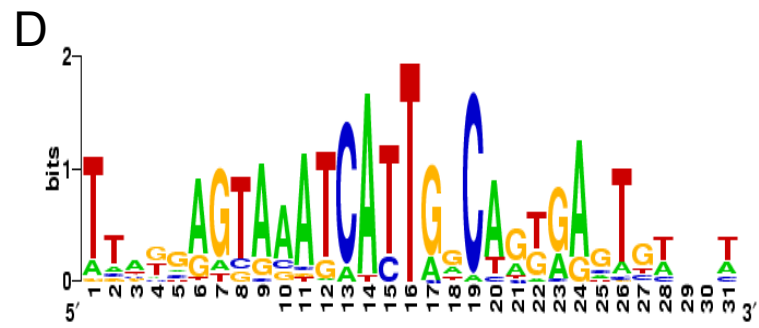
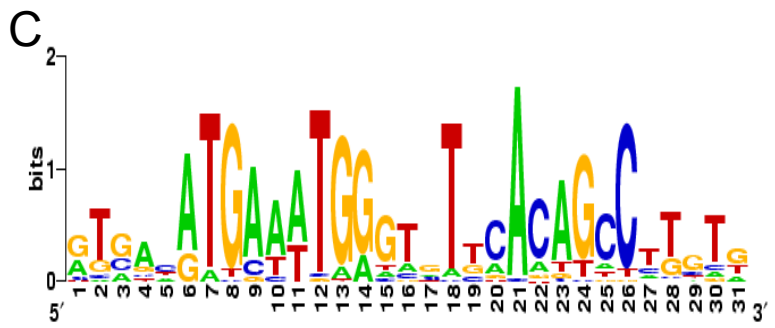


**A**

ha1	-231	agaat GTGATTTGAGTATGAAATTCC	agcca	-211 (1.00)
ha3	-314	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgtg	-294 (1.00)
ha4	-314	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgtg	-294 (1.00)
ha5	-313	gtgac ATGAAATGGGGTTCACAGCC	ttgtg	-293 (1.00)
ca1	-229	agaat GTGATTTGAGTATGAAATTCC	agcca	-209 (1.00)
ca2	-315	gtgac ATGAAATGGGTTCACAGCC	ctttg	-295 (1.00)
ca3	-314	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgtg	-294 (1.00)
ca4	-314	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgtg	-294 (1.00)
mmaa1	-225	agaat GTGATTTAAGTATGAAATTCC	agcca	-205 (1.00)
mmaa2	-314	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgta	-294 (1.00)
mmaa4a	-314	gtgac ATGAAATGGTGTTCACAGCC	ttgta	-294 (1.00)
mmaa4b	-318	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgtg	-298 (1.00)
mmaa5	-316	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgtg	-296 (1.00)
ba1	-225	agaat GTGATTTGAGTATGAAATTCC	agcca	-205 (1.00)
ba2	-314	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgtg	-294 (1.00)
ba4	-318	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgtg	-298 (1.00)
ba5a	-317	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgtg	-297 (1.00)
ba5b	-312	gtgac ATGAAATGGGTGTTCCACAGCC	ttgtg	-292 (1.00)
da1	-81	tgagt ATGGATTGGTTCCTTGAACAC	gaagt	-61 (1.00)
da2	-322	atcca GTGAATTGGGCATCCACAGCC	ctggt	-302 (1.00)
da3	-324	atcca GTGAATTGGGCATCCACAGCC	ctggt	-304 (1.00)
da4	-324	atcca GTGAATTGGGCATCCACAGCC	ctggt	-304 (1.00)
ma1	-353	gtggt ATGCTTTGGCACTTTACGGTC	ctttt	-333 (1.00)
ma2	-446	gcaga ATGACACTGATATGGAGAGAC	agaat	-426 (1.00)
ma5	-292	atgga ATGAAATGGGTGTGCACAGCC	atagt	-272 (1.00)
ra1	-348	atcct ATGCCTTGGCACTTTACAGTC	ccttt	-328 (1.00)
ra2	-281	tggga AAGAAATGGGTGTTCAGCGCC	ttatt	-261 (1.00)
ra4	-258	gcctt ATGAAATGAACTCTGACGGTC	tctag	-238 (1.00)
ra6	-296	acagg ATGAAATGGGTGTACACAGCC	ttggt	-276 (1.00)
gga1	-107	atcaa AAGCTATGGTGTAGCACAGAT	tgctg	-87 (1.00)
gga3	-107	atcaa AAGCTATGGTATAGCACAGAC	tgctg	-87 (1.00)
gga5	-397	aatc ATTCTAGAAGCTTAAACAGGC	ctgag	-377 (1.00)
gga6	-87	ctcag ATTGCTTAAAGTGCAGAGCT	ggtgc	-67 (1.00)
gga7	-405	ctcct GTC AATTGGCACTTAATATTC	tggtt	-385 (1.00)

**B**

ha6	-342	ttcgg GATAGAGAATTGGCAGGGGGT	cctca	-322 (1.00)
ha7	-152	ttatg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	gtgaa	-132 (1.00)
ha8	-155	ttatg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	gtgat	-135 (1.00)
ha9	-150	ttttg GGTAAATCATTGTCAGTGACT	gattt	-130 (1.00)
ha10	-154	ttatg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	gtgat	-134 (1.00)
ca6	-342	ttcgg GATAGAGAATTGGCAGGGGGT	cctca	-322 (1.00)
ca7	-151	ttatg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	gtgaa	-131 (1.00)
ca8	-156	ttatg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	gtgat	-136 (1.00)
ca9	-149	ttttg GGTAAATCATTGTCAGTGACT	gattt	-129 (1.00)
ca10	-154	ttatg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	gtgat	-134 (1.00)
mmaa6	-343	ttcgg GATAGAGAATTGGCAGGGGGT	ctcca	-323 (1.00)
mmaa7	-155	ttatg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	gtgca	-135 (1.00)
mmaa8	-163	ttagg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	atgat	-143 (1.00)
mmaa9	-156	ttttg AGTAAATCATTGTCAGTGACT	gattt	-136 (1.00)
mmaa10	-143	ttatg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	gtgat	-123 (1.00)
ba6	-343	ttcgg GATAGAGAATTGGCAGGGGGT	ctcca	-323 (1.00)
ba7	-157	ttatg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	gtgca	-137 (1.00)
ba8	-156	ttagg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	atgat	-136 (1.00)
ba9	-165	ttttg AGTAAATCATTGTCAGTGACT	gattt	-145 (1.00)
ba10	-143	ttatg AGTAAATCATTGGCAGTGAAT	gtgat	-123 (1.00)
da6	-211	gataa GGGACCTCATTGGCTCGAGAT	ggcta	-191 (1.00)
da7	-164	ttagg AGGGCATCACTGGCAATGAGT	gtagt	-144 (1.00)
da8	-161	ttagg AGTGCATCACTGGCAATGAGT	gtagt	-141 (1.00)
da9	-161	ttagg AGTGCATCACTGGCAATGAGT	gtagt	-141 (1.00)
da10	-162	ttagg AGGGCATCACTGGCAATGAGT	gtagt	-142 (1.00)
da11	-164	ttagg AGGGCATCACTGGCAATAGGT	gtagt	-144 (1.00)
ma7	-350	aaagt GTC AATGCATTGACAGAGAGC	cattt	-330 (1.00)
ma9	-348	aaagt GTCAGTGCATTGACAGAGAGC	cattt	-328 (1.00)
ma10	-122	tcctc AGTAAATCATTCTCCTAAACG	gctgt	-102 (1.00)
ma11	-154	tcaaa AGTCAGTCATTGTCAGGGAGT	gtact	-134 (1.00)
ma12	-150	tttta AGTAAATCATTAACTGAATT	taacg	-130 (1.00)
ma13	-150	tcttt TGTGAATAATTAACCTGAATT	taaca	-130 (1.00)
ra7	-356	aaagt GTCAGAGCACTGACTGAGGGT	cattt	-336 (1.00)
ra8	-137	tccca AGTAAATCATTGCCAGGAACT	gctat	-117 (1.00)
ra9	-152	tcaaa AGTCAGTCATTGTCAGGGAGT	gtact	-132 (1.00)
ra11	-151	ttttc AGTAAATCATTACCCTGAAT	ttaac	-131 (1.00)
gga4	-457	tgctt ATCAATCTCTGTCAATCATT	acttc	-437 (1.00)
gga8	-92	gggca AAGGTATCATTAAATGCAGT	gccaa	-72 (1.00)
gga9	-412	ttgaa TGCAACTCTTTGAATGTAAT	gtcca	-392 (1.00)
gga10	-255	taggc AGTAAATCATTAACTAGAGAA	taatc	-235 (1.00)
gga11	-299	aagcc AGTAAATCATTAACTAGAACA	taatc	-279 (1.00)
gga12	-305	aagcc AGTAAATCATTAACTAGAAGA	taatc	-285 (1.00)
gga13	-287	agggc AGTAAATCATTAACTAGAAGA	taatc	-267 (1.00)
gga14	-137	tgagc AGTAAACATTAACTAGAATA	taacc	-117 (1.00)



**E**

z1a1	-53	acatt ACACTACTGTTAATGTACTTC	tgctc	-33 (1.00)
z1a2	-308	atggc TCCTTGCTGTTAGTTTATTGT	tcatt	-288 (1.00)
z1a3	-380	gttta TAAATGCTGTAAGAGCATTGT	tagta	-360 (1.00)
z1a4	-351	ttaaa TAAAGTCCCTAAATTAATGT	catgc	-331 (1.00)
z1a5	-378	acatt TCATTGCAGTAGATGAATTC	attaa	-358 (1.00)
z1a6	-357	gctct GTTTGTCTCATAATTCATTGT	ctgca	-337 (1.00)
z1a7	-168	cagag ATTATTCTTTGATGCCCTGC	cttct	-148 (1.00)
z1b1	-310	ttttg GCATTTGTGTTAATGCATTC	attaa	-290 (1.00)
z1b2	-106	gcctt TTCTATCTGATAGTGAATGT	aaaag	-86 (1.00)
z1b3	-110	gtgga TTTTGTCTGATAGTGAATTC	gaaag	-90 (1.00)
z1b4	-110	ctgga TTTTGTCTGATAGTGAATTC	gaaag	-90 (1.00)
z1b5	-111	cgggg TTTTGTCTGATAATGAATTC	gaaag	-91 (1.00)
z1b7	-368	tacac TTTCGTCACCTTGATTATCTGC	atttt	-348 (1.00)

