

Structure-based sequence alignment of TM5

Helix 5 PIP

1J4N	169	SGPLAIGFSVALGHLLAID	187
1FX8	178	LAPLLIGLLIAVIGASMGP	196
1RC2	161	FAPIAIGLALTLIHHLISIP	179
1Z98	197	LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	215
2B60	159	SVALAVGFSLTGLGHLFGMY	177
2F2B	174	FAGIIIGLTVAGIITTLGN	192
OsPIP1;1		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
OsPIP1;2		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
OsPIP1;3		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
OsPIP1;4		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
OsPIP1;5		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
OsPIP2;1		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
OsPIP2;2		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
OsPIP2;3		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
OsPIP2;4		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
OsPIP2;5		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
OsPIP2;6		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
OsPIP2;7		LVPLPIGFAVFVVHHLATIP	
OsPIP2;8		LAPLPIGLAVLVVHHLATIP	
ZmPIP1;1		LAPLPIGFAVFLVHLATMG	
ZmPIP1;2		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
ZmPIP1;3		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
ZmPIP1;4		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
ZmPIP1;5		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
ZmPIP1;6		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
ZmPIP2;1		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
ZmPIP2;2		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
ZmPIP2;3		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
ZmPIP2;4		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
ZmPIP2;5		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
ZmPIP2;6		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
ZmPIP2;7		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
AtPIP1;1		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
AtPIP1;2		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
AtPIP1;3		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
AtPIP1;4		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
AtPIP1;5		LAPLPIGFAVFLVHHLATIP	
AtPIP2;1		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
AtPIP2;2		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
AtPIP2;3		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
AtPIP2;4		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
AtPIP2;5		LAPLPIGFAVFIVHHLATIP	
AtPIP2;6		LAPLPIGFSVFMVHHLATIP	
AtPIP2;7		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	
AtPIP2;8		LAPLPIGFAVFMVHHLATIP	

Helix 5 TIP

1J4N	169	SGPLAIGFSVALGHLLAID	187
1FX8	178	LAPLLIGLLIAVIGASMGP	196
1RC2	161	FAPIAIGLALTLIHLISIP	179
1Z98	197	LAPLPIGFADVFMVHLATIP	215
2B6O	159	SVALAVGFSLTGLHFGMY	177
2F2B	174	FAGIIIGLTVAGIITTLGN	192
OsTIP1;1		IAPIAIGFIVGANILVGGA	
OsTIP1;2		IAPIAIGFIVGANILAGGA	
OsTIP2;1		IAPIAIGFIVGANILAAGP	
OsTIP2;2		IAPIAIGFIVGANILVAGP	
OsTIP2;3		VAPMAIGFIVGANILAAGP	
OsTIP3;1		IAPLAvgfllganmlaggp	
OsTIP3;2		IAPLAIGLVAGANILAGGP	
OsTIP4;1		FGPLLTLGLIVGANTIAGGN	
OsTIP4;2		TGPLLTGLLVGANTVAGGA	
OsTIP4;3		LGPLLVLVVGANILAGGP	
OsTIP5;1		LGALVVGAVTGACVLAAGS	
ZmTIP1;1		IAPIAIGFIVGANILVGGA	
ZmTIP1;2		IAPIAIGFIVGANILAGGA	
ZmTIP2;1		IAPIAIGFIVGANILAAGP	
ZmTIP2;2		IAPIAIGFIVGANILAAGP	
ZmTIP2;3		IAPMAIGFIVGANILAAGP	
ZmTIP3;1		IAPLAvgfllganvlaggp	
ZmTIP4;1		IGPLLTLGLIVGANSLAGGN	
ZmTIP4;2		IGPLLTLGLIVGANSLAGGN	
ZmTIP4;3		AGPLLTLGLVGANSVAGAA	
ZmTIP4;4		MGPLLVGLVVGANVLAGGP	
ZmTIP5;1		LGALAVGLTQGAFVLAAGA	
AtTIP1;1		IAPIAIGFIVGANILAGGA	
AtTIP1;2		IAPIAIGFIVGANILAGGA	
AtTIP1;3		IAPLAIGLIVGANILVGGA	
AtTIP2;1		IAPLAIGLIVGANILAAGP	
AtTIP2;2		IAPIAIGFIVGANILAAGP	
AtTIP2;3		IAPIAIGFIVGANILAAGP	
AtTIP3;1		IAPLAIGLIVGANILVGGP	
AtTIP3;2		IAPLAIGLIVGANILVGGP	
AtTIP4;1		FGPLLTLGFVVGANILAGGA	
AtTIP5;1		VGPFIGFVAGANVLAAGP	

Helix 5 NIP

1J4N	169	SGPLAIGFSVALGHLLAID	187
1FX8	178	LAPLLIGLLIAVIGASMGP	196
1RC2	161	FAPIAIGLALTLI H LISIP	179
1Z98	197	LAPLPIGFAVFMV H LATIP	215
2B60	159	SVALAVGFSLT L GHLFGMY	177
2F2B	174	FAGIIIGLTVAGI I TTLGN	192
OsNIP1;1		LAGLAVGAT I LLNV L IAGP	
OsNIP1;2		LAGLAVGAT V AVNV L FAGP	
OsNIP1;3		LAGLAVGAT V LN V N L FAGP	
OsNIP1;4		MAGVAVGGT I MLN V N L FAGP	
OsNIP1;5		LAGLAVGAT V AVNV L FAGP	
OsNIP2;1		LAGLAVGSAVCITS I FAGA	
OsNIP2;2		LAGLAVGSAVCITS I FAGP	
OsNIP3;1		LAGIAVGAA T LN N I LIAGP	
OsNIP3;2		LIAVAVGAT I MM N A LVAGP	
OsNIP3;3		LIAVAVGAT V MM N I LVAGP	
OsNIP3;4		--YACE I LL C IYN V L V AGP	
OsNIP3;5		---AIAAAIMM N A LVGGP	
OsNIP4;1		VGGIAIGAA V GG L G LVIGP	
ZmNIP1;1		LAGLAVGAT I LLNV L IAGP	
ZmNIP2;1		LAGLAVGSAVCITS I FAGA	
ZmNIP2;2		LAGLAVGSAVCITS I FAGP	
ZmNIP3;1		LAGIAVGAA T LN N I LVAGP	
AtNIP1;1		LAGLAIG S T V LL N V IAAP	
AtNIP1;2		LAGLAVG S T V LL N V IAGP	
AtNIP2;1		LEGLIIG G AT T LN V I F AGE	
AtNIP3;1		FAGIAIGAT I V D I LF S GP	
AtNIP4;1		LAGIAVG M T I M V N V F V AGP	
AtNIP4;2		LAGIAVG M T I I L N V F V AGP	
AtNIP5;1		LAGIAVGAT V ML N I LVAGP	
AtNIP6;1		LAGIAVGAT V ML N I LIAGP	
AtNIP7;1		LTGFVIGTV I SL G V L ITGP	

Helix 5 SIP

1J4N	169	SGPLAIGFSVALGHLLAID	187
1FX8	178	LAPLLIGLLIAVIGASMGP	196
1RC2	161	FAPIAIGLALTLI H LISIP	179
1Z98	197	LAPLPIGFAVFMV H LATIP	215
2B60	159	SVALAVGFSLT L GHLFGMY	177
2F2B	174	FAGIIIGLTVAGI I TTLGN	192
OsSIP1;1		VKTWMLSISTVCL V LTGAA	
OsSIP2;1		MKTWISSIW K MTF H LLSSD	
ZmSIP1;1		LKTLLLSTSIVSV I LAGAE	
ZmSIP1;2		IKTWMISIC T LC V LSGAA	
ZmSIP2;1		MKTWITSIW K NT I H LLSSD	
AtSIP1;1		AKTFLLALAT I S F V V AGSK	
AtSIP1;2		AKTFLLALAT V S V F V VGSK	
AtSIP2;1		MKTWIGSLAK L T H ILGSD	