

Supplementary Material TABLE 1. *S. cerevisiae* strains used in this study

Strain	Source of cloned gene	Genotype ^a
AD12345678u ⁻ (AD1-8u ⁻)		<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>hisG</i>
AD/pABC3	None (plasmid vector control)	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>URA3</i>
AD/CaMDR1	CaATCC10261	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>MDR1-URA3</i>
AD/CaCDR1A	CaATCC10261	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR1A-URA3</i>
AD/CaCDR1B	CaATCC10261	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR1B-URA3</i>
AD/CaCDR2A	CaATCC10261	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR2A-URA3</i>
AD/CaCDR2B	CaATCC10261	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR2B-URA3</i>
AD/CaCDR2A	CaSC5314	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR2A-URA3</i>
AD/CaCDR2A	CaTIMM3163	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR2A-URA3</i>
AD/CaCDR2B	CaTIMM3163	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR2B-URA3</i>
AD/CaCDR2A	CaTL1	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR2A-URA3</i>
AD/CaCDR2B	CaTL1	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR2B-URA3</i>
AD/CaCDR2A	CaTL3	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR2A-URA3</i>
AD/CaCDR2B	CaTL3	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CDR2B-URA3</i>
AD/CgCDR1	CgCBS138	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CgCDR1-URA3</i>
AD/CnMDR1	CnCDC551	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>CnMDR1-URA3</i>
AD/PDR5	ScAD124567	<i>Mata</i> <i>pdr1-3 ura3 his1 yor1</i> Δ:: <i>hisG snq2</i> Δ:: <i>hisG pdr10</i> Δ:: <i>hisG pdr11</i> Δ:: <i>hisG ycf</i> Δ:: <i>hisG pdr3</i> Δ:: <i>hisG pdr15</i> Δ:: <i>hisG pdr5</i> Δ:: <i>PDR5-URA3</i>

^a Separate alleles of each transporter gene from *C. albicans* strains are designated A or B