

EXON NUMBER	ALIGNED SEQUENCE	ALIGNMENT SCORE
1	TGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TATTCCTCCTTTGAACTGCCTCAAGGTAAGTCACTTCACATCCACTTCCATATCTTCAACAAAT-GGCATTTACTATGTAAGGCTATTAACCTTTGAACTATATTTTCGCTTCAATTCACAG	10
2	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TTTTAGGTAGGACTAATATCCATCCAG-ACCC-AGACCAACTTGC-GCCAGTTTCAATTTGAGATTTGTCGCTTAGTTGTTATTAGCATAATCCAGCATAATAGTCTTCTCTTTCAAG	15
3	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TGTCAGCTCAATCATATCCAGTCCAGTCTTTAGGTAAGACATACGCCCATCTGCCTATCCCAACTTGAAGGTTCCTTTGAGAATTAATATTGGGTTCCCTCTCGAAATCCCAG	11
4	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT AACTCTTCTCTGCCCGGCTCAGGCTTATCCGGTCCCTTCTTTAGGTAACCCAA-CCCAACTTAGGCTTATATATGTAGATTACGTTTCCGGTCTATTAATATGCCGAATTCACAG	12
5	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TGTCGAGTCAAGCCTATCCAGTCCCTTCTTTAGGTAACAACTCCCTAATTTTATGCCCAAC-TCAGGCAGGGTCTAGAATCTAAAAGTTAATTTTTATGTAAACCTCCTTTAAG	14
6	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT GTGCCGTGTATAGGTAATAACAGCTCTTTTATTTCAGTC-AGT-CCCT-TCCCATC-T-CAGGCACAAAATGATCTTGTAGTGGTTGAACTAGAATCCCTAATTTCTCTCTTATAG	12
7	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT GCGTATCCACAGCCTTTCTTTAGTAAAAGCTCCACAAGAATATCCCTGACTTTCACATTC-GGCAGTTTCAATTTGAGTTAGGAATCTTGTACGAAATGAAACGAATTTAACCTTCGAG	13
8	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CTATGTCCAGCTCAGGCATATCCAGCATAATCTAGTAACCTTCAACTCCTAGGCCCAACTCAAGAAAAGATACCTGCTTCTACATGGGATAGCTAATTTTCGATTTTGTAG	12
9	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT GTCCGGTACAATCGTATCCCATGCCTGTTTTCAAGTAAGATTCACTGAGGTTTTACTTTAAATTAATCCAAACACATTCAGTCAGTTG-CAATTAAGGAAAAAATCTTTAAATTTTAG	13
10	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CTCCTGTGCATGGCTCAGTCGATCCTACCCCGTCCCTCAGGTTGGTTTCCCAACATCATCATCAGCAGTTTCTCTGTCTTCCGTGACTCCTCTGATGTTTTCGCCGTAG	15
11	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TTCCAGGGAATCGGAATCGCTCTACTGTGTCCGGCCAGTCATATCCGATTCAGCCACAGGTTTGCATGCCATCAATTTGGAACTTTATAATTTACAGGGCGGATTCGAATTCAG	8
12	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CATCCAGACATATCCCTTCCCGTGTAGGTAGGTAGTCTTACTTGTCTCAACTTCCAACATTTGGGCAGATTTCTGGGTATATATCCAGTCTTAAAGTCTTATGTTTCGCTCAG	14
13	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT GCCCTGGTCAGGCATTTCCAGTACCCATTAACAGGTAATACGTAGCCATCCCAACCAATTCAGACTGTTTTTTTTTTTATTGGACATCTGAGGATTTCAATATACTTCATATCCAG	13
14	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TCCCGTCCAGCATATCCAGTCCGGTCTTAGTGGTGTCTTCTTCTATCCCAAGCATTCAGATAGATGATTTTGGAAATATTTCCCTAATAGTATTGTTTCAACCAATCAG	13
15	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CTCCATGCAATGTCTGGCAGGCATACCCGGTCCCAATTTAGGTTAGTCTCGA-TGCCCTCCCAACATTCATTTGTATGCCGAAGAACTTAAATTTATCTTAAACCCAG	13
16	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CCTCCAAGCTCTCATGTCCAGCTCAGTCTGATCCAATGCCGTTCTTTAGGTAATAACCCCTGTCC-AACATTCAGGTATTTCTTAGCATGGCTACTAAGGAGTCAATTTCTCTTAG	15
17	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT AGTCTTATCCAGTCCCTGCTTCCCGTGTAGTACCCAGTCTGTC-AGGACT-TGTCCAGCACTTAGGCAGTAAATCGAAATCGGCAGATGCCATGACTAAGCTCCCCCTAAATCTTTGTAG	14
18	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT GTCCAGCTCAATCCTTTCCATGCCAAGCGCTCGTAAGCTTTCAGGCAGTTTCTTAAAGAAATCTTCTTAAAGCTCATATGTTTTGGAGATTGATTTAGCACTTGTACTATTTCAG	14
19	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CCATGCCAGTTTATAGTAGGAATATCTCTCTGTCTTCCGTCAGGCAGTTTCAAGTTTCTTTAGCTGATAGGTGTCTATAGTACAATACATGCACTTCTTACTGAACCTTTCAG	15
20	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CAAGGATTTCCATATCCCGCATTTAGGTAATCACAATGTCTGAGTACAGTCCACAGCCAGGTTTTCATGATTTGGATCATTAGTTGTATCTATACCTCCGATATACCTTCTTACAG	10
21	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CTCAAGTTTATCCAATGCCAGGTTTAGGTAATAAACAATTTGAGTACA--ATCCTACAGAT-C-GG--GTTTTCAATTTACATAGAATGTTTGAAGCAATATAAAGATATAATTTAG	12
22	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT GCCAGCTCAATCGTATCCAACTCCAGCTTTTAGGTAACACTTAAGATTTAAATTTGTCAGTACGTAAACCATTCTGGCAGATTTTGAATCAAACCTAAGATAAAACCTCCACAG	12
23	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CAATGTCCAGCTCAGGCTTTCCGGTTCGGTTTATAGGTAATTTGTCAGTGCCTGGTTCCTTATTCATGTAGTTTCAATTTGGTCTATAGTGTCTACGTAATTCGGCACTGTTTCCAG	17
24	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT GCACAGTCTTTCCAGTCCCGTTTATAGGTTGGTCAATTTGTCAGGCTCTTTACATCCAACTTTCAGGCAGTCGAGGCAGTTCATCCATCATAAATCTCATCTTAAATTTGTAG	11
25	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CCCCTCCGCTGCAAAACTTAGTTGAATGACAGGTCGCTTCCAAATTTGTCAGTCCCTTGGCAGTTTCAATTCAGCAGCGGTTTTCGGTCTCATCCCACTTCCATTGCTTCCAG	13
26	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TATTTTCCCGCCCAATCCTATCCGGTTCCTGATTCAGGTGAGCCCATCCATTTCCTCAGGCAGTTTCACTAGACTTCGGTTAGCTGGCACTTCAATATTCATTATCTTTCAG	15
27	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CTTTTGTCCAGCTCAATCGTATCCGGTACCCTGTTAGGTAATCCCAAGTTCCTCAGGCAGTTCCTCAACTGACTTTTAAATCTCAAATGTTTACTAAATGGCAATCTCTTTAG	13
28	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CTTACCCCTCTTTTCCCGTCAAGCCTATCCAGTACCCTTCTTTAGGTAATCCCTACGATTTTAGGCAGTTTCCCGTTTACTTAGTTCTAGTGTGTATACCCCTGTTTATAG	13
29	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TGTCAGCCAGGCATATCCGGTACCATTCTCAGGTGATTCTGCTCAGACATTCAGGCAGTTTAAAGTTATGGCTGTCTTGGAGTGAATCGTTATGGAATATTATGATTTATGTTTCAG	15
30	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TCTAATAATGTCTCCGAGGTTTCCCGTCCAGCTTTTAGGTAAGTCCAACTTCAGGCAGTTTCAATTAACAATAGTTTCTTGGTAAATGGTGTATTAACCTTTTATAG	19
31	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CTACCCGGTGCCTGTGTTAGGTAATCAAAGCGAAAGATTGGGAATCAGGTCAATATTCAGGCAGTTTGTATGGAGTTGTTAGGCTCTTATAGTCGAAATGAAATCTTTTTCAG	14
32	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TCCGTTTCTTCCAAATAGGAAATACATTTTGTCTTCTATGATTTCCA-CATTCAGCAGTTCGCGCACTTACTCTCTTAACTTTTGAATTTGTAACCTTTGCTTTTCAG	14
33	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT GTTCTACAGATTTCTGAGGGCCCTGAAACCAACAT-CAGGCTTGGTTTTGATTTCTTTTACATAGAAACACTATAAACTATAAACAAGTTAAATCCATATACATATGATACGTATGATAG	14
34	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TTTCTAGATTTCCCTCAGAGATGAAGTAACAAATAAATAGGTAAGTTCAGCCTTAGACCAACAT-CAGGCTGGGATATCGATCCATAAAGAACTTACCATAATCTCTTCCAG	11
35	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT ACTGTGTTTATTGCGCTTACCAATACCAGTAGAAGATCCCTTATAGCAAGCTTACTTCTATCCCATACATTCGCAATGTCGGATAGATTCTAATACTGCCATCATCCACAG	14
36	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT GTGAAAGTTTGTGCTTGCATTAATGAAAGTATTGATGACTTTCGTCAGCCCAAGCAGCATTCAGTTCAGTTTATTGTTGCGTTTAGCTTAATTAATGGGTGACTTAATTCACAG	13
37	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CCAAGCCTTTCCAGTCCCATCATTAGGTAAGCCCACTTCAGGCAGTTTGAAGTTACTAGTGTATGATTTTTGGAACACAATTAATCAGAATGCCAATTTAATAAATTTCCAG	16
38	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TTTTAGGTATATACAATTTTTGGTTGAAGAAAGTAAGTACGGCCGAAATTTAGCAGTCCAGAGGATTTAGATGGAATTTGGTCTTTAGAGTTAAAATTTACGTAACTTTTCAG	10
39	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT ATTCAAATATACTCCACTTCTTATGTTAAAATGGTTCAGCTGTGATAAACCATTTTCAGTTCAGTTTCAATTTAAGTGCATTTTCCCTTAAATAATGATTTCAACTTTTATAG	17
40	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CAATCCTATCCCTGTAACAATATTAAAGTA--TTCAATTTCAATCCAACGCTGTTCAACTGTTCTGTTAGGTTTCAATAGAAATTAATGCCAAAGACATATTACATTTATCTATTATAG	11
41	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT AGCGGTGATTAAGGCAGCTTTGCTCTTTTGTGCCAGCTCAGGCTTCCCGTTCCTCATTT-AGGTAAGTTTCAGCAAAACAGGCTTCTAGGTTAATCTCTTTAAAACATTCAG	13
42	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CGATGCTTTGCCAGGCGCAGGCTTTTCCACTGCCATAATGAGTTAGCCTTGTATCCGCTGTAATTCAGGCAGTTTCAATAGAGATTAGTCACTTTTAAATTTGTTAATTTATTTTCAG	14
43	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TTGTCAGGCTCAGGCATATCCAGTCCCATATGAGGTTAGATATAAATACTTTAGCAT-CAGGCAGTTTCCCATATACAAATCCCTTGAACATAAAGTTCCAAGTCAATGTTTTCAG	13
44	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CTCAGGCTATCCAGTTCGGCTATGAGTACTACATGACCTAAACCAACCTATTTCAGGCAGTTAATTAAGCAGCCTCAAACAATCTTAAGTTTCCAAATTTATTCGAATTTTCAG	11
45	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CTACTCGGCTCGAGTTCGAGTATTTGTGCTACTTTGCCAGGCTCAGGCTTTTCCAGTTCCCTATACACGTAATTGCAGTTCAGGCAGCTTAGAAGCCTTTCTTTCTTTACTAG	10
46	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT GAGTACCTATCCCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT TCGCGTACTCTGCCAGGCGCAGGC-GTATCCAGTCCATTGATAAGGTAGCAATAAGTACTAAGACTACAACATCAATAAGTCCCATAAGAAGCATATTGTTACTTTTGTAG	6
47	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT ACTAGTTTCCGCTTTTGTGCCAGGCGCAGGCTTTCCAGTACCATATCAGGTTAGTCCCAACTTCGGGCA-TATCCAAATTAGACAGAGGGCCATTTTACGTAAGTCTGATTCAG	15
48	TTGTCGAGTACCCATC-CCAACATTCAGGCAGTTTCAATTT CTTGGGCAATGTTTTCCACACCCCACTTTAGGTAATGAAAGCTATTTATCAGAGCCAACTTCAGGCAGCAAAATAGCATTTCAAATAGGATCTTACAGAATTTGCTTTGATTTTCAG	15