

**Table 2. Control gene sample.**

	Chromosome	ACCESSION NUMBER	LOCUS	CO-ORDINATES		100 KB RANGE	
				5'	3'	FROM	TO
1	22	NT_011520.3	<i>TIG-1</i>	198924	278943	148924	248924
2			<i>PIK4CA</i>	422816	395852	372816	472816
3			<i>SERPIND1</i>	462248	475869	412248	512248
4			<i>SNAP29</i>	547186	576124	497186	597186
5			<i>CRKL</i>	605575	638453	555575	655575
6			<i>LZTR1</i>	670526	687211	620526	720526
7			<i>SLC7A4</i>	720002	716869	670002	770002
8			<i>UBE2L3</i>	1255866	1312168	1205866	1305866
9			<i>MAPK1</i>	1555774	1452190	1505774	1605774
10			<i>TOP3B</i>	1664025	1645249	1614025	1714025
11			<i>VPREB1</i>	1933071	1933594	1883071	1983071
12			<i>GNAZ</i>	2771719	2801058	2721719	2821719
13			<i>RAB36</i>	2821353	2840371	2771353	2871353
14			<i>IGLL1</i>	3256284	3249153	3206284	3306284
15			<i>VPREB3</i>	3430381	3428721	3380381	3480381
16			<i>MMP11</i>	3448823	3460289	3398823	3498823
17			<i>SMARCB1</i>	3463075	3510487	3413075	3513075
18			<i>MIF</i>	3570352	3571196	3520352	3620352
19			<i>GSTT2</i>	3637170	3633396	3587170	3687170
20			<i>DDT</i>	3637475	3643537	3587475	3687475
21			<i>KIAA0330</i>	3687285	3854110	3637285	3737285
22			<i>BK65A6.2</i>	3857002	3863918	3807002	3907002
23			<i>GGTLA1</i>	3920542	3895143	3870542	3970542
24			<i>ADORA2A</i>	4108606	4117814	4058606	4158606
25			<i>LOC51733</i>	4170826	4202066	4120826	4220826
26			<i>SNRPD3</i>	4231486	4247618	4181486	4281486
27			<i>CRYBB3</i>	4875337	4882836	4825337	4925337
28			<i>CRYBB2</i>	4896897	4907336	4846897	4946897
29			<i>ADRBK2</i>	5240458	5399428	5190458	5290458
30			<i>SEZ6L</i>	5967729	6053254	5917729	6017729
31			<i>TIP39</i>	6187962	6166703	6137962	6237962
32			<i>TPST2</i>	6265565	6201230	6215565	6315565
33			<i>CRYBB1</i>	6293503	6274874	6243503	6343503
34			<i>CRYBA4</i>	6297440	6306144	6247440	6347440
35			<i>MN1</i>	7444237	7391016	7394237	7494237
36			<i>PITPNB</i>	7561975	7496099	7511975	7611975
37			<i>RAD53</i>	8377460	8330531	8327460	8427460
38	2	NT_005322.3	<i>CTNNA2</i>	1901088	1643148	1851088	1951088
39			<i>PAP</i>	3189717	3192463	3139717	3239717
40			<i>REGL</i>	3211068	3213967	3161068	3261068
41			<i>REG1A</i>	3227886	3226038	3177886	3277886
42			<i>REG1B</i>	3261453	3264415	3211453	3311453
43	3	NT_005927.3	<i>CHL1</i>	472456	684880	422456	522456
44			<i>CNTN6</i>	1368143	1678792	1318143	1418143
45			<i>IL5RA</i>	3386033	3345774	3336033	3436033
46			<i>SETMAR</i>	4579492	4589870	4529492	4629492
47			<i>ITPR1</i>	4769562	5123416	4719562	4819562
48			<i>BHLHB2</i>	5256881	5262534	5206881	5306881
49			<i>KIAA0212</i>	5465113	5497319	5415113	5515113
50			<i>GRM7</i>	7423850	8018957	7373850	7473850
51			<i>LMCD1</i>	8781122	8848745	8731122	8831122
52			<i>NAG7</i>	8852830	8854528	8802830	8902830
53			<i>CAV3</i>	9195562	9208479	9145562	9245562
54			<i>OXTR</i>	9231335	9212131	9181335	9281335
55			<i>CAMK1</i>	10231689	10219095	10181689	10281689

56			<i>TADA3L</i>	10253214	10242105	10203214	10303214
57			<i>ARPC4</i>	10254855	10268243	10204855	10304855
58			<i>DKFZP434I</i>	10281511	10297152	10231511	10331511
59			<i>DKFZP566I</i>	10395584	10406776	10345584	10445584
60			<i>MDS027</i>	10588947	10577434	10538947	10638947
61			<i>VHL</i>	10603533	10615900	10553533	10653533
62			<i>IRAK2</i>	10626707	10700799	10576707	10676707
63			<i>KIAA0218</i>	10710295	10742981	10660295	10760295
64			<i>LOC51738</i>	10751977	10747516	10701977	10801977
65			<i>SEC13L1</i>	10782835	10762696	10732835	10832835
66			<i>ATP2B2</i>	11081747	10789773	11031747	11131747
67			<i>SLC6A11</i>	11278023	11400277	11228023	11328023
68			<i>SLC6A1</i>	11477515	11499067	11427515	11527515
69			<i>GSA7</i>	11760295	12016697	11710295	11810295
70			<i>SYN2</i>	12466149	12645710	12416149	12516149
71			<i>TIMP4</i>	12620578	12614753	12570578	12670578
72	4	NT_006204.3	<i>MMRN</i>	1854050	1795090	1804050	1904050
73			<i>SNCA</i>	1911976	2023409	1861976	1961976
74			<i>KIAA0914</i>	3102406	3214963	3052406	3152406
75			<i>HERC3</i>	3443135	3232802	3393135	3493135
76			<i>LOC51191</i>	3531721	3607216	3481721	3581721
77	5	NT_006859.3	<i>VDAC1</i>	874141	943123	824141	924141
78			<i>HTGN29</i>	946254	967927	896254	996254
79			<i>ADRB2</i>	2097900	2094454	2047900	2147900
80			<i>SPINK1</i>	2302994	2310048	2252994	2352994
81			<i>KIAA0555</i>	2352089	2527501	2302089	2402089
82			<i>DPYSL3</i>	3013586	3070690	2963586	3063586
83	8	NT_008251.3	<i>FKSG2</i>	1462349	1463178	1412349	1512349
84			<i>ASH2L</i>	2352228	2386228	2302228	2402228
85			<i>STAR</i>	2397651	2390360	2347651	2447651
86			<i>LSM1</i>	2423221	2410042	2373221	2473221
87			<i>BAG4</i>	2423545	2468799	2373545	2473545
88			<i>WHSC1L1</i>	2572817	2559459	2522817	2622817
89			<i>FGFR1</i>	2705296	2649465	2655296	2755296
90			<i>TACC1</i>	3095643	3209259	3045643	3145643
91	9	NT_017568.3	<i>ZFP37</i>	69711	54889	19711	119711
92			<i>SLC31A2</i>	186064	191255	136064	236064
93			<i>CHRAC17</i>	438843	437360	388843	488843
94			<i>TNFSF8</i>	1919225	1891652	1869225	1969225
95			<i>DEC1</i>	2157077	2432070	2107077	2207077
96			<i>PAPPA</i>	3182858	3406573	3132858	3232858
97			<i>RBP4</i>	4163238	4172634	4113238	4213238
98			<i>CYP26A1</i>	4889125	4891804	4839125	4939125
99			<i>IDE</i>	5310286	5430153	5260286	5360286
100			<i>PPP1R5</i>	6278127	6281367	6228127	6328127

**Table 2. Control gene sample.**

The 100 control genes from nonimprinted, well sequenced regions of the genome are listed with their genomic accession numbers and sequence coordinates.