

Table 3. Candidate AdcR-binding sites in the *Streptococcus* group [two additional genomes are *Streptococcus agalactiae* (AG) and *Streptococcus equi* (EQ)]

Genome	Genes and operons	Site	Score	Position
PN	<u><i>adcR-adcC-adcB-adcA</i></u> (SP2172-69) **	TTAACTGGT _a AA	5.10	-75
	<i>lmb-phpD</i> (SP1002-3)	TTtACTAGTTAA	5.10	-35
		TTAA _a TGGTTAA	4.73	-23
	<i>phpE</i> (SP1004)	TTtACTGGTTAA	5.10	-103
		TTAA _a TGGTTAA	4.73	-91
	<i>phpB</i> (SP1774)	TTAACTAGTTAA	5.42	-66
		TTAACCGGTT _t A	4.73	-54
<i>phpA</i> (SP1775)	TTAAC _C AGTTAA	5.42	-123	
PY	<u><i>adcR-adcC-adcB</i></u>	TTAACTGGTTAA	5.42	-28
	<u><i>adcA</i></u> (SpyM18_0781)	TTAAC _C AGTTAA	5.42	-29
		TTAACTGGT _c AA	4.99	-44
	<i>lmb-phpD</i> (SpyM18_2073-2)	TTAACTGGTTAA	5.86	-42
		aTTAACTGGTTAA	4.73	-31
	<i>phtY</i> (SPY1361)	TTAACTAGTTAA	5.42	-28
	<i>S14p</i> (rs14)	TTAAC _C AGTTAA	5.42	-83
aTTAACTAGTTAA		4.73	-146	
MU	<i>adcR-adcC-adcB</i>	TTAACTGGTTAA	5.42	-49
		TTAAC _C AGTTAA	5.42	-25
	<i>adcA</i>	TTAAC _C AGT _a AA	5.10	-40
AG	<i>lmb-phpD</i>	TTAACTGGTTAA	5.42	-44
		aTTAACTGGTTAA	4.73	-33
EQ	<i>lmb-phpD</i>	TTAACCGGTT _c A	4.73	-39
		aTTAACTGGTTAA	4.73	-28
LL	<i>adcR-adcA-adcC-adcB</i> (zitRSQP)	TTAAC _C AGT _a AA	5.10	-34
		TTAACTGGTT _g A	4.73	-70
	<i>S14p</i> (rpsN2)	TTAACTGGTTAA	5.42	-41
		TTAACTGGTT _g A	4.73	-77

Gene previously proposed to be under the AdcR regulation [4] is marked by two asterisks (**). Other notations are as described for Table 2. The consensus is TTAACYRGTTAA.