

Sequence alignment of DEF-like proteins. The x-axis represents amino acid positions from 10 to 100. The y-axis lists the proteins: At-AP3, Hm-AP3, Am-DEF, Ph-DEF, Bu-DEF, Sc-DEF1, Sc-DEF2, Ma-DEF, Ce-DEF, Sl-AP3, Sp-DEF, Ja-DEF, Sm-DEF, Ph-TM6, Bu-TM6, Sl-tm6, Sp-TM6, Ma-TM6, Ja-TM6, Sm-TM6, Sc-TM6, Ce-TM6, Hm-TM6, Gt-AP3-1, Sc-AP3, Mp-MADS7, Lr-DEF, Zm-SILKY1, Os-MADS16, Amt-AP3-1, Ph-GLO2, At-PI, Ph-GLO1, and Am-GLO.

	110	120	130	140	150	160	170	180	190
At-AP3	GESCLDELDIQELRRLDEMENTFKLVRERKFKSLGNQIEPTTKKKNKSQQDIQKNLHIELELRAEDPHYGLVNGGDYDSVLGYQEG								SRAAYALRHFQ
Hm-AP3	GESLNDLSWKDLRQELEMQEMDSSVKKIIIRERKFYRVLGNQIDT	HRKKVVRNAEEIHRYIIEHEFVEK	KEEDDPHYGLVNGGNYDSVLGFPNGPPIRAVFLQ						
Am-DEF	GESLNDLGYEQIVNLIEDMDNSLKLIRERKFYKVISNQIDTSKKKVRNVEEIHRLNLL	EFDARREDP	FGLVNEGDYNSVLGFPNGGPRIIA1RLQ						
Ph-DEF	GESLNDLNYEQLELMENVDNSLKLIRERKFYKVGNOIETE	FKKKVVRNVEEIHRLNLL	EFDAQRQEDP	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD
Bu-DEF	GESLNDLNYEQLELMENVDNSLKLIRERKFYKVGNOIETE	FKKKVVRNVEEIHRLNLL	EFDAQRQEDP	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD
Sc-DEF1	GESLNDLNYEQLELMENVDNSLKLIRERKFYKVGNOIETE	FKKKVVRNVEEIHRLNLL	EFDAAREDP	YGLVQGGD	YGLVQGGD	YGLVQGGD	YGLVQGGD	YGLVQGGD	YGLVQGGD
Sc-DEF2	GESLNDLNYEQLELMENVDNSLKLIRERKFYKVGNOIETE	FKKKVVRNVEEIHRLNLL	EFDAAREDP	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD
Ma-DEF	GESLNDLNYEQLELMENVDNSLKLIRERKFYKVGNOIETE	YKKKVRNVEEIHRLNLL	EFDAQRQEDP	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD
Ce-DEF	GESLNDLNYEQLELMENVDNSLKLIRERKFYKVGNOIETE	YKKKVRNVEEIHRLNLL	EFDAQRQEDP	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD
Sl-AP3	GESLNDLNYEQLELMENVDNSLKLIRERKFYKVGNOIETE	YRKKKVVRNVEEIHRLNLL	EFDAQRQEDP	YGLVHDG	YGLVHDG	YGLVHDG	YGLVHDG	YGLVHDG	YGLVHDG
Sp-DEF	GESLNDLNYQQLEELMENVDNALKIIIRERKFYKVGNOIETE	YRKKKVVRNVEEIHRLNLL	EFDAQRQEDP	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD
Ja-DEF	GESLNDLNCEQLMENVDNSLKLIRERKFYKVGNOIETE	YKKKVRNVEEIHRLNLL	EFDAQRQEDP	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD
Sm-DEF	GESLNDLNYEQLELMENVDNSLKLIRERKFYKVGNOIETE	YKKKVRNVEEIHRLNLL	EFDAQRQEDP	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD	YGLVQEGD
Ph-TM6	GEDMSGLNLQELCHLQCGNVSDS LAEIRERKFYHVIKTQDT	TCRKRKVRNLEEHQHGS	SLVHDLEAKSEDPTYGVVN	EHFNSAMAFANGVHNLYA	AFLRQ	PRI	LAIRLQ	Q	OP
Bu-TM6	GEDMSGLNLQELCHLQCGNVSDS LAEIRERKFYHVIKTQDT	TCRKRKVRNLEEHQHGS	SLVHDLEAKSEDPTYGVVN	EHFNSAMAFANGVHNLYA	AFLRQ	PRI	LAIRLQ	Q	OP
Sl-tm6	GEDMSGLNLQELCHLQENITESVAEIRERKFYHVIKNQDT	TCKKKKARNLEEONCT	LVLDEAKCEDPTYGVVN	EHFNSAMAFANGVHNLYA	AFLRQ	PRI	LAIRLQ	Q	OP
Sp-TM6	GEDMSGLNLQELCHLQENITESVAEIRERKFYHVIKNQDT	TCKKKKARNLEEONCT	LVLDEAKCEDPTYGVVN	EHFNSAMAFANGVHNLYA	AFLRQ	PRI	LAIRLQ	Q	OP
Ma-TM6	GEDMSGLNLQELCQI QENITDSLAEIRERKFYHVMKTQ	TETWRKKVKNLEQKHGN	LNVLDEAKCDDPKYGVVN	EHFNSAMAFANGVHNLYA	AFLRQ	PRI	LAIRLQ	Q	OP
Ja-TM6	GEDMSGLNLQELCHLQENITDSLAEIRERKFYHVIKTQDT	TRKKVKNLEOQHGN	LNVLDEAKCEDPKYDVVN	EHFNSAMAFANGVHNLYA	AFLRQ	PRI	LAIRLQ	Q	OP
Sm-TM6	GEDMSGLNLQELCHLQENITDSLAEIRERKFYHVIKTQDT	TRCRKKVKNLEOQHGN	LNVLDEAKCEDPKYDVVN	EHFNSAMAFANGVHNLYA	AFLRQ	PRI	LAIRLQ	Q	OP
Sc-TM6	GEDMSGLNLQELCHLQENITESVAEIRERKFYHVIKNKT	DTCRKKVKNLEOQHGN	LNVLDEAKCEDPKYDVVN	EHFNSAMAFANGVHNLYA	AFLRQ	PRI	LAIRLQ	Q	OP
Ce-TM6	GEDMSGLNLAECHLQENISHSLTEIRERKFYHVIKTQ	ETCKKKVKNLEERHGN	LNVLDELETCKEDPKYGMVN	EHYNSSME	GFI	GH	HNLYA	FRV	LLP
Hm-TM6	GEDINDLNLNLENLRFDEQKSAASTAVIRERKFYHVLKT	QTETCRKKVKNLEERY	YCNLFLDWEQ	GYD	SAVAFAN	VNPNSY	AFLG	Q	OP
Gt-AP3-1	GEDIDDLRFQIVALKVKTISSITSIRERKFHVIKNQI	STTNC	STTNC	GYD	SAVAFAN	VNPNSY	AFLG	Q	OP
Sc-AP3	GEDIDDLTFEEIRLGEQNLDTSKLVVRDRKFYHVIKTQDT	TCRKKKIRSLT	HNLIREFE	GRD	PEY	ALAQE	EDYEA	V	FLQ
Mp-MADS7	GEDIDLELIRLGEQNLESSIKVVRDRKFYHVIKTQTE	TYKKKLRSLRDEHK	LIROLE	GQA	EN	CAY	GLVNGD	Y	FGF
Lr-DEF	GEDIDGLDIKDIRLGEQNLDALKLVRHRYHVINT	QTETYKKKVKNSEEAH	HLVDMV	N	YVY	GYEDP	YDGL	LA	ASH
Zm-SILKY1	GEDIDLSDFDELRLGEQNVDAA	LKEVVRHRYHVIST	OTD	YKKKVKH	SHEAX	KNLIQ	QELGMR	EPA	FRV
Os-MADS16	GEDIDGLEFDELRLGEQNVDAA	LKEVVRHRYHVIST	OTD	YKKKVKH	SHEAX	KNLIQ	QELGMR	EPA	FRV
Amt-AP3-1	GEDINELKYLKELRDLGEQNLEEWV	KRIRDKKNHLVT	QTE	YKKKVKH	SYE	AYKTL	QELGLC	FVN	TG
Ph-GLO2	GEDINSLNHKEMLVLEEG	GLTNGLSSISAKCSE	IILR	MV	RKNDQ	I	LEEH	YQOM	FAVRV
At-PI	GEDIQSLN	I	LNKLNMAVE	HAI	E	H	GLDKVRD	HMEI	Q
Ph-GLO1	GEDITSLNHR	I	LNLMR	LELMI	D	LN	SKRNKMA	EEQROL	FC
Am-GLO	GEDITL	T	LNLYK	KEMLV	DALE	LN	GTSLNK	QKNEV	YQ