

## SUPPLEMENTARY MATERIAL

**Table S1. Chimeric retrotranscripts of the human genome found in this study.**

<b>N<sup>a</sup></b>	<b>Genome location<sup>b</sup></b>	<b>GenBank<sup>c</sup></b>	<b>5'-part<sup>d</sup></b>	<b>5'-part div.<sup>e</sup>, %</b>	<b>3'-part<sup>f</sup></b>	<b>3'-part div.<sup>g</sup>, %</b>
1	10p13	AL138764	U6	0	L1Hs	1,3
2	Xq27	Z98950	U6	0	L1Hs	1,1
3	4p14	AC018858	U6	0,9	L1PA2	1,2
4	12q23	AC091950	U6	0,9	L1PA2	4,1
5	10p13	AC073586	U6	1,9	L1PA2	1,2
6	18q22	AP001402	U6	1,9	L1PA2	1,8
7	3q29	AC069244	U6	2,8	L1PA2	0,8
8	8p12	AC087671	U6	3,7	L1PA2	2,5
9	15q22	AC011846	U6	3,7	L1PA2	1,3
10	11q13	AP003716	U6	4,7	L1PA2	2,7
11	2q31	AC010894	U6	0	L1PA3	0,8
12	8q24	AC023487	U6	0,9	L1PA3	1,4
13	8q12	AC032027	U6	0,9	L1PA3	1,2
14	15q13	AC021413	U6	0,9	L1PA3	2,7
15	5q21	AC010228	U6	5,6	L1PA3	2,4
16	16q23	AC090551	U6	4,7	L1PA3	3,5
17	8q11	AC091163	U6	7,6	L1PA4	4,7
18	1q25	AL358434	U6	2,7	L1PA4	2,7
19	5q34	AC091996	U6	5,3	L1PA4	3,2
20	4q25	AC004050	U6	3,7	L1PA5	4,3
21	1p35	AL358132	U6	3,7	L1PA5	3,5
22	3q12	AC016962	U6	5,6	L1PA5	3,8
23	4q21	AP002859	U6	6,5	L1PA5	4,2
24	13q21	AL356754	U6	8,4	L1PA5	3,6
25	2q33	AC005037	U6	2,8	L1PA5	5,3
26	Xp11	AL121578	U6	5,6	L1PA5	2,4
27	3q26	AC007849	U6	6,5	L1PA6	5,5
28	Xq22	AL121883	U6	3,7	L1PA7	7,8
29	11q23	AC067833	U6	4,7	L1PA7	5,4
30	6p22	AL591416	U6	5,6	L1PA7	8,4
31	7q22	AC023954	U6	5,6	L1PA7	7,8
32	Xp11	Z92545	U6	7,4	L1PA7	5,0

33	14q32	AL117209	U6	7,4	L1PA7	5,2
34	1q42	AL139161	U6	7,5	L1PA7	5,4
35	8q22	AC012213	U6	6,5	L1PA7	7,1
36	1p34	AL445669	U6	7,5	L1PA7	4,6
37	1p22	AL136381	U6	10,3	L1PA7	10,7
38	10q25	AC026226	U6	8,4	L1PA7	6,6
39	11q25	AP000912	U6	2,4	L1PA7	4,0
40	13q22	AL157361	U6	5,6	L1PA8	19,2
41	5q11	AC091866	U6	6,5	L1PA8	0
42	18p21	AC007628	U6	7,5	L1PA8	7,2
43	4q34	AC084353	U6	11,0	L1PA8	5,5
44	Xp21	AL590065	U6	10,5	L1PA8	5,1
45	18q21	AC025660	U6	4,6	L1PA10	7,7
46	Xq23	AL034411	U6	7,5	L1PA10	9,0
47	Xq22	AL035427	U6	9,5	L1PA10	12,2
48	13q14	AL161421	U6	8,4	L1PA12	11,7
49	22q12	AL096702	U6	9,5	L1PA13	11,0
50	5q34	AC091907	U6	11,2	L1PA14	14,3
51	1q43	AC068598	U6	11,7	L1PA14	10,0
52	2q33	AC009409	U6	10,4	L1PA15	15,0
53	16q22	AC012184	U6	7,4	L1MB3	15,3
54	8q22	AP003355	U6	9,3	L1MA1	8,3
55	10q22	AL359074	U6	14,9	L1MA9	18,6
56	2p16	AC007006	U6	15,9	L1MA9	19,4
57	7q21	AC004128	U6	2,8	AluY	5,4
58	16q13	AC009128	U6	4,6	AluSg	11,0
59	19q13	AC022144	U6	7,4	AluSg	9,3
60	6p21	AL513008	U6	5,6	Alu	7,4
61	10p23	AC021037	U6	5,6	mRNA for Nonhistone Chromosomal Protein 14	7,1
62	16q22	AC009131	U6	4,6	mRNA for Keratin 18	3,0
63	1p35	AL591050	U6	3,7	mRNA for Gamma Actin 1	9,8
64	9q31	AL359552	U6	7,5	mRNA for Laminin Receptor 1	5,1

65	13q31	AL354668	U6	7,5	mRNA T41250	13,5
66	8p22	AC084085	U6	6,5	mRNA AB062435	5,0
67	9q22	AL353748	U3	4,3	L1PA5	3,7
68	19q13	AL158034	U3	1,4	L1PA2	1,4
69	3q27	AC069417	U3	5,6	L1PA3	2,3
70	2q24	AC009967	U3	7,0	L1PA6	8,0
71	3q13	AC060225	U3	5,2	L1PA7	7,3
72	8q22	AP004289	U3	3,0	L1PA2	1,6
73	13q21	AL590102	U3	5,4	L1PA7	7,8
74	17p11	AC005410	U3	8,6	mRNA for Ribosome Associated Membrane Protein 14	7,3
75	10q25	AL138766	U5	8,9	L1PA7	7,3
76	5q11	AC016632	5S rRNA	9,4	L1PA10	9,2
77	Xq13	AL158069	5S rRNA	4,1	AluY	6,1
78	12q23	AC089983	5S rRNA	0	AluSq	9,2
79	20q13	AL162615	7SL RNA	14,9	AluSq	12,4
80	2q36	AC016712	AluSx	8,5	mRNA for Ribosome Protein L31	5,0
81	12q13	AC010892	AluJo	13,0	mRNA for Ribosome Protein L31	9,6

<sup>a</sup> retrotranscript serial number; <sup>b</sup> location in the human genome found with the Draft Human Genome Browser; <sup>c</sup> GenBank accession number; <sup>d</sup> chimera's 5'-part; <sup>e</sup> divergence of the chimera's 5'-part from the corresponding consensus sequence, %; <sup>f</sup> chimera's 3'- part; <sup>g</sup> divergence of the chimera's 3'- part from the corresponding consensus sequence.

**Table S2. Genomic primer sets used for PCR amplification.**

Name	Sequence (5'-3')	Accession <sup>a</sup>
<i>Primer pairs used for locus-specific PCRs</i>		
1G1	gagtacctgctgtgtatgagcc	AL158069
1G2	acctctgaactcactatgatgatg	
2G1	tggcttgtagtagagaggctacc	AC060225
2G2	tggctgaagaaggattggtc	
3G1	gaatgtctgt aacacctgtggc	AC005410
3G2	cctagcctgcttatctccg	
4G1	gtgatagacactgtaagcagagaag	AC069417
4G2	agctgtgaagtcagacttcc	
5G1	agtcgctgaagtaagcctctg	AP004289
5G2	gggatcttgtcttagctatgcc	
6G1	ttacctgccactcagagatcac	AC010894
6G2	ttaagtctgagtttagcttctc	
7G1	aatgaaatctatgacaacagtagtac	AC021034
7G2	gcttaatgattatggctgtgac	
8G1	tatactgatcttagattccacaacc	Z98950
8G2	cagaatggataacatatccatagc	
9G1	ctagctggccgtaacagag	AL359552
9G2	ggaagcttagaggaaatcaagatg	
10G1	tggactaccttctattcaggacc	AL591050
10G2	gtatagtgatgattgcagagctagg	
11G1	ctaggcggatagtcttgagg	AC009131
11G2	tgtgcctagtaactatcttacgg	
12G1	tggaatggccctgctagag	AC016712
12G2	tagtaaccacagattccaactgag	
<i>Primer pairs used to obtain hybridization probes</i>		
U6for	tgctcgettcggcagc	AL138764

U6rev	aaaaatatggaacgcttcacg	
U3for	ttactggccaagatactttagg	AL391807
U3rev	gaaacccaattggcacaac	
5S rRNAfor	tacggccataccaccctg	AL158069
5S rRNArev	cctacagcaccgggtattc	
ALUfor	tcccatttctctagacctgctg	AF118569
ALUrev	cccataacaggcttcatatttcc	
L1for	gattatctaataatgacctacttgcaac	AC037430
L1rev	ccagaagaagtatagcatgttcac	
mRNA1for	ggtactgtggtatggactagagaac	AC005410
mRNA1rev	tgtttccgttctcctgaactc	
mRNA2for	gtgaagatattggtacttgatagcc	AC021034
mRNA2rev	gccatgcatgtattgtaattct	
mRNA3for	gtgtgtgttctttgtttgtttg	AL359552
mRNA3rev	ctgttcttgccacaggtcttta	
mRNA4for	ccacgcagtgaccaagcc	AL591050
mRNA4rev	actgcgagccgatgcg	
mRNA5for	agaccaccaccgccag	AC009131
mRNA5rev	ggcctcctgctcctcaaag	
<b><i>Primer pairs used for RT-PCR essay</i></b>		
U3for	ttactggccaagatactttagg	AC005410
RAMP4rev	ggtactgtggtatggactagagaac	
U6for	tgctcgcttcggcagc	AC009131
Keratin19rev	ggcctcctgctcctcaaag	
U6for	tgctcgcttcggcagc	AL591050
$\gamma$ -Actin1rev	ccacgcagtgaccaagcc	
U6for	tgctcgcttcggcagc	AL359552
LR1rev	tccatgttgcttaagagcctg	
U6for	tgctcgcttcggcagc	AC021034

NCP14rev	ggctatcaagtaccaatatctcac	
U6for	tgctcgcttcggcagc	AL354668
T41250rev	ccttagtgctagtagcagatactg	

<sup>a</sup> GenBank accessions of the corresponding chimeras from the Non-Redundant and High Throughout Genome Sequences databases.