

Table 4. Site of isolation of strains used to resequence *amiA*, *fepE*, *ompC*, *adk*, *icd*, and *mdh*

Allele	No. strains	Urine	Periurethral	Fecal	Genome sequences	GenBank accession no.
<i>amiA</i> _1	0	0	0	0	EDL933	DQ389000
<i>amiA</i> _2	0	0	0	0	SAKAI	DQ389001
<i>amiA</i> _3	1	1	0	0	-	DQ389002
						DQ389003, DQ441119, DQ441120, DQ441121, DQ441122,
<i>amiA</i> _4	5	3	0	2	K12	DQ441123
<i>amiA</i> _5	2	1	1	0	-	DQ389004, DQ441124
						DQ389005, DQ441125, DQ441126,
<i>amiA</i> _6	4	4	0	0	-	DQ441127
						DQ389006, DQ441128,
<i>amiA</i> _7	1	0	0	1	Shigella 2T, 301	DQ441129
						DQ389007, DQ441130, DQ441131, DQ441132, DQ441133, DQ441134, DQ441135, DQ441136, DQ441137, DQ441138, DQ441139, DQ441140, DQ441141,
<i>amiA</i> _8	13	11	2	0	CFT073	DQ441142
						DQ389008, DQ441143, DQ441144, DQ441145, DQ441146, DQ441147, DQ441148, DQ441149, DQ441150, DQ441151, DQ441152, DQ441153, DQ441154, DQ441155,
<i>amiA</i> _9	14	12	1	1	UTI89	DQ441156
<i>amiA</i> _10	7	5	2	0	-	DQ389009, DQ441157,

amiA_11	3	2	1	0	-	DQ441158, DQ441159, DQ441160, DQ441161, DQ441162 DQ389010, DQ441163, DQ441164
fepE_1	0	0	0	0	K12	DQ389058 DQ389059, DQ441165, DQ441166
fepE_2	3	2	1	0	-	DQ389060, DQ441167
fepE_3	0	0	0	0	EDL933, SAKAI	DQ389061, DQ441168, DQ441169, DQ441170, DQ441171, DQ441172, DQ441173, DQ441174, DQ441175, DQ441176, DQ441177, DQ441178, DQ441179, DQ441180, DQ441181, DQ441182, DQ441183, DQ441184, DQ441185
fepE_4	19	15	4	0	-	DQ389062, DQ441186, DQ441187, DQ441188, DQ441189, DQ441190, DQ441191, DQ441192, DQ441193, DQ441194, DQ441195, DQ441196, DQ441197, DQ441198, DQ441199
fepE_5	14	12	1	1	UT189	DQ389063, DQ441200, DQ441201, DQ441202, DQ441203
fepE_6	5	3	0	2	-	DQ389064, DQ441204,
fepE_7	3	1	1	1	-	

						DQ441205
fepE_8	1	1	0	0	-	DQ389065
fepE_9	0	0	0	0	CFT073	DQ389066
fepE_10	1	1	0	0	-	DQ389067
						DQ389068,
						DQ441206,
fepE_11	4	4	0	0	-	DQ441207,
						DQ441208
						DQ389011,
						DQ441209,
						DQ441210,
						DQ441211,
						DQ441212,
						DQ441213,
						DQ441214,
						DQ441215,
						DQ441216,
						DQ441217,
						DQ441218,
						DQ441219,
						DQ441220,
						DQ441221,
						DQ441222,
						DQ441223,
						DQ441224,
ompC_1	17	15	1	1	UTI89	DQ441225
						DQ389012,
						DQ441226,
						DQ441227,
						DQ441228,
ompC_2	4	3	1	0	CFT073	DQ441229
ompC_3	1	1	0	0	-	DQ389013
						DQ389014,
ompC_4	2	1	1	0	-	DQ441230
						DQ389015,
ompC_5	0	0	0	0	EDL933, SAKAI	DQ441231
						DQ389016,
						DQ441232,
						DQ441233,
ompC_6	4	1	1	2	-	DQ441234
ompC_7	1	1	0	0	-	DQ389017
						DQ389018,
ompC_8	0	0	0	0	Shigella 2T, 301	DQ441235
ompC_9	1	1	0	0	-	DQ389019
						DQ389020,
						DQ441236,
						DQ441237,
						DQ441238,
						DQ441239,
						DQ441240,
						DQ441241,
						DQ441242,
						DQ441243,
ompC_10	13	11	2	0	-	DQ441244,

						DQ441245, DQ441246, DQ441247 DQ389021, DQ441248
ompC_11	2	1	0	1	-	DQ389022
ompC_12	0	0	0	0	K12	DQ389023
ompC_13	1	1	0	0	-	DQ389024
ompC_14	1	1	0	0	-	DQ389025, DQ441249, DQ441250
ompC_15	3	2	1	0	-	DQ389026, DQ441069, DQ441070, DQ441071, DQ441072, DQ441073, DQ441074, DQ441075, DQ441076, DQ441077, DQ441078, DQ441079, DQ441080, DQ441081, DQ441082, DQ441083, DQ441084, DQ441085, DQ441086, DQ441087, DQ441088, DQ441089, DQ441090, DQ441091, DQ441092
adk_1	25	21	4	0	-	DQ389027
adk_2	1	0	0	1	-	DQ389028, DQ441093, DQ441094, DQ441095
adk_3	3	2	1	0	CFT073	DQ389029
adk_4	0	0	0	0	K12	DQ389030, DQ441096
adk_5	0	0	0	0	EDL933, SAKAI	DQ389031, DQ441097, DQ441098, DQ441099, DQ441100, DQ441101, DQ441102, DQ441103, DQ441104, DQ441105,
adk_6	14	12	1	1	UTI89	

						DQ441106, DQ441107, DQ441108, DQ441109, DQ441110 DQ389032, DQ441111, DQ441112, DQ441113, DQ441114, DQ441115, DQ441116, DQ441117, DQ441118
adk_7	7	4	1	2	Shigella 2T, 301	
icd_1	0	0	0	0	EDL933, SAKAI	DQ389033, DQ441027 DQ389034, DQ441028
icd_2	2	1	1	0	-	DQ389035, DQ441029, DQ441030, DQ441031, DQ441032, DQ441033, DQ441034, DQ441035, DQ441036, DQ441037, DQ441038, DQ441039, DQ441040, DQ441041
icd_3	13	12	1	0	UTI89	DQ441041
icd_4	1	0	0	1	-	DQ389036 DQ389037, DQ441042, DQ441043
icd_5	3	2	1	0	-	DQ389038, DQ441044
icd_6	0	0	0	0	Shigella 2T, 301	DQ389039, DQ441045, DQ441046, DQ441047, DQ441048, DQ441049, DQ441050, DQ441051, DQ441052, DQ441053, DQ441054, DQ441055
icd_7	12	10	2	0	-	DQ389040
icd_8	0	0	0	0	K12	DQ389041, DQ441056, DQ441057, DQ441058,
icd_9	9	8	1	0	-	

						DQ441059, DQ441060, DQ441061, DQ441062, DQ441063
icd_10	1	0	0	1	-	DQ389042
						DQ389043, DQ441064, DQ441065
icd_11	3	2	1	0	-	DQ389044
icd_12	1	1	0	0	-	DQ389045, DQ441066
icd_13	2	2	0	0	-	DQ389046
icd_14	0	0	0	0	CFT073	DQ389047, DQ441067, DQ441068
icd_15	3	1	0	2	-	DQ389048, DQ440980, DQ440981, DQ440982, DQ440983, DQ440984, DQ440985, DQ440986, DQ440987, DQ440988, DQ440989, DQ440990
mdh_1	12	10	2	0	-	DQ389049, DQ440991
mdh_2	0	0	0	0	Shigella 2T, 301	DQ389050, DQ440992, DQ440993, DQ440994
mdh_3	4	1	1	2	-	DQ389051, DQ440995
mdh_4	0	0	0	0	EDL933, SAKAI	DQ389052
mdh_5	1	1	0	0	-	DQ389053
mdh_6	0	0	0	0	K12	DQ389054, DQ440996, DQ440997, DQ440998, DQ440999, DQ441000, DQ441001, DQ441002, DQ441003, DQ441004, DQ441005, DQ441006, DQ441007, DQ441008, DQ441009, DQ441010
mdh_7	24	21	2	1	UTI89, CFT073	

						DQ441011, DQ441012, DQ441013, DQ441014, DQ441015, DQ441016, DQ441017, DQ441018, DQ441019, DQ441020 DQ389055, DQ441021, DQ441022, DQ441023, DQ441024
mdh_8	5	3	2	0	-	DQ389056, DQ441025 DQ389057, DQ441026
mdh_9	2	1	0	1	-	
mdh_10	2	2	0	0	-	

Allele names are colored as in Fig. 2; red indicates strains included in foreground branches where positive selection is detected. Allele sequences for *amiA*, *fepE*, *ompC*, *adk*, *icd*, and *mdh* are deposited in GenBank with the indicated accession nos.