E-06
Smo	7268	-1.62	-0.69	1.6E-06	-1.83	-0.87	1.2E-09
Smoc1	3139	1.30	0.38	2.4E-02	1.30	0.38	2.6E-02
Smox	2171	-1.19	-0.25	1.0E-02	-1.26	-0.33	5.5E-04



Smpd2	1965	1.50	0.59	1.3E-11	1.36	0.45	4.0E-07
Smtnl2	508	2.19	1.13	5.2E-04	2.28	1.19	2.7E-04
Smug1	2182	-1.54	-0.62	3.9E-12	-1.55	-0.63	2.8E-12
Smyd2	1864	-1.24	-0.31	3.7E-04	-1.28	-0.35	4.3E-05
Smyd3	1305	1.60	0.68	1.7E-15	1.49	0.58	1.4E-11
Smyd4	899	-1.23	-0.30	1.1E-04	-1.27	-0.34	1.3E-05
Smyd5	2332	-1.42	-0.51	1.7E-20	-1.55	-0.63	9.9E-31
Snap23	4894	1.41	0.49	1.3E-04	1.31	0.39	2.8E-03
Snap25	6289	1.64	0.71	8.5E-05	1.69	0.75	3.2E-05
Snap29	4892	1.41	0.49	2.8E-14	1.42	0.50	7.4E-15
Snapc1	4179	1.57	0.65	6.7E-15	1.65	0.72	6.5E-18
Snapc4	4129	1.42	0.51	5.2E-12	1.41	0.50	8.9E-12
Snapc5	1234	-1.45	-0.53	7.4E-03	-1.65	-0.72	2.4E-04
Snapin	2158	-1.35	-0.43	4.0E-10	-1.39	-0.47	8.1E-12
Snciaip	2577	-2.06	-1.04	1.2E-16	-1.95	-0.96	2.6E-14
Sncb	516	2.09	1.07	5.2E-03	2.00	1.00	9.2E-03
Snd1	10450	1.27	0.35	3.4E-04	1.22	0.29	3.4E-03
Sned1	4427	-1.51	-0.59	1.2E-02	-1.44	-0.53	2.7E-02
Snn	12252	-1.92	-0.94	3.5E-30	-1.98	-0.99	3.5E-33
Snrnp25	1146	1.43	0.52	5.9E-04	1.34	0.42	6.6E-03
Snrnp35	926	-2.21	-1.14	1.9E-12	-2.30	-1.20	1.2E-13
Snrpa1	3122	1.29	0.37	2.5E-03	1.23	0.30	1.6E-02
Snta1	726	2.74	1.45	1.9E-47	2.38	1.25	2.7E-35
Sntb1	280	-2.57	-1.36	4.1E-06	-2.36	-1.24	3.3E-05
Sntb2	2564	1.26	0.33	5.9E-03	1.32	0.40	9.3E-04
Snu13	7699	1.27	0.35	3.0E-04	1.25	0.33	6.9E-04
Snupn	1253	1.41	0.50	9.8E-19	1.39	0.48	3.6E-17
Snw1	8694	-1.51	-0.60	6.4E-12	-1.58	-0.66	3.1E-14
Snx11	4124	1.46	0.55	6.9E-11	1.40	0.49	7.9E-09
Snx14	3275	1.73	0.79	5.1E-49	1.81	0.85	1.9E-56
Snx15	982	-1.68	-0.75	5.4E-12	-1.65	-0.72	2.9E-11
Snx18	3658	1.30	0.38	6.0E-04	1.32	0.40	3.3E-04
Snx19	4390	-1.29	-0.37	3.7E-13	-1.31	-0.38	2.8E-14
Snx21	779	1.67	0.74	9.9E-14	1.59	0.66	3.2E-11
Snx22	461	3.08	1.62	2.9E-29	3.19	1.67	8.0E-31
Snx24	897	-1.51	-0.60	1.9E-03	-1.63	-0.70	2.5E-04
Snx25	2779	2.10	1.07	2.2E-78	2.18	1.12	5.9E-86
Snx30	5831	1.98	0.99	4.0E-30	2.09	1.06	1.2E-34
Snx32	2821	1.35	0.44	4.4E-03	1.40	0.49	1.3E-03
Snx33	834	-1.42	-0.50	8.2E-05	-1.58	-0.66	1.8E-07
Snx8	2475	1.76	0.82	4.1E-24	1.64	0.71	1.9E-18
Snx9	1323	-2.74	-1.45	2.4E-17	-2.99	-1.58	2.7E-20
Soat1	4864	2.13	1.09	6.7E-35	1.98	0.98	1.9E-28
Socs7	10486	1.47	0.55	4.7E-05	1.46	0.55	5.9E-05
Sod2	6897	2.26	1.18	2.9E-152	2.29	1.20	1.3E-156
Soga3	5035	-1.90	-0.93	8.4E-07	-1.83	-0.87	3.9E-06
Sorbs2	9516	-1.96	-0.97	1.8E-12	-1.80	-0.84	1.1E-09

Sorbs3	1351	-1.48	-0.57	1.9E-03	-1.61	-0.69	1.3E-04
Sorcs2	2917	-1.39	-0.47	5.6E-06	-1.46	-0.55	1.2E-07
Sord	2502	1.89	0.92	1.0E-26	1.74	0.80	1.2E-20
Sort1	17489	1.62	0.70	5.5E-18	1.65	0.72	4.4E-19
Sos1	9101	1.25	0.32	6.5E-03	1.29	0.37	2.0E-03
Sostdc1	486	-2.37	-1.24	2.2E-03	-1.90	-0.93	2.6E-02
Sowahc	2621	1.66	0.73	2.3E-49	1.65	0.73	1.6E-48
Sox12	10023	-1.54	-0.62	3.9E-09	-1.62	-0.69	4.8E-11
Sox17	356	-1.53	-0.62	3.3E-05	-1.75	-0.80	4.1E-08
Sox18	409	-1.93	-0.95	1.1E-05	-2.13	-1.09	4.2E-07
Sox4	50721	-1.28	-0.36	3.2E-02	-1.38	-0.46	4.9E-03
Sox6	5597	-1.29	-0.37	2.3E-02	-1.32	-0.40	1.4E-02
Sox7	428	-1.74	-0.80	3.7E-12	-1.89	-0.92	1.7E-15
Sox9	5279	-1.58	-0.66	2.7E-04	-1.79	-0.84	2.6E-06
Sp1	8616	-1.26	-0.33	7.3E-07	-1.20	-0.27	7.9E-05
Sp2	1254	-1.49	-0.58	2.2E-03	-1.63	-0.71	1.5E-04
Sp3	9744	-1.51	-0.59	3.1E-11	-1.49	-0.58	7.0E-11
Sp7	157	-2.92	-1.55	1.8E-03	-3.25	-1.70	5.8E-04
Spaca6	5327	-3.74	-1.90	2.9E-63	-3.67	-1.87	2.5E-61
Spag4	580	1.58	0.66	1.2E-07	1.44	0.52	3.7E-05
Spag6l	438	1.71	0.78	5.5E-04	2.01	1.01	5.6E-06
Spag7	2715	-2.17	-1.12	1.1E-27	-2.56	-1.36	2.9E-40
Sparc	25277	-1.37	-0.46	2.6E-02	-1.40	-0.49	1.8E-02
Sparcl1	6073	-1.59	-0.67	2.4E-04	-1.48	-0.56	2.5E-03
Spata1	653	1.32	0.40	1.7E-03	1.52	0.60	1.5E-06
Spata13	9483	1.51	0.59	3.8E-04	1.48	0.56	7.9E-04
Spata2	2931	1.71	0.78	6.8E-12	1.56	0.64	2.3E-08
Spata24	187	1.37	0.46	4.2E-03	1.46	0.55	5.9E-04
Spata2l	191	2.90	1.53	1.5E-19	2.82	1.50	1.0E-18
Spata33	590	1.55	0.63	4.5E-10	1.55	0.63	6.3E-10
Spata5	2791	1.56	0.64	1.0E-12	1.46	0.55	1.4E-09
Spata6	2035	2.13	1.09	1.5E-13	2.11	1.08	3.0E-13
Spata7	1542	1.63	0.71	1.8E-29	1.65	0.72	7.9E-31
Spats2	6748	1.45	0.53	4.8E-13	1.33	0.41	3.6E-08
Spats2l	1991	-3.12	-1.64	2.4E-26	-2.88	-1.53	6.7E-23
Spc24	2030	-1.51	-0.60	8.3E-03	-1.74	-0.80	2.9E-04
Specc1	5673	1.55	0.63	1.6E-15	1.52	0.60	3.7E-14
Specc1l	8424	-1.83	-0.87	1.5E-40	-1.72	-0.78	2.4E-32
Spef1	3543	1.42	0.51	2.5E-03	1.34	0.42	1.5E-02
Speg	2616	1.43	0.52	1.5E-03	1.37	0.45	6.1E-03
Spem1	137	3.39	1.76	2.0E-10	3.30	1.72	5.4E-10
Spg11	4046	-1.60	-0.67	7.9E-08	-1.49	-0.57	6.3E-06
Spg20	4046	-1.41	-0.49	3.6E-04	-1.38	-0.47	7.9E-04
Spg7	3473	-1.55	-0.63	1.3E-14	-1.60	-0.68	6.8E-17
Spin1	15490	-1.79	-0.84	1.8E-17	-1.89	-0.92	1.0E-20
Spink10	796	2.26	1.18	2.4E-15	2.65	1.40	2.8E-21
Spire1	10690	1.51	0.60	1.9E-11	1.53	0.62	4.1E-12

Spon2	113	-2.15	-1.11	3.1E-06	-2.72	-1.44	8.9E-10
Spopl	2489	-1.38	-0.47	2.3E-06	-1.35	-0.43	1.4E-05
Spout1	3364	1.38	0.46	1.4E-04	1.26	0.33	7.4E-03
Sppl2a	5520	-1.51	-0.59	1.6E-16	-1.44	-0.53	2.3E-13
Sppl2b	3055	1.44	0.52	2.4E-08	1.35	0.43	6.5E-06
Spr	1109	-1.31	-0.39	4.1E-03	-1.52	-0.61	5.2E-06
Spring1	4743	1.79	0.84	1.7E-36	1.85	0.88	1.4E-40
Sprn	295	-3.01	-1.59	2.4E-07	-3.07	-1.62	1.5E-07
Sprtn	3559	1.34	0.42	5.2E-09	1.24	0.31	2.8E-05
Spry1	1203	-1.37	-0.45	2.8E-03	-1.54	-0.63	2.4E-05
Spryd7	1753	1.42	0.51	4.6E-05	1.53	0.61	8.0E-07
Spsb1	650	1.32	0.40	2.2E-02	1.41	0.50	3.7E-03
Spsb2	367	2.55	1.35	1.4E-23	2.40	1.26	7.1E-21
Spsb3	2270	1.35	0.43	2.3E-08	1.26	0.34	1.5E-05
Spsb4	2053	-1.50	-0.59	4.0E-03	-1.78	-0.83	2.9E-05
Sptbn2	13417	-1.76	-0.81	2.4E-04	-1.71	-0.77	5.3E-04
Sptbn4	1642	1.84	0.88	1.6E-02	2.01	1.01	5.7E-03
Sptlc2	8005	1.96	0.97	2.0E-25	2.11	1.08	4.7E-31
Spty2d1	2481	1.37	0.45	5.4E-06	1.35	0.44	1.2E-05
Spx	311	1.66	0.73	2.6E-05	1.95	0.96	1.9E-08
Sqle	13030	1.50	0.59	1.2E-12	1.40	0.49	4.2E-09
Sqstm1	10091	1.55	0.63	6.2E-16	1.58	0.66	4.2E-17
Sra1	2348	-1.23	-0.30	1.8E-09	-1.30	-0.37	6.3E-14
Src	5937	-2.49	-1.32	4.8E-21	-2.70	-1.44	7.6E-25
Srcap	371	-3.68	-1.88	8.6E-20	-3.26	-1.71	1.9E-16
Srd5a1	1783	3.14	1.65	1.4E-92	3.17	1.66	2.6E-93
Srd5a3	489	-2.21	-1.14	4.8E-52	-2.18	-1.13	1.3E-50
Srek1	9527	-2.85	-1.51	4.7E-51	-2.87	-1.52	6.0E-52
Srf	2203	1.31	0.39	1.6E-03	1.20	0.27	3.7E-02
Srgap1	6536	-1.90	-0.92	2.5E-05	-1.91	-0.93	2.0E-05
Srgap2	10639	1.42	0.51	3.8E-08	1.46	0.55	2.2E-09
Srprb	4548	1.27	0.35	4.0E-09	1.20	0.27	8.5E-06
Srpx	451	-2.16	-1.11	1.2E-04	-2.01	-1.01	5.7E-04
Srr	4555	1.42	0.50	3.0E-06	1.52	0.61	1.6E-08
Srsf1	1566	-1.36	-0.44	5.6E-03	-1.33	-0.41	1.2E-02
Srsf3	47495	-1.30	-0.37	5.4E-05	-1.29	-0.36	1.0E-04
Srsf4	7466	-1.34	-0.42	9.7E-04	-1.46	-0.55	1.4E-05
Srsf5	35498	-1.28	-0.36	7.4E-05	-1.33	-0.41	3.5E-06
Srsf6	34547	-2.03	-1.02	8.1E-29	-2.20	-1.14	1.6E-35
Srsf7	25856	-1.48	-0.57	1.2E-12	-1.47	-0.56	2.2E-12
Srxn1	1307	1.87	0.90	4.2E-19	1.70	0.77	4.2E-14
Ss18l2	1282	1.52	0.60	4.2E-11	1.56	0.64	1.4E-12
Ssbp2	8311	1.50	0.59	1.5E-11	1.59	0.67	1.3E-14
Ssbp4	2812	1.45	0.54	3.3E-08	1.41	0.50	3.3E-07
Ssc5d	536	-1.37	-0.46	3.2E-02	-1.50	-0.59	5.1E-03
Ssh1	2434	-1.39	-0.47	5.5E-06	-1.52	-0.61	3.8E-09
Ssh3	1943	1.75	0.81	7.8E-07	1.89	0.92	2.0E-08

Sspn	646	-2.26	-1.18	8.9E-08	-2.36	-1.24	1.8E-08
Sspo	103	-1.75	-0.81	4.7E-04	-1.49	-0.58	1.5E-02
Ssr2	6877	1.29	0.36	2.9E-03	1.26	0.34	5.9E-03
Ssrp1	22251	-1.31	-0.39	7.7E-05	-1.43	-0.52	8.9E-08
Sst	803	-1.79	-0.84	1.0E-02	-1.86	-0.90	6.2E-03
Sstr2	819	-1.84	-0.88	3.9E-05	-1.53	-0.61	5.4E-03
Ssx2ip	4403	1.86	0.89	4.9E-18	1.70	0.77	1.4E-13
St18	3717	-1.99	-0.99	7.2E-10	-1.98	-0.99	9.8E-10
St3gal4	965	-1.39	-0.48	4.1E-04	-1.54	-0.62	3.2E-06
St3gal5	2703	1.36	0.45	9.4E-09	1.34	0.42	5.6E-08
St3gal6	437	-1.56	-0.64	2.8E-07	-1.68	-0.74	2.4E-09
St6gal1	3911	-1.95	-0.97	5.1E-62	-2.04	-1.03	2.1E-70
St6galnac4	1628	2.17	1.12	4.5E-26	2.22	1.15	1.9E-27
St6galnac6	1758	2.32	1.21	7.9E-31	2.30	1.20	3.2E-30
St7	2111	-1.57	-0.65	5.2E-08	-1.50	-0.58	1.5E-06
St7l	1691	-1.40	-0.49	8.8E-12	-1.31	-0.39	8.5E-08
St8sia1	4148	-1.62	-0.70	3.3E-04	-1.45	-0.54	7.1E-03
St8sia2	9960	-1.84	-0.88	8.8E-05	-1.91	-0.94	3.1E-05
St8sia3	1765	-4.17	-2.06	4.5E-18	-4.14	-2.05	7.0E-18
St8sia5	157	2.54	1.35	4.2E-06	2.48	1.31	7.5E-06
Stab1	4245	-1.34	-0.42	3.2E-02	-1.41	-0.49	1.0E-02
Stac	129	-1.90	-0.92	2.4E-04	-1.91	-0.94	2.1E-04
Stac2	1114	5.32	2.41	1.8E-34	5.17	2.37	2.3E-33
Stac3	490	-1.44	-0.52	1.6E-02	-1.39	-0.47	3.2E-02
Stag1	8175	-2.42	-1.28	1.3E-51	-2.34	-1.23	7.8E-48
Stag2	13202	-1.55	-0.63	5.0E-08	-1.39	-0.47	6.7E-05
Stag3	965	1.65	0.72	4.9E-06	1.63	0.71	7.6E-06
Stam2	5072	1.24	0.31	6.5E-06	1.26	0.34	1.3E-06
Stambpl1	339	1.51	0.60	6.9E-04	1.72	0.78	7.4E-06
Star	329	2.69	1.43	1.1E-25	2.70	1.43	7.9E-26
Stard10	671	1.64	0.72	4.9E-06	1.72	0.78	5.9E-07
Stard4	5817	1.52	0.60	1.6E-07	1.51	0.59	2.4E-07
Stard5	1341	2.68	1.42	1.0E-35	2.66	1.41	5.0E-35
Stat1	690	1.88	0.91	2.1E-23	1.90	0.93	2.6E-24
Stat2	3380	1.76	0.81	3.0E-31	1.80	0.85	3.9E-34
Stat3	5850	2.72	1.45	1.2E-44	2.69	1.43	1.7E-43
Stat6	763	-1.75	-0.80	4.6E-05	-1.80	-0.85	1.5E-05
Stau2	4911	-1.37	-0.45	6.4E-05	-1.41	-0.49	1.4E-05
Stbd1	629	2.08	1.06	4.7E-10	2.13	1.09	1.5E-10
Stc1	534	1.35	0.43	8.9E-03	1.35	0.44	9.0E-03
Stc2	494	2.83	1.50	2.1E-23	2.55	1.35	4.8E-19
Steap1	140	3.02	1.59	7.9E-18	2.69	1.43	1.3E-14
Stil	4088	1.35	0.43	1.6E-02	1.30	0.38	3.5E-02
Stim1	2915	2.24	1.16	1.2E-35	2.26	1.18	1.5E-36
Stim2	3047	1.41	0.50	3.3E-08	1.39	0.48	1.1E-07
Stimate	1907	1.49	0.58	8.0E-22	1.44	0.53	1.9E-18
Sting1	128	-2.33	-1.22	2.8E-06	-2.14	-1.10	2.9E-05

Stip1	21805	1.39	0.47	2.3E-06	1.25	0.32	1.6E-03
Stk10	845	1.81	0.85	9.9E-14	1.77	0.82	9.0E-13
Stk17b	1393	1.95	0.97	1.1E-15	1.98	0.99	2.4E-16
Stk25	13624	1.25	0.32	1.3E-17	1.22	0.28	6.3E-14
Stk38	13352	1.29	0.37	5.0E-10	1.23	0.30	7.9E-07
Stk38l	2637	1.94	0.96	6.0E-32	2.01	1.00	6.1E-35
Stk4	8426	1.54	0.62	2.6E-16	1.52	0.60	1.9E-15
Stk40	5297	1.73	0.79	4.3E-15	1.65	0.73	6.4E-13
Stn1	1701	-1.60	-0.67	1.7E-13	-1.65	-0.72	3.5E-15
Stom	1955	2.89	1.53	7.3E-28	2.64	1.40	1.8E-23
Ston2	4113	1.62	0.69	5.3E-07	1.67	0.74	7.6E-08
Stra6	924	-1.96	-0.97	1.0E-07	-2.12	-1.09	1.9E-09
Strip2	678	4.36	2.12	6.3E-41	4.77	2.25	1.1E-45
Strn3	7456	-1.57	-0.65	5.6E-16	-1.50	-0.59	3.7E-13
Strn4	10352	-1.37	-0.45	9.0E-06	-1.42	-0.50	8.7E-07
Stub1	4959	1.25	0.32	1.0E-04	1.16	0.21	1.2E-02
Stum	563	2.23	1.16	1.7E-04	2.57	1.36	8.9E-06
Stx11	282	2.71	1.44	1.8E-09	2.70	1.43	2.1E-09
Stx16	7226	-1.32	-0.40	2.0E-05	-1.36	-0.45	2.0E-06
Stx18	1175	-1.59	-0.67	1.1E-09	-1.68	-0.75	9.8E-12
Stx1a	2912	1.38	0.46	5.2E-03	1.36	0.45	7.0E-03
Stx2	3037	1.41	0.50	1.4E-15	1.44	0.52	8.4E-17
Stx3	1545	1.40	0.48	7.5E-05	1.38	0.46	1.6E-04
Stx6	7454	1.45	0.53	7.1E-24	1.45	0.54	4.6E-24
Stx7	9746	1.38	0.47	1.1E-04	1.40	0.48	6.2E-05
Stxbp4	3633	-1.54	-0.62	2.9E-16	-1.49	-0.57	5.0E-14
Stxbp5	4749	1.46	0.54	3.0E-06	1.50	0.58	4.8E-07
Stxbp5l	612	2.27	1.18	6.0E-04	2.96	1.56	3.9E-06
Stxbp6	1105	-1.50	-0.58	4.1E-08	-1.63	-0.70	2.7E-11
Styx	2624	1.33	0.42	3.1E-05	1.41	0.50	4.9E-07
Sub1	17595	1.26	0.33	7.5E-06	1.29	0.37	4.6E-07
Suclg1	5144	1.45	0.53	6.0E-14	1.43	0.51	5.3E-13
Suclg2	2080	-1.39	-0.48	3.0E-03	-1.50	-0.59	2.4E-04
Suds3	10665	1.60	0.68	5.3E-27	1.55	0.64	7.9E-24
Sulf2	12815	-1.49	-0.57	7.7E-03	-1.50	-0.59	6.3E-03
Sult5a1	138	-2.24	-1.16	2.0E-02	-2.08	-1.06	3.7E-02
Sumf1	1092	-1.34	-0.43	9.9E-05	-1.45	-0.53	8.5E-07
Sumf2	1500	-1.24	-0.31	2.9E-03	-1.25	-0.33	1.5E-03
Sumo3	6505	-1.39	-0.48	4.8E-09	-1.51	-0.59	3.1E-13
Sun1	7751	1.68	0.75	3.6E-33	1.70	0.77	1.0E-34
Suox	1368	2.18	1.13	2.5E-27	2.08	1.05	4.9E-24
Supt3	750	-1.50	-0.59	1.3E-07	-1.59	-0.67	1.7E-09
Supt5	16134	1.42	0.51	6.9E-18	1.33	0.41	4.1E-12
Supt6	16116	1.29	0.37	4.9E-08	1.29	0.37	6.9E-08
Supt7l	1799	-1.72	-0.78	1.8E-25	-1.84	-0.88	5.0E-32
Supv3l1	1953	-1.23	-0.30	2.4E-05	-1.29	-0.37	1.8E-07
Susd1	208	-1.50	-0.59	2.9E-03	-1.54	-0.62	1.7E-03

Susd2	309	1.35	0.43	1.9E-03	1.35	0.43	1.9E-03
Susd5	292	-9.88	-3.30	4.4E-05	-7.69	-2.94	3.2E-04
Susd6	3279	1.35	0.43	3.3E-13	1.26	0.34	2.1E-08
Svip	2706	1.92	0.94	1.6E-23	2.02	1.02	1.8E-27
Swap70	2701	1.35	0.43	9.4E-07	1.32	0.40	5.4E-06
Swsap1	912	-1.67	-0.74	4.3E-16	-1.93	-0.95	4.7E-26
Swt1	2572	1.71	0.78	9.7E-17	1.81	0.86	3.6E-20
Syap1	4114	1.57	0.65	3.4E-09	1.54	0.62	1.7E-08
Sybu	2165	-1.37	-0.45	4.5E-02	-1.44	-0.53	1.7E-02
Syce2	1215	1.57	0.65	4.0E-07	1.46	0.55	2.5E-05
Syde1	1619	-1.47	-0.55	7.3E-04	-1.56	-0.64	8.3E-05
Syde2	887	1.65	0.72	4.0E-23	1.77	0.83	8.3E-30
Syn2	1795	1.63	0.70	3.8E-02	1.78	0.83	1.3E-02
Syncrip	22048	-1.48	-0.57	7.5E-10	-1.51	-0.60	7.8E-11
Syndig1	346	-1.37	-0.46	1.4E-04	-1.38	-0.46	1.4E-04
Syne3	316	2.76	1.47	2.0E-05	3.53	1.82	9.7E-08
Syne4	892	1.47	0.56	1.5E-03	1.62	0.70	6.0E-05
Syngr1	2628	2.29	1.20	3.0E-06	2.30	1.20	2.8E-06
Syngr2	829	2.30	1.20	5.9E-14	2.12	1.08	1.6E-11
Synj1	9528	1.46	0.55	1.1E-03	1.54	0.62	1.8E-04
Synj2	310	-1.81	-0.86	6.6E-03	-1.74	-0.80	1.2E-02
Synj2bp	3736	1.39	0.48	3.3E-10	1.44	0.52	4.5E-12
Synpo	2894	-2.02	-1.01	7.6E-03	-1.91	-0.93	1.5E-02
Synpo2l	136	-18.20	-4.19	1.3E-06	-8.63	-3.11	4.2E-04
Synrg	6993	-1.33	-0.41	7.1E-04	-1.33	-0.41	8.1E-04
Syt11	19138	-1.32	-0.40	1.2E-04	-1.40	-0.48	2.6E-06
Syt14	4701	1.35	0.44	2.7E-04	1.47	0.55	2.9E-06
Syt5	1215	-1.84	-0.88	9.1E-05	-1.96	-0.97	1.5E-05
T2	116	3.23	1.69	5.5E-15	3.92	1.97	1.5E-19
Tab1	2078	-2.65	-1.41	1.6E-92	-2.86	-1.52	7.8E-107
Tab2	9166	-1.37	-0.45	2.1E-25	-1.40	-0.48	2.6E-28
Tacc2	7124	-1.50	-0.58	5.9E-06	-1.52	-0.60	2.5E-06
Tada1	3144	-1.55	-0.63	3.8E-14	-1.51	-0.59	1.5E-12
Tada3	2064	-2.02	-1.01	9.4E-14	-2.28	-1.19	1.3E-18
Taf1	11862	1.26	0.33	3.9E-04	1.36	0.44	1.7E-06
Taf10	4280	1.68	0.75	2.2E-16	1.55	0.64	5.0E-12
Taf12	2366	1.44	0.53	4.4E-09	1.30	0.38	3.9E-05
Taf13	5379	1.74	0.80	1.2E-11	1.73	0.79	1.7E-11
Taf3	2425	1.48	0.56	1.1E-09	1.40	0.48	2.1E-07
Taf4	3798	1.37	0.45	4.0E-04	1.28	0.35	7.5E-03
Taf4b	421	2.47	1.30	4.9E-10	2.51	1.33	2.3E-10
Taf5	2229	1.25	0.32	4.0E-05	1.18	0.24	2.7E-03
Taf5l	1612	-1.82	-0.86	3.2E-24	-1.98	-0.99	1.4E-31
Taf6	5567	1.28	0.35	8.3E-05	1.18	0.24	1.1E-02
Taf6l	1731	1.65	0.72	4.3E-15	1.54	0.62	1.9E-11
Taf8	2115	-1.20	-0.26	4.5E-03	-1.29	-0.37	4.4E-05
Taf9b	529	-4.59	-2.20	6.7E-91	-4.96	-2.31	7.1E-100



Tafa4	313	2.52	1.33	2.3E-08	2.73	1.45	9.6E-10
Tagap1	2327	-1.27	-0.34	7.2E-08	-1.33	-0.41	6.4E-11
Tagln2	2484	1.26	0.34	1.4E-02	1.28	0.36	9.7E-03
Tagln3	7661	-1.92	-0.94	4.5E-11	-1.87	-0.90	3.3E-10
Tal1	2195	-2.22	-1.15	4.6E-05	-2.33	-1.22	1.5E-05
Tal2	3441	-2.40	-1.26	2.2E-03	-2.80	-1.48	2.9E-04
Taldo1	8784	1.27	0.35	4.4E-04	1.24	0.31	2.2E-03
Tamalin	845	1.62	0.70	1.9E-05	1.46	0.55	9.3E-04
Tamm41	1643	1.25	0.33	4.8E-04	1.20	0.26	6.6E-03
Tanc1	3209	1.30	0.38	4.3E-04	1.33	0.41	1.3E-04
Tango6	546	-3.09	-1.63	1.7E-42	-2.99	-1.58	6.9E-40
Tank	2874	1.70	0.76	1.2E-23	1.82	0.87	4.5E-30
Taok1	12512	-1.49	-0.57	4.8E-06	-1.36	-0.44	4.8E-04
Taok3	3732	1.95	0.96	1.8E-14	1.89	0.91	3.9E-13
Tap1	311	3.23	1.69	3.3E-21	3.06	1.61	2.6E-19
Tap2	168	4.79	2.26	1.1E-28	4.79	2.26	1.2E-28
Tapbpl	112	-2.39	-1.26	6.0E-09	-2.30	-1.20	3.8E-08
Tarbp2	2167	-2.29	-1.19	3.3E-44	-2.53	-1.34	2.9E-55
Tars	7300	1.40	0.48	1.0E-04	1.37	0.45	2.7E-04
Tars2	2372	-1.99	-0.99	1.2E-45	-2.02	-1.01	2.2E-47
Tarsl2	1149	-1.48	-0.57	1.9E-20	-1.40	-0.49	1.9E-15
Tas1r3	123	1.94	0.95	2.4E-06	1.82	0.86	2.6E-05
Tasor	6356	-1.51	-0.59	1.8E-07	-1.48	-0.57	7.3E-07
Tasor2	13914	1.22	0.28	4.3E-02	1.40	0.49	3.0E-04
Tatdn2	3628	1.65	0.72	9.1E-20	1.64	0.71	1.7E-19
Tatdn3	667	-2.25	-1.17	1.5E-30	-2.13	-1.09	1.2E-26
Tax1bp3	1992	-1.37	-0.45	6.4E-10	-1.43	-0.51	1.7E-12
Tbc1d1	4443	1.49	0.58	9.6E-16	1.53	0.61	2.9E-17
Tbc1d10a	1112	1.30	0.38	2.9E-04	1.28	0.36	8.5E-04
Tbc1d10b	6167	1.44	0.52	5.1E-06	1.37	0.46	8.4E-05
Tbc1d12	2436	1.39	0.47	3.0E-06	1.51	0.60	2.3E-09
Tbc1d15	4447	1.21	0.27	9.3E-03	1.26	0.34	1.1E-03
Tbc1d16	25429	1.40	0.49	5.3E-04	1.35	0.43	2.6E-03
Tbc1d2	253	2.95	1.56	1.4E-21	3.24	1.70	4.9E-25
Tbc1d20	4949	1.41	0.50	4.8E-17	1.31	0.39	8.0E-11
Tbc1d22a	981	-1.43	-0.52	4.4E-12	-1.40	-0.49	1.1E-10
Tbc1d24	9564	2.00	1.00	5.3E-12	2.11	1.08	7.6E-14
Tbc1d2b	4400	1.71	0.77	4.0E-09	1.77	0.82	4.1E-10
Tbc1d31	3810	2.35	1.23	1.3E-34	2.40	1.26	3.0E-36
Tbc1d32	1172	-1.53	-0.61	1.1E-09	-1.43	-0.51	4.0E-07
Tbc1d4	1461	-1.37	-0.46	7.0E-05	-1.30	-0.38	1.1E-03
Tbc1d5	1509	-1.60	-0.68	6.8E-26	-1.59	-0.67	4.1E-25
Tbc1d7	1095	-2.06	-1.04	2.0E-54	-2.07	-1.05	1.1E-55
Tbc1d8	1328	1.74	0.80	4.4E-09	1.72	0.78	9.4E-09
Tbc1d8b	1293	1.22	0.28	1.0E-02	1.37	0.45	2.6E-05
Tbc1d9	7374	-1.42	-0.51	2.0E-03	-1.42	-0.50	2.3E-03
Tbc1d9b	4080	-1.79	-0.84	9.7E-33	-1.77	-0.83	1.8E-31

Tbcd	6672	1.34	0.43	4.7E-11	1.33	0.41	2.4E-10
Tbce	4473	-2.27	-1.18	7.2E-41	-2.16	-1.11	4.1E-36
Tbkbp1	2381	-2.03	-1.02	4.5E-10	-1.96	-0.97	3.1E-09
Tbl1x	11400	-1.64	-0.72	2.6E-32	-1.68	-0.75	4.3E-35
Tbl1xr1	4323	-1.42	-0.51	2.5E-07	-1.57	-0.65	2.4E-11
Tbl2	4923	2.12	1.08	8.0E-42	2.10	1.07	8.8E-41
Tbl3	4350	1.42	0.51	1.1E-05	1.29	0.37	1.7E-03
Tbp	4856	1.26	0.34	1.6E-06	1.28	0.36	2.3E-07
Tbr1	3672	-2.68	-1.42	2.6E-05	-2.85	-1.51	7.8E-06
Tbx18	1274	-1.50	-0.58	6.7E-04	-1.54	-0.62	2.8E-04
Tbx2	608	-2.76	-1.46	4.7E-03	-2.92	-1.55	2.8E-03
Tbx22	155	-4.84	-2.27	3.4E-02	-8.10	-3.02	4.5E-03
Tbx6	134	1.73	0.79	1.4E-04	1.92	0.94	4.9E-06
Tcaf1	29441	-1.33	-0.42	2.9E-05	-1.31	-0.39	1.0E-04
Tcaf2	1145	2.14	1.10	3.5E-09	2.23	1.16	4.5E-10
Tcea2	1056	-1.42	-0.51	3.6E-06	-1.47	-0.56	3.6E-07
Tceal1	996	-1.82	-0.86	6.2E-13	-1.66	-0.73	1.7E-09
Tceal3	1740	1.34	0.42	4.1E-04	1.35	0.43	2.8E-04
Tceal5	1149	2.01	1.00	2.3E-11	2.03	1.02	1.0E-11
Tceal6	893	2.08	1.06	9.2E-08	2.22	1.15	5.8E-09
Tceal8	4977	-1.53	-0.62	1.7E-11	-1.45	-0.54	5.4E-09
Tceanc	839	-1.32	-0.41	2.9E-04	-1.36	-0.44	7.6E-05
Tcf15	112	3.03	1.60	8.3E-13	2.79	1.48	5.0E-11
Tcf19	3238	2.44	1.29	1.0E-17	2.27	1.19	3.7E-15
Tcf3	10239	-1.46	-0.55	1.1E-04	-1.65	-0.72	2.5E-07
Tcf4	24203	-1.55	-0.63	9.7E-07	-1.48	-0.56	1.4E-05
Tcf7	1392	2.97	1.57	1.5E-35	2.65	1.41	8.8E-29
Tcf7l2	10030	-1.73	-0.79	1.7E-02	-2.47	-1.30	5.4E-05
Tcfl5	227	4.40	2.14	1.4E-37	4.61	2.21	6.2E-39
Tchh	280	3.37	1.75	2.3E-32	3.13	1.65	1.3E-28
Tchp	2927	1.64	0.72	4.3E-09	1.50	0.59	1.9E-06
Tcirg1	1639	1.51	0.60	2.6E-03	1.58	0.66	7.7E-04
Tcn2	1780	1.29	0.37	1.0E-02	1.30	0.38	9.7E-03
Tcp11	255	3.60	1.85	5.0E-49	3.67	1.88	4.7E-50
Tcp11l2	2118	2.96	1.56	4.7E-46	3.11	1.64	2.2E-50
Tcta	1161	-1.60	-0.67	1.6E-17	-1.61	-0.68	7.3E-18
Tcte2	326	-1.56	-0.64	2.0E-06	-1.46	-0.55	5.4E-05
Tctn1	4106	1.47	0.55	1.8E-08	1.41	0.49	6.7E-07
Tctn3	1997	1.94	0.96	6.3E-22	1.99	1.00	1.9E-23
Tdg	9125	-1.52	-0.61	6.6E-09	-1.65	-0.73	2.4E-12
Tdrd3	3615	-1.74	-0.80	2.8E-39	-1.77	-0.83	8.2E-42
Tdrd6	284	5.62	2.49	7.3E-22	7.97	3.00	1.8E-30
Tdrd7	2046	1.92	0.94	1.4E-30	1.93	0.95	8.3E-31
Tdrd9	110	-1.41	-0.50	9.9E-03	-1.41	-0.49	1.0E-02
Tdrkh	6712	1.38	0.47	3.2E-05	1.39	0.48	2.2E-05
Tdrp	666	2.40	1.26	1.5E-32	2.01	1.01	3.0E-21
Tead2	10451	-2.19	-1.13	2.5E-12	-2.47	-1.30	5.5E-16

Tead3	3179	1.74	0.80	8.7E-10	1.69	0.75	6.8E-09
Tec	603	1.95	0.96	1.6E-09	2.03	1.02	1.4E-10
Tecpr1	6097	1.52	0.60	1.1E-05	1.48	0.56	4.3E-05
Tecpr2	3397	1.26	0.33	1.6E-03	1.31	0.39	1.4E-04
Tedc1	2765	1.89	0.92	5.2E-09	1.60	0.68	2.2E-05
Tedc2	1770	1.42	0.51	1.5E-05	1.33	0.41	5.9E-04
Tef	4931	1.35	0.43	6.2E-10	1.36	0.44	4.1E-10
Tefm	624	-1.55	-0.63	8.6E-09	-1.60	-0.68	3.7E-10
Tek	1451	-1.54	-0.62	3.8E-13	-1.58	-0.66	1.3E-14
Tekt1	346	1.31	0.39	6.8E-04	1.61	0.69	8.4E-10
Tekt2	414	-1.39	-0.48	1.4E-03	-1.37	-0.45	2.8E-03
Telo2	2941	-1.23	-0.30	6.1E-05	-1.28	-0.35	1.2E-06
Ten1	841	-1.97	-0.98	3.5E-44	-2.02	-1.01	5.6E-47
Tent4b	7568	1.90	0.93	1.3E-35	1.91	0.94	2.4E-36
Tent5b	139	8.14	3.03	5.0E-23	6.42	2.68	2.0E-18
Tep1	820	-1.91	-0.94	1.1E-11	-1.78	-0.83	2.5E-09
Tepsin	1722	1.43	0.52	6.7E-07	1.31	0.39	2.4E-04
Terf1	1692	-1.23	-0.30	1.7E-02	-1.26	-0.33	7.5E-03
Terf2ip	4521	1.56	0.64	1.5E-18	1.49	0.57	5.1E-15
Tert	1252	-1.80	-0.85	8.9E-21	-1.83	-0.87	9.5E-22
Tesc	162	2.90	1.54	9.1E-05	2.75	1.46	2.2E-04
Tesk2	871	2.79	1.48	4.2E-47	2.62	1.39	1.4E-41
Tet2	6298	-1.41	-0.50	3.8E-05	-1.30	-0.38	2.0E-03
Tet3	11236	-1.39	-0.48	1.7E-03	-1.50	-0.59	8.5E-05
Tex10	5225	1.42	0.51	8.4E-07	1.46	0.55	7.7E-08
Tex2	3136	1.83	0.87	8.5E-11	1.87	0.90	1.7E-11
Tex261	4276	1.26	0.33	2.1E-06	1.22	0.29	4.0E-05
Tex264	1405	1.32	0.40	2.0E-03	1.41	0.50	1.1E-04
Tex30	1244	1.80	0.85	3.6E-08	1.80	0.85	3.7E-08
Tex9	5404	1.50	0.58	5.3E-08	1.53	0.62	7.7E-09
Tfap2a	954	-1.85	-0.89	2.8E-03	-1.71	-0.77	1.1E-02
Tfap2b	7460	-2.81	-1.49	7.0E-09	-2.51	-1.33	2.8E-07
Tfap2d	599	-3.40	-1.76	1.9E-07	-3.22	-1.69	6.4E-07
Tfap4	800	-1.69	-0.76	1.8E-05	-1.93	-0.95	5.7E-08
Tfcp2l1	356	5.44	2.44	1.6E-33	6.36	2.67	4.3E-39
Tfe3	3803	1.90	0.92	1.7E-30	1.74	0.80	3.4E-23
Tfeb	402	4.50	2.17	1.7E-31	4.30	2.11	1.3E-29
Tfr2	490	3.16	1.66	3.4E-13	3.77	1.91	4.0E-17
Tfrc	13483	1.24	0.31	3.9E-02	1.30	0.38	1.1E-02
Tgfb1i1	1065	-2.93	-1.55	8.5E-11	-3.25	-1.70	9.1E-13
Tgfb2	2234	-2.52	-1.33	4.1E-13	-2.34	-1.23	2.9E-11
Tgfb3	1115	-2.03	-1.02	1.7E-04	-1.96	-0.97	4.0E-04
Tgfbr2	1914	-2.46	-1.30	1.1E-11	-2.46	-1.30	1.1E-11
Tgfbr3l	409	-1.45	-0.54	2.0E-04	-1.66	-0.73	2.7E-07
Tgif2	4559	-1.21	-0.28	3.3E-02	-1.33	-0.41	1.5E-03
Tgm2	1296	-1.33	-0.41	2.9E-02	-1.37	-0.45	1.5E-02
Tgoln1	7088	1.73	0.79	3.0E-12	1.82	0.87	1.4E-14

Th	476	-1.42	-0.50	5.1E-03	-1.52	-0.61	6.6E-04
Tha1	235	1.77	0.82	1.8E-06	1.45	0.53	2.6E-03
Thap1	750	-1.48	-0.57	1.9E-06	-1.54	-0.62	1.4E-07
Thap11	2637	1.40	0.49	7.1E-08	1.32	0.40	1.4E-05
Thap2	3393	-1.27	-0.35	6.7E-06	-1.23	-0.30	1.1E-04
Thap3	1000	-1.25	-0.33	1.8E-02	-1.39	-0.48	3.8E-04
Thap4	1759	1.35	0.44	3.3E-12	1.28	0.35	3.2E-08
Thap7	780	-1.63	-0.70	2.5E-14	-1.66	-0.73	2.5E-15
Thbd	1311	-1.57	-0.65	2.5E-02	-1.79	-0.84	3.4E-03
Thbs1	7121	-1.91	-0.93	1.8E-02	-1.90	-0.93	1.9E-02
Thbs3	4764	-1.30	-0.38	3.1E-05	-1.34	-0.42	2.5E-06
Them6	238	2.75	1.46	6.2E-27	2.55	1.35	5.8E-23
Thgl1	1015	-1.94	-0.96	1.6E-12	-2.16	-1.11	2.3E-16
Thnsl1	2243	1.45	0.54	2.0E-07	1.52	0.60	5.9E-09
Thnsl2	150	-1.33	-0.41	2.2E-02	-1.32	-0.40	2.5E-02
Thoc1	7063	-1.34	-0.42	1.4E-07	-1.29	-0.36	7.2E-06
Thoc6	1517	-1.43	-0.52	1.9E-06	-1.56	-0.64	2.8E-09
Thoc7	5327	-1.49	-0.58	2.5E-09	-1.58	-0.66	1.1E-11
Thop1	4068	1.56	0.64	2.3E-10	1.46	0.55	8.6E-08
Thpo	102	1.68	0.75	9.4E-07	1.62	0.70	7.5E-06
Thsd4	2133	-1.67	-0.74	1.0E-07	-1.47	-0.56	7.3E-05
Thtpa	821	-1.29	-0.37	1.1E-04	-1.40	-0.49	2.7E-07
Thumpd2	586	-1.34	-0.42	3.8E-06	-1.38	-0.47	2.5E-07
Thy1	176	2.63	1.39	3.3E-02	3.47	1.79	5.3E-03
Tia1	23494	-2.17	-1.12	1.4E-17	-1.92	-0.94	9.8E-13
Ticam1	491	1.80	0.85	8.4E-08	1.65	0.72	6.5E-06
Ticrr	3962	1.53	0.62	3.3E-04	1.45	0.54	2.1E-03
Tifa	328	1.41	0.50	3.0E-04	1.42	0.50	2.6E-04
Tigar	2483	1.91	0.93	3.7E-22	1.79	0.84	2.6E-18
Tigd5	857	1.51	0.59	7.7E-08	1.44	0.53	2.3E-06
Timeless	3945	-1.52	-0.60	4.4E-05	-1.67	-0.74	4.6E-07
Timm10	972	1.27	0.35	2.4E-04	1.20	0.26	7.9E-03
Timm13	2145	-1.34	-0.43	1.1E-05	-1.40	-0.49	4.6E-07
Timm21	2194	-1.69	-0.76	1.4E-14	-1.71	-0.78	2.4E-15
Timm44	3363	-1.28	-0.35	2.7E-09	-1.36	-0.44	5.5E-14
Timm8a1	1048	1.38	0.47	5.1E-05	1.37	0.45	8.4E-05
Timm9	2038	1.28	0.36	2.9E-07	1.28	0.36	4.2E-07
Timmcdc1	2330	1.26	0.33	1.1E-04	1.17	0.22	1.3E-02
Timp1	160	-1.60	-0.68	1.7E-02	-2.05	-1.03	1.9E-04
Timp2	5730	-1.69	-0.76	1.6E-08	-1.77	-0.83	7.1E-10
Tincr	434	2.42	1.28	1.4E-11	1.99	0.99	1.9E-07
Tinf2	3256	1.45	0.54	1.4E-04	1.31	0.39	6.9E-03
Tiparp	3539	1.73	0.79	5.6E-25	1.81	0.86	2.5E-29
Tiprl	5126	1.29	0.37	2.0E-13	1.26	0.33	4.0E-11
Tjp2	4312	1.53	0.62	3.6E-06	1.34	0.43	1.8E-03
Tk1	2067	-2.32	-1.21	4.3E-13	-2.54	-1.35	7.3E-16
Tk2	2477	1.46	0.54	3.4E-16	1.39	0.48	1.1E-12

Tkfc	2031	-1.33	-0.41	3.4E-05	-1.41	-0.49	7.2E-07
Tlcd1	692	2.04	1.03	1.3E-22	2.07	1.05	2.3E-23
Tlcd2	162	-1.96	-0.97	7.5E-04	-2.22	-1.15	5.9E-05
Tlcd3a	1830	1.33	0.41	1.2E-12	1.28	0.36	9.1E-10
Tlcd5	2588	1.45	0.53	7.9E-17	1.38	0.46	4.8E-13
Tle1	6244	-1.29	-0.37	1.1E-09	-1.32	-0.40	1.5E-11
Tlk1	7690	-1.45	-0.53	1.3E-08	-1.48	-0.56	1.9E-09
Tlk2	6144	-1.42	-0.50	1.2E-14	-1.44	-0.52	8.3E-16
Tll1	321	-1.80	-0.85	2.7E-05	-1.80	-0.85	3.1E-05
Tlr12	106	-1.66	-0.73	2.5E-03	-1.54	-0.62	1.1E-02
Tlr3	167	-1.75	-0.81	1.2E-10	-1.95	-0.96	2.6E-14
Tm2d1	1284	-1.57	-0.65	3.0E-10	-1.54	-0.63	1.7E-09
Tm2d2	2855	1.50	0.59	3.6E-16	1.53	0.61	1.2E-17
Tm4sf1	458	-2.37	-1.25	3.0E-11	-2.28	-1.19	2.3E-10
Tm6sf2	365	1.78	0.83	4.1E-05	1.79	0.84	3.5E-05
Tm9sf4	4866	-1.34	-0.42	2.6E-21	-1.36	-0.44	1.1E-23
Tmbim1	479	-2.36	-1.24	2.4E-09	-2.46	-1.30	3.7E-10
Tmbim4	1587	1.43	0.51	1.5E-07	1.39	0.48	1.4E-06
Tmbim6	15557	1.28	0.36	3.2E-05	1.21	0.27	2.2E-03
Tmc4	1438	3.08	1.62	2.6E-25	3.14	1.65	3.9E-26
Tmc6	570	1.65	0.73	4.0E-03	1.65	0.72	4.3E-03
Tmcc3	1229	1.53	0.61	4.4E-06	1.57	0.65	8.9E-07
Tmco6	1031	-1.23	-0.30	1.8E-03	-1.36	-0.44	2.7E-06
Tmed1	924	-3.04	-1.60	6.1E-38	-3.00	-1.59	3.3E-37
Tmed2	8416	1.31	0.39	2.5E-06	1.26	0.34	6.9E-05
Tmed3	1087	-1.92	-0.94	1.8E-16	-1.85	-0.89	9.4E-15
Tmed5	3902	1.68	0.75	4.3E-11	1.63	0.70	6.5E-10
Tmed8	4148	1.63	0.70	1.3E-14	1.81	0.86	4.7E-21
Tmeff1	16520	-1.31	-0.39	9.2E-04	-1.26	-0.34	4.1E-03
Tmem104	883	1.53	0.61	5.7E-08	1.44	0.52	4.0E-06
Tmem106a	133	-1.43	-0.52	6.2E-04	-1.36	-0.44	3.8E-03
Tmem107	724	1.60	0.68	5.5E-09	1.49	0.57	1.1E-06
Tmem108	1225	1.53	0.62	7.9E-06	1.37	0.45	1.4E-03
Tmem109	1668	-1.37	-0.45	7.2E-05	-1.49	-0.58	3.1E-07
Tmem115	2107	1.60	0.68	2.3E-14	1.56	0.64	7.2E-13
Tmem119	865	-2.30	-1.20	1.1E-02	-2.38	-1.25	8.4E-03
Tmem120a	2053	2.25	1.17	4.1E-65	2.23	1.16	1.4E-63
Tmem120b	817	2.39	1.26	5.2E-32	2.54	1.35	1.6E-36
Tmem121	963	2.43	1.28	1.5E-30	2.21	1.15	1.4E-24
Tmem123	7806	1.55	0.63	1.6E-03	1.48	0.56	5.3E-03
Tmem126a	1475	-1.29	-0.36	1.2E-04	-1.35	-0.43	4.3E-06
Tmem128	2360	-1.28	-0.35	3.9E-05	-1.28	-0.36	2.6E-05
Tmem129	1905	1.58	0.66	1.7E-11	1.55	0.63	1.3E-10
Tmem131l	11569	-1.30	-0.37	9.3E-04	-1.28	-0.36	1.6E-03
Tmem132a	13999	-1.26	-0.33	2.6E-02	-1.36	-0.44	2.2E-03
Tmem132e	827	2.19	1.13	3.6E-07	2.41	1.27	1.0E-08
Tmem135	2395	1.42	0.51	2.1E-13	1.41	0.50	5.7E-13

Tmem138	1260	-1.24	-0.31	1.6E-03	-1.32	-0.40	4.3E-05
Tmem141	325	-1.53	-0.61	1.2E-07	-1.38	-0.47	7.5E-05
Tmem143	493	-1.52	-0.60	9.8E-08	-1.44	-0.53	3.9E-06
Tmem144	224	-1.37	-0.45	2.0E-02	-1.47	-0.56	3.7E-03
Tmem14a	285	-3.62	-1.86	5.0E-41	-2.84	-1.50	6.4E-28
Tmem14c	3505	1.25	0.32	2.4E-04	1.19	0.25	5.4E-03
Tmem150c	916	-1.64	-0.72	3.2E-03	-1.60	-0.68	5.4E-03
Tmem151a	211	2.01	1.01	6.8E-05	1.86	0.89	4.7E-04
Tmem151b	3587	-1.45	-0.54	2.4E-03	-1.53	-0.61	5.1E-04
Tmem159	1138	2.65	1.41	1.3E-22	2.58	1.37	2.1E-21
Tmem160	587	1.71	0.77	6.2E-14	1.60	0.68	4.7E-11
Tmem161b	2984	1.42	0.50	1.9E-07	1.38	0.47	1.4E-06
Tmem163	1496	-1.62	-0.69	1.4E-05	-1.68	-0.75	2.4E-06
Tmem168	2511	-1.59	-0.67	2.6E-13	-1.57	-0.65	9.5E-13
Tmem17	291	-3.46	-1.79	2.5E-33	-3.28	-1.71	9.2E-31
Tmem170	1331	1.58	0.66	1.1E-11	1.48	0.57	6.0E-09
Tmem170b	5482	1.28	0.35	2.5E-02	1.27	0.35	2.7E-02
Tmem175	1180	-1.70	-0.77	2.3E-23	-1.68	-0.75	4.0E-22
Tmem176b	2642	-1.42	-0.51	2.4E-07	-1.38	-0.47	2.6E-06
Tmem178	919	-1.79	-0.84	4.5E-04	-1.77	-0.82	6.2E-04
Tmem181a	3817	1.38	0.46	1.7E-19	1.41	0.50	1.3E-22
Tmem183a	10585	1.26	0.33	2.0E-08	1.25	0.32	5.1E-08
Tmem184b	4161	1.52	0.61	1.6E-07	1.48	0.56	1.3E-06
Tmem184c	5364	1.57	0.65	8.6E-38	1.64	0.71	8.7E-46
Tmem185b	922	-1.86	-0.89	1.9E-37	-1.92	-0.94	2.4E-41
Tmem186	2246	-1.44	-0.52	1.1E-14	-1.49	-0.57	2.1E-17
Tmem189	1696	2.27	1.18	8.8E-66	2.28	1.19	5.1E-66
Tmem19	2803	1.46	0.55	2.7E-36	1.38	0.47	1.4E-26
Tmem192	490	1.63	0.70	1.3E-10	1.68	0.75	8.2E-12
Tmem198	1269	1.90	0.93	5.2E-09	1.81	0.85	8.3E-08
Tmem200a	1466	-2.26	-1.17	3.1E-18	-2.42	-1.28	2.3E-21
Tmem209	3624	-1.62	-0.69	1.1E-14	-1.61	-0.69	2.0E-14
Tmem218	1080	1.54	0.62	1.0E-07	1.56	0.64	3.2E-08
Tmem223	2143	-1.94	-0.95	1.8E-19	-1.86	-0.89	3.7E-17
Tmem229a	328	-1.93	-0.95	2.0E-08	-1.84	-0.88	2.0E-07
Tmem230	1607	-1.70	-0.77	5.8E-28	-1.66	-0.73	2.8E-25
Tmem231	1605	1.41	0.50	3.6E-08	1.29	0.37	6.4E-05
Tmem241	646	1.49	0.57	1.3E-07	1.54	0.63	7.3E-09
Tmem242	3130	-1.26	-0.34	9.9E-04	-1.31	-0.39	1.3E-04
Tmem243	590	2.02	1.02	2.3E-14	2.02	1.01	3.2E-14
Tmem245	7677	1.27	0.34	1.9E-02	1.47	0.56	9.3E-05
Tmem25	503	1.33	0.41	1.9E-03	1.39	0.48	3.2E-04
Tmem250-ps	1407	-1.87	-0.91	8.9E-25	-2.05	-1.04	4.2E-32
Tmem256	2625	1.31	0.39	3.3E-03	1.28	0.35	8.1E-03
Tmem259	5207	1.25	0.32	7.9E-04	1.19	0.25	1.0E-02
Tmem263	5944	1.54	0.62	1.4E-15	1.50	0.58	8.1E-14
Tmem266	344	1.92	0.94	1.2E-09	1.79	0.84	7.9E-08



Tmem269	149	3.84	1.94	1.4E-24	4.45	2.15	2.6E-29
Tmem28	1042	2.08	1.06	1.3E-12	1.85	0.89	3.5E-09
Tmem29	1659	-1.77	-0.82	1.8E-11	-1.57	-0.65	1.3E-07
Tmem30a	13736	1.29	0.36	6.8E-05	1.35	0.43	1.6E-06
Tmem38a	1566	1.67	0.74	2.7E-10	1.69	0.75	1.6E-10
Tmem38b	1178	1.89	0.92	1.0E-19	1.73	0.79	6.8E-15
Tmem39a	2452	-1.44	-0.52	2.8E-08	-1.39	-0.47	7.4E-07
Tmem39b	1217	-2.03	-1.02	9.6E-28	-2.26	-1.18	2.6E-36
Tmem41a	1127	2.05	1.03	5.9E-68	2.06	1.04	2.0E-68
Tmem41b	3997	1.41	0.50	4.2E-08	1.47	0.56	6.7E-10
Tmem42	124	-3.49	-1.80	1.5E-32	-4.20	-2.07	5.9E-41
Tmem43	4788	1.26	0.33	1.8E-06	1.16	0.21	3.4E-03
Tmem44	5837	-2.26	-1.18	4.5E-09	-2.18	-1.12	2.7E-08
Tmem45a	330	-1.94	-0.95	1.5E-03	-1.73	-0.79	9.8E-03
Tmem50a	4115	1.35	0.43	1.2E-17	1.31	0.38	2.7E-14
Tmem50b	4482	2.93	1.55	1.0E-167	2.98	1.58	3.3E-173
Tmem60	1396	1.44	0.52	8.9E-09	1.51	0.59	7.3E-11
Tmem62	474	-2.40	-1.26	3.9E-18	-2.11	-1.08	1.4E-13
Tmem64	3264	1.33	0.41	2.4E-02	1.36	0.44	1.4E-02
Tmem68	2272	-1.88	-0.91	1.9E-24	-1.83	-0.87	1.6E-22
Tmem69	1429	-1.30	-0.38	9.8E-05	-1.28	-0.35	2.8E-04
Tmem74	805	1.44	0.52	5.6E-03	1.64	0.71	1.2E-04
Tmem74b	367	-2.35	-1.23	2.8E-05	-2.31	-1.21	4.3E-05
Tmem80	1603	-2.48	-1.31	2.3E-41	-2.66	-1.41	1.1E-47
Tmem94	3930	-1.81	-0.85	2.5E-12	-1.94	-0.96	2.7E-15
Tmem98	1432	-2.20	-1.14	7.8E-12	-2.45	-1.29	7.2E-15
Tmod3	11387	1.69	0.76	3.3E-27	1.75	0.80	2.4E-30
Tmpo	33304	-1.49	-0.57	3.8E-07	-1.56	-0.64	1.4E-08
Tmppe	504	1.43	0.51	2.4E-04	1.42	0.51	3.1E-04
Tmprss5	115	-1.93	-0.95	1.0E-11	-1.85	-0.89	2.2E-10
Tmprss7	133	1.33	0.41	2.4E-02	1.48	0.57	1.4E-03
Tmtc3	4476	1.24	0.31	6.0E-03	1.31	0.39	3.9E-04
Tmub1	805	1.24	0.31	4.1E-04	1.25	0.33	2.6E-04
Tnc	5966	-2.21	-1.14	2.4E-03	-2.33	-1.22	1.2E-03
Tnfaip3	379	1.47	0.56	2.1E-04	1.59	0.67	7.2E-06
Tnfaip8l1	579	1.50	0.59	8.8E-09	1.72	0.78	1.4E-14
Tnfrsf10b	720	2.16	1.11	2.0E-07	2.24	1.16	4.9E-08
Tnfrsf12a	297	4.65	2.22	1.9E-26	5.05	2.34	7.9E-29
Tnfrsf1a	1675	1.39	0.48	4.8E-03	1.36	0.44	9.7E-03
Tnfrsf22	910	1.93	0.95	1.0E-12	1.78	0.83	4.5E-10
Tnfrsf23	150	2.41	1.27	9.3E-10	2.73	1.45	2.6E-12
Tnfrsf25	334	1.85	0.89	1.3E-05	1.91	0.93	4.3E-06
Tnfsf9	235	1.61	0.69	1.6E-06	1.65	0.72	6.0E-07
Tnip1	891	-1.47	-0.56	9.3E-06	-1.42	-0.51	6.2E-05
Tnip2	620	1.74	0.80	3.4E-17	1.65	0.72	3.4E-14
Tnk2	7612	1.43	0.52	1.6E-04	1.32	0.41	3.8E-03
Tnks1bp1	7812	1.39	0.47	1.9E-06	1.38	0.46	3.4E-06

Tnnc1	242	-7.62	-2.93	6.2E-04	-5.15	-2.37	6.8E-03
Tnni1	196	-15.77	-3.98	3.2E-04	-8.98	-3.17	5.0E-03
Tnni3	499	5.18	2.37	7.1E-32	4.15	2.05	4.3E-24
Tnnt1	415	-4.83	-2.27	5.6E-04	-3.03	-1.60	1.8E-02
Tnnt2	197	-15.34	-3.94	2.4E-04	-9.35	-3.22	3.1E-03
Tnnt3	136	-12.07	-3.59	3.7E-05	-7.48	-2.90	1.1E-03
Tnrc18	15512	-2.32	-1.21	4.4E-15	-2.46	-1.30	4.6E-17
Tnrc6a	14170	-1.40	-0.49	9.5E-08	-1.26	-0.34	3.3E-04
Tnrc6b	8717	-1.41	-0.49	1.8E-06	-1.32	-0.40	1.3E-04
Tns1	4010	-1.62	-0.70	7.5E-06	-1.54	-0.63	6.4E-05
Tns2	1379	-3.34	-1.74	4.5E-19	-3.35	-1.74	3.7E-19
Tns3	4656	-2.53	-1.34	1.0E-13	-2.40	-1.26	2.6E-12
Tob2	2108	1.45	0.54	2.1E-04	1.33	0.41	6.1E-03
Toe1	1228	-1.74	-0.80	2.8E-21	-1.88	-0.91	2.7E-27
Togaram1	4769	1.31	0.39	5.1E-06	1.44	0.53	6.0E-10
Tom1	557	1.48	0.57	4.3E-06	1.40	0.49	9.4E-05
Tom1l2	7710	1.84	0.88	3.2E-15	1.95	0.97	5.5E-18
Tomm20	10877	1.27	0.34	1.2E-05	1.26	0.33	2.3E-05
Tomm34	2832	1.40	0.49	1.7E-11	1.36	0.44	1.3E-09
Tomm40	3723	1.34	0.42	9.8E-05	1.25	0.32	4.0E-03
Tomm40l	2031	-1.30	-0.38	1.1E-10	-1.32	-0.40	6.7E-12
Top3a	2357	1.71	0.77	1.3E-20	1.66	0.73	1.2E-18
Top3b	3624	-1.49	-0.58	1.6E-43	-1.49	-0.58	2.3E-43
Topors	4472	-1.36	-0.45	7.6E-12	-1.38	-0.47	8.7E-13
Tor1aip1	2580	-2.27	-1.18	2.9E-46	-2.28	-1.19	6.6E-47
Tor2a	1529	-1.47	-0.56	9.6E-15	-1.47	-0.56	9.5E-15
Tor3a	472	2.04	1.03	6.1E-18	2.07	1.05	1.2E-18
Tox	2097	-2.62	-1.39	2.5E-31	-2.82	-1.50	3.1E-36
Tox2	2504	2.01	1.01	1.9E-10	1.60	0.68	2.5E-05
Tox3	4651	-1.50	-0.59	9.0E-04	-1.67	-0.74	2.1E-05
Tox4	9426	1.40	0.49	6.6E-24	1.37	0.46	5.0E-21
Tpcn1	4301	1.64	0.71	3.0E-08	1.63	0.71	4.1E-08
Tpgs1	646	-2.39	-1.26	1.8E-26	-2.51	-1.33	4.0E-29
Tpgs2	5489	1.27	0.34	6.3E-06	1.31	0.38	4.0E-07
Tpk1	309	-2.19	-1.13	1.9E-08	-2.07	-1.05	2.2E-07
Tpm4	20925	-1.48	-0.57	5.3E-04	-1.57	-0.65	7.1E-05
Tpmt	2079	1.82	0.86	3.8E-15	1.80	0.85	1.3E-14
Tpp2	10807	1.47	0.55	1.8E-09	1.52	0.61	3.6E-11
Tppp	1479	2.03	1.02	2.9E-18	2.19	1.13	3.2E-22
Tpra1	1797	1.36	0.44	1.3E-07	1.38	0.46	3.1E-08
Tprkb	1978	-1.24	-0.31	1.5E-05	-1.32	-0.40	2.0E-08
Tprn	719	1.84	0.88	2.4E-15	1.72	0.79	2.1E-12
Tpst1	1950	-1.28	-0.36	1.0E-07	-1.32	-0.40	1.9E-09
Tpst2	1187	2.20	1.14	9.6E-27	2.00	1.00	6.5E-21
Tra2b	21745	-1.19	-0.25	1.5E-02	-1.25	-0.33	1.3E-03
Trabd	3320	1.41	0.49	9.7E-07	1.30	0.38	2.5E-04
Trabd2b	672	-2.05	-1.04	1.1E-05	-2.03	-1.02	1.6E-05

Tradd	444	2.26	1.17	2.6E-21	1.99	0.99	1.4E-15
Traf3	7313	1.40	0.49	1.2E-07	1.45	0.53	7.0E-09
Traf3ip1	2398	1.34	0.43	1.1E-04	1.19	0.24	3.4E-02
Traf4	5983	-1.48	-0.56	2.9E-14	-1.54	-0.63	2.0E-17
Traf6	4656	1.46	0.55	2.5E-07	1.53	0.61	6.7E-09
Traf7	9194	1.42	0.51	3.8E-11	1.32	0.41	1.8E-07
Trafd1	7127	1.28	0.36	1.1E-07	1.24	0.31	4.3E-06
Trak1	8329	1.32	0.40	8.7E-03	1.25	0.32	4.3E-02
Tram2	2411	1.75	0.80	2.1E-08	1.77	0.83	8.3E-09
Trappc1	5418	1.37	0.45	1.5E-06	1.37	0.45	1.5E-06
Trappc11	7708	1.50	0.59	1.7E-15	1.55	0.63	1.0E-17
Trappc12	3137	-1.27	-0.35	3.9E-12	-1.26	-0.33	4.2E-11
Trappc14	4197	1.32	0.40	5.2E-04	1.25	0.32	6.1E-03
Trappc6b	2765	-1.19	-0.24	1.6E-02	-1.27	-0.34	6.3E-04
Triap1	1459	1.50	0.59	2.5E-08	1.28	0.35	1.1E-03
Trib2	8489	-1.73	-0.79	3.2E-07	-1.73	-0.79	3.4E-07
Tril	2635	-2.05	-1.03	2.2E-04	-2.28	-1.19	1.7E-05
Trim11	2350	1.42	0.50	2.2E-08	1.32	0.40	1.3E-05
Trim12a	257	-1.79	-0.84	1.3E-03	-1.55	-0.63	1.9E-02
Trim16	549	-1.63	-0.70	2.8E-05	-1.44	-0.53	2.1E-03
Trim17	137	1.91	0.93	3.0E-03	2.14	1.10	4.6E-04
Trim21	244	-1.57	-0.65	3.2E-04	-1.57	-0.65	3.9E-04
Trim24	7933	-1.57	-0.65	2.7E-15	-1.60	-0.68	1.1E-16
Trim27	5638	1.32	0.40	2.1E-05	1.22	0.29	2.8E-03
Trim3	4883	1.35	0.43	3.0E-05	1.36	0.44	2.2E-05
Trim30a	122	-1.75	-0.80	1.9E-04	-1.56	-0.64	3.3E-03
Trim33	11213	-1.29	-0.37	6.9E-05	-1.24	-0.31	9.5E-04
Trim34a	103	-2.69	-1.43	8.2E-12	-2.83	-1.50	3.5E-13
Trim37	17170	1.40	0.48	1.0E-09	1.38	0.46	5.4E-09
Trim39	4419	-1.84	-0.88	1.1E-26	-1.83	-0.87	3.2E-26
Trim41	4917	-1.25	-0.32	2.7E-03	-1.35	-0.43	3.2E-05
Trim56	1628	-1.49	-0.58	7.3E-08	-1.45	-0.54	5.6E-07
Trim59	8176	-1.32	-0.40	8.7E-03	-1.44	-0.52	4.2E-04
Trim6	158	2.30	1.20	7.4E-04	1.74	0.80	3.0E-02
Trim62	3421	2.11	1.08	3.4E-23	2.13	1.09	8.0E-24
Trim65	221	-2.00	-1.00	4.2E-09	-2.39	-1.26	1.4E-13
Trim68	784	-1.43	-0.52	8.8E-05	-1.35	-0.44	1.2E-03
Trim71	313	2.10	1.07	2.4E-03	1.66	0.73	4.5E-02
Trim8	3106	-1.76	-0.82	4.6E-08	-2.04	-1.03	3.6E-12
Trim9	4582	1.38	0.46	2.5E-02	1.44	0.53	9.5E-03
Triobp	5590	1.48	0.56	6.3E-06	1.39	0.47	1.8E-04
Trip10	2161	2.56	1.36	3.9E-39	2.36	1.24	8.8E-33
Trip11	4453	-1.40	-0.48	5.4E-06	-1.32	-0.40	2.3E-04
Trip13	1751	-1.35	-0.43	3.6E-02	-1.53	-0.62	2.4E-03
Trmo	251	-2.34	-1.22	9.0E-22	-2.81	-1.49	1.3E-31
Trmt1	4627	1.42	0.51	1.1E-13	1.40	0.49	1.4E-12
Trmt10a	1019	-1.95	-0.96	6.1E-16	-2.11	-1.07	1.8E-19

Trmt112	2004	-1.29	-0.37	9.3E-03	-1.45	-0.54	9.6E-05
Trmt12	1120	1.39	0.47	2.0E-09	1.37	0.45	1.1E-08
Trmt2b	1075	1.28	0.35	2.3E-04	1.31	0.39	6.1E-05
Trmt9b	450	1.87	0.91	2.1E-22	1.85	0.89	2.5E-21
Trmu	1510	-1.21	-0.27	1.5E-04	-1.28	-0.36	5.1E-07
Trnp1	298	1.45	0.53	3.8E-02	1.55	0.63	1.4E-02
Trp53bp2	6157	1.32	0.40	2.4E-07	1.29	0.37	1.4E-06
Trp53i13	1053	1.89	0.92	3.2E-11	1.74	0.80	1.3E-08
Trp53inp1	9855	1.38	0.46	3.8E-06	1.54	0.62	3.0E-10
Trp53inp2	13213	-1.55	-0.64	3.1E-09	-1.54	-0.62	7.7E-09
Trp53rkb	706	1.37	0.46	1.4E-09	1.29	0.37	1.2E-06
Trp73	821	-1.48	-0.56	7.6E-03	-1.67	-0.74	3.5E-04
Trpc1	1254	1.72	0.78	8.0E-23	1.79	0.84	3.1E-26
Trpc3	522	-1.35	-0.43	2.0E-03	-1.48	-0.56	4.7E-05
Trpm3	2849	-2.05	-1.04	9.6E-05	-1.72	-0.78	4.1E-03
Trpm4	1776	2.04	1.03	1.2E-15	2.11	1.08	5.0E-17
Trpm5	237	-6.18	-2.63	7.6E-09	-5.06	-2.34	3.2E-07
Trps1	3348	-1.81	-0.86	1.8E-06	-1.65	-0.72	7.2E-05
Trpv2	487	-1.91	-0.93	7.6E-10	-2.03	-1.02	1.5E-11
Trrap	17379	-1.49	-0.57	2.6E-06	-1.36	-0.45	3.2E-04
Trub2	2831	-1.39	-0.47	2.8E-06	-1.37	-0.45	7.9E-06
Tsc2	11894	1.25	0.32	9.6E-04	1.25	0.32	8.7E-04
Tsc22d1	30581	-1.45	-0.54	9.7E-26	-1.48	-0.56	6.7E-28
Tsc22d2	6615	1.55	0.63	1.6E-08	1.48	0.57	4.7E-07
Tsc22d3	2483	-1.51	-0.60	3.0E-11	-1.51	-0.59	3.5E-11
Tsen2	1122	-1.51	-0.60	1.9E-17	-1.53	-0.61	5.9E-18
Tsen34	5496	1.37	0.46	4.3E-10	1.29	0.37	5.9E-07
Tsen54	1528	1.78	0.83	1.5E-28	1.64	0.71	4.9E-21
Tsfm	1548	1.38	0.46	9.7E-05	1.20	0.27	3.2E-02
Tsga10	2471	-1.50	-0.59	1.0E-09	-1.38	-0.47	1.4E-06
Tshr	132	2.25	1.17	2.0E-04	2.49	1.32	2.8E-05
Tshz3	1699	1.28	0.35	4.1E-02	1.43	0.52	2.1E-03
Tspan11	1093	-2.22	-1.15	4.0E-17	-2.03	-1.02	1.3E-13
Tspan15	1298	2.50	1.32	1.7E-98	2.40	1.26	4.1E-90
Tspan17	1100	2.74	1.46	6.1E-25	2.80	1.49	7.2E-26
Tspan18	4519	-1.45	-0.54	9.2E-06	-1.61	-0.69	1.1E-08
Tspan2	1531	1.68	0.75	6.1E-16	1.73	0.79	1.7E-17
Tspan33	946	3.61	1.85	1.8E-36	2.97	1.57	1.5E-26
Tspan4	996	1.40	0.49	1.0E-03	1.36	0.45	2.8E-03
Tspyl1	10650	1.57	0.65	3.3E-22	1.53	0.61	1.2E-19
Tspyl3	916	-1.76	-0.81	1.3E-05	-1.94	-0.96	2.2E-07
Tspyl4	13508	1.37	0.45	2.1E-03	1.46	0.54	1.8E-04
Tspyl5	1666	1.34	0.43	5.8E-03	1.31	0.39	1.3E-02
Tssk4	155	1.28	0.35	1.1E-02	1.39	0.47	7.0E-04
Tst	418	1.41	0.49	1.3E-03	1.48	0.56	2.0E-04
Ttbk1	6304	1.51	0.59	4.6E-03	1.37	0.45	3.6E-02
Ttbk2	10775	1.63	0.70	1.2E-07	1.75	0.81	1.1E-09

Ttc1	3512	1.31	0.39	3.6E-12	1.31	0.38	6.8E-12
Ttc12	481	1.63	0.71	1.0E-06	1.63	0.71	1.1E-06
Ttc16	131	1.98	0.99	3.1E-07	2.19	1.13	4.2E-09
Ttc17	2560	-1.32	-0.40	9.2E-06	-1.27	-0.35	1.4E-04
Ttc19	2326	1.28	0.36	7.6E-03	1.45	0.54	3.3E-05
Ttc21b	3707	1.89	0.92	1.1E-29	2.01	1.01	1.4E-35
Ttc26	2246	1.49	0.57	9.4E-13	1.52	0.61	4.3E-14
Ttc30a2	100	1.68	0.75	1.2E-06	2.10	1.07	1.4E-12
Ttc32	289	-3.76	-1.91	1.4E-43	-3.36	-1.75	2.4E-36
Ttc37	4684	1.43	0.51	6.4E-06	1.67	0.74	5.4E-11
Ttc39b	1769	1.41	0.49	1.5E-02	1.63	0.71	3.8E-04
Ttc39c	964	-1.34	-0.42	8.9E-06	-1.41	-0.49	1.4E-07
Ttc41	330	-2.20	-1.14	3.6E-24	-1.99	-0.99	1.4E-18
Ttc6	196	-1.49	-0.58	2.6E-03	-1.40	-0.48	1.3E-02
Ttc7	821	2.85	1.51	1.6E-25	2.84	1.50	2.6E-25
Ttc7b	1617	-1.60	-0.67	6.4E-26	-1.75	-0.81	1.3E-36
Ttf2	3923	1.40	0.49	9.7E-04	1.32	0.40	8.2E-03
Tti1	2683	-1.45	-0.54	8.8E-11	-1.48	-0.56	8.0E-12
Ttll11	336	1.56	0.64	3.4E-08	1.55	0.64	6.5E-08
Ttll12	4809	1.40	0.49	2.1E-09	1.36	0.44	6.7E-08
Ttll3	1166	1.44	0.53	5.3E-05	1.47	0.56	2.0E-05
Ttll7	4198	1.68	0.75	8.9E-05	2.23	1.16	6.0E-10
Ttn	914	-15.26	-3.93	1.8E-03	-8.61	-3.11	1.6E-02
Ttpa	169	-1.77	-0.82	4.3E-03	-1.76	-0.81	5.2E-03
Ttpal	5297	-1.28	-0.36	3.0E-16	-1.30	-0.38	1.3E-17
Ttyh1	10943	-1.45	-0.54	4.9E-04	-1.49	-0.58	1.6E-04
Ttyh2	1994	1.66	0.73	6.6E-10	1.73	0.79	2.0E-11
Tuba4a	873	2.84	1.50	3.5E-16	3.02	1.59	5.6E-18
Tubb3	58234	-1.25	-0.33	1.8E-02	-1.27	-0.34	1.4E-02
Tubb5	143831	-1.19	-0.25	6.0E-04	-1.26	-0.34	3.9E-06
Tubgcp5	3696	-1.29	-0.36	2.7E-04	-1.21	-0.27	8.0E-03
Tubgcp6	7162	1.68	0.75	1.2E-16	1.72	0.78	5.1E-18
Tufm	6414	1.38	0.47	1.0E-06	1.27	0.34	4.9E-04
Tuft1	785	4.25	2.09	8.2E-53	4.13	2.04	1.3E-50
Tug1	14599	-1.19	-0.25	1.6E-04	-1.26	-0.33	2.8E-07
Tulp3	3921	1.49	0.57	3.0E-08	1.43	0.51	8.7E-07
Tusc1	250	-2.59	-1.37	6.2E-27	-2.52	-1.33	3.0E-25
Tusc2	3022	1.63	0.70	9.8E-20	1.55	0.63	3.6E-16
Tut4	12929	-1.33	-0.41	9.6E-07	-1.25	-0.32	1.3E-04
Twf2	1910	1.56	0.64	1.4E-10	1.58	0.66	3.3E-11
Twsg1	7741	-1.59	-0.67	6.2E-15	-1.58	-0.66	9.0E-15
Txlnb	482	-1.69	-0.75	3.1E-03	-1.62	-0.70	6.9E-03
Txlng	3438	1.74	0.80	1.2E-32	1.75	0.81	6.7E-33
Txndc15	2764	-1.52	-0.61	2.3E-16	-1.46	-0.55	1.2E-13
Txndc16	7016	2.19	1.13	6.2E-32	2.40	1.26	9.1E-40
Txndc17	3932	1.34	0.43	9.8E-06	1.27	0.35	3.9E-04
Txndc9	5445	-1.59	-0.67	9.6E-18	-1.57	-0.65	9.8E-17

Txn14a	2661	1.53	0.62	5.5E-13	1.52	0.61	1.6E-12
Txn14b	505	-2.43	-1.28	6.4E-47	-2.48	-1.31	6.9E-49
Txnrd3	1181	1.47	0.55	3.3E-10	1.31	0.39	1.1E-05
Tysnd1	1631	1.53	0.61	7.8E-10	1.39	0.48	2.0E-06
Tyw1	2171	1.27	0.35	6.7E-07	1.22	0.29	6.2E-05
Tyw3	881	-1.80	-0.85	4.8E-22	-1.96	-0.97	1.2E-28
Tyw5	681	-2.12	-1.09	3.3E-26	-2.11	-1.08	9.4E-26
U2af2	18489	-1.37	-0.46	8.6E-05	-1.54	-0.63	4.9E-08
Uap1	3684	1.53	0.61	3.0E-21	1.57	0.65	1.3E-23
Uap111	256	1.74	0.80	2.8E-04	1.61	0.69	1.9E-03
Uba3	8246	-1.44	-0.52	5.7E-13	-1.39	-0.48	5.2E-11
Uba6	7911	1.57	0.65	3.3E-07	1.73	0.79	4.1E-10
Ubald2	2110	-1.46	-0.54	2.5E-06	-1.49	-0.58	5.6E-07
Ubap1l	237	1.70	0.77	8.2E-03	1.81	0.85	3.1E-03
Ubc	10057	-1.43	-0.51	4.2E-05	-1.48	-0.57	5.3E-06
Ube2a	2741	1.40	0.48	2.9E-17	1.37	0.46	1.6E-15
Ube2b	11470	1.23	0.29	4.3E-05	1.30	0.38	9.8E-08
Ube2c	4290	-1.50	-0.59	7.6E-03	-1.83	-0.87	5.3E-05
Ube2cbp	200	-3.11	-1.64	4.5E-42	-3.55	-1.83	6.6E-51
Ube2e1	7281	-1.22	-0.29	4.0E-04	-1.27	-0.34	3.0E-05
Ube2e3	10363	-1.66	-0.73	1.5E-17	-1.67	-0.74	8.3E-18
Ube2f	3212	1.50	0.58	5.2E-11	1.47	0.56	3.4E-10
Ube2g2	3007	1.26	0.33	7.3E-06	1.14	0.19	1.5E-02
Ube2h	11325	1.37	0.46	7.8E-08	1.29	0.37	1.7E-05
Ube2o	8269	1.43	0.51	1.4E-05	1.38	0.46	1.1E-04
Ube2q2	4081	-1.35	-0.43	4.0E-10	-1.35	-0.43	4.3E-10
Ube2r2	10444	-1.71	-0.77	6.9E-12	-1.90	-0.92	1.7E-16
Ube2t	1563	1.73	0.79	2.6E-09	1.79	0.84	2.4E-10
Ube4a	11712	1.28	0.36	3.1E-04	1.36	0.44	6.1E-06
Ubfd1	7495	-1.31	-0.39	4.1E-12	-1.40	-0.49	7.8E-18
Ubiad1	958	-1.55	-0.64	9.6E-14	-1.57	-0.65	2.8E-14
Ubl3	3853	1.39	0.47	1.1E-07	1.29	0.37	3.5E-05
Ubl4a	2918	-1.34	-0.42	7.1E-10	-1.46	-0.55	5.3E-16
Ubr1	5748	-1.47	-0.56	1.3E-06	-1.37	-0.46	9.7E-05
Ubr2	9577	1.35	0.43	6.4E-06	1.42	0.51	1.0E-07
Ubr7	8587	1.71	0.77	5.4E-13	1.62	0.70	8.9E-11
Ubtd1	757	2.09	1.07	3.7E-16	2.12	1.09	1.3E-16
Ubtf	9942	-1.99	-0.99	8.7E-27	-2.23	-1.16	8.1E-36
Ubxn2a	2682	1.25	0.32	2.4E-02	1.33	0.41	2.9E-03
Ubxn2b	5075	1.54	0.62	2.9E-12	1.62	0.70	4.4E-15
Ubxn6	2946	-1.51	-0.60	1.2E-11	-1.49	-0.58	5.6E-11
Ubxn8	490	-7.75	-2.95	8.8E-112	-7.39	-2.88	1.2E-106
Uchl3	4070	1.67	0.74	4.3E-19	1.67	0.74	4.6E-19
Uchl4	105	1.87	0.90	1.2E-09	2.01	1.00	1.5E-11
Uchl5	3391	1.57	0.65	3.6E-08	1.46	0.55	4.5E-06
Uck1	2727	1.26	0.33	7.3E-06	1.13	0.18	2.0E-02
Uck1l	1542	-1.48	-0.57	9.1E-16	-1.49	-0.58	3.9E-16



Ucp2	2830	1.51	0.59	4.2E-03	1.42	0.50	1.7E-02
Ufc1	3001	-1.94	-0.96	5.4E-36	-2.04	-1.03	1.3E-41
Ufsp1	264	1.62	0.70	2.3E-09	1.68	0.75	1.6E-10
Ugp2	6285	1.28	0.36	1.7E-05	1.29	0.37	9.7E-06
Ugt8a	813	2.52	1.33	4.0E-35	2.56	1.36	2.3E-36
Uhrf1bp1	5571	1.70	0.76	1.2E-21	1.77	0.82	6.7E-25
Uhrf1bp1l	5392	-1.39	-0.48	3.5E-08	-1.33	-0.41	2.7E-06
Ulk2	9553	-1.51	-0.59	1.5E-11	-1.47	-0.55	2.5E-10
Umad1	1184	1.46	0.55	2.0E-07	1.45	0.54	3.1E-07
Unc119b	6746	1.58	0.66	2.0E-09	1.48	0.57	2.9E-07
Unc13a	10790	2.41	1.27	2.4E-07	2.38	1.25	4.1E-07
Unc45a	4861	1.35	0.43	4.8E-07	1.28	0.36	3.2E-05
Unc5a	1158	1.98	0.98	4.3E-05	1.85	0.89	2.5E-04
Unc5b	3707	1.69	0.75	4.9E-08	1.41	0.50	4.4E-04
Unc5c	4631	-2.20	-1.14	1.5E-06	-1.86	-0.89	2.1E-04
Unc79	2448	-2.25	-1.17	1.4E-06	-2.15	-1.10	5.9E-06
Unk	3649	-1.40	-0.48	8.9E-05	-1.49	-0.57	2.8E-06
Upf2	7646	1.31	0.39	1.6E-13	1.39	0.47	5.9E-19
Upf3a	2232	-3.26	-1.71	8.0E-86	-3.40	-1.77	6.6E-92
Upk1a	133	2.95	1.56	3.4E-19	2.50	1.32	4.4E-14
Uqcc1	2275	-1.52	-0.60	4.2E-23	-1.57	-0.65	4.6E-27
Uqcc2	2157	-1.35	-0.43	5.0E-05	-1.37	-0.46	1.6E-05
Uqcc3	785	-1.36	-0.44	8.8E-07	-1.40	-0.48	7.0E-08
Uqcrb	3751	-1.34	-0.43	7.5E-03	-1.42	-0.51	1.4E-03
Uqcrh	9072	1.28	0.36	8.7E-05	1.25	0.32	4.4E-04
Urb1	3093	1.42	0.51	3.4E-06	1.57	0.65	2.1E-09
Urb2	3004	1.44	0.53	1.9E-06	1.41	0.50	8.9E-06
Uri1	5183	1.50	0.58	1.2E-15	1.39	0.47	1.6E-10
Urod	3339	1.71	0.77	1.1E-11	1.61	0.69	1.6E-09
Use1	2661	-1.34	-0.42	9.7E-08	-1.34	-0.43	6.6E-08
Usf1	5916	-1.47	-0.56	1.8E-05	-1.62	-0.70	5.7E-08
Usf2	2029	-1.74	-0.80	3.3E-12	-1.88	-0.91	1.9E-15
Ush1c	115	-1.37	-0.46	1.6E-02	-1.34	-0.43	2.8E-02
Ushbp1	371	-3.20	-1.68	8.6E-47	-3.17	-1.66	6.6E-46
Usp11	13046	1.26	0.34	5.7E-07	1.22	0.29	2.0E-05
Usp13	1190	-1.49	-0.58	2.3E-06	-1.35	-0.44	4.6E-04
Usp14	10421	1.31	0.39	1.2E-07	1.33	0.41	2.0E-08
Usp15	8350	1.26	0.33	6.5E-04	1.37	0.46	1.2E-06
Usp2	685	3.08	1.62	1.5E-34	2.78	1.47	1.2E-28
Usp20	5012	2.30	1.20	1.5E-40	2.23	1.16	1.3E-37
Usp21	4076	-1.53	-0.62	4.4E-09	-1.66	-0.73	1.7E-12
Usp22	27317	-1.36	-0.45	5.6E-09	-1.40	-0.49	1.4E-10
Usp24	8094	-1.71	-0.78	5.3E-10	-1.50	-0.59	3.4E-06
Usp25	5073	2.37	1.24	2.8E-63	2.35	1.23	5.5E-62
Usp28	6957	2.12	1.09	5.1E-79	2.10	1.07	4.8E-77
Usp3	8060	-1.23	-0.30	6.0E-04	-1.25	-0.32	3.4E-04
Usp30	2549	1.25	0.33	4.6E-09	1.15	0.20	3.5E-04

Usp31	5042	1.47	0.56	1.8E-11	1.50	0.59	1.4E-12
Usp32	9161	1.40	0.49	6.1E-04	1.53	0.62	1.1E-05
Usp33	11847	1.48	0.57	4.7E-12	1.59	0.67	4.6E-16
Usp35	1336	1.64	0.71	6.1E-10	1.60	0.68	3.8E-09
Usp37	6619	1.24	0.31	1.9E-04	1.27	0.34	2.9E-05
Usp38	5289	1.70	0.76	1.1E-20	1.66	0.73	7.2E-19
Usp40	3424	-2.32	-1.21	7.0E-40	-2.22	-1.15	9.6E-36
Usp42	4880	-1.28	-0.36	3.5E-07	-1.30	-0.38	7.6E-08
Usp44	751	4.63	2.21	5.9E-11	3.59	1.84	6.3E-08
Usp45	4065	1.41	0.50	1.6E-14	1.43	0.52	1.5E-15
Usp46	4586	-1.27	-0.34	5.8E-06	-1.27	-0.34	8.0E-06
Usp53	1386	1.88	0.91	2.2E-17	2.11	1.08	8.6E-24
Usp6nl	3130	-2.07	-1.05	1.3E-51	-2.11	-1.08	1.1E-54
Ust	474	-1.35	-0.43	7.4E-03	-1.37	-0.45	5.0E-03
Utp11	3414	1.38	0.46	2.5E-06	1.28	0.36	3.6E-04
Utp18	4018	1.37	0.45	4.1E-08	1.36	0.45	6.1E-08
Utp20	4019	-2.06	-1.05	9.2E-13	-1.93	-0.95	1.1E-10
Utp4	4066	1.86	0.90	2.3E-20	1.73	0.79	3.7E-16
Uty	1375	-1.36	-0.44	5.2E-03	-13.29	-3.73	3.2E-05
Uvrag	2289	1.82	0.86	2.5E-64	1.79	0.84	5.4E-60
Uxt	528	-1.44	-0.52	2.2E-04	-1.55	-0.63	7.9E-06
Vamp1	1657	2.02	1.02	4.1E-65	2.02	1.01	7.9E-64
Vamp3	6118	1.30	0.38	3.5E-03	1.24	0.31	1.9E-02
Vamp4	3673	1.31	0.39	2.6E-09	1.35	0.43	4.3E-11
Vash2	4450	-1.60	-0.68	4.1E-16	-1.68	-0.75	3.5E-19
Vasp	4288	1.59	0.67	2.0E-11	1.42	0.51	7.1E-07
Vat1	12488	1.45	0.53	1.6E-10	1.38	0.47	2.5E-08
Vat1l	5770	1.53	0.61	6.7E-06	1.50	0.58	1.8E-05
Vav1	117	-1.38	-0.46	3.5E-02	-1.62	-0.69	1.2E-03
Vav2	6464	1.31	0.39	5.9E-03	1.24	0.31	3.0E-02
Vav3	2170	-1.51	-0.60	3.7E-06	-1.57	-0.65	4.5E-07
Vcam1	4798	-1.63	-0.71	1.6E-10	-1.44	-0.52	3.8E-06
Vcan	34687	-2.25	-1.17	5.8E-07	-1.76	-0.82	6.3E-04
Vcl	8570	2.09	1.06	1.1E-06	2.17	1.12	2.8E-07
Vcpip1	8251	1.31	0.39	5.6E-07	1.40	0.48	4.3E-10
Vdac2	11384	1.29	0.37	5.2E-10	1.26	0.34	1.6E-08
Vdr	170	6.19	2.63	1.5E-10	6.71	2.75	2.3E-11
Vegfc	373	-1.52	-0.60	4.0E-06	-1.73	-0.79	1.1E-09
Vegfd	111	-2.21	-1.14	2.6E-04	-1.91	-0.93	3.5E-03
Veph1	1252	-1.73	-0.79	5.9E-03	-1.74	-0.80	5.8E-03
Vgf	190	1.87	0.91	1.4E-02	1.83	0.88	1.9E-02
Vgl3	1101	-2.49	-1.31	1.0E-02	-2.14	-1.10	3.7E-02
Vipr1	150	2.57	1.36	7.5E-14	2.99	1.58	5.9E-18
Vipr2	289	-1.86	-0.90	1.9E-07	-2.05	-1.04	1.9E-09
Vkorc1l1	7992	1.53	0.61	1.1E-25	1.45	0.53	1.1E-19
Vmac	1606	2.18	1.13	3.7E-66	2.08	1.06	5.6E-58
Vmn2r1	117	2.46	1.30	4.1E-11	2.12	1.08	6.0E-08

Vps13a	5354	1.76	0.81	7.0E-05	2.20	1.14	1.5E-08
Vps26a	6362	1.62	0.70	6.2E-16	1.58	0.66	1.8E-14
Vps26b	9586	1.26	0.33	3.4E-03	1.24	0.31	7.0E-03
Vps26c	3950	1.43	0.51	1.7E-08	1.44	0.53	6.1E-09
Vps29	6144	1.38	0.47	9.3E-24	1.38	0.46	3.1E-23
Vps33b	2467	1.31	0.39	5.2E-08	1.22	0.29	9.5E-05
Vps35	18421	1.29	0.37	3.1E-04	1.40	0.48	2.1E-06
Vps35l	4929	-1.46	-0.54	8.7E-19	-1.47	-0.55	2.0E-19
Vps36	4977	-1.35	-0.43	2.0E-10	-1.37	-0.45	2.6E-11
Vps37a	6721	1.35	0.44	2.1E-05	1.49	0.58	1.3E-08
Vps37c	1601	-1.27	-0.34	8.9E-03	-1.31	-0.39	3.0E-03
Vps37d	1406	-1.31	-0.39	5.7E-03	-1.36	-0.44	1.6E-03
Vps51	1271	-3.16	-1.66	6.0E-135	-3.40	-1.76	3.2E-151
Vps52	3466	-1.62	-0.70	1.6E-20	-1.70	-0.76	1.9E-24
Vps54	4716	-1.45	-0.53	6.4E-15	-1.48	-0.56	1.7E-16
Vps72	5730	-1.33	-0.41	5.0E-05	-1.50	-0.59	5.3E-09
Vps9d1	2534	-1.71	-0.77	4.3E-12	-1.72	-0.79	2.0E-12
Vrk2	424	-1.79	-0.84	8.5E-05	-2.08	-1.06	5.4E-07
Vsig10l	394	1.53	0.62	2.3E-06	1.60	0.68	1.9E-07
Vsig2	161	-1.76	-0.81	2.3E-04	-1.71	-0.78	5.1E-04
Vstm4	264	-2.96	-1.56	4.6E-12	-2.83	-1.50	3.9E-11
Vstm5	205	-4.50	-2.17	2.4E-12	-4.02	-2.01	1.1E-10
Vti1a	2058	-1.33	-0.42	5.7E-14	-1.40	-0.49	6.7E-19
Vwa7	164	2.50	1.32	6.6E-09	2.60	1.38	1.4E-09
Vwa8	1662	-1.47	-0.56	2.9E-07	-1.44	-0.52	1.8E-06
Vwc2	211	-1.72	-0.78	3.9E-03	-1.68	-0.75	5.7E-03
Vxn	1156	-4.08	-2.03	1.5E-19	-2.83	-1.50	3.7E-11
Wac	11365	-1.34	-0.42	1.4E-10	-1.38	-0.47	6.3E-13
Wars2	727	-2.89	-1.53	7.0E-44	-2.81	-1.49	2.8E-41
Wasf2	4611	-1.24	-0.31	1.9E-02	-1.28	-0.35	7.1E-03
Wasf3	6105	1.63	0.70	2.9E-13	1.60	0.68	1.6E-12
Washc1	2899	1.26	0.33	2.3E-05	1.22	0.29	2.5E-04
Washc3	649	-2.80	-1.49	4.5E-86	-2.60	-1.38	7.7E-75
Wbp1l	5892	1.39	0.47	4.1E-06	1.25	0.32	2.6E-03
Wbp2	3393	-2.33	-1.22	2.3E-16	-2.43	-1.28	4.9E-18
Wdcp	2022	2.28	1.19	2.9E-55	2.28	1.19	3.6E-55
Wdfy2	5610	1.96	0.97	6.9E-52	1.94	0.96	4.1E-50
Wdfy3	12067	-2.06	-1.04	5.2E-11	-1.89	-0.92	8.4E-09
Wdhd1	6475	1.28	0.35	8.2E-03	1.25	0.32	1.9E-02
Wdr11	4595	-1.81	-0.86	1.8E-46	-1.82	-0.87	1.7E-47
Wdr12	4641	1.83	0.87	5.5E-35	1.92	0.94	3.0E-40
Wdr13	8043	-1.78	-0.83	1.3E-07	-1.71	-0.78	9.4E-07
Wdr17	1605	2.56	1.36	5.7E-20	2.70	1.43	4.0E-22
Wdr19	3611	1.74	0.80	7.4E-16	1.89	0.92	1.1E-20
Wdr25	391	-1.55	-0.64	3.9E-08	-1.48	-0.57	1.2E-06
Wdr35	4986	1.52	0.61	9.1E-16	1.59	0.67	5.0E-19
Wdr37	9100	1.39	0.48	1.9E-13	1.40	0.49	8.7E-14

Wdr4	3027	-1.43	-0.52	2.4E-11	-1.47	-0.55	9.8E-13
Wdr41	1513	-2.70	-1.43	1.1E-116	-2.73	-1.45	2.1E-118
Wdr44	1568	1.53	0.61	3.7E-06	1.62	0.70	1.0E-07
Wdr46	2803	1.68	0.75	1.6E-08	1.49	0.57	2.3E-05
Wdr47	10290	1.40	0.48	3.9E-04	1.49	0.58	1.8E-05
Wdr5	6808	1.51	0.59	2.2E-11	1.34	0.42	3.1E-06
Wdr53	599	-1.23	-0.30	7.1E-04	-1.36	-0.45	2.2E-07
Wdr54	840	1.93	0.95	1.5E-30	1.83	0.87	6.1E-26
Wdr55	1636	1.26	0.33	3.2E-04	1.15	0.20	4.0E-02
Wdr5b	920	-1.34	-0.42	3.0E-07	-1.33	-0.41	4.2E-07
Wdr61	3886	1.27	0.34	3.8E-04	1.22	0.28	3.6E-03
Wdr62	2137	2.25	1.17	1.2E-11	2.09	1.06	1.1E-09
Wdr70	3264	1.29	0.37	7.6E-05	1.20	0.26	6.2E-03
Wdr73	2484	-1.25	-0.32	8.8E-07	-1.28	-0.35	8.9E-08
Wdr81	2430	1.35	0.44	9.5E-04	1.29	0.36	6.8E-03
Wdr89	276	-1.35	-0.43	1.2E-03	-1.54	-0.62	2.7E-06
Wdr90	4465	1.25	0.32	1.3E-02	1.21	0.28	3.6E-02
Wdr91	1831	1.32	0.40	1.1E-06	1.30	0.37	7.5E-06
Wdte1	5520	1.51	0.59	8.7E-10	1.48	0.56	5.4E-09
Wfikn2	650	-2.09	-1.06	3.8E-08	-2.16	-1.11	9.2E-09
Wfs1	1305	2.41	1.27	1.1E-34	2.24	1.17	2.2E-29
Whamm	896	1.53	0.61	3.7E-14	1.49	0.57	2.4E-12
Whrn	3196	2.42	1.27	4.7E-23	2.30	1.20	1.4E-20
Wipf1	1705	-1.80	-0.84	2.2E-07	-1.74	-0.80	1.1E-06
Wipi1	3596	3.00	1.58	1.7E-38	3.18	1.67	1.4E-42
Wipi2	9643	1.70	0.76	4.7E-49	1.64	0.72	3.4E-43
Wiz	7689	-1.39	-0.48	5.8E-04	-1.54	-0.63	4.7E-06
Wnt10b	116	-3.73	-1.90	2.4E-03	-3.29	-1.72	6.8E-03
Wnt16	127	2.71	1.44	1.2E-03	3.13	1.65	2.0E-04
Wnt3a	207	-3.64	-1.87	1.6E-12	-4.01	-2.01	2.7E-14
Wnt5a	3387	-2.78	-1.47	5.2E-10	-2.58	-1.36	1.0E-08
Wnt6	289	-2.44	-1.29	1.2E-03	-2.42	-1.27	1.5E-03
Wnt7b	4194	-1.68	-0.75	1.4E-06	-1.97	-0.98	1.5E-10
Wrap53	1991	1.84	0.88	9.0E-26	1.71	0.78	4.0E-20
Wrap73	1836	1.40	0.49	1.7E-09	1.22	0.29	5.2E-04
Wrnip1	3529	1.26	0.33	2.6E-08	1.24	0.31	1.2E-07
Wsb1	31033	-1.42	-0.50	6.3E-08	-1.35	-0.44	2.8E-06
Wsb2	6503	1.26	0.33	2.9E-03	1.25	0.33	3.6E-03
Wscd2	862	-1.38	-0.47	2.0E-04	-1.46	-0.55	1.0E-05
Wtap	8523	-1.26	-0.34	2.5E-07	-1.29	-0.37	1.5E-08
Wtip	1084	-1.27	-0.35	4.2E-05	-1.27	-0.34	7.8E-05
Wwc1	4810	1.26	0.34	4.4E-03	1.19	0.25	3.7E-02
Wwc2	4495	1.48	0.56	1.0E-12	1.56	0.64	4.6E-16
Wwox	842	1.32	0.40	4.9E-07	1.23	0.30	1.8E-04
Wwp2	6670	-2.23	-1.16	1.8E-10	-2.10	-1.07	4.5E-09
Wwtr1	5460	1.26	0.34	8.3E-04	1.28	0.36	3.5E-04
Xab2	4342	1.25	0.32	4.8E-04	1.14	0.19	4.6E-02

Xiap	8307	-2.01	-1.01	1.3E-27	-1.94	-0.95	9.2E-25
Xkr5	243	-3.20	-1.68	1.5E-12	-3.41	-1.77	8.9E-14
Xkr8	646	1.50	0.59	9.8E-11	1.48	0.56	5.6E-10
Xndc1	858	-2.03	-1.02	1.1E-16	-2.04	-1.03	7.6E-17
Xpc	3233	1.40	0.49	2.2E-17	1.41	0.49	1.2E-17
Xpnpep3	1957	1.35	0.43	3.4E-11	1.38	0.47	3.8E-13
Xpo5	13073	1.26	0.34	7.1E-05	1.23	0.30	4.9E-04
Xpr1	27946	1.49	0.58	2.8E-03	1.53	0.61	1.6E-03
Xrcc3	1217	2.47	1.31	1.3E-12	2.08	1.06	1.1E-08
Xrcc4	489	-2.16	-1.11	6.9E-21	-2.06	-1.05	1.2E-18
Xrcc5	2588	-1.57	-0.65	4.3E-05	-1.59	-0.66	2.8E-05
Xrcc6	3705	1.36	0.45	7.6E-09	1.32	0.40	2.1E-07
Xylb	865	1.56	0.64	1.1E-06	1.42	0.51	1.4E-04
Xylt1	2099	-1.27	-0.35	3.2E-03	-1.23	-0.30	1.2E-02
Yap1	9174	-1.70	-0.77	7.7E-08	-1.87	-0.91	1.9E-10
Yars	8078	1.34	0.42	1.8E-12	1.25	0.32	1.3E-07
Yars2	1086	-1.42	-0.51	6.4E-09	-1.46	-0.54	4.8E-10
Ybey	491	-1.40	-0.48	8.1E-06	-1.41	-0.49	6.0E-06
Ybx2	3335	3.88	1.96	6.2E-95	3.51	1.81	1.6E-81
Ydjc	543	1.59	0.67	1.5E-04	1.71	0.78	1.0E-05
Yeats2	8743	-1.43	-0.51	3.0E-18	-1.38	-0.47	3.4E-15
Yeats4	4533	-1.86	-0.89	8.7E-17	-2.01	-1.01	3.6E-21
Yes1	4825	1.51	0.59	1.1E-17	1.57	0.65	5.0E-21
Yif1a	1279	1.27	0.35	4.9E-03	1.23	0.30	1.6E-02
Yif1b	1218	1.31	0.39	1.2E-03	1.22	0.29	1.9E-02
Yipf2	599	-2.35	-1.23	2.0E-69	-2.61	-1.38	1.0E-84
Yju2	895	-1.78	-0.83	4.2E-13	-2.05	-1.04	7.8E-20
Ykt6	11959	1.26	0.33	1.3E-11	1.18	0.23	2.1E-06
Ypel1	3603	-2.07	-1.05	1.8E-23	-2.22	-1.15	6.7E-28
Ypel2	2360	1.79	0.84	2.5E-16	1.70	0.77	8.8E-14
Ypel4	1375	-1.46	-0.55	2.8E-03	-1.47	-0.56	2.4E-03
Yrdc	1773	1.36	0.45	3.4E-06	1.25	0.32	1.0E-03
Ythdf1	7205	1.29	0.36	1.3E-08	1.17	0.23	4.9E-04
Ythdf2	7904	-1.24	-0.31	9.2E-05	-1.30	-0.38	1.2E-06
Ywhae	73412	-1.26	-0.33	1.0E-04	-1.36	-0.44	1.2E-07
Ywhah	13565	-1.43	-0.51	6.0E-11	-1.48	-0.56	6.1E-13
Ywhaz	43502	-1.35	-0.43	1.8E-10	-1.44	-0.52	9.7E-15
Zadh2	2087	-1.20	-0.26	2.4E-02	-1.26	-0.33	4.1E-03
Zbed3	1723	-1.61	-0.69	4.8E-09	-1.79	-0.84	7.4E-13
Zbtb1	2234	-1.99	-0.99	8.5E-51	-1.95	-0.96	2.8E-47
Zbtb11	3024	1.25	0.33	1.9E-05	1.21	0.28	3.5E-04
Zbtb14	2587	-1.41	-0.49	4.6E-08	-1.42	-0.50	2.8E-08
Zbtb16	881	1.86	0.89	2.2E-04	1.70	0.77	1.7E-03
Zbtb17	2743	-1.51	-0.59	6.5E-11	-1.67	-0.74	2.3E-16
Zbtb2	1344	-1.87	-0.91	8.7E-24	-1.93	-0.95	6.9E-26
Zbtb20	6592	-2.52	-1.34	2.0E-14	-2.13	-1.09	5.5E-10
Zbtb22	1772	-1.42	-0.51	9.5E-09	-1.61	-0.68	5.0E-15

Zbtb3	300	-1.92	-0.94	2.2E-18	-2.02	-1.02	6.3E-21
Zbtb34	3174	1.49	0.57	2.2E-08	1.39	0.47	5.2E-06
Zbtb38	1457	-2.16	-1.11	1.2E-07	-2.01	-1.00	1.9E-06
Zbtb4	1452	-1.33	-0.41	1.2E-02	-1.28	-0.36	3.1E-02
Zbtb40	1435	-2.92	-1.55	5.0E-38	-2.90	-1.54	1.7E-37
Zbtb41	8934	1.24	0.31	1.4E-02	1.30	0.38	2.3E-03
Zbtb42	494	2.41	1.27	7.3E-19	2.05	1.03	6.8E-13
Zbtb43	3435	1.28	0.36	4.0E-10	1.30	0.37	4.7E-11
Zbtb45	1207	-1.77	-0.82	2.6E-09	-2.04	-1.03	4.1E-14
Zbtb46	2860	2.14	1.10	1.4E-36	2.06	1.04	3.8E-33
Zbtb48	1459	1.44	0.52	3.3E-06	1.30	0.38	9.0E-04
Zbtb7b	537	3.27	1.71	8.3E-13	3.09	1.63	1.1E-11
Zbtb8a	612	-1.85	-0.89	9.5E-22	-1.83	-0.88	3.9E-21
Zbtb8b	664	1.84	0.88	4.7E-05	2.13	1.09	3.7E-07
Zbtb9	266	2.03	1.02	2.2E-13	1.74	0.80	9.6E-09
Zc2hc1a	7340	1.36	0.44	1.8E-04	1.46	0.54	2.6E-06
Zc2hc1c	202	2.08	1.06	2.2E-19	2.14	1.10	9.6E-21
Zc3h13	11899	1.31	0.39	7.1E-07	1.33	0.41	1.5E-07
Zc3h14	13241	1.26	0.33	8.9E-04	1.27	0.35	4.2E-04
Zc3h4	6993	-2.62	-1.39	3.8E-24	-2.79	-1.48	3.1E-27
Zc3h7a	9457	1.21	0.27	1.6E-05	1.31	0.39	2.5E-10
Zc3h7b	14482	-1.61	-0.69	1.3E-07	-1.74	-0.80	6.6E-10
Zc3hav1l	4136	-2.46	-1.30	1.6E-65	-2.57	-1.36	2.9E-72
Zc4h2	3787	-1.58	-0.66	3.2E-08	-1.49	-0.58	1.5E-06
Zcchc10	635	-1.73	-0.79	1.1E-09	-1.94	-0.96	1.1E-13
Zcchc12	7495	1.59	0.67	3.2E-05	1.57	0.65	5.4E-05
Zcchc17	3503	1.44	0.52	9.5E-19	1.43	0.52	2.3E-18
Zcchc18	5879	-1.24	-0.31	4.3E-02	-1.28	-0.36	1.8E-02
Zcchc2	2689	2.15	1.10	7.1E-52	2.10	1.07	8.3E-49
Zcchc4	1442	-1.78	-0.83	1.9E-32	-1.78	-0.83	1.8E-32
Zcchc9	1816	-1.54	-0.63	5.8E-21	-1.63	-0.71	2.2E-26
Zdbf2	13706	1.60	0.68	8.1E-06	1.55	0.64	3.2E-05
Zdhhc12	777	2.01	1.01	5.3E-18	1.79	0.84	8.5E-13
Zdhhc13	2682	1.37	0.46	1.4E-08	1.41	0.50	5.4E-10
Zdhhc17	6534	-1.62	-0.69	6.5E-10	-1.51	-0.59	1.7E-07
Zdhhc20	8506	1.29	0.37	4.4E-11	1.35	0.44	5.1E-15
Zdhhc23	462	2.03	1.02	5.3E-06	2.05	1.03	4.3E-06
Zdhhc24	1564	1.37	0.46	5.8E-10	1.31	0.39	2.0E-07
Zdhhc3	6586	-1.23	-0.29	1.3E-09	-1.28	-0.36	6.3E-14
Zdhhc4	1491	-1.24	-0.31	1.4E-07	-1.29	-0.37	2.6E-10
Zeb2	8459	-2.12	-1.08	3.6E-24	-1.99	-0.99	1.9E-20
Zfand4	1432	1.58	0.66	1.7E-07	1.49	0.57	5.8E-06
Zfand5	13265	-1.26	-0.33	5.6E-05	-1.32	-0.40	1.5E-06
Zfand6	11669	1.41	0.50	1.4E-15	1.45	0.54	4.4E-18
Zfat	427	-7.05	-2.82	1.4E-91	-7.47	-2.90	5.4E-97
Zfc3h1	13100	1.57	0.65	3.4E-09	1.78	0.83	2.6E-14
Zfhx3	8229	-1.96	-0.97	5.0E-07	-2.12	-1.08	1.8E-08



Zfhx4	12364	-3.17	-1.67	8.0E-49	-2.88	-1.53	4.2E-41
Zfp1	1240	-1.54	-0.63	2.7E-13	-1.60	-0.67	3.5E-15
Zfp105	1673	-1.52	-0.61	5.6E-11	-1.74	-0.80	4.1E-18
Zfp111	1581	-1.63	-0.71	3.6E-24	-1.70	-0.76	1.3E-27
Zfp113	3507	-1.47	-0.56	1.7E-12	-1.48	-0.56	8.7E-13
Zfp114	275	-2.22	-1.15	4.5E-11	-1.74	-0.80	6.5E-06
Zfp119b	356	-1.39	-0.48	2.9E-06	-1.46	-0.55	6.0E-08
Zfp142	3811	1.49	0.57	1.3E-10	1.50	0.59	3.5E-11
Zfp146	7965	-1.58	-0.66	1.2E-20	-1.58	-0.66	1.6E-20
Zfp157	6202	-1.42	-0.50	1.6E-07	-1.34	-0.42	1.6E-05
Zfp169	1064	1.39	0.48	4.3E-02	1.59	0.67	3.8E-03
Zfp174	639	1.29	0.37	1.3E-02	1.38	0.47	1.6E-03
Zfp180	3261	-1.35	-0.44	2.5E-11	-1.42	-0.51	7.7E-15
Zfp182	1697	-1.34	-0.42	1.1E-04	-1.22	-0.29	1.1E-02
Zfp189	1767	1.27	0.35	8.8E-06	1.35	0.43	2.1E-08
Zfp2	2785	-1.82	-0.87	4.0E-12	-1.70	-0.77	1.0E-09
Zfp217	3397	1.49	0.58	4.7E-07	1.40	0.49	2.2E-05
Zfp219	6817	-1.67	-0.74	9.0E-07	-1.93	-0.95	1.9E-10
Zfp229	1688	-1.42	-0.51	6.5E-11	-1.38	-0.46	4.1E-09
Zfp236	3882	-2.20	-1.14	2.2E-26	-2.06	-1.05	1.8E-22
Zfp24	7979	-1.61	-0.69	3.4E-15	-1.57	-0.65	7.0E-14
Zfp248	1254	-1.37	-0.46	3.9E-11	-1.35	-0.43	4.0E-10
Zfp251	5453	1.39	0.48	2.0E-25	1.34	0.42	3.6E-20
Zfp26	5885	-1.37	-0.46	9.3E-07	-1.27	-0.34	3.8E-04
Zfp260	8170	-1.84	-0.88	2.3E-32	-1.78	-0.83	1.5E-28
Zfp267	3366	1.24	0.32	3.6E-03	1.35	0.44	3.8E-05
Zfp273	716	-1.74	-0.80	9.4E-11	-1.62	-0.70	2.0E-08
Zfp276	2602	1.25	0.33	2.1E-05	1.23	0.30	1.2E-04
Zfp277	3025	1.93	0.95	1.8E-21	1.97	0.97	1.1E-22
Zfp280c	4253	-1.45	-0.54	2.4E-07	-1.42	-0.51	1.3E-06
Zfp280d	6356	-1.86	-0.89	1.0E-25	-1.89	-0.92	4.0E-27
Zfp282	3474	-1.38	-0.46	1.4E-07	-1.46	-0.54	5.9E-10
Zfp286	2098	-1.37	-0.45	5.1E-07	-1.28	-0.35	1.2E-04
Zfp292	13697	-1.64	-0.71	1.3E-05	-1.38	-0.46	6.2E-03
Zfp317	5125	-1.25	-0.33	1.9E-08	-1.19	-0.25	1.6E-05
Zfp324	2240	1.26	0.34	3.0E-07	1.32	0.40	8.7E-10
Zfp326	7224	-1.36	-0.44	1.2E-07	-1.41	-0.49	2.3E-09
Zfp334	5954	-1.29	-0.36	5.0E-06	-1.35	-0.43	5.6E-08
Zfp335	2346	-1.52	-0.60	1.9E-09	-1.57	-0.65	8.3E-11
Zfp341	517	-4.29	-2.10	1.6E-34	-4.49	-2.17	1.1E-36
Zfp346	3584	1.60	0.68	1.1E-40	1.57	0.65	2.7E-37
Zfp358	2672	-1.56	-0.64	1.6E-17	-1.64	-0.71	2.2E-21
Zfp362	4782	-2.00	-1.00	1.5E-10	-2.34	-1.23	2.6E-15
Zfp366	402	-1.69	-0.75	2.8E-07	-1.69	-0.76	2.2E-07
Zfp36l1	11177	-1.39	-0.47	3.7E-03	-1.58	-0.66	3.6E-05
Zfp36l2	2849	-1.35	-0.43	4.2E-03	-1.44	-0.53	4.3E-04
Zfp37	2948	-1.43	-0.52	3.3E-09	-1.43	-0.52	3.7E-09

Zfp383	3042	-1.69	-0.75	5.5E-32	-1.69	-0.76	1.5E-32
Zfp384	5270	-1.44	-0.53	1.0E-24	-1.46	-0.54	1.4E-25
Zfp385a	3630	1.81	0.86	1.6E-10	1.59	0.66	1.0E-06
Zfp395	2558	1.37	0.45	3.3E-03	1.33	0.41	8.1E-03
Zfp407	2262	-2.08	-1.06	6.4E-20	-1.88	-0.91	5.1E-15
Zfp414	804	-2.07	-1.05	3.5E-21	-2.37	-1.25	2.4E-29
Zfp422	9862	-1.87	-0.90	4.6E-16	-2.06	-1.04	4.5E-21
Zfp423	3023	-1.96	-0.97	2.5E-12	-2.17	-1.12	6.2E-16
Zfp428	1831	-2.44	-1.28	4.2E-15	-2.55	-1.35	1.5E-16
Zfp433	212	-2.11	-1.08	1.7E-12	-1.79	-0.84	4.9E-08
Zfp438	263	-1.94	-0.95	2.0E-19	-2.06	-1.04	1.2E-22
Zfp444	3554	1.57	0.65	4.9E-11	1.47	0.56	2.2E-08
Zfp445	23451	-1.41	-0.50	5.0E-07	-1.29	-0.36	3.6E-04
Zfp446	1546	-1.44	-0.53	1.4E-09	-1.41	-0.50	1.2E-08
Zfp451	8614	-1.33	-0.41	1.6E-04	-1.36	-0.44	5.6E-05
Zfp455	173	-2.22	-1.15	2.1E-08	-2.01	-1.01	1.1E-06
Zfp459	134	1.53	0.62	3.2E-05	1.45	0.53	3.8E-04
Zfp462	16096	-2.88	-1.53	2.8E-27	-3.04	-1.60	5.8E-30
Zfp467	1555	-3.18	-1.67	1.1E-51	-3.37	-1.75	1.1E-56
Zfp469	523	-2.88	-1.52	6.2E-06	-3.13	-1.65	1.0E-06
Zfp493	542	1.32	0.40	1.4E-07	1.38	0.47	8.8E-10
Zfp507	4725	-1.34	-0.42	2.2E-10	-1.26	-0.34	4.8E-07
Zfp51	792	-1.32	-0.40	4.1E-04	-1.22	-0.29	1.4E-02
Zfp511	1167	-1.30	-0.38	1.3E-05	-1.42	-0.51	3.1E-09
Zfp512	8309	-1.21	-0.28	5.9E-05	-1.25	-0.32	5.1E-06
Zfp512b	10518	-1.38	-0.47	4.9E-05	-1.41	-0.50	1.5E-05
Zfp513	1553	-1.52	-0.60	1.6E-09	-1.63	-0.71	1.1E-12
Zfp516	6909	1.81	0.86	5.7E-26	1.83	0.87	5.7E-27
Zfp518a	3169	-1.80	-0.85	4.4E-17	-1.61	-0.69	1.4E-11
Zfp518b	8224	-1.57	-0.66	1.4E-10	-1.62	-0.69	1.2E-11
Zfp52	451	1.84	0.88	1.7E-14	1.89	0.92	2.1E-15
Zfp521	5820	-1.89	-0.92	2.9E-72	-1.92	-0.94	1.2E-75
Zfp523	3484	-1.37	-0.45	2.9E-05	-1.42	-0.51	2.7E-06
Zfp53	877	1.26	0.33	5.6E-07	1.31	0.39	6.7E-09
Zfp532	8221	-2.91	-1.54	5.1E-64	-2.92	-1.54	4.1E-64
Zfp551	412	-1.71	-0.77	3.3E-03	-1.48	-0.57	3.5E-02
Zfp558	2187	-1.50	-0.59	1.6E-03	-1.49	-0.58	2.0E-03
Zfp560	1304	-1.89	-0.92	6.8E-13	-1.86	-0.89	2.9E-12
Zfp563	2200	-1.41	-0.50	3.2E-04	-1.35	-0.44	1.9E-03
Zfp566	616	-1.22	-0.28	1.4E-03	-1.29	-0.37	2.2E-05
Zfp57	12157	-2.06	-1.04	3.4E-10	-2.10	-1.07	9.9E-11
Zfp583	623	-2.03	-1.02	3.2E-38	-2.06	-1.05	9.0E-40
Zfp592	3247	-1.59	-0.67	1.7E-12	-1.64	-0.71	8.3E-14
Zfp593	936	1.82	0.86	1.0E-13	1.63	0.70	1.8E-09
Zfp595	469	-1.71	-0.78	4.6E-11	-1.44	-0.53	1.3E-05
Zfp60	11655	-1.35	-0.44	1.9E-05	-1.26	-0.33	1.5E-03
Zfp605	1602	-1.51	-0.59	1.2E-07	-1.43	-0.52	4.4E-06

Zfp608	6053	-1.44	-0.53	3.6E-08	-1.46	-0.54	1.4E-08
Zfp61	1983	-1.36	-0.44	8.8E-11	-1.42	-0.51	1.3E-13
Zfp612	3339	1.82	0.86	3.2E-49	1.88	0.91	1.2E-54
Zfp618	6158	-4.16	-2.06	8.9E-83	-4.04	-2.01	3.7E-79
Zfp619	823	-2.46	-1.30	4.2E-14	-2.08	-1.06	1.2E-09
Zfp62	8113	-1.41	-0.49	1.7E-10	-1.31	-0.39	6.5E-07
Zfp622	2705	1.28	0.36	6.6E-08	1.22	0.29	1.4E-05
Zfp628	968	-2.31	-1.21	7.2E-12	-2.59	-1.37	6.2E-15
Zfp637	1956	-2.07	-1.05	6.2E-64	-2.13	-1.09	2.0E-68
Zfp638	16010	-1.68	-0.75	1.4E-10	-1.43	-0.52	1.3E-05
Zfp639	3869	1.22	0.29	5.1E-06	1.25	0.32	2.9E-07
Zfp641	621	-1.59	-0.67	1.6E-03	-1.82	-0.87	3.8E-05
Zfp644	6934	-1.76	-0.81	6.7E-22	-1.61	-0.68	8.8E-16
Zfp646	5666	-1.35	-0.44	1.9E-06	-1.37	-0.45	8.0E-07
Zfp647	1177	-1.39	-0.48	1.1E-11	-1.58	-0.66	1.7E-21
Zfp651	2369	-1.33	-0.41	2.1E-03	-1.35	-0.44	1.0E-03
Zfp653	843	-1.90	-0.92	2.3E-14	-2.13	-1.09	1.1E-19
Zfp654	3734	1.28	0.36	7.1E-05	1.33	0.41	4.8E-06
Zfp661	1390	1.36	0.44	4.4E-16	1.33	0.41	4.7E-14
Zfp667	2531	2.25	1.17	3.6E-56	2.26	1.18	1.2E-56
Zfp668	2202	-1.35	-0.44	6.5E-04	-1.53	-0.61	1.1E-06
Zfp68	6844	-1.32	-0.40	3.6E-06	-1.23	-0.30	6.1E-04
Zfp687	5934	1.69	0.76	6.6E-16	1.57	0.65	6.4E-12
Zfp69	585	1.62	0.70	7.2E-18	1.67	0.74	1.3E-19
Zfp697	2635	-1.19	-0.26	2.0E-02	-1.25	-0.32	2.8E-03
Zfp7	1302	1.27	0.35	2.6E-06	1.20	0.26	6.0E-04
Zfp710	2445	-1.74	-0.80	5.0E-06	-2.06	-1.04	1.5E-09
Zfp711	4206	-1.40	-0.48	3.4E-04	-1.42	-0.50	1.8E-04
Zfp715	3122	1.27	0.35	4.4E-04	1.35	0.43	1.0E-05
Zfp729b	752	-1.26	-0.34	9.7E-04	-1.20	-0.27	1.0E-02
Zfp74	1344	-2.08	-1.05	1.5E-28	-2.20	-1.14	5.9E-33
Zfp746	2619	-1.31	-0.39	1.1E-06	-1.33	-0.42	2.6E-07
Zfp747	677	1.48	0.57	5.7E-12	1.35	0.44	1.9E-07
Zfp759	686	-1.42	-0.51	6.6E-04	-1.28	-0.35	2.2E-02
Zfp764	465	-1.27	-0.35	3.7E-04	-1.24	-0.31	1.6E-03
Zfp772	1294	2.03	1.02	7.7E-35	1.83	0.87	1.4E-25
Zfp773	1023	-2.08	-1.06	3.5E-07	-2.12	-1.08	1.9E-07
Zfp775	967	1.25	0.33	1.2E-03	1.23	0.30	3.5E-03
Zfp777	1941	-1.19	-0.25	1.8E-03	-1.31	-0.39	1.0E-06
Zfp78	400	1.98	0.98	6.7E-18	1.97	0.98	1.5E-17
Zfp781	182	-1.30	-0.38	1.6E-02	-1.25	-0.33	4.4E-02
Zfp784	254	-3.19	-1.67	3.9E-49	-3.24	-1.70	3.3E-50
Zfp787	1026	-1.54	-0.63	1.9E-10	-1.56	-0.65	5.6E-11
Zfp788	3856	-1.42	-0.51	9.6E-06	-1.40	-0.48	3.2E-05
Zfp800	1722	1.28	0.36	8.9E-05	1.28	0.36	8.5E-05
Zfp804a	553	-1.88	-0.91	3.6E-03	-1.68	-0.75	2.0E-02
Zfp808	588	-1.39	-0.48	5.6E-04	-1.41	-0.49	4.0E-04

Zfp809	728	-1.57	-0.65	2.0E-13	-1.51	-0.59	4.0E-11
Zfp810	2704	-1.94	-0.95	1.4E-35	-1.95	-0.96	4.9E-36
Zfp820	1083	1.44	0.52	2.2E-04	1.39	0.48	7.8E-04
Zfp821	5509	-1.59	-0.67	2.1E-09	-1.67	-0.74	3.3E-11
Zfp825	894	-1.43	-0.51	1.1E-08	-1.41	-0.49	3.7E-08
Zfp827	3982	-2.60	-1.38	2.6E-31	-2.52	-1.34	1.6E-29
Zfp846	3942	-1.68	-0.75	1.5E-05	-1.44	-0.53	2.7E-03
Zfp85	847	1.32	0.40	8.2E-05	1.39	0.47	2.4E-06
Zfp850	2057	1.44	0.52	1.5E-07	1.60	0.68	4.3E-12
Zfp866	5327	-1.57	-0.65	1.5E-13	-1.49	-0.57	8.0E-11
Zfp867	2057	1.41	0.50	5.4E-09	1.48	0.56	2.7E-11
Zfp868	2268	-1.31	-0.39	1.1E-06	-1.36	-0.44	3.7E-08
Zfp869	3460	-1.50	-0.58	4.6E-24	-1.46	-0.54	2.9E-21
Zfp870	1672	1.28	0.35	2.6E-06	1.28	0.36	2.0E-06
Zfp873	927	-2.50	-1.32	8.5E-34	-2.37	-1.24	7.0E-30
Zfp879	122	-2.23	-1.15	1.1E-11	-1.87	-0.90	1.9E-07
Zfp882	1714	-1.63	-0.70	8.3E-08	-1.35	-0.43	1.5E-03
Zfp9	2178	-1.28	-0.36	1.2E-03	-1.22	-0.29	9.5E-03
Zfp90	3209	-1.96	-0.97	9.3E-26	-1.96	-0.97	4.9E-26
Zfp91	10023	-1.38	-0.47	1.6E-07	-1.40	-0.49	4.5E-08
Zfp934	795	-1.37	-0.45	2.7E-04	-1.48	-0.57	4.3E-06
Zfp935	244	-1.27	-0.34	2.3E-03	-1.27	-0.34	2.6E-03
Zfp94	741	-1.41	-0.49	7.1E-11	-1.40	-0.49	8.6E-11
Zfp941	1127	1.33	0.41	3.2E-03	1.38	0.46	7.1E-04
Zfp942	2807	1.35	0.43	5.9E-07	1.42	0.51	2.4E-09
Zfp944	2350	1.73	0.79	9.7E-23	1.73	0.79	4.0E-23
Zfp946	4810	1.25	0.32	6.0E-03	1.28	0.36	2.4E-03
Zfp948	2365	1.57	0.65	2.8E-19	1.60	0.68	1.4E-20
Zfp949	1805	1.25	0.33	2.2E-04	1.32	0.40	4.4E-06
Zfp951	326	-1.64	-0.72	5.1E-05	-1.62	-0.70	9.0E-05
Zfp954	1227	1.42	0.51	2.6E-07	1.47	0.56	1.1E-08
Zfp955b	4021	1.26	0.33	6.7E-04	1.38	0.46	1.3E-06
Zfp958	1727	1.44	0.53	3.0E-12	1.53	0.61	3.9E-16
Zfp959	799	-1.44	-0.53	9.5E-09	-1.45	-0.54	6.7E-09
Zfp963	386	-1.27	-0.34	2.0E-02	-1.50	-0.59	3.9E-05
Zfp964	711	1.41	0.50	5.2E-07	1.44	0.53	8.9E-08
Zfp979	188	-2.59	-1.38	3.4E-12	-2.57	-1.36	4.8E-12
Zfp994	951	-1.27	-0.35	1.3E-03	-1.22	-0.28	9.5E-03
Zfpm1	1297	2.56	1.36	1.2E-21	2.62	1.39	1.1E-22
Zfr2	2469	1.87	0.90	1.2E-08	1.93	0.95	1.7E-09
Zfta	17016	-2.73	-1.45	7.0E-24	-2.85	-1.51	6.4E-26
Zfx	4466	-2.49	-1.32	3.9E-50	-2.46	-1.30	7.7E-49
Zfyve21	1323	1.51	0.60	4.2E-05	1.43	0.52	4.1E-04
Zfyve26	2417	-1.46	-0.55	1.9E-09	-1.33	-0.41	1.0E-05
Zfyve27	6713	1.72	0.78	2.5E-15	1.79	0.84	1.8E-17
Zfyve28	820	4.08	2.03	1.5E-44	4.12	2.04	6.1E-45
Zfyve9	3888	-2.14	-1.09	3.4E-34	-1.96	-0.97	3.5E-27

Zhx2	1383	-1.93	-0.95	2.4E-11	-1.92	-0.94	3.8E-11
Zhx3	3313	1.35	0.44	3.7E-06	1.41	0.49	1.8E-07
Zic4	6358	-1.29	-0.36	1.0E-02	-1.48	-0.56	4.5E-05
Zkscan1	8027	-1.25	-0.32	1.9E-05	-1.23	-0.30	1.1E-04
Zkscan14	596	1.34	0.43	1.1E-04	1.32	0.40	3.3E-04
Zkscan16	668	1.83	0.87	1.3E-03	2.57	1.36	2.7E-07
Zkscan6	1229	1.27	0.35	5.2E-06	1.23	0.30	8.1E-05
Zkscan8	5228	-1.59	-0.67	3.9E-06	-1.33	-0.41	5.8E-03
Zmat3	4663	1.66	0.73	2.0E-06	1.43	0.52	1.0E-03
Zmiz1	19376	-1.45	-0.53	1.1E-03	-1.53	-0.61	1.8E-04
Zmym1	2904	1.34	0.42	3.7E-07	1.40	0.48	4.0E-09
Zmym2	16595	-1.41	-0.49	2.1E-06	-1.28	-0.36	6.7E-04
Zmym3	9494	-1.27	-0.35	4.2E-03	-1.22	-0.29	1.9E-02
Zmym4	12662	-1.53	-0.61	7.8E-14	-1.45	-0.54	5.7E-11
Zmynd10	281	1.93	0.95	2.1E-08	1.80	0.85	6.3E-07
Zmynd11	13113	-1.87	-0.90	7.8E-23	-1.83	-0.87	1.8E-21
Zmynd19	5752	1.54	0.63	1.5E-18	1.44	0.52	2.8E-13
Zmynd8	7708	-1.94	-0.96	1.1E-19	-1.96	-0.97	3.1E-20
Znhit1	1396	-1.81	-0.86	2.4E-44	-1.90	-0.93	6.2E-52
Znhit3	1370	1.36	0.45	8.8E-08	1.31	0.39	5.3E-06
Znrf2	4891	1.56	0.65	1.0E-03	1.64	0.72	2.5E-04
Znrf3	1959	1.37	0.46	8.3E-07	1.24	0.32	9.1E-04
Zpr1	3319	1.27	0.34	1.2E-06	1.20	0.27	1.9E-04
Zranb1	8021	1.25	0.33	4.9E-04	1.25	0.32	7.3E-04
Zrsr2	3328	-1.37	-0.46	5.2E-13	-1.40	-0.49	7.6E-15
Zscan2	1220	-1.35	-0.43	1.2E-03	-1.34	-0.42	1.5E-03
Zscan25	830	-1.50	-0.58	2.2E-11	-1.66	-0.73	4.5E-17
Zswim3	917	1.67	0.74	3.9E-17	1.58	0.66	5.6E-14
Zswim7	190	-1.80	-0.85	3.1E-11	-1.88	-0.91	1.1E-12
Zswim8	18251	1.37	0.45	5.0E-05	1.33	0.41	2.4E-04
Zswim9	2176	-1.44	-0.52	9.9E-18	-1.44	-0.52	1.0E-17
Zw10	4754	1.31	0.39	1.1E-05	1.30	0.38	1.6E-05
Zxdb	744	-1.25	-0.32	1.8E-02	-1.26	-0.34	1.3E-02
Zxdc	2298	1.29	0.37	1.6E-05	1.32	0.40	2.8E-06
Zyx	3763	-1.29	-0.37	2.0E-02	-1.43	-0.52	7.8E-04
Zzz3	7137	-2.00	-1.00	1.4E-65	-1.97	-0.98	1.5E-62

Gene	Counts	FC	LFC	padj
2310061I04Rik	1372	-1.21	-0.27	2.32E-02
2810408A11Rik	1262	-1.30	-0.38	8.66E-03
4932438A13Rik	11118	1.78	0.83	3.05E-03
Aar2	2823	-1.11	-0.15	2.27E-03
Acaca	13162	1.26	0.34	7.94E-03
Acad11	989	1.30	0.38	1.47E-02
Acss3	1028	1.68	0.75	1.27E-02
Adamts7	3381	-1.27	-0.35	1.67E-03
Adarb2	1599	1.53	0.61	1.40E-02
Adcy5	3439	1.30	0.37	2.27E-02
Adprh	5714	-1.18	-0.24	1.15E-02
Adra1a	356	1.98	0.99	1.12E-03
Alg12	845	-1.17	-0.23	1.24E-02
Alms1	5356	1.67	0.74	1.45E-03
Amer1	4653	1.26	0.34	1.33E-02
Amot	9654	1.39	0.48	6.99E-03
Anapc13	2092	-1.46	-0.54	1.14E-02
Ankle1	1377	-1.36	-0.44	1.29E-02
Ankrd40	4320	-1.25	-0.32	1.00E-02
Ap1s1	5705	-1.13	-0.17	2.28E-02
Apcdd1	10238	-1.23	-0.30	1.59E-03
Apod	1656	-1.33	-0.41	2.16E-02
Arhgap12	7583	1.19	0.25	2.13E-03
Arl6ip4	2097	-1.21	-0.27	2.40E-02
Arpc1a	8165	-1.07	-0.10	1.14E-02
Asphd1	339	-1.56	-0.64	2.18E-02
Atm	6498	1.60	0.68	2.25E-02
Atp11a	8506	1.22	0.29	5.06E-03
Atp2b1	13439	1.24	0.31	1.94E-02
Atp5g2	5429	-1.26	-0.33	1.14E-02
Atp7a	4050	1.55	0.64	1.10E-02
Atr	6071	1.39	0.47	9.66E-03
Atrn	8254	1.27	0.35	4.53E-03
Atxn2l	14834	-1.36	-0.45	2.30E-03
Axin1	4403	-1.22	-0.29	2.88E-03
B230307C23Rik	547	1.43	0.51	1.11E-03
Babam2	1176	-1.16	-0.22	5.48E-03
Bace2	192	1.49	0.58	1.98E-02
Baz1a	3933	-1.26	-0.33	1.48E-02
Bbs7	1938	1.13	0.18	8.69E-03
Bcar3	561	-1.29	-0.37	1.38E-02
Bfar	3491	-1.11	-0.15	1.03E-02
Bloc1s5	1633	-1.10	-0.14	2.31E-02
Bod1l	10264	1.43	0.52	1.78E-04
Bola3	578	-1.45	-0.54	2.16E-04
Bsg	12872	-1.15	-0.20	1.13E-02



Bud13	1542	-1.16	-0.22	2.42E-02
Cacfd1	7691	-1.32	-0.40	2.60E-03
Cage1	218	1.32	0.40	1.34E-02
Cap2	1094	-1.22	-0.29	1.72E-02
Capn15	3377	-1.35	-0.43	1.22E-02
Ccdc71	2625	-1.15	-0.20	7.23E-03
Ccdc74a	187	-1.40	-0.49	4.05E-05
Ccna2	12858	-1.42	-0.51	8.24E-03
Cdad1	2510	1.17	0.23	7.44E-03
Cdc37l1	9737	1.43	0.52	2.16E-03
Cdc42se1	5069	-1.14	-0.19	2.37E-02
Cdc7	5452	1.11	0.15	1.46E-02
Cds1	507	1.54	0.63	1.18E-02
Cdv3	19643	-1.20	-0.26	1.17E-02
Cenpt	3556	-1.20	-0.26	1.22E-03
Cep290	3038	1.38	0.46	5.84E-03
Cep89	3001	-1.22	-0.29	6.35E-03
Cerkl	102	1.87	0.91	1.04E-04
Cers6	6953	1.33	0.41	1.77E-02
Cfap61	143	1.42	0.51	1.50E-02
Cfap91	109	-1.46	-0.55	1.34E-02
Chd1	9109	1.23	0.30	1.85E-03
Chek1	2827	-1.43	-0.52	5.06E-03
Chid1	2893	1.20	0.26	1.26E-02
Chml	2840	1.24	0.31	1.48E-02
Chpt1	2383	1.24	0.31	1.84E-02
Chtf8	106	-1.29	-0.37	1.86E-02
Ciao3	1278	-1.15	-0.21	4.13E-03
Cited2	4639	-1.28	-0.35	6.19E-03
Cldn11	1825	-1.38	-0.47	1.61E-02
Cnot3	5875	-1.22	-0.29	9.80E-03
Cnot9	6788	-1.23	-0.29	2.15E-03
Coa8	1080	-1.17	-0.23	1.93E-03
Coasy	2229	-1.13	-0.18	1.80E-02
Cog8	1756	-1.15	-0.21	1.22E-03
Col22a1	1457	-1.23	-0.30	2.31E-02
Cops7b	3301	-1.13	-0.18	2.11E-02
Cops8	5467	-1.13	-0.17	2.14E-02
Cox18	615	-1.13	-0.17	8.45E-03
Cpne8	442	-1.31	-0.39	2.17E-02
Crim1	3274	1.21	0.28	1.92E-02
Csf2rb	112	-2.31	-1.21	1.02E-03
Csgalnact2	1421	1.21	0.28	4.87E-03
Csk	5914	-1.28	-0.35	2.15E-03
Cspp1	7665	1.18	0.23	1.80E-02
Ctnna1	14712	-1.22	-0.29	2.33E-02
Cuedc1	200	-2.81	-1.49	4.97E-03

Cuedc2	5327	-1.14	-0.19	1.54E-02
Cux1	12750	-1.27	-0.35	2.56E-03
Cxxc4	8281	-1.32	-0.40	1.76E-02
Cyp2d22	450	1.36	0.45	4.99E-03
Dazap2	8566	-1.18	-0.24	2.05E-02
Dbnl	6405	-1.15	-0.20	1.78E-02
Dcakd	8709	-1.26	-0.34	8.18E-03
Dcp2	12662	1.27	0.35	6.86E-04
Dctd	1384	-1.27	-0.35	1.33E-02
Ddx23	8925	-1.24	-0.31	8.20E-04
Ddx56	2894	-1.23	-0.30	4.78E-04
Dennd1a	3407	-1.17	-0.23	1.35E-02
Diablo	756	1.27	0.34	1.10E-02
Dlgap5	3503	-1.44	-0.52	6.63E-03
Dll1	4795	-1.45	-0.54	1.69E-02
Dlx1	5903	-2.29	-1.19	2.02E-02
Dmap1	2240	-1.14	-0.19	1.73E-02
Dmd	2433	1.24	0.31	2.01E-02
Dmxl1	7691	1.56	0.65	1.04E-03
Dmxl2	9776	1.49	0.57	2.21E-02
Dnajc30	931	-1.17	-0.22	5.24E-04
Dnttip1	2157	-1.16	-0.21	1.56E-02
Dpp9	4589	-1.30	-0.38	5.91E-03
Dram2	2528	1.19	0.25	1.36E-03
Drosha	11946	-1.18	-0.24	1.22E-02
Dtx2	1336	-1.20	-0.27	1.27E-02
Dusp12	1723	-1.11	-0.15	9.41E-03
Dzip3	13882	1.21	0.27	1.98E-02
E130309D02Rik	2040	-1.32	-0.40	1.37E-03
Ece2	235	-1.48	-0.57	2.30E-02
Ecm1	556	-1.38	-0.46	4.06E-03
Eef2kmt	453	-1.31	-0.39	1.42E-03
Eif2b1	2850	-1.22	-0.28	8.64E-03
Eif2b4	2400	-1.14	-0.19	1.24E-02
Eif3d	10087	-1.15	-0.21	1.99E-02
Eif4e2	7107	-1.13	-0.18	1.76E-03
Eif4e3	838	-1.26	-0.33	1.41E-03
Eif4enif1	7426	-1.11	-0.14	2.44E-02
Eif4h	24292	-1.21	-0.28	7.54E-03
Elmod2	5783	1.21	0.28	9.14E-04
Emb	1344	-1.48	-0.57	8.14E-03
Enkur	209	1.36	0.45	5.38E-03
Enpp2	3719	1.58	0.66	2.98E-03
Epm2aip1	16521	1.27	0.35	1.57E-02
Ercc1	1776	-1.19	-0.25	9.33E-03
Ess2	2744	-1.18	-0.24	1.20E-03
Etv6	2568	-1.25	-0.32	1.05E-02

Exoc3l	371	-1.28	-0.36	5.03E-03
Exosc4	1273	-1.17	-0.23	3.88E-03
Exph5	106	2.79	1.48	5.45E-04
Fam120c	2059	1.52	0.61	1.43E-03
Fam126b	2939	1.47	0.55	2.34E-04
Fam3c	2442	-1.18	-0.24	5.94E-03
Fam53b	2458	-1.23	-0.30	2.19E-02
Fam71e1	593	-1.32	-0.40	2.67E-03
Fbll1	556	1.56	0.65	7.59E-03
Fbxo5	2579	-1.44	-0.53	4.22E-03
Fbxw5	3978	-1.15	-0.20	7.54E-03
Fer	2828	1.32	0.40	3.87E-03
Fezf1	950	-1.68	-0.75	2.34E-02
Fign	2202	-1.48	-0.57	2.00E-03
Fkbp10	2887	-1.56	-0.64	2.47E-02
Fkbp15	3728	1.18	0.24	4.95E-03
Flnb	14801	1.35	0.43	1.69E-02
Flrt1	1229	1.42	0.50	1.83E-02
Fnbp4	11381	-1.10	-0.14	2.05E-02
Frem2	2619	1.67	0.74	2.48E-02
Fut8	3711	-1.10	-0.14	1.45E-02
Fzd1	5399	-1.29	-0.36	3.56E-03
Fzd4	1743	1.51	0.59	1.72E-02
Gar1	2245	-1.49	-0.58	9.28E-03
Garre1	5078	1.15	0.20	7.95E-03
Gatc	2143	-1.17	-0.23	5.02E-03
Gbx2	808	-1.60	-0.68	7.24E-03
Gfpt1	11453	1.24	0.31	3.27E-03
Gimap9	145	-1.53	-0.61	2.12E-02
Gls	15431	1.22	0.28	1.43E-02
Gm14226	120	-5.48	-2.45	5.46E-03
Gm14295	427	1.60	0.68	8.80E-05
Gm14305	808	1.35	0.43	2.06E-03
Gm14434	151	-6.98	-2.80	7.78E-03
Gm29666	380	1.23	0.30	9.35E-03
Gnl3	4724	-1.20	-0.27	1.59E-02
Gpatch4	1842	-1.19	-0.25	2.00E-02
Gps2	2670	-1.30	-0.37	1.33E-03
Grap	295	-1.23	-0.30	4.01E-03
Gripap1	6532	-1.16	-0.22	1.43E-02
Grwd1	1719	-1.25	-0.32	8.77E-03
Gstm7	2431	-1.25	-0.32	2.08E-02
Gtf2h4	1146	-1.19	-0.26	2.05E-02
Helt	223	-1.97	-0.97	1.15E-02
Herc1	24022	1.49	0.57	8.91E-03
Herc2	19070	1.44	0.53	9.32E-03
Hes6	5117	-1.32	-0.40	5.58E-03

Hey1	2557	-1.29	-0.37	6.62E-03
Hmgn1	28667	-1.19	-0.25	2.02E-02
Hnrnpa1	138907	-1.23	-0.29	1.69E-02
Hoxa5	237	-60.93	-5.93	1.77E-03
Hoxb5	211	<-100	-10.05	1.41E-03
Hoxb8	170	-78.71	-6.30	7.01E-03
Hoxc4	154	-35.79	-5.16	1.80E-03
Hsd11b2	605	-1.75	-0.81	2.29E-03
Hsp90ab1	180217	-1.17	-0.23	2.10E-02
Hspa12a	6876	1.49	0.57	2.28E-03
Hspa4l	361	1.75	0.81	7.11E-03
Htra3	383	-1.55	-0.63	1.84E-03
Ier5l	941	-1.23	-0.30	1.47E-02
Igdcc3	2075	-1.90	-0.93	2.22E-03
Ikzf2	1166	1.33	0.41	1.52E-03
Irf2bp2	2311	-1.34	-0.43	9.80E-04
Irs1	5806	-1.21	-0.28	7.51E-03
Irx6	135	-1.46	-0.55	2.06E-02
Jak2	6870	1.22	0.29	2.49E-02
Josd2	1870	-1.20	-0.26	1.04E-02
Kank2	2603	-1.34	-0.42	1.23E-02
Kbtbd3	582	1.24	0.31	1.25E-02
Kcnip3	820	-1.34	-0.42	2.37E-02
Kcnn2	633	1.39	0.47	3.12E-03
Kctd2	2701	-1.16	-0.21	5.90E-04
Kdm5a	11814	1.23	0.30	1.26E-02
Kif2c	4226	-1.49	-0.57	2.84E-03
Kif3a	10207	1.20	0.27	2.22E-02
Klf2	278	-1.41	-0.50	1.61E-02
Krit1	9029	1.20	0.26	2.17E-03
Laptm5	867	-1.28	-0.36	1.76E-02
Lca5l	269	1.18	0.24	2.19E-02
Lcp1	2352	-1.20	-0.26	1.35E-02
Lemd2	3723	-1.23	-0.30	2.73E-03
Lifr	2809	1.39	0.48	2.47E-02
Lipg	768	1.32	0.40	6.58E-03
Lmnb1	28472	-1.47	-0.56	2.34E-03
Lrig1	4799	1.21	0.27	9.75E-03
Lrig2	5794	1.19	0.25	1.15E-02
Lrrc57	1466	-1.12	-0.17	1.04E-02
Lrrc8a	739	-1.47	-0.56	3.37E-04
Lrrtm2	1399	1.57	0.65	2.46E-02
Lsm2	2197	-1.33	-0.41	1.52E-02
Lsm4	1198	-1.48	-0.56	1.78E-03
Lsm7	2165	-1.23	-0.30	2.04E-02
Ltn1	7740	1.22	0.29	1.06E-02
Lurap1l	363	1.32	0.40	2.33E-03

Maf1	5688	-1.18	-0.24	5.51E-03
Man1a	1331	1.55	0.64	4.33E-03
Mcm7	14806	-1.35	-0.43	7.63E-03
Meak7	1038	-1.15	-0.21	5.38E-03
Med15	3114	-1.20	-0.26	2.55E-03
Mief1	3469	-1.14	-0.19	5.34E-03
Mmp15	3767	-1.30	-0.37	1.17E-02
Mmp28	545	-1.29	-0.37	1.44E-02
Mrgbp	2766	-1.14	-0.19	1.02E-02
Mrpl1	1564	-1.15	-0.20	5.64E-03
Mrps14	2050	-1.22	-0.29	1.70E-02
Mrps21	2087	-1.28	-0.36	1.85E-02
Mrps27	2039	-1.23	-0.30	7.24E-03
Mst1r	351	1.38	0.46	1.96E-02
Msto1	1681	-1.17	-0.22	1.57E-02
Msx3	432	3.03	1.60	1.58E-03
Mto1	1246	-1.18	-0.24	1.77E-03
Muc1	686	-1.41	-0.49	4.24E-03
Mybbp1a	13803	-1.21	-0.27	1.65E-02
Mycbp2	22103	1.50	0.58	1.28E-02
Mycl	7030	-1.15	-0.21	2.43E-02
Mynn	3581	1.15	0.20	5.64E-03
Myo9a	12240	1.34	0.42	2.22E-02
Naa10	1102	-1.28	-0.36	3.16E-03
Naa12	5122	-1.13	-0.17	8.69E-03
Naa25	6315	1.13	0.17	1.15E-02
Naa38	767	-1.35	-0.43	1.44E-03
Nacc1	8224	-1.29	-0.37	3.23E-03
Nacc2	1438	-1.24	-0.31	1.05E-02
Napb	4916	1.37	0.46	8.70E-03
Naxe	2417	-1.12	-0.16	7.47E-03
Ndufa4l2	123	-1.50	-0.58	1.65E-03
Ndufab1	3977	-1.16	-0.22	1.45E-02
Ndufb2	1044	-1.17	-0.23	2.46E-02
Necab2	1384	-1.18	-0.24	2.49E-02
Nell2	9177	-1.29	-0.37	1.08E-02
Neurog2	6066	-1.66	-0.73	1.33E-02
Nfat5	15255	1.34	0.42	6.02E-03
Nktr	23629	1.37	0.45	4.76E-03
Nkx2-1	2086	-2.46	-1.30	8.65E-03
Nkx2-2	355	-1.77	-0.82	1.63E-02
Nkx2-4	120	-2.42	-1.28	8.69E-05
Nob1	2867	-1.16	-0.21	6.33E-03
Noc3l	3626	1.15	0.21	2.05E-02
Nr2f2	13726	-1.61	-0.69	1.85E-04
Nsun5	1428	-1.18	-0.24	2.01E-03
Nudt5	3718	-1.26	-0.33	7.21E-03

Nup153	12606	1.16	0.21	2.33E-02
Nynrin	11471	-1.25	-0.32	1.70E-02
Oard1	461	-2.32	-1.22	1.80E-02
Oxnad1	1334	-1.13	-0.18	1.70E-02
Pacc1	1723	-1.13	-0.18	8.63E-03
Pacrg	255	1.26	0.34	2.09E-02
Padi2	216	2.64	1.40	6.41E-04
Pafah1b3	6793	-1.17	-0.22	2.37E-02
Pak1	11100	-1.24	-0.31	6.32E-03
Pbk	4745	-1.41	-0.50	1.13E-02
Pcmtd1	6739	1.24	0.32	7.12E-03
Pcmtd2	6862	1.19	0.25	1.11E-02
Pcolce	1711	-2.09	-1.06	2.17E-02
Pcyox1l	1502	-1.28	-0.36	8.46E-03
Pdcd6	3322	1.21	0.27	6.72E-03
Pdgrl	232	-1.61	-0.69	1.62E-02
Pdlim3	637	-1.54	-0.62	2.04E-03
Pelp1	4608	-1.30	-0.37	7.65E-03
Pex14	1641	-1.15	-0.20	1.05E-02
Pgl	2632	-1.17	-0.23	4.10E-03
Phc1	9754	-1.17	-0.23	7.76E-03
Phc3	6851	1.39	0.48	1.33E-03
Piezo1	2339	-1.48	-0.57	2.32E-02
Pik3ca	10244	1.17	0.23	1.55E-02
Pir	156	-1.50	-0.58	1.62E-02
Plekhj1	2296	-1.24	-0.31	7.14E-03
Poll	949	-1.27	-0.34	1.08E-02
Polr3f	4653	1.14	0.19	2.04E-02
Pomc	169	-2.03	-1.02	8.22E-05
Pou2f2	4785	-1.47	-0.56	2.00E-02
Ppfia4	1710	1.59	0.67	2.58E-03
Ppip5k1	2203	1.18	0.24	2.15E-02
Ppp1r18	5100	-1.23	-0.30	7.38E-03
Ppp1r3c	679	1.55	0.63	2.07E-02
Ppp1r8	5668	-1.18	-0.24	1.21E-02
Ppp2r1a	24678	-1.17	-0.23	2.20E-03
Ppp4c	6694	-1.18	-0.24	1.55E-02
Prmt7	3820	-1.17	-0.23	7.25E-04
Prr12	7437	-1.48	-0.57	4.95E-03
Prtn3	272	-1.25	-0.32	1.00E-02
Psenen	1893	-1.22	-0.29	1.38E-02
Psmb6	8970	-1.22	-0.29	2.64E-03
Psmc5	8309	-1.25	-0.32	2.05E-03
Psmg3	334	-1.26	-0.34	1.95E-02
Psmg4	775	-1.38	-0.47	1.07E-03
Psph	1024	-1.25	-0.32	2.10E-03
Ptar1	7591	1.23	0.30	5.80E-03



Ptov1	17233	-1.22	-0.29	1.54E-02
Pygl	778	1.37	0.46	9.97E-03
Qpct	375	1.28	0.36	2.31E-02
Qrfprl	164	-1.63	-0.71	2.49E-02
Rab30	4492	1.28	0.36	7.00E-03
Rad54b	1711	-1.30	-0.37	9.44E-03
Rapgef6	5276	1.32	0.40	1.08E-02
Rbm12b2	2733	1.15	0.20	2.00E-02
Rbm6	14500	-1.12	-0.16	9.93E-03
Rc3h1	6268	1.13	0.18	1.60E-02
Rce1	1327	-1.15	-0.21	1.54E-02
Rcor2	9542	-1.48	-0.56	2.03E-03
Rexo5	1339	1.26	0.34	1.16E-02
Rfc3	3153	-1.29	-0.37	3.77E-03
Rflnb	2048	1.41	0.50	1.98E-02
Rho	101	1.40	0.49	1.24E-02
Rhob	6351	-1.25	-0.32	4.54E-03
Ric8b	4244	1.09	0.12	2.50E-02
Riok3	10080	1.11	0.15	2.49E-02
Rmi2	515	-1.42	-0.50	2.31E-02
Rnf19a	5179	1.15	0.20	1.50E-02
Rnf220	6619	-1.19	-0.25	1.33E-02
Rnf25	2639	-1.12	-0.17	1.77E-03
Rnf32	651	1.31	0.39	8.25E-04
Rnf44	9449	-1.40	-0.49	2.21E-03
Rock1	8388	1.17	0.22	4.44E-03
Rock2	10892	1.28	0.36	1.74E-04
Rpl13a	1404	-1.30	-0.38	2.33E-02
Rpl7l1	7184	-1.29	-0.36	7.48E-04
Rpusd4	998	-1.23	-0.30	1.57E-03
Rrad	117	1.68	0.75	1.29E-02
Rrnad1	3110	-1.16	-0.21	4.72E-03
Ruvbl1	4144	-1.21	-0.28	2.17E-02
Sacs	9029	1.44	0.53	2.30E-02
Sash1	3853	1.18	0.24	1.98E-02
Sec22a	2051	1.17	0.22	2.32E-02
Sec61a2	6520	1.15	0.20	2.03E-02
Secisbp2l	9900	1.17	0.23	7.13E-03
Selenot	10483	-1.18	-0.24	5.51E-03
Sema4b	1776	-1.24	-0.31	7.90E-03
Sema5b	5244	-1.44	-0.52	8.05E-03
Setx	15624	1.25	0.33	2.47E-02
Sf3a2	3635	-1.48	-0.57	2.44E-03
Sf3a3	7195	-1.25	-0.33	1.47E-02
Sh3gl3	1221	1.33	0.41	1.08E-03
Sim1	1200	-1.41	-0.50	2.22E-02
Sinhcaf	7080	-1.33	-0.41	9.77E-03

Six4	1023	1.43	0.51	2.45E-02
Skil	8411	1.16	0.21	1.69E-02
Slain2	5334	-1.15	-0.20	8.86E-03
Slc16a10	949	1.45	0.54	1.40E-02
Slc16a13	975	-1.23	-0.30	6.52E-04
Slc1a1	879	1.70	0.77	2.18E-02
Slc25a36	10791	1.23	0.29	3.37E-03
Slc25a40	1936	1.23	0.30	4.00E-03
Slc35b1	4144	-1.13	-0.17	1.35E-02
Slc3a2	4594	-1.16	-0.22	2.81E-03
Slc4a8	5501	1.48	0.56	1.28E-02
Smad7	788	-1.25	-0.32	1.20E-02
Smarcd3	5057	-1.31	-0.39	1.51E-02
Smdt1	3229	-1.24	-0.31	5.15E-03
Smndc1	4434	-1.24	-0.31	7.76E-03
Snrnp70	33965	-1.29	-0.37	3.86E-03
Snrpd1	9050	-1.27	-0.35	1.11E-02
Sox11	64358	-1.53	-0.62	4.59E-03
Sox2	10110	-1.50	-0.58	2.36E-02
Spdl1	1584	-1.38	-0.47	1.71E-02
Spred2	2422	-1.28	-0.35	4.05E-03
Sptan1	69080	1.42	0.51	2.96E-03
Srp68	6240	-1.20	-0.27	8.62E-04
Srpr	5578	-1.19	-0.25	1.83E-02
Srrt	15369	-1.33	-0.41	1.42E-03
Stard9	3691	1.63	0.70	5.50E-03
Stk24	3981	-1.14	-0.19	4.89E-03
Strip1	10609	-1.12	-0.16	2.03E-02
Styk1	115	-1.58	-0.66	7.09E-04
Supt20	9397	1.07	0.10	1.08E-02
Surf6	2709	-1.13	-0.17	1.68E-02
Suv39h1	5175	-1.24	-0.31	2.05E-03
Szrd1	6855	-1.27	-0.34	7.77E-03
Tac1	479	1.44	0.53	6.44E-03
Tbc1d23	4906	1.19	0.25	6.88E-03
Tbc1d25	920	1.14	0.20	2.03E-02
Tbpl1	6051	-1.20	-0.26	1.98E-03
Tent5a	1570	-1.27	-0.35	2.20E-02
Tes	3225	1.42	0.51	2.48E-02
Tesk1	3448	-1.24	-0.31	8.72E-03
Tex15	2197	1.99	0.99	5.54E-03
Tfg	7142	-1.12	-0.16	2.28E-02
Thbs2	2507	-2.51	-1.33	2.10E-02
Them4	1096	1.44	0.53	7.58E-03
Thoc2l	6347	1.26	0.34	1.63E-03
Tie1	2207	-1.31	-0.39	5.20E-03
Tigd3	703	-1.25	-0.32	9.34E-03

Tlcd4	600	1.50	0.59	4.26E-04
Tle3	8820	-1.37	-0.46	4.75E-03
Tmc3	117	2.71	1.44	2.01E-03
Tmeff2	1739	1.71	0.77	9.80E-03
Tmem101	1474	-1.23	-0.30	2.57E-03
Tmem11	1619	-1.19	-0.25	1.34E-02
Tmem177	1273	1.18	0.24	8.42E-03
Tmem219	718	-1.20	-0.27	4.95E-03
Tmem234	5705	-1.20	-0.26	1.13E-03
Tmem67	2300	1.15	0.21	7.20E-03
Tom1l1	1576	1.26	0.33	1.48E-02
Tra2a	28189	1.13	0.17	2.23E-02
Trim28	31719	-1.27	-0.35	2.90E-03
Trim46	3338	-1.42	-0.51	2.36E-02
Trmt61a	927	-1.33	-0.41	1.31E-02
Trp53i11	11166	-1.29	-0.37	2.31E-02
Tstd2	4425	-1.11	-0.15	1.40E-02
Ttc8	1988	-1.14	-0.19	2.19E-02
Tuba1b	31678	-1.33	-0.41	5.86E-03
Txn2	4601	-1.20	-0.26	1.65E-03
Tyrobp	214	-1.36	-0.45	1.20E-02
Ubash3b	2278	1.33	0.41	1.51E-02
Ubb	56162	-1.14	-0.19	2.41E-03
Ube2q1	8249	-1.16	-0.21	1.80E-03
Ubqln2	14660	-1.30	-0.38	1.29E-02
Ubxn10	241	1.41	0.50	2.75E-03
Usp16	4941	1.14	0.19	1.89E-02
Usp19	12383	-1.17	-0.23	1.41E-02
Vax1	273	-2.24	-1.16	1.35E-02
Vgl4	4141	-1.14	-0.19	2.14E-02
Vps13c	5813	1.66	0.73	8.25E-04
Vps4b	6196	1.17	0.23	1.24E-02
Vsig10	507	-1.48	-0.57	8.74E-04
Vwf	2227	-1.44	-0.52	1.62E-02
Washc2	8354	1.11	0.14	1.16E-02
Wbp11	7481	-1.28	-0.36	1.04E-02
Wdr24	1815	-1.15	-0.20	1.22E-02
Wdr33	7608	-1.10	-0.14	3.51E-03
Wdr6	28810	-1.29	-0.37	2.10E-03
Wdr66	293	1.41	0.49	1.19E-02
Wdr83	2149	-1.21	-0.27	3.56E-04
Wfdc2	300	-1.60	-0.67	9.48E-03
Wnk1	29420	1.18	0.24	9.23E-03
Wnt3	639	-1.37	-0.45	5.34E-03
Wnt8b	1393	-2.15	-1.10	4.50E-03
Xpnpep2	212	-1.96	-0.97	5.20E-03
Yae1d1	4139	1.25	0.32	3.26E-03

Ythdc1	10887	-1.17	-0.22	1.81E-02
Zbtb49	1302	1.22	0.29	6.58E-04
Zcchc3	2879	-1.41	-0.50	2.00E-03
Zdhhc2	3149	-1.30	-0.37	4.56E-03
Zfp106	19891	1.20	0.26	1.97E-02
Zfp263	3439	-1.09	-0.12	9.68E-03
Zfp354b	247	1.31	0.39	1.74E-02
Zfp385b	211	-1.56	-0.64	7.35E-03
Zfp398	4267	1.29	0.37	6.26E-03
Zfp442	518	1.52	0.61	1.67E-02
Zfp458	642	1.32	0.40	1.93E-02
Zfp553	4181	-1.40	-0.49	2.60E-03
Zfp58	536	1.13	0.18	1.22E-02
Zfp607b	1626	1.28	0.36	6.65E-03
Zfp677	477	1.25	0.32	1.59E-02
Zfp712	879	1.27	0.35	1.64E-03
Zfp758	1147	1.19	0.25	3.34E-03
Zfp768	2361	-1.19	-0.26	2.31E-02
Zfp780b	2358	1.16	0.22	8.06E-03
Zfp790	2580	1.20	0.26	4.51E-03
Zfp93	770	-1.18	-0.24	5.56E-03
Zfp940	1471	1.18	0.23	1.11E-02
Zfp976	813	1.24	0.30	5.20E-03
Zic1	19643	-1.33	-0.41	8.79E-04
Zic2	6033	-1.38	-0.47	1.67E-03
Zkscan17	2963	-1.31	-0.39	3.64E-03
Zkscan3	11708	1.15	0.21	1.76E-03
Zkscan7	2134	1.09	0.13	1.60E-02
Zzef1	6975	1.47	0.56	1.70E-03

Gene	Counts	FC	LFC	padj
1700029I15Rik	104	1.32	0.40	4.0E-03
2610318N02Rik	2168	1.46	0.55	2.4E-02
4933430I17Rik	225	1.38	0.46	4.2E-03
A630089N07Rik	910	-1.38	-0.47	4.7E-04
Abca1	5507	-1.42	-0.50	1.3E-02
Adamts16	233	-2.05	-1.04	6.3E-03
Adamts17	919	-1.79	-0.84	1.8E-02
Adamts9	1803	-1.76	-0.82	4.7E-03
Adcy2	689	-1.49	-0.58	7.9E-03
Afap1	7205	-1.26	-0.33	2.4E-02
Agbl3	727	-1.32	-0.40	2.2E-03
Aif1	113	-1.49	-0.57	2.7E-04
Akt3	13712	-1.30	-0.38	5.6E-03
Alad	1636	1.26	0.34	3.9E-03
Alg6	112	-1.80	-0.85	1.4E-02
Alkbh2	322	1.37	0.45	1.5E-04
Alkbh7	518	1.25	0.32	2.2E-03
Alox12	123	-1.71	-0.78	2.0E-02
Anxa11	287	1.79	0.84	8.5E-03
Ap4e1	2597	-1.32	-0.40	8.6E-04
Arhgap5	12703	-1.27	-0.34	1.5E-02
Arhgef6	855	-1.49	-0.58	3.7E-04
Atf7	3263	-1.26	-0.34	4.8E-03
Atp2a1	197	-6.61	-2.73	3.5E-03
Begain	1390	-1.41	-0.49	2.1E-02
Btrc	4169	-1.32	-0.40	1.2E-03
C1ql3	219	-2.20	-1.14	1.2E-03
Cacnb4	2101	-1.68	-0.75	3.9E-03
Capn11	223	4.18	2.06	2.4E-02
Car11	1095	-1.38	-0.46	1.8E-02
Casq1	141	-1.82	-0.86	2.8E-03
Cby1	2843	1.25	0.33	1.9E-03
Ccdc120	1927	1.27	0.34	1.3E-02
Ccdc141	708	-1.65	-0.73	6.9E-03
Ccdc86	1231	1.25	0.32	2.4E-02
Ccnd3	6546	1.34	0.42	2.0E-02
Cdc25c	3169	1.44	0.53	7.3E-03
Cdc34	3392	1.30	0.38	2.1E-02
Cdc6	2717	1.52	0.60	3.7E-03
Cdh12	230	-1.72	-0.78	6.1E-03
Cdh15	136	-4.45	-2.15	6.9E-03
Cdh6	3723	-1.32	-0.40	1.6E-04
Cdh7	1176	-1.35	-0.44	8.4E-03
Cenph	1962	1.40	0.49	2.0E-02
Cep131	4405	1.32	0.40	9.3E-03
Cfap57	159	-1.44	-0.53	2.7E-03

Chaf1a	7134	1.39	0.48	1.0E-02
Chl1	10632	-1.81	-0.86	1.7E-02
Chm	3554	-1.32	-0.40	1.9E-04
Clp1	1725	1.31	0.39	2.2E-02
Cox16	107	-1.35	-0.43	2.5E-02
Cox20	140	-3.59	-1.84	1.0E-02
Cplane1	6998	-1.35	-0.43	3.0E-03
Crybg3	1826	-1.65	-0.73	8.6E-04
Cubn	187	-1.49	-0.57	1.2E-02
D130040H23Rik	637	-1.50	-0.58	2.2E-03
Daxx	3662	1.33	0.41	5.3E-04
Dcx	58900	-1.61	-0.69	4.6E-03
Ddit4	5097	1.36	0.45	1.3E-02
Ddx27	4143	1.26	0.33	2.5E-03
Des	251	-4.09	-2.03	1.1E-02
Dnaaf5	1424	1.27	0.35	2.9E-03
Dnah7b	877	-1.61	-0.68	7.5E-03
Dnajc9	9295	1.35	0.43	7.1E-03
Dohh	255	1.26	0.33	1.7E-02
Dpf1	5973	1.32	0.40	2.5E-02
Drc3	255	-1.45	-0.54	1.1E-03
Dusp4	7143	-1.40	-0.49	2.5E-02
Dusp9	430	1.71	0.77	1.6E-02
Dxo	1656	1.27	0.34	2.5E-03
E2f4	3798	1.25	0.32	1.6E-02
Efna4	1245	1.27	0.34	2.0E-02
Egf	243	-1.29	-0.36	1.3E-02
Eif2ak2	1456	-1.33	-0.41	2.3E-02
Erf1	229	-1.76	-0.81	7.5E-03
Esrra	1994	1.31	0.39	3.2E-03
Evx1	102	-3.25	-1.70	1.3E-02
Fam162a	2543	1.26	0.33	6.7E-03
Fam72a	340	1.42	0.51	4.9E-03
Fbl	7803	1.38	0.46	5.4E-03
Fermt3	511	1.29	0.37	1.5E-02
Fgf17	317	-1.64	-0.71	1.2E-02
Fhad1	201	-1.66	-0.73	1.3E-03
Fmn2	4236	1.28	0.35	1.4E-02
Fndc1	331	-2.11	-1.08	1.8E-02
Fndc5	378	-2.33	-1.22	2.6E-03
Fosl2	765	-1.54	-0.62	4.3E-03
Frrs1l	2272	-1.50	-0.58	4.7E-03
Gjb2	1061	-2.23	-1.16	1.5E-02
Gldc	3791	1.64	0.71	1.6E-03
Gltp	1893	1.33	0.41	4.5E-03
Gm20604	518	1.32	0.40	9.6E-03
Gon7	834	1.26	0.34	1.5E-02

Gpr146	193	1.40	0.48	1.9E-03
Hapln3	143	1.33	0.42	1.2E-02
Hivep2	2898	-1.46	-0.55	1.3E-02
Hmgn5	6156	1.39	0.47	1.2E-02
Homer2	4016	-1.33	-0.41	1.0E-03
Hrob	900	1.46	0.54	1.8E-02
Htr2c	500	-1.84	-0.88	1.9E-02
Ifih1	206	-1.32	-0.40	1.3E-02
Ifitm3	232	-1.42	-0.51	1.3E-02
Ift74	5073	1.25	0.32	2.3E-02
Igsf9	10216	1.28	0.36	7.1E-03
Il4ra	563	1.38	0.47	1.2E-02
Inpp4b	601	-2.02	-1.01	4.6E-04
Iqub	149	-1.68	-0.75	6.6E-03
Irx4	161	-3.36	-1.75	5.1E-04
Itga4	2591	-1.43	-0.51	1.2E-02
Itgb3bp	466	1.75	0.81	2.4E-02
Kcnd3	3361	-1.66	-0.74	1.0E-02
Kcnh2	2306	1.28	0.36	7.6E-03
Kcnh6	115	-2.06	-1.05	2.4E-02
Kcnmb2	329	-2.11	-1.07	5.5E-04
Kcnq2	10691	-1.57	-0.65	1.6E-02
Kcnu1	111	-1.88	-0.91	3.6E-03
Kctd17	5151	1.26	0.34	4.8E-04
Kctd4	230	-2.25	-1.17	1.5E-02
Klf12	4189	-1.61	-0.69	8.8E-03
Klhl41	168	-3.53	-1.82	2.5E-02
L3mbtl2	2835	1.35	0.43	4.7E-05
Lbr	8479	1.34	0.42	1.9E-02
Lcorl	6197	-1.30	-0.38	1.7E-02
Lepr	1001	-1.62	-0.70	2.5E-02
Letm2	1108	-1.25	-0.32	7.4E-03
Lgals4	152	-1.54	-0.62	5.3E-05
Lpl	1617	-1.29	-0.37	1.6E-02
Lrfn5	1079	-1.89	-0.92	1.3E-02
Lrrc29	145	-1.30	-0.38	1.1E-02
Lrrc46	169	1.38	0.47	1.1E-03
Lrrcc1	4760	-1.32	-0.40	1.0E-03
Lrrn3	5607	-1.38	-0.46	1.6E-02
Luzp2	1366	-1.76	-0.81	1.0E-02
Mab21l2	3352	-1.66	-0.73	2.1E-02
Macf1	35179	-1.48	-0.56	2.9E-03
Mafk	879	1.29	0.36	6.4E-03
Map1b	128461	-1.38	-0.46	1.6E-02
Mbnl1	4042	-1.34	-0.42	5.6E-03
Mbnl3	708	-1.65	-0.72	1.8E-02
Med18	558	1.30	0.38	1.1E-02



Med25	9144	1.31	0.39	2.8E-03
Med26	933	1.29	0.37	3.9E-03
Mif4gd	647	1.28	0.35	9.1E-03
Mme	3257	-2.42	-1.28	7.8E-03
Mns1	3659	1.42	0.50	7.0E-03
Mtcl1	7105	1.33	0.41	1.6E-02
Mutyh	826	1.30	0.38	2.1E-02
Mybpc1	594	-3.16	-1.66	7.6E-03
Myh11	137	-1.80	-0.85	1.0E-02
Mylpf	550	-3.52	-1.81	2.4E-02
Myo18b	256	-1.66	-0.73	1.6E-02
Myo5a	17678	-1.36	-0.44	7.3E-03
Naaladl1	385	1.51	0.59	9.9E-03
Nalcn	1502	-1.52	-0.60	5.2E-03
Nectin1	3445	1.50	0.59	3.8E-03
Nes	67412	1.42	0.51	2.0E-02
Nipa1	1722	-1.26	-0.33	1.6E-02
Nmb	185	1.35	0.44	1.1E-02
Npm3	2109	1.29	0.36	1.0E-02
Nr4a2	2860	1.35	0.43	1.7E-02
Nrk	2102	-2.87	-1.52	4.9E-03
Nuak2	3379	1.60	0.68	1.3E-03
Nupr1l	113	1.36	0.45	1.6E-04
Nxt1	1570	1.38	0.47	5.6E-03
Ophn1	3837	-1.28	-0.35	1.2E-02
Pacsin3	1373	1.27	0.34	1.8E-02
Pamr1	305	-2.30	-1.20	1.4E-02
Pappa2	1655	-1.51	-0.59	1.5E-02
Parp16	499	1.26	0.33	9.7E-03
Pcdha12	158	-1.73	-0.79	3.8E-03
Pcm1	18035	-1.37	-0.45	3.5E-04
Pde1c	1638	-1.46	-0.54	1.2E-02
Pdzrn4	1059	-1.53	-0.62	4.2E-03
Peg10	26394	1.29	0.37	1.5E-02
Pelo	345	1.40	0.48	1.3E-03
Pgm5	1022	-2.39	-1.25	4.4E-03
Phip	21455	-1.44	-0.53	1.2E-03
Phlda1	1204	-1.43	-0.52	5.3E-03
Pik3r2	356	1.91	0.93	1.2E-02
Plekhb1	218	-1.68	-0.75	7.7E-03
Plpp1	809	-1.25	-0.33	1.6E-02
Plpp2	470	1.38	0.47	3.8E-03
Polr2f	2309	1.28	0.35	1.9E-03
Pou2f1	7046	-1.31	-0.39	3.9E-03
Pou3f1	1697	1.35	0.44	1.8E-02
Ppp1r9b	13672	1.28	0.35	5.3E-03
Prrt1	1648	1.51	0.60	2.3E-02

Psm10	148	1.91	0.93	2.0E-02
Ptch2	878	1.27	0.35	1.2E-02
Ptchd1	234	-1.83	-0.87	1.6E-02
Pycr2	2525	1.27	0.35	7.9E-04
Raet1e	233	1.64	0.71	1.7E-02
Rap1gap2	1651	-1.35	-0.43	2.5E-02
Rbm41	1700	-1.29	-0.36	4.3E-03
Recql4	1338	1.39	0.48	2.0E-02
Rgs16	2796	1.54	0.63	4.1E-04
Ribc1	173	1.46	0.54	9.3E-03
Rlbp1	741	-1.99	-0.99	1.8E-02
Rnf181	217	2.32	1.21	7.0E-03
Rnf208	988	1.44	0.52	9.9E-03
Robo3	6624	-1.73	-0.79	5.8E-03
Rorb	880	1.72	0.78	3.9E-04
Rusc1	2256	1.36	0.45	1.5E-02
Sanbr	9330	-1.28	-0.36	1.8E-02
Scn9a	2003	-2.28	-1.19	2.2E-02
Sdhaf1	1026	1.36	0.44	1.5E-04
Sema5a	8354	-1.30	-0.38	1.9E-02
Sgcd	199	-1.98	-0.98	2.4E-02
Sh3d21	165	-1.68	-0.75	2.2E-02
Shmt2	5253	1.33	0.41	2.5E-03
Sidt1	116	-2.00	-1.00	2.1E-02
Sipa1	2494	1.29	0.37	2.1E-02
Slc35a5	2093	-1.25	-0.32	7.7E-03
Slc35d2	139	-1.67	-0.74	3.9E-03
Slc35g1	693	1.38	0.47	1.9E-03
Slc44a5	1430	-1.51	-0.59	1.0E-02
Slitrk6	563	-2.63	-1.40	6.2E-04
Smarca1	5682	-1.30	-0.38	9.4E-04
Smpd13a	661	-1.39	-0.47	9.2E-04
Snpc3	4489	-1.32	-0.40	5.7E-03
Son	59465	-1.32	-0.41	3.8E-03
Sowaha	140	1.63	0.70	2.5E-02
Sp5	441	1.72	0.78	2.5E-05
Spag9	35116	-1.32	-0.40	1.6E-03
Spire2	1474	1.30	0.37	1.4E-02
Srebf1	4265	1.38	0.47	5.8E-04
Srsf9	4304	1.29	0.36	1.6E-02
Stap2	174	-1.44	-0.53	9.9E-04
Stmn2	30680	-1.38	-0.46	1.4E-02
Sulf1	10404	-1.55	-0.63	8.6E-03
Sumo2	11981	-1.34	-0.42	2.4E-02
Sun2	6345	1.26	0.33	9.5E-03
Syne1	2080	-1.70	-0.76	1.4E-02
Tbc1d22b	3126	1.26	0.33	2.9E-03

Tcp11l1	1548	-1.36	-0.45	1.1E-02
Tecta	130	-1.99	-1.00	5.9E-03
Thbs4	431	-2.11	-1.08	6.5E-03
Thrb	169	-1.57	-0.65	8.4E-04
Thsd7a	5730	-1.62	-0.69	5.0E-03
Tmem106b	6052	-1.25	-0.32	6.4E-03
Tmem200c	306	1.34	0.42	2.8E-03
Tmem201	5359	1.27	0.34	1.2E-02
Tmem37	156	1.64	0.71	1.2E-02
Tmem81	220	1.28	0.36	1.7E-03
Tmem86b	1293	1.31	0.39	8.0E-03
Tmod4	105	1.26	0.34	2.4E-02
Tnfrsf11b	126	-1.40	-0.48	6.4E-03
Tnik	8481	-1.46	-0.55	1.3E-02
Tnnc2	110	-6.75	-2.75	8.9E-03
Traip	1831	1.32	0.40	1.0E-02
Trim12c	629	-1.34	-0.43	8.2E-03
Trio	14535	-1.30	-0.38	1.8E-02
Ttc3	64621	-1.35	-0.43	5.1E-03
Tubg1	3274	1.31	0.39	2.8E-03
Ubr5	28114	-1.28	-0.36	3.3E-03
Upp1	107	1.46	0.55	1.1E-02
Usp34	19191	-1.41	-0.50	6.4E-03
Vit	1153	-1.27	-0.35	4.7E-03
Vldlr	4509	-1.35	-0.43	1.6E-02
Vwa5b1	186	-1.71	-0.77	2.3E-02
Vwc2l	244	-2.04	-1.03	1.2E-02
Wars	6340	1.25	0.32	3.4E-03
Wnt4	470	-1.70	-0.76	2.3E-02
Xlr3b	932	2.04	1.03	4.8E-03
Yjefn3	201	1.45	0.54	4.2E-03
Zbtb37	5534	-1.28	-0.36	5.5E-03
Zc3h11a	1059	-1.58	-0.66	2.2E-03
Zc3h3	1682	1.37	0.45	5.2E-03
Zdhhc18	2443	1.26	0.33	2.3E-02
Zfp109	410	-1.31	-0.39	1.2E-05
Zfp119a	583	-1.53	-0.61	8.2E-04
Zfp280b	2585	1.28	0.35	1.9E-03
Zfp367	2698	1.26	0.34	2.5E-02
Zfp456	134	-1.40	-0.49	8.1E-03
Zfp598	5072	1.28	0.35	1.1E-03
Zfp729a	1813	-1.26	-0.33	1.7E-02
Zfp738	3449	-1.27	-0.35	6.2E-03
Zfp937	565	-1.34	-0.42	2.9E-05
Zfp950	3319	-1.41	-0.49	7.2E-04
Zpld1	155	-2.90	-1.53	7.2E-03