

Table 5.

Cyclin and CDK gene set

Probe	Gene symbol	Rank in database	Rank metric score	Res
1450920_at	Ccnb2	129	0.977	0.023
1448205_at	Ccnb1-rs1//Ccnb1	338	0.805	0.038
1417910_at	Ccna2	409	0.774	0.057
1416868_at	Cdkn2c	419	0.770	0.080
1419943_s_at	Ccnb1	729	0.675	0.086
1452618_at	Cdk5rap2	795	0.656	0.103
1417911_at	Ccna2	1076	0.603	0.108
1420480_at	Cnm3	1080	0.603	0.126
1416123_at	Ccnd2	1139	0.591	0.140
1423475_at	Cnm2	1240	0.577	0.153
1416488_at	Ccng2	1290	0.569	0.168
1430127_a_at	Ccnd2	1448	0.542	0.177
1415907_at	Ccnd3	1501	0.534	0.190
1423622_a_at	Ccnl1	1806	0.499	0.191
1416253_at	Cdkn2d	1915	0.488	0.201
1422440_at	Cdk4	1954	0.484	0.214
1422441_x_at	Cdk4	1979	0.481	0.227
1450674_at	Cdk5	2377	0.442	0.222
1416122_at	Ccnd2	2447	0.436	0.232
1448542_at	Bccip	2487	0.431	0.243
1419313_at	Ccnt1	2492	0.430	0.256
1422439_a_at	Cdk4	2797	0.403	0.254
1426885_a_at	Cdk2ap1	2863	0.397	0.263
1449675_at	Ccnb1-rs1//Ccnb1	2871	0.396	0.274
1432195_s_at	Ccnl2	2882	0.395	0.285
1434745_at	Ccnd2	3015	0.384	0.291
1416873_a_at	Cdk2	3109	0.377	0.298
1416076_at	Ccnb1	3276	0.364	0.301
1422590_at	Cdk5	3878	0.321	0.284
1424830_at	Ccnk	4173	0.302	0.280
1434250_at	Pak2	4234	0.298	0.286
1449229_a_at	Cdkl2	4286	0.295	0.293
1454144_a_at	Ccnc	4323	0.293	0.300
1426703_at	Gak	4436	0.286	0.303
1418584_at	Ccnh	4517	0.281	0.308
1422513_at	Ccnf	5109	0.248	0.289
1448816_at	Ptgis	5157	0.246	0.294
1420745_a_at	Ccndbp1	5291	0.239	0.295
1460291_at	Cdk6	5520	0.229	0.292
1452047_at	Cacybp	6061	0.201	0.274
1452307_at	Cables2	6199	0.195	0.274
1448779_at	Ciz1	7023	0.158	0.242
1421375_a_at	S100a6	7649	0.133	0.218
1427088_at	Ccnt2	7736	0.129	0.218
1448239_at	Hmox1	7751	0.129	0.221
1419497_at	Cdkn1b	8411	0.103	0.195
1416427_at	Ccni	8434	0.102	0.197
1453740_a_at	Ccnl2	8661	0.094	0.190

1421124_at	Cdk5r1	9003	0.080	0.177
1435509_x_at	Cdk2ap1	9024	0.080	0.179
1433451_at	Cdk5r1	9108	0.076	0.177
1448626_at	Cdk5rap1	9147	0.075	0.178
1420980_at	Pak1	10238	0.035	0.131
1456314_x_at	Cdk2ap1	10630	0.020	0.114
1448335_s_at	Ccni	11192	-0.001	0.089
1448334_a_at	Ccni	11466	-0.011	0.077
1448364_at	Ccng2	12428	-0.045	0.036
1423953_at	Cdkal1	13250	-0.077	0.002
1421679_a_at	Cdkn1a	13368	-0.081	-0.001
1416399_a_at	Hmox2	13370	-0.081	0.002
1448229_s_at	Ccnd2	13431	-0.084	0.002
1416492_at	Ccne1	13793	-0.098	-0.012
1417269_at	Cdk9	13963	-0.105	-0.016
1451741_a_at	Cdk7	14164	-0.113	-0.021
1456697_x_at	Dmtf1	14849	-0.140	-0.048
1450016_at	Ccng1	15167	-0.153	-0.057
1455956_x_at	Ccnd2	15373	-0.162	-0.061
1427089_at	Ccnt2	15616	-0.171	-0.067
1456293_s_at	Ccnh	15620	-0.172	-0.062
1451007_at	Cnm2	16004	-0.187	-0.074
1450140_a_at	Cdkn2a	16612	-0.215	-0.094
1422636_at	Dmtf1	16646	-0.216	-0.089
1449177_at	Ccna1	17200	-0.242	-0.107
1454887_at	Pak2	17335	-0.249	-0.105
1452297_at	Ccnt2	17384	-0.252	-0.100
1454149_a_at	Ccnl2	17404	-0.253	-0.093
1427744_at	Ccnb3	17567	-0.261	-0.093
1423067_at	Cdk5rap3	18082	-0.287	-0.107
1450070_s_at	Pak1	18291	-0.299	-0.107
1426704_at	Gak	18430	-0.307	-0.104
1455653_at	Ccnj	18791	-0.329	-0.111
1416124_at	Ccnd2	18997	-0.341	-0.110
1433450_at	Cdk5r1	19020	-0.342	-0.100
1448698_at	Ccnd1	19111	-0.348	-0.094
1424257_at	Cdk7	19211	-0.354	-0.088
1417649_at	Cdkn1c	19245	-0.356	-0.079
1417419_at	Ccnd1	19373	-0.363	-0.074
1420483_at	Cnm3	19696	-0.384	-0.077
1439164_at	null	19704	-0.385	-0.066
1460389_at	Cdk8	20016	-0.407	-0.068
1421123_at	Cdk5r1	20071	-0.412	-0.058
1424638_at	Cdkn1a	20146	-0.419	-0.049
1420979_at	Pak1	20267	-0.430	-0.041
1421635_at	Cnm4	20334	-0.436	-0.031
1417420_at	Ccnd1	20524	-0.453	-0.026
1420354_at	Cnm1	20801	-0.482	-0.024
1450465_at	Cdk5r2	21109	-0.518	-0.023
1428570_at	Ccnc	21331	-0.544	-0.016
1417923_at	Pak3	21501	-0.570	-0.007
1449152_at	Cdkn2b	22543	-0.984	-0.024
1418585_at	Ccnh	22568	-1.038	0.005