

Os11g31190 CCGTGTCTGACCAAGGAGGTCTGAGGCGGCACGGCCACCCGGCGACGACGACC--ACTCCGC
Os12g29220 CCGGCGAGGGGAAAGAAAGGAAGGGAAAGCTGGCGGCGGCGGAGGAGCTCC--CCGTCTGT
Os8N3 CCGTGTCTGCCGACGACGTCCGACTCCATGTCCCGGATCTCCGCCGCCGCCG--**CCGCCAC**
Os03g22590 CCGCCGTGTCTGAGGCGGCCCGCCGCCAGCAGGTTGAGGTCAAGGACCAGCAGCAGCTGC
Os02g30910 TGTGTGGCTCTGTCCTCCTCCCGTGGTGGCGGCCGGGCTGGAGATCAAGCTGCCGGAGC

Os11g31190 CGCCGGCG-TCAAGGAGCACGTCTGCA----ACAT---CGCCAAGCTCTCTGCCGCCGTCT
Os12g29220 CGTCAACG-TCGGCAAGCTCTGCCGCCG----CCACGCCCGACAGGAGCACCGGCCCGGTG
Os8N3 GCAGAGGG-TGATCGAGCTCCCGCCG----GCACGCACGCCTTACCATCTGTCCGTG
Os03g22590 AGATGCAGCTCCAGGCG-TGCGCGGCGGTGGCGCCGCTCGACGTCGACGCCGACGCCGAC
Os02g30910 ATGTCAAG---GAGGTGCAGGCCGTCTG----CCAAGGGCGCCGTC-GCGGCAGCGCCGGA

Os11g31190 GACGT-CGTCAAGAC--CCGCG-AGGTGCACCCCG--TCGACGTCGAGTCCCGGCCGGC-
Os12g29220 CACGTGCACCCAGTC--CCG---AGGAGCTGCGCG--GCG-----GAGGCGGCGGGCG-
Os8N3 AGCCC-CATCCCAGAT--CCTCG-GCGTGCACAAGG--TCG-----AGGTGGTGGCCG-
Os03g22590 GCCGA-CTTGAGGCGGCGGCG-CCGGCCACCCCGCAGCGGCCAGCTGACGATGACGCCA
Os02g30910 GGGCAGGATCAGCTGCGGCGCGGAGGTGCACCCCA--TCGAC---GACGTGATGCCCTC-

Os11g31190 -AGAGGCGCCGCCT-GAGGAGGACGACAAGGCCCGCCGCCACCGCCGC-CGCCGTGCG
Os12g29220 -CGA---GCCGGAG-GTGCTCTGTCGACATT-CCGCCGCCGCCGCCGCCGCCGCCGCTCGA
Os8N3 -CGA-----GCAG-GCGGCCGACG-----GCGTCGCCGCCGCCGCCGC-CGCCGACAA
Os03g22590 TCGAC-CACAGGAGCGTCTGCTGTCGACATC-CCGCCGCCGCCGACCCGC-CGCCGGCGC
Os02g30910 -----GGAG-GTGGTGGAGGTGAAG--GTGGATGACGAGGAGACGAACCGTA--

Os11g31190 CGGCGCCGGCGAGAAGAA-----GGTAGCTGCATGAGTGCGT-GC-----ATGCG----
Os12g29220 GGTGGCCGCCGTGTAGGGTCCCCGCCGGTCAACGCGTGCTT-GC-----ATGGCCA-
Os8N3 GGA-GCTGC--TGAGAACAAGCCGGAGGTGATCGAGATCACCBC-----CGCCGTGT-
Os03g22590 TGC--CGCCGTGGAGGTGGCCCTGATCGATCAGTGAGAGGGTGACGTATTGAGCTGCTTG
Os02g30910 ----CGGAC---GAGAT-----GCCGGTGACGGCGATCAC-GCT-----ATG-GTCAG

Os11g31190 TAC---ATGGGTC-GCCGTAAGAAG---AAGAAGGCGTGACG--TG-----TCCA
Os12g29220 TGC---ACGTGT--GCAGTACCACGTGCCACGTACACTTTAATA-TGAA-----CTCCA
Os8N3 GACG--ACGACTGATCTCGACGACGA--CAGATTCTCGCTACTGATGAA-----GAAGA
Os03g22590 TACTGCACGCGTGATGACCACGACTGACCAGAGTGACCTAATTACTGTGTGTTAGCTGCA
Os02g30910 AACGG-AGCAGA--TCATCAAGCCTG---ACATGGCCATTGTTG-TGGAA-----GTGTA

Os11g31190 GCCCGTACGCG----GCCACGTGGCCA-----AGCTAGCT--TCAGAGCTAGTGA--A
Os12g29220 GGGCAAACCTTGAGGAGACAAAGCTACCACCAATTAATAACT--TAATTATTACTCA
Os8N3 CGACGACGATGGC--CGGATCGATGACGGACAGAATTTAGCAG-TGTGGATTACTACCGA
Os03g22590 GCTCATTCTAGCT---GAATCGCATGCA-----TCTTAGCT--AATTAATTATTAT--A
Os02g30910 GTCTGATTAAGCT-----TAGAGAACTAGTAGTAATTCTCTCATGTGAGGTATAGC-CA

Os11g31190 GCTGC---AGACATGCTAGCTGGC-TAGC---TAGCAGTGAG-----AGAGTGCGACG
Os12g29220 TCTTTCCCAAATATAATTACTTT--TAGCCTCTAAAATTTATCTCAAATATAGCAACT
Os8N3 ACTTTA--ATTAGTTGGTTAATTAT-TGGA---TTACAATGTGGT---AAGAGTGTGTCA
Os03g22590 TATATCTGCATGCTTAATTAATTAAGTCGCGA-TATATATGTG---ACTGTATGTATCT
Os02g30910 GCTAGCTGGTGGTACACAACATA---AACACGAACACATGTT-----CATCGGTACGT

Os11g31190 ACTAAAAAAAAGTAG-TGA--TTAATTAAGGG----CTT---GTAATTTAATCG-TTGT
Os12g29220 TCTTCACCTATATTCTCTTA--TAAACAATCGTAACCTTCCAGTAATTAAATTTCTTAC
Os8N3 TTAGCAGCTAG-TTAACTTACTTAAATTAATTATCTTGTTC-AGTCAGTCAGTCAGTCAG
Os03g22590 GTTGCCGCGTTCTTTA-TTC--TGAGTTGTAGG-ATGATT--AG-AATTTTGCTAGTGGG
Os02g30910 ACT--AGCTAC--TAGGTGAG-ACACCTCTTGG----CGT--AGTACGTACAGTAGTACT

Os11g31190 TTTTTTTTTTCTC-TGTT-TCGTTGAGATCGATATCG-----TTGTCACC--ATGCATG
Os12g29220 ATATATATTTCTCCTCTTATCAATCA-ATCCCAACTGCCTTTTTTTTTCATTTTATTCCTG
Os8N3 TCAGTCAGTCAGC---TT-TGAGTGA-----GTGAGTG-----AGTGATC---TCGACG
Os03g22590 CTAAGTACATGTATGCACATGA-TCATCTATCAGCTG-----CTGGTCG-ATGCGTG
Os02g30910 CCGGCCAGATCTA--GTAGGGACTGTATTGGCGCGTG-----ACTCGCCTGGTTCGTC

Os11g31190 TA--TTTCGTTTTTGTATTC-----TCAGTAAT-TAATTAGAT---GGG-----
Os12g29220 TAACTTTCGTAATATATCCGTATATCCTATCTAAAC-TTATTATATTTTGGGATGGTGA
Os8N3 TAG-TTTGCTGGTTGGT-----GTAA--TAAGAAAA--GCGAT-----
Os03g22590 TA---T-CGCCGTACGT--G-----TATGAT-TGGGGACAC---GTG-----
Os02g30910 CAGCTTGCATGCAGAGACCG--ACCGAGCAAGCAAGCTAATTAAGC--TGGCCCGACCG
Os11g31190 -----CTTCTT----GTAATTC AACCTGTAAGGGTTCCCTC-CATGATTA
Os12g29220 TGGTATTATATATCTTCTTTCATGCATGCCATGCAACT-AGAGACGGGGGAAGC-TATGTGTA
Os8N3 -----CTACTAGTA-GTCTACTAGCT-AGT-ACGCATGCATG-TGTGTGTG
Os03g22590 -----TACT-GCA--TCTGCATGCT-AGT-ACG-TGGCATC-TCAGTTTA
Os02g30910 ACCGAGTGCATGCGTGTTTGTGTAACCTAGCTACTGAGGGGGGAGTGAAGGGTGTGGGTG

Os11g31190 ATTAATTAGC--G----TGTT----AATAA----TTG---TCCCACC-----
Os12g29220 ATGTATGTGCATG----TGTT----TCTCTGGTGTGGT-TTCCGCTTCTGTTGTATTCA
Os8N3 CTCTACTTACC-G----TGTTGCAATCTCATCTCTTTGT-ACTTACAACCTCA-GAAATCA
Os03g22590 TGGTACTAGCTAGACACTGTACTGCTCTCCAA--TCAAT-AAAAGCCCATGT---ATCA
Os02g30910 TGCAATCGACCGGCC--TGTGCG-TCGATGCTCTTGCTTAGCTTCATTCGATTCATGCA