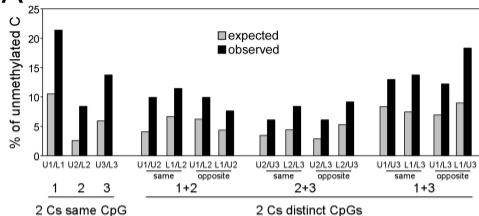
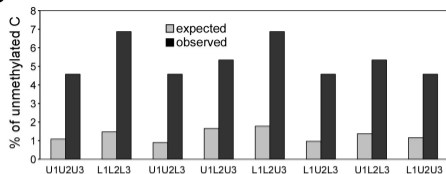


A



B



C

All data, including fully methylated

		p (2 tail)	Bonferroni	
1	U1L1	<0.0001	0,00313	p<0,05
2	L1U3	<0.0001	0,00333	p<0,05
3	U3L3	<0.0001	0,00357	p<0,05
4	U2L2	<0.0001	0,00385	p<0,05
5	U1U2	0,0001	0,00417	p<0,05
6	L1L3	0,0007	0,00455	p<0,05
7	U1L3	0,0044	0,00500	p<0,05
8	L1L2	0,0088	0,00556	
9	L2L3	0,0164	0,00625	
10	U1U3	0,0201	0,00714	
11	U2L3	0,0266	0,00833	
12	L2U3	0,0285	0,01000	
13	U1L2	0,0375	0,01250	
14	L1U2	0,0412	0,01667	
15	U2U3	0,0908	0,02500	
16	U4L4	0,7550	0,05000	

D

At least two demethylation events

		p (2 tail)	Bonferroni
1	U2L2	0,0289	0,00313
2	U3L3	0,0293	0,00333
3	U1U3	0,0964	0,00357
4	L1U2	0,1287	0,00385
5	U1L1	0,1811	0,00417
6	U2U3	0,3882	0,00455
7	U1U2	0,3920	0,00500
8	L2L3	0,4904	0,00556
9	U1L3	0,7896	0,00625
10	L1L2	0,8626	0,00714
11	L1U3	0,8626	0,00833
12	L1L3	0,8775	0,01000
13	U1L2	0,8866	0,01250
14	L2U3	0,9883	0,01667
15	U4L4	1,0000	0,02500
16	U2L3	1,0000	0,05000