

Supplemental data 2: Overview of all sequences enriched by AtMIKC* protein complexes in RBSS

Part of the flanking sequences is included (in gray). Imperfect motifs – not corresponding to the consensus – are highlighted in green, whereas perfect SRE, MEF2 and N9 motifs are marked in yellow. These results are summarized in Figure 2A.

AGL65/66

Non-CArG and CArG-like

TTCAGCGGATCCTGTCGAACAGTTGATAATAATGGAGGTGAATTCAGTGCAACTGC
TTCAGCGGATCCTGTCGATTTACTTTTTATGGAGAGGCCAATTCCTTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTTATATTTAGCATGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTTTACCTATTCCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTCACATATTCTATTCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCGGCTATTTATTTCCGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGTCTCTATTTTAAGCATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTATTTACTATTTTAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGTCTCTATTTTAAGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTTACTATTTTAAGAAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATTCTATATTAAGTAGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTGGCTATTTAAAGACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGTTATATACTATAAATGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGTTTACTATTTTGTAAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGTAAATCCTGCTATTTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTTCCAAATATAGATCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAAATTTACTATTTTCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTCCAAATTTAGCATTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGGGGAATTTACTATATTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATAACAATATACTATTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTTTATTTACTATTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCAGGTTACTATTTTGGGAGGCGAATTCAGTGCAACT-CG
TTCAGCGGATCCTGTCGTATACTTTTCTATTTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTTTATTTCTATATTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTAATTTGTCTATTTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TATAT) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGTCTATATATTAGATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

SRE-type

TTCAGCGGATCCTGTCGCTTCTATTTTAGGTTTGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TTT) TAG / CTA (AAA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGAAGCTATTTTGTAGTAATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGACACTATTTTGTAGTTAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAGTCTATTTTGTAGTTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATATTTACTATTTTGTAGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCCCCTATTTTGTAGTTGGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTTTTTGTCTATTTTGTAGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGAATATACTATTTTGTAGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTAGCTATTTTGTAGATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAATTAGCTATTTTGTAGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAGCTATTTTGTAGGATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTATGTCTATTTTGTAGGAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGGCTATTTTGTAGGGGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTACTATTTTGTAGGCATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTATTAGCTATTTTGTAGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTACTATTTTGTAGGAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTACTATTTTGTAGGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCATACCCTATTTTGTAGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGATACTAAAATAGCGTTCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTATACTAAAATAGGACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTCCCTAAAATAGCCGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCTAAAATAGGTAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TTTT) TAG / CTA (AAAA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGAACCTATTTTGTAGAAATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAACCTATTTTGTAGATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGACACTATTTTGTAGTATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGACATCTATTTTGTAGCGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCGG
TTCAGCGGATCCTGTCGACATTTACTATTTTGTAGAGGCGAATTCAGTGCAACT-CG
TTCAGCGGATCCTGTCGACCTATTTTGTAGAAAGTGAAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAGCCTATTTTGTAGTTTCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATACTATTTTGTAGCACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATACTATTTTGTAGCCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATCTATTTTGTAGAGCGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCAACTATTTTGTAGAAATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCACCTATTTTGTAGCCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCCTCTATTTTGTAGTAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCGACTATTTTGTAGCCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTCTATTTTGTAGTAGGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTGCTATTTTGTAGAACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTGCTATTTTGTAGGTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAACCTATTTTGTAGACAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAACCTATTTTGTAGACTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAATTTACTATTTTGTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAATTAGCTATTTTGTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTACTATTTTGTAGTATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTATGCTATTTTGTAGGAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGACTATTTTGTAGAAATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCGG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGCTATTTTGTAGCTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGGCTATTTTGTAGCTCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGGCTATTTTGTAGCTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCGG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGTTACTATTTTGTAGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGTTACTATTTTTAGACTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTACTATTTTTAGTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTAGACCCTATTTTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTATCTATTTTTAGCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTGCTATTTTTAGCATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTACTATTTTTAGAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCTATTTTTAGATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCTATTTTTAGGAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCTATTTTTAGTAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCTATTTTTAGCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGATACTAAAAATAGCACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTCCTAAAAATAGTATATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTATTACCTAAAAATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TTTA) TAG / CTA (TAAA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGATTCTATTTATAGGTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATCCTATTTATAGAAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTCCTATTTATAGGTGGAGGCCAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGAATCTATTTATAGAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGTACTATTTATAGTGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTACTATTTATAGTATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTCTATTTATAGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTGCTATTTATAGTCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTGTTCTATTTATAGAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TATT) TAG / CTA (AATA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGAATCTATATTTAGTCCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATATTTACTATATTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATCCTATATTTAGACAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTCCTATATTTAGAACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTGCTATATTTAGTTTGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGGAGCTAAATATAGATCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGTGATTTCTAAATATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (ATTA) TAG / CTA (TAAT) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGAGCCTAATTATAGCCGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGGACTAATTATAGTCCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGGGTCTAATTATAGTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGGTCTAATTATAGTCAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGAGCTATAATTAGATCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGTGCTATAATTAGTACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTATCTATAATTAGAATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TATA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGAAACTATATATAGTAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCAACTATATATAGACCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTGCTATATATAGAAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGCTCCTATATATAGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGCTATATATAGTCGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCTATATATAGTCGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (AATT) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCTAAATTTAGTAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGCCTAAATTTAGGTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (ATTT) TAG / CTA (AAAT) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGGAGCTAATTTTAGCCAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (ATAT) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCTAATATTAGAATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (ATAA) TAG / CTA (TTAT) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGAGTCTAATAATAGTACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGAGTCTAATAATAGTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGAAGCTATTATTAGCCAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATCCTATTATTAGTGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCATCTATTATTAGAACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTCGTCTATTATTAGCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTCTATTATTAGCTCATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TTAA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGATTTTTCTATTAATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAATATTCTATTAATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

AGL30/66

Non-CArG and CArG-like

TTCAGCGGATCCTGTCGTGATGTACTAATAATCGAGGCGAACTCAGTGCACTCT-CG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGATGTAATAATAATAGAGGTGAATTCAGTGCAACTGGG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTTTTATTTTTTAGATCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGCATCCTGTCAATTTATTTTTATCAAGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTATTTTTTAGGGTAGAGGCAAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTATAAATAGGTTTGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTATTTAGCATGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTTTGGCGGGAATG-GAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATTTCATATTCTAAATCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGACATTCTATTTTTGCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCGCAGCTATTTTTGTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTATTCCTTATTATTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTATTGCTTAATATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTATTTACTTAATATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATCTATATTAAGCAGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

SRE-type

TTCAGCGGATCCTGTCGGCCCTATTTTAGGTTGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TTT) TAG / CTA (AAA) TAG (= N9)

TTCAGCCGATCCTGTCGATAATCTATTTTTAGGTGAGGAGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCGCACCTATTTTTAGACCGAGGCGAATTAGTGCAACTGCCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAGCTATTTTTAGACGGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAGCTATTTTTAGGATTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTACTATTTTTAGGCCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTATCTATTTTTAGGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGCGAGCTAAAATAGACGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTATCTAAAATAGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TTTT) TAG / CTA (AAAA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGAACACTATTTTTAGGCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAAGCTATTTTTAGTAGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAATACTATTTTTAGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAATCTATTTTTAGAACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAATCTATTTTTAGAGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAATCTATTTTTAGTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGACACTATTTTTAGTTTCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGACGCTATTTTTAGTGGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGACTATTTTTAGACATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAGAAGTTCTATTTTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAGGACTATTTTTAGTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATACTATTTTTAGACTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATACTATTTTTAGACCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATACTATTTTTAGTTTCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCAACTATTTTTAGTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCGACTATTTTTAGTGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGCTACTATTTTTAGTACGAGGCGAAATTTTCAGTGCAACTG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTTCTATTTTTAGCTCGAGGCGAAATTTTCAGTGCAACTG
TTCAGCGGATCCTGTCGAGCTATTTTTAGCATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGGATCTATTTTTAGAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGTTCTATTTTTAGTTTCAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGTTCTATTTTTAGCTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGTTTCTATTTTTAGTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAATCTATTTTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAGCTATTTTTAGGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTATAACTATTTTTAGAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTATGAAACTATTTTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTATCTATTTTTAGAGTGTAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTATCTATTTTTAGGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTATTCTATTTTTAGTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTCTTCTATTTTTAGTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGCCTATTTTTAGTGAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGGCTATTTTTAGACGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGGCTATTTTTAGTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTAGGCTATTTTTAGCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTCTATTTTTAGCCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTGTCTATTTTTAGCGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCTATTTTTAGAGCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTCTATTTTTAGTATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCCGGACCTGTCGATATTTTCTAAAAATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAATTTCTAAAAATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAATTTCTAAAAATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAATTTCTAAAAATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTTATCTAAAAATAGAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TATA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGAAATCTATATATAGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAATCTATATATAGGGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAATCTATATATAGATCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAATCTATATATAGGTGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAATCTATATATAGTTCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAGACTATATATAGGCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAGAGCTATATATAGTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAGCCTAACTATATATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAGGAATCTATATATAGAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGAGTCTATATATAGGTGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATACTATATATAGAACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATGCTATATATAGGCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATGCTATATATAGTATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCCGCTATATATAGTCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCCGCTATATATAGTGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCCGACTATATATAGTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCTACTATATATAGGGTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGAATCTATATATAGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGCCCTATATATAGCCAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGCGCTATATATAGATGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGGTACTATATATAGCCGGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAATCTATATATAGCCAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTACTATATATAGTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTAGCTATATATAGTCTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTCAACTATATATAGAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGTGCACTATATATAGATGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGTCTATATATAGATTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTACTATATATAGACCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTACTATATATAGCCCGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTACTATATATAGTACGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTCTATATATAGACTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTCTATATATAGCTTTGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TATT) TAG / CTA (AATA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGTTACTATATTTAGTAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTCTATATTTAGGGAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTTGCTATATTTAGTTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TTTA) TAG / CTA (TAAA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGATACATTCTATTTATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATATTCTATTTATAGAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGTGTATTCTATTTATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGATCATACTATAAATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG
TTCAGCGGATCCTGTCGATTAATACTATAAATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (ATAA) TAG / CTA (TTAT) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGTACTATTATTAGAAAAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

TTCAGCGGATCCTGTCGTTCTTTACTAATAATAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG

CTA (TAAT) TAG / CTA (ATTA) TAG

TTCAGCGGATCCTGTCGATTTCTTCTATAATTAGAGGCGAATTCAGTGCAACTGCG