

**Table 7. Species or SLOTU represented by 16S rDNA clones from normal forearm skin in  $\geq 4$  of the 6 subjects**

Species	No. of clones (%)						
	SubA	SubB	SubC	SubD	SubE	SubF	Total
	<b>(n=208)</b>	<b>(n=204)</b>	<b>(n=202)</b>	<b>(n=204)</b>	<b>(n=203)</b>	<b>(n=200)</b>	<b>(n=1221)</b>
<i>Propionibacterium acnes</i> *	22(10.6)	25(12.3)	25(12.4)	28(13.7)	42(20.7)	110(55.0)	252(20.6)
<i>Corynebacterium tuberculostearicum</i> *	3( 1.4)	3( 1.5)	19( 9.4)	29(14.2)	11( 5.4)	13( 6.5)	78( 6.4)
<i>Streptococcus mitis</i> *	4( 1.9)	11( 5.4)	1( 0.5)	1( 0.5)	12( 5.9)	4( 2.0)	33( 2.7)
<i>Finegoldia AB109769</i> *	2( 1.0)	6( 2.9)	1( 0.5)	2( 1.0)	3( 1.5)	2( 1.0)	16( 1.3)
<i>Staphylococcus epidermidis</i>	0	1( 0.5)	10( 5.0)	11( 5.4)	4( 2.0)	10( 5.0)	36( 2.9)
<i>Acinetobacter junii</i>	3( 1.4)	10( 4.9)	13( 6.4)	0	1( 0.5)	3( 1.5)	30( 2.5)
<i>Staphylococcus hominis</i>	1( 0.5)	1( 0.5)	5( 2.5)	6( 2.9)	0	7( 3.5)	20( 1.6)
<i>Staphylococcus caprae</i>	5( 2.4)	0	5( 2.5)	17( 8.3)	16( 7.9)	0	43( 3.5)
<i>Corynebacterium mucifaciens</i>	0	8( 3.9)	0	14( 6.9)	6( 3.0)	1( 0.5)	29( 2.4)
<i>Corynebacterium amycolatum</i>	0	2( 1.0)	18( 8.9)	2( 1.0)	1( 0.5)	0	23( 1.9)
<i>Pseudomonas stutzeri</i>	0	11( 5.4)	5( 2.5)	0	4( 2.0)	1( 0.5)	21( 1.7)
<i>Actinomycetales AY770698</i>	4( 1.9)	0	2( 1.0)	0	7( 3.4)	6( 3.0)	19( 1.6)
<i>Streptococcus sanguinis</i>	7( 3.3)	1( 0.5)	8( 4.0)	3( 1.5)	0	0	19( 1.6)
<i>Rothia mucilaginosa</i>	10( 4.8)	0	0	3( 1.5)	4( 2.0)	1( 0.5)	18( 1.5)
<i>Corynebacterium jeikeium</i>	0	1( 0.5)	1( 0.5)	11( 5.4)	0	1( 0.5)	14( 1.1)
<i>Diaphorobacter nitroreducens</i>	1( 0.5)	2( 1.0)	2( 1.0)	0	2( 1.0)	0	7( 0.6)
<b>Total</b>	<b>62(29.8)</b>	<b>82(40.2)</b>	<b>115(56.9)</b>	<b>127(62.3)</b>	<b>113(55.7)</b>	<b>159(79.5)</b>	<b>658(53.9)</b>

\*Bold indicates identified in all six subjects.