

1 AAGGCTCTCGTAACTCTACCGTCATGTCTAAGTCCGAGTCTCCAAGGAGCCAGAACAGC 60
M S K S E S P K E P E Q L
61 TCGGGAAGCTCTTTCATCGGAGGGCTGAGCTTCGAAACAACCGACGAGAGTCTGAGGAGCC 120
R K L F I G G L S F E T T D E S L R S H
121 ATTTTGTAGCAATGGGGAACACTAACAGACTGTGTGGTAATGAGAGATCCAAACACCAAGA 180
F E Q W G T L T D C V V M R D P N T K R
181 GATCCAGGGGCTTTGGGTTTGTACATATGCCACTGTGGAAGAAGTGGATGCTGCCATGA 240
S R G F G F V T Y A T V E E V D A A M N
241 ATGCAAGACCACACAAGGTGGATGGAAGAGTTGTGGAACTAAGAGAGCTGTCTCAAGAG 300
A R P H K V D G R V V E P K R A V S R E
301 AAGATTCTCAGCGACCAGGTGCCACTTAACTGTGAAAAAGATCTTGTGGTGGTATTA 360
D S Q R P G A H L T V K K I F V G G I K
361 AAGAAGACACTGAAGAACATCACCTACGAGATTATTTGAGCAGTATGGGAAGATGAAG 420
E D T E E H H L R D Y F E Q Y G K I E V
421 TGATAGAAATTATGACTGACAGAGGCAGTGGGAAAAAGAGGGGCTTTGCTTTTGTACCT 480
I E I M T D R G S G K K R G F A F V T F
481 TTGATGACCATGACTCTGTGGATAAGATTGTATTTCAGAAATACCATACTGTAATGGCC 540
D D H D S V D K I V I Q K Y H T V N G H
541 ACAACTGTGAAGTAAGAAAGGCTCTGTGCAAGCAAGAGATGGCTAGTGCCTTCATCCAGTC 600
N C E V R K A L S K Q E M A S A S S S Q
601 AGAGAGGTCGCGAGTGGTTCTGAAACTTTGGTGGTGGTGGTGGAGCGGTTTGGTGGCA 660
R G R S G S G N F G G G R G G G F G G N
661 ATGACAATTTTGGTTCGAGGAGGGAACCTTCAGTGGTGGTGGTGGCTTTGGTGGCAGCCGTG 720
D N F G R G G N F S G R G G F G G S R G
721 GTGGTGGTGGATATGGTGGCAGTGGGGATGGCTATAATGGATTGGCAATGATGGAAGCA 780
G G G Y G G S G D G Y N G F G N D G S N
781 ATTTTGGAGGTGGTGAAGCTACAATGATTTTGGCAATTACAACACTCAGTCTTCCAATT 840
F G G G G S Y N D F G N Y N T Q S S N F
841 TTGGGCCGATGAAGGGAGAAACTTTGGAGGCAGGAGCTCTGGCCCTTATGGTGGTGGAG 900
G P M K G G N F G G R S S G P Y G G G G
901 GCCAGTACTTTGCTAAACCACGGAACCAAGGTGGCTATGGCGGTTCCAGCAGCAGCAGTA 960
Q Y F A K P R N Q G G Y G G S S S S S S
961 GCTATGGCAGTGGCAGGAGGTTCTAATTACATACAGCCAGGAAACAAGCTTAGCAGGAG 1020
Y G S G R R F *
1021 AGGAGAGCCAGAGAAGTGACAGGGAAGCTACAGGTTACAACAGATTGTGAACTCAGCCA 1080
1081 AGCACAGTGGTGGCAGGGCCCTAGCTGCTACAAAGAAGACATGTTTTAGACAATACTCATG 1140
1141 TGTGTGGGCAAAAACCTCAGGACTGTATTTGTGACTAATTGTATAACAGGTTATTTTGT 1200
1201 TTCTGTCTGTGGAAAGTGTAAAGCATTCCAACAAAAGGTTTACTGTAGACCTTTTCA 1260
1261 CCCATGCTGTTGATTGCTAAATGTAATAGTCTGATCATGACGCTGAATAAATGTGTC 1317