

Tjong & Zhou
Supplementary Table S1

PDB	Chains	All Residues	Surface Residues	Interface Residues
1A02	N,F,J	385	292	48
1A0A	A,B	126	107	30
1A1I	A	85	82	34
1A1V	A	429	283	32
1A31	A	457	327	55
1A6B	B	40	38	14
1A6Y	A,B	162	131	50
1A73	A,B	324	240	74
1AIS	A,B	374	261	50
1AM9	A,B	155	135	33
1AN4	A,B	130	123	37
1AWC	A,B	263	165	25
1B01	A,B	86	67	20
1B3T	A,B	294	184	71
1B69	A	69	61	26
1BDT	A,B	105	80	31
1BG1	A	558	366	11
1BJ6	A	42	40	16
1BL0	A	116	86	31
1BRN	L	108	81	22
1BVO	A	175	123	10
1C7Y	A	199	147	22
1C9B	A	207	142	35
1CF7	A,B	149	110	36
1CKT	A	71	67	23
1CL8	A,B	522	320	68
1CQT	A,I	156	132	52
1CW0	A	155	116	50
1D02	A,B	397	249	46
1D5Y	A,B	576	405	35
1D66	A,B	114	98	31
1DC1	A,B	621	400	86
1DCT	A	324	200	57
1DEW	A	278	164	35
1DFM	A,B	431	282	83
1DH3	A,C	110	104	27
1DIZ	A	282	182	25
1DMU	A	299	200	31
1DP7	P	76	65	14
1ECR	A	305	234	67
1EGW	A,B	143	110	39
1EMH	A	223	141	17
1EWN	A	200	129	23
1EYG	A,B	216	167	92
1F0V	A	124	101	12
1F4K	A,B	230	157	50
1F5E	P	65	54	22
1FIU	A,B,C,D	1144	605	127

1FJL	A,B	122	102	38
1FLO	A,B,C,D	1618	1103	229
1FOK	A	568	345	64
1FW6	A,B	1482	927	69
1FZP	D,B	205	180	14
1G38	A	393	250	56
1G4D	A	69	56	23
1GAT	A	60	54	20
1GCC	A	63	53	21
1GD2	E,F	129	119	32
1GDT	A,B	366	269	71
1GM5	A	729	525	36
1GT0	D	79	75	26
1GU4	A,B	132	120	31
1GXP	A,B	204	152	51
1H6F	A,B	370	271	51
1H9D	A,B	250	164	17
1H9T	A,B	458	298	50
1HAO	L,H	280	162	11
1HCQ	A,B	145	107	38
1HCR	A	52	47	27
1HHT	P	664	391	40
1HLV	A	131	104	49
1HWT	C,D	144	116	37
1I3J	A	96	87	55
1I7D	A	620	415	48
1IAW	A,B	608	409	121
1IC8	A,B	343	272	61
1IG4	A	75	65	24
1IG9	A	901	578	60
1IGN	A	189	157	58
1IMH	C,D	562	393	35
1J1V	A	92	70	26
1J3E	A	115	89	23
1J4W	A	145	118	35
1J5N	A	93	86	41
1J75	A	57	46	8
1JB7	A,B	676	420	61
1JE8	A,B	126	96	48
1JEY	A,B	1023	638	55
1JFI	A,B	198	150	22
1JGG	A,B	114	99	31
1JJ4	A,B	150	100	33
1JMC	A	238	171	36
1JT0	A,B,C,D	749	476	82
1JX4	A	335	232	57
1K3X	A	253	164	26
1K78	E,F	227	178	70
1K82	A	260	171	35
1KDH	A	356	244	31
1KLN	A	595	378	44
1KQQ	A	131	98	23

1KSY	A,C	290	191	30
1KX5	A,B,C,D,E,F,G,H	974	680	260
1L1M	A,B	124	110	58
1L3L	B,D	447	296	35
1LAU	E	228	147	17
1LB2	E	66	51	13
1LE8	A,B	127	109	34
1LEI	A,B	585	413	39
1LQ1	A,B	210	151	36
1LWT	A	440	308	75
1M07	A	110	84	17
1M3Q	A	314	199	31
1M5R	B	351	212	37
1M5X	A,B	322	224	80
1MDY	A,B	130	111	30
1MJE	B,A	642	438	30
1MJM	A,B	208	148	24
1MNN	A	290	203	35
1MOW	A	248	176	81
1MSE	C	105	88	44
1MSW	D	863	562	77
1MUS	A	458	300	43
1MW8	X	561	384	36
1MWI	A	165	109	6
1NH2	A,B,C,D	380	251	45
1NK3	P	63	58	18
1NKP	A,B	171	141	33
1NVP	B,C,D	187	128	6
1ODH	A	157	121	31
1OE4	A,B	490	287	25
1OMH	A	278	197	62
1ORN	A	214	149	33
1OUP	B	210	138	19
1OWF	A,B	190	141	65
1OZJ	A,B	250	174	31
1P71	A,B	187	142	37
1P8K	Z	252	171	71
1PNR	A	338	217	15
1PP7	U	114	86	27
1PUE	E	88	64	28
1PUF	A,B	150	127	50
1PYI	A,B	158	128	23
1QBJ	C	66	55	10
1QPI	A	195	157	7
1QRV	A,B	144	135	33
1QTM	A	539	339	63
1QUM	A	279	165	31
1QZG	A	170	122	23
1R0O	B	78	60	23
1R2Z	A	273	173	27
1R71	A,B	230	182	55
1R7M	A	223	150	63

1R8D	A,B	216	181	42
1R8E	A	275	216	11
1REP	C	214	138	37
1RFI	B	429	241	19
1RH6	A	54	46	7
1RIO	A,B,H	248	193	61
1RPE	L,R	126	99	41
1RRC	A	276	190	19
1RRQ	A	343	234	51
1RXW	A	305	200	25
1RZR	G,C,T,L	816	523	51
1S40	A	187	133	39
1SA3	B	262	179	40
1SAX	A,B	240	174	50
1SFU	A,B	140	115	19
1SKN	P	74	62	19
1SRS	A,B	164	121	45
1SX5	A,B	482	312	82
1T05	A,B	968	643	68
1T2K	A,B	218	176	61
1T2S	A	123	93	15
1TC3	C	51	46	21
1TDZ	A	265	173	29
1TEZ	A	474	292	33
1TF6	A,D	361	342	86
1TRO	A,C	203	155	42
1TSR	B	194	135	18
1TX3	A,B	500	340	98
1U1Q	A	183	137	53
1U1Y	A,B,C	387	359	30
1U3E	M	174	141	69
1U4B	A	580	366	61
1U8B	A	128	102	31
1U8R	A,B,C,D	884	565	88
1UAA	A,B	1269	795	72
1UBD	C	114	109	41
1UUT	A	195	135	13
1VAS	A	137	101	42
1VRR	A,B	406	251	72
1W0U	A,B	110	93	39
1WB9	A,B	1542	942	65
1WTE	A,B	544	358	86
1X0F	A	79	60	20
1X9M	A,B	780	519	61
1X9N	A	626	403	86
1XI1	A	571	381	18
1XJV	A	291	194	35
1XO0	A,B	644	475	112
1XPX	A	144	107	13
1XSN	A	324	236	56
1XYI	A	66	56	21
1Y8Z	B	371	219	19

1YF3	A	259	176	17
1YFH	C	149	107	19
1YNW	A,B	169	138	49
1YO5	C	88	67	28
1YUI	A	54	53	25
1Z19	A,B	539	397	133
1Z63	A,B	916	608	37
1Z9C	A,B	274	182	54
1ZET	A	388	281	44
1ZJM	A	323	235	47
1ZLK	A,B	130	96	46
1ZME	C,D	140	120	34
1ZNS	A	118	87	27
1ZQ3	P	68	62	26
1ZRF	A,B	403	292	46
1ZS4	A,B,C,D	316	226	42
1ZTW	A	255	181	11
1ZX4	A,B	344	264	25
1ZZI	A	82	67	21
2A07	F,G,H,I,J,K	487	378	87
2A0I	A	293	210	58
2A3V	A,B,C,D	1270	866	293
2A66	A	95	79	30
2A6O	A,B	304	205	65
2AOR	A	220	159	41
2AQ4	A	428	300	65
2AXY	A,B	137	101	40
2B9S	A,B	478	347	69
2BGW	A,B	419	253	32
2BNW	A,B,C,D	202	163	40
2BOP	A	85	69	10
2BPA	1,3	462	328	11
2BZF	A	88	65	18
2C5R	A,B,C,D,E,F	378	263	14
2C62	A,B	132	105	43
2C6Y	A,B	193	153	46
2C7P	A	327	193	50
2C9L	Y,Z	125	105	28
2D7D	A,B	659	437	17
2DGC	A,B	98	92	32
2DNJ	A	253	151	22
2DRP	A	63	59	28
2ER8	A,B	135	123	38
2EZV	A,B	536	341	70
2FDI	A	199	129	12
2FL3	A	247	179	51
2FO1	A,D,E	785	505	20
2G8I	A	134	89	22
2GLI	A	155	139	47
2HDD	A,B	111	99	31
2IRF	G,H	218	163	37
2LEF	A	86	77	39

2NLL	B		103	86	30
2PJR	A,B,F,G		1276	761	67
3BAM	A,B		415	260	76
3CRO	L,R		130	100	44
3HTS	B		82	66	12
3PVI	A,B		312	215	65
4DPV	Z		559	438	26
6CRO	A		60	52	19
Total		428	80983	56093	11305