

Supplement 2. Sequence positions or rs numbers and minisequencing and PCR primers of the polymorphic SNPs.

SNP	From	Position/rs#	Sequence role	Primer <sup>1</sup>	Sequence 5' to 3'	Size of PCR product (bp)	Variation
STAT1-e	NCBI	rs1400657	UTR	ms primer 5' primer 3' primer	GGATACTATCCCGTGCCTGAGGTCAGAGGAGTAATAATTATTGG CAGAATTGCTATGGCAGATTAAGAC TGGTCGCAAGAACCAAAATAC	171	A/C
STAT1-f	NCBI	rs1547550	intron	ms primer 5' primer 3' primer	TCTCAACTTGTCTGATGGAAAGGGGGCTGGGGAGGGGAGA AACATGAAGAGGCATTAAAAGGAC AGTTTTAGGGAAAAGCGGAAAC	164	C/G
STAT1-h	NCBI	rs1914408	intron	ms primer 5' primer 3' primer	ATACGCTTACCAGCACATAGACCCCTGAGATGACAAATGCCT GCAGCTTTATCTGCATTTCAAAC CCCCTGGGAAATGTTTCAC	262	T/C
STAT1-i	NCBI	rs908598	intron	ms primer 5' primer 3' primer	GCGGCGGTTGACATAAATTTCCACCAAAATAACTACC GTGGTGACAAACAAAGCCAAC TAAACTCCCCTCCCTCCAC	213	A/G
STAT1-j	NCBI	rs952798	intron	ms primer 5' primer 3' primer	GCCGACGCTTCGACAGAAATTAATAAGGAAACCTTGCAAGTG AAAGCAAAAAGTGGACCCATAC GCCCTATACAGCACAGATCTAC	273	C/T
STAT3-13	NCBI	AC# NT_010771:945807,rs744166	UTR	ms primer 5' primer 3' primer	ATTCGGCGGCTCACAAATGTTCTATAAAATTACTGTCA GAAAAGGAGGAGTAAGTGACAAAC AGGGATGGCAGGTTTTAC	334	A/G
STAT3-14	NCBI	rs1026916	intron	ms primer 5' primer 3' primer	ATTCGAGAACTTGCATCAAAAAGTTAACCCAAAGACTGT AAAACGGAGTCTAGAACTGAATGAC CATAGATCCACGGACGTTTAC	277	A/G
IFNAR1-e	BLAST	AC# X60459:19185	exon	ms primer 5' primer 3' primer	GGATAGTTCCTACGTGTGGAAGATTTTCCAGATAA GTGATACCATCTCTCCTCGAAC AATTCGCCTAAATTTTCTCTCAC	206	C/G
IFNAR1-t	NCBI	rs914141	intron	ms primer 5' primer 3' primer	CCTGCACGTTAGAACACTGGTAATAATTTCCTTAATGTATT CATGAACTACATGAAATCAAAAAGTAGAC CCTTACCAGTCAACACTAGAAAC	325	G/T
IFNAR1-u	NCBI	rs914142	intron	ms primer 5' primer 3' primer	CTCGGGCTTATAGATCAGCTTGTGTGGACTCAGTGCT GCCTATGGTTGCTGGGAC CAAATGCCTTAACAGTGTGAC	164	A/G
IFNAR1-v	NCBI	rs1041867	intron	ms primer 5' primer 3' primer	CCCTCGTGGAGATCGAATACCAATAATTTCTCAATTGTGCT GAGTTAAACCATAAAGAACCTTACCAC GAAGAACACGGGAAAAGGAC	317	G/T
IFNAR1-w	NCBI	rs1041868	intron	ms primer 5' primer 3' primer	CGCCAGCTTAGAGCGAAATTCATGATCCAGAGTCCGGCCC GAGTTAAACCATAAAGAACCTTACCAC GAAGAACACGGGAAAAGGAC	317	A/G
IFNAR2-g	BLAST	AC# L41944:27	UTR	ms primer 5' primer 3' primer	ACTCGTCGGATGCAATGATCCGCCGGGGGATTCCTACCC CGCACCCGCCTAAAAGAC GGCTGCGCTCGGGGAAAC	123	G/T
IFNAR2-k	NCBI	rs1051393	exon	ms primer 5' primer	CCATATCTTACACAGCAGGTTGAGCCAGAAATGCCTTCATC TTTCAGATGTAAAAGTCAAGAGAAAGAC	233	G/T

IFNAR2-m	NCBI	rs3153		intron		3' primer AGGAAATGAGTTTGGCAG			
						ms primer CGTCACGTTACCTACATGATGACCTGACCTCTGACATGTGG	149		T/C
						5' primer ACTGAGTGTTCCTGCAGATATAAAC			
						3' primer TTATATTTGAACACCTGACCTGAC			
IFI27	HGBASE	AC#: X67325:485, rs2799		UTR		ms primer CTTAACTATTAGCGTCGGTGGAGAAAGGCACCCAGCCCATC	197		C/G
						5' primer GCTGTCATTGCGAGGTTCTAC			
						3' primer GGAGATGCAGAAATTTGGTATATTTTCAC			
IRF5-b	NCBI	rs1874328		intron, MIR repeat		ms primer AAACGACGTAGGCCGGACATTTGGCCATTCAAAAATAATACCA	428		A/G
						5' primer ATGTTGGTAAACCTCACCTCAC			
						3' primer TCGCACCTGTAATCCCAAC			
IRF5-e	NCBI	rs2402939		intron		ms primer CGTCCGCTAGCTGGATCAAGCCTGGAAAGCGAGCTCGGG	158		G/T
						5' primer GCGGGATGAAGACTGGAGTA			
						3' primer GGAGCGCCTTTGGAAATC			
IFNA21-a	NCBI	rs2939		UTR		ms primer CAACGGGTGGACTCTGCAATATAGAACTGTGGACTGGTGT	559		G/A
						5' primer GCCAGAAGTCATAGAAAGTGTGGAC			
						3' primer CTGGCACAAAATGGGAAGAAT			
IFNA21-b	NCBI	rs1053887		exon		ms primer AGTAGTCCGAAAGGCTCCTATTTCTGCTCTGCAAACTCCCA	559		G/A
						5' primer GGCAGAAGTCATAGAAAGTGTGGAC			
						3' primer CTGGCACAAAATGGGAAGAAT			
JAK1-d	BLAST	AC#: M64174:2238		exon		ms primer GTCCTCGCTTCGCTATGAGATCGACAGTGTGGGCCCC	195		A/G
						5' primer ACTCTGCAGGAGGATAAAGAC			
						3' primer GAGACACACCTTGCCTAGAC			
TYK2-g	BLAST	AC# X54637:1390, rs2304256		exon		ms primer TATTAAGGTTGTACCCCTCGAAAGGCCAAGGCTCACAAAGGCA	296		T/G
						5' primer GGAAAGTGCAGGAGGTATAAAC			
						3' primer CTGCCGGTGGATGCTGAC			
TYK2-h	BLAST	AC# X54637:2357		intron, exon-intron boundary		ms primer GTTACGAATTATGGCTGTGGCAGCTGTGCTTTTACAGATA	246		G/T
						5' primer GCATTTCTCTCCTCCCAAC			
						3' primer TGCTCCACGFACTCTGTAC			
TYK2-m	BLAST	AC# X54637:175, rs280500		UTR		ms primer GTAACGCTTGGACGTAGATTGTAATGAAAACATTACAACCATC	236		T/C
						5' primer TGCGGAACCTATATTGAAAACATTAC			
						3' primer ACACACCTCCCAAAAATAAC			
TYK2-n	BLAST	AC# X54637:822, rs280523		exon		ms primer CTAAGCCATTAGCGGACATTATCACTGTGGGAGCTGTCCGAC	361		C/T
						5' primer ACCTCTGGGCTAGAGAGGAAC			
						3' primer CGGCAATATGCAAAAGTCTAC			

<sup>1</sup>PCR primers contained the universal sequences TTC TAA TAC GAC TCA CTA TAG or TTC TAA TAC GAC TCA CTA TAG GGA GA in the 5' end of the forward primers and GCG GTC CCA AAA GGG TCA GT in the 5' end of the reverse primer.