

Affymetrix Probe Set	Gene Name / Probe Set	Chromosome Map Position	SAM Score	Subgroup
212914_at	<i>CBX7</i>	22q13.1	-7.49	PR
217887_s_at	<i>EPS15</i>	1p32	-6.06	PR
204588_s_at	<i>SLC7A7</i>	14q11.2	-5.77	PR
215836_s_at	<i>PCDHGC3</i>	5q31	-5.48	PR
223681_s_at	<i>INADL</i>	1p31.3	-5.42	PR
228258_at	<i>TBC1D10C</i>	11q13.2	-5.39	PR
204422_s_at	<i>FGF2</i>	4q26-q27	-5.25	PR
230559_x_at	<i>FGD4</i>	12p11.21	-5.21	PR
219144_at	<i>DUSP26</i>	8p12	-5.18	PR
204646_at	<i>DPYD</i>	1p22	-5.14	PR
225166_at	<i>ARHGAP18</i>	6q22.33	-5.08	PR
212690_at	<i>DDHD2</i>	8p12	-5.06	PR
222495_at	<i>C1orf119</i>	1p13.3	-4.97	PR
203556_at	<i>ZHX2</i>	8q24.13	-4.96	PR
226612_at	<i>FLJ25076</i>	5p15.31	-4.96	PR
227066_at	<i>MOBK2C</i>	1p33	-4.89	PR
210001_s_at	<i>SOCS1</i>	16p13.13	-4.86	PR
205383_s_at	<i>ZBTB20</i>	3q13.2	-4.86	PR
238624_at	<i>NLK</i>	17q11.2	-4.82	PR
227999_at	<i>PWWP2</i>	10q26.3	-4.74	PR
228243_at	<i>PAXIP1L</i>	7q36	-4.73	PR
229114_at	<i>GAB1</i>	4q31.21	-4.67	PR
203080_s_at	<i>BAZ2B</i>	2q23-q24	-4.67	PR
212614_at	<i>ARID5B</i>	10q21.2	-4.66	PR
226384_at	<i>PPAPDC1B</i>	8p12	-4.64	PR
225282_at	<i>SMAP1L</i>	1p35.3-p34.1	-4.60	PR
221763_at	<i>JMJD1C</i>	10q21.3	-4.60	PR
225540_at	<i>MAP2</i>	2q34-q35	-4.54	PR
235971_at	<i>TIFA</i>	4q25	-4.53	PR
50221_at	<i>TFEB</i>	6p21	-4.51	PR
201952_at	<i>ALCAM</i>	3q13.1	-4.46	PR
202761_s_at	<i>SYNE2</i>	14q23.2	-4.43	PR
207655_s_at	<i>BLNK</i>	10q23.2-q23.33	-4.42	PR
226773_at	<i>226773_at</i>	4q22.1	-4.42	PR
39582_at	<i>CYLD</i>	16q12-q13	-4.39	PR
241859_at	<i>241859_at</i>	2q33.1	-4.39	PR
226641_at	<i>LOC91526</i>	2q33.1	-4.39	PR
203845_at	<i>PCAF</i>	3p24	-4.38	PR
40446_at	<i>PHF1</i>	6p21.3	-4.33	PR
227209_at	<i>CNTN1</i>	12q11-q12	-4.32	PR
213694_at	<i>RSBN1</i>	1p13.2	-4.30	PR
205801_s_at	<i>RASGRP3</i>	2p25.1-p24.1	-4.26	PR
212842_x_at	<i>RANBP2L1</i>	2q13	-4.25	PR
230011_at	<i>MGC40042</i>	22q13.2	-4.25	PR
205259_at	<i>NR3C2</i>	4q31.1	-4.25	PR
209090_s_at	<i>SH3GLB1</i>	1p22	-4.23	PR
1557257_at	<i>BCL10</i>	1p22	-4.23	PR
204276_at	<i>TK2</i>	16q22-q23.1	-4.21	PR
205277_at	<i>PRDM2 (TSG)</i>	1p36	-4.20	PR
203408_s_at	<i>SATB1</i>	3p23	-4.20	PR
222001_x_at	<i>222001_x_at</i>	1q21.1	-7.44	LB
1568609_s_at	<i>FAM91A2</i>	1q21.1	-7.22	LB
206978_at	<i>CCR2</i>	3p21	-6.61	LB
208892_s_at	<i>DUSP6</i>	12q22-q23	-6.42	LB
202145_at	<i>LY6E</i>	8q24.3	-6.41	LB
204960_at	<i>PTPRCAP</i>	11q13.3	-6.15	LB
208941_s_at	<i>SEPHS1</i>	10p14	-5.97	LB

219895_at	FAM70A	Xq24	-5.92	LB
229872_s_at	LOC440667	1q21.1	-5.81	LB
221058_s_at	CKLF	16q22.1	-5.67	LB
202391_at	BASP1	5p15.1-p14	-5.60	LB
219684_at	IFRG28	3q27.3	-5.52	LB
209310_s_at	CASP4	11q22.2-q22.3	-5.48	LB
217437_s_at	TACC1	8p11	-5.40	LB
240890_at	240890_at	11q22.3	-5.35	LB
231899_at	ZC3H12C	11q22.3	-5.29	LB
219033_at	PARP8	5q11.1	-5.10	LB
209969_s_at	STAT1	2q32.2	-5.07	LB
228617_at	BIRC4BP	17p13.1	-5.04	LB
204994_at	MX2	21q22.3	-4.93	LB
244008_at	244008_at	5q11.1	-4.93	LB
236704_at	236704_at	1q21.1	-4.76	LB
229429_x_at	229429_x_at	1q21.1	-4.72	LB
227383_at	227383_at	1q21.1	-4.70	LB
202664_at	WASPIP	2q31.1	-4.69	LB
202411_at	IFI27	14q32	-4.66	LB
204352_at	TRAF5	1q32	-4.60	LB
203595_s_at	IFIT5	10q23.31	-4.56	LB
218918_at	MAN1C1	1p35	-4.52	LB
227384_s_at	227384_s_at	1q21.1	-4.50	LB
242625_at	RSAD2	2p25.2	-4.50	LB
232615_at	FLJ39739	1q21.1	-4.49	LB
225701_at	AKNA	9q32	-4.49	LB
204415_at	G1P3	1p35	-4.42	LB
200625_s_at	CAP1	1p34.2	-4.41	LB
200989_at	HIF1A	14q21-q24	-4.39	LB
214472_at	HIST1H3D	6p21.3	-4.23	LB
238148_s_at	FLJ46385	19q13.42	-4.22	LB
240122_at	240122_at	9q22.2	-4.22	LB
240586_at	ENAM	4q13.3	-4.15	LB
209417_s_at	IFI35	17q21	-4.14	LB
202531_at	IRF1	5q31.1	-4.09	LB
225636_at	STAT2	12q13.3	-4.08	LB
218986_s_at	FLJ20035	4q32.3	-4.05	LB
219357_at	GTPBP1	22q13.1	-4.02	LB
202659_at	PSMB10	16q22.1	-4.00	LB
226748_at	LYSMD2	15q21.2	-3.99	LB
219211_at	USP18	22q11.21	-3.99	LB
212124_at	RAI17	10q22.3	-3.98	LB
227798_at	SMAD1	4q31	-3.98	LB
225530_at	MOBK12A	19p13.3	-13.08	MS
208657_s_at	208657_s_at	17q25	-11.36	MS
41220_at	41220_at	17q25	-9.94	MS
200736_s_at	GPX1	3p21.3	-8.41	MS
211967_at	PORIMIN	11q22.1	-8.02	MS
202976_s_at	RHOBTB3	5q15	-7.71	MS
230748_at	SLC16A6	17q24.2	-6.95	MS
226018_at	E11s1	7p15.1	-6.44	MS
1555882_at	SPIN3	Xp11.1	-6.31	MS
217466_x_at	RPS2	16p13.3	-6.25	MS
232352_at	ISL2	15q23	-6.20	MS
218258_at	POLR1D	13q12.2	-6.15	MS
223206_s_at	HSCARG	16p13.3	-6.14	MS
223751_x_at	TLR10	4p14	-6.14	MS
221969_at	PAX5	9p13	-6.11	MS
226707_at	NAPRT1	8q24.3	-6.10	MS

224814_at	<i>DPP7</i>	9q34.3	-6.07	MS
209798_at	<i>NPAT</i>	11q22-q23	-6.05	MS
201334_s_at	<i>ARHGEF12</i>	11q23.3	-5.89	MS
1554015_a_at	<i>CHD2</i>	15q26	-5.81	MS
213083_at	<i>SLC35D2</i>	9q22.32	-5.80	MS
219069_at	<i>ANKRD49</i>	11q21	-5.80	MS
206609_at	<i>MAGEC1</i>	Xq26	-5.68	MS
238012_at	<i>238012_at</i>	9q34.3	-5.65	MS
226123_at	<i>CHD7</i>	8q12.2	-5.61	MS
207194_s_at	<i>ICAM4</i>	19p13.2-cen	-5.60	MS
223606_x_at	<i>KIAA1704</i>	13q13-q14	-5.58	MS
235764_at	<i>235764_at</i>	4q27	-5.51	MS
218826_at	<i>SLC35F2</i>	11q22.3	-5.51	MS
228252_at	<i>C15orf20</i>	15q22.31	-5.45	MS
222728_s_at	<i>MGC5306</i>	11q21	-5.41	MS
223334_at	<i>DKFZp586C1924</i>	11q14.1	-5.39	MS
208700_s_at	<i>TKT</i>	3p14.3	-5.36	MS
235124_at	<i>235124_at</i>	15q21.1	-5.29	MS
207038_at	<i>SLC16A6</i>	17q24.2	-5.26	MS
235133_at	<i>ZDHHC14</i>	6q25.3	-5.21	MS
207170_s_at	<i>LETMD1</i>	12q13.12	-5.21	MS
212604_at	<i>MRPS31</i>	13q14.11	-5.20	MS
231131_at	<i>RP1-32F7.2</i>	Xq21.33	-5.17	MS
227162_at	<i>ZBTB26</i>	9q33.2	-5.14	MS
218400_at	<i>OAS3</i>	12q24.2	-5.12	MS
212433_x_at	<i>RPS2</i>	16p13.3	-5.11	MS
223595_at	<i>AD031</i>	11q22.1	-5.10	MS
204050_s_at	<i>CLTA</i>	9p13	-5.07	MS
227418_at	<i>KIAA1826</i>	11q22	-5.03	MS
208855_s_at	<i>STK24</i>	13q31.2-q32.3	-5.03	MS
230326_s_at	<i>HSPC138</i>	11q14.2	-5.01	MS
207831_x_at	<i>DHPS</i>	19p13.2-p13.1	-4.98	MS
230047_at	<i>FLJ32810</i>	11q22.1	-4.97	MS
209546_s_at	<i>APOL1</i>	22q13.1	-4.97	MS
219377_at	<i>FAM59A</i>	18q12.1	-10.50	HP
235065_at	<i>235065_at</i>	18q12.1	-10.35	HP
230446_at	<i>230446_at</i>	7p21.1	-9.60	HP
203186_s_at	<i>S100A4</i>	1q21	-9.35	HP
225723_at	<i>C6orf129</i>	6p21.2	-9.21	HP
228115_at	<i>228115_at</i>	18q12.1	-8.92	HP
218678_at	<i>NES</i>	1q23.1	-8.91	HP
226875_at	<i>DOCK11</i>	Xq24	-8.64	HP
212364_at	<i>MYO1B</i>	2q12-q34	-8.53	HP
225400_at	<i>C1orf19</i>	1q25	-8.50	HP
222584_at	<i>MSTO1</i>	1q22	-8.22	HP
238590_x_at	<i>MGC10744</i>	17p13.1	-8.21	HP
201360_at	<i>CST3</i>	20p11.21	-7.96	HP
204849_at	<i>TCFL5</i>	20q13.3-qter	-7.90	HP
224570_s_at	<i>IRF2BP2</i>	1q42.3	-7.87	HP
205903_s_at	<i>KCNN3</i>	1q21.3	-7.79	HP
218858_at	<i>DEPDC6</i>	8q24.12	-7.71	HP
208770_s_at	<i>EIF4EBP2</i>	10q21-q22	-7.66	HP
225033_at	<i>LOC286167</i>	8q24.22	-7.63	HP
213061_s_at	<i>NTAN1</i>	16p13.11	-7.62	HP
204332_s_at	<i>AGA</i>	4q32-q33	-7.62	HP
228523_at	<i>NANOS1</i>	10q26.11	-7.60	HP
200916_at	<i>TAGLN2</i>	1q21-q25	-7.50	HP
212055_at	<i>C18orf10</i>	18q12.2	-7.45	HP
219373_at	<i>DPM3</i>	1q22	-7.40	HP

203120_at	<i>TP53BP2</i>	1q42.1	-7.36	HP
57715_at	<i>FAM26B</i>	10pter-q26.12	-7.32	HP
230925_at	<i>APBB1IP</i>	10p12.1	-7.26	HP
209093_s_at	<i>GBA</i>	1q21	-7.26	HP
201136_at	<i>PLP2</i>	Xp11.23	-7.18	HP
208165_s_at	<i>PRSS16</i>	6p21	-7.18	HP
204612_at	<i>PKIA</i>	8q21.11	-7.12	HP
207266_x_at	<i>RBMS1</i>	2q24.2	-7.11	HP
222062_at	<i>IL27RA</i>	19p13.11	-7.08	HP
210895_s_at	<i>CD86</i>	3q21	-7.06	HP
216640_s_at	<i>PDIA6</i>	2p25.1	-7.04	HP
200629_at	<i>WARS</i>	14q32.31	-7.02	HP
225188_at	<i>RAPH1</i>	2q33	-6.99	HP
201666_at	<i>TIMP1</i>	Xp11.3-p11.23	-6.93	HP
218523_at	<i>LHPP</i>	10q26.13	-6.93	HP
34210_at	<i>CD52</i>	1p36	-6.92	HP
201897_s_at	<i>CKS1B</i>	1q21.2	-6.92	HP
203714_s_at	<i>TBCE</i>	1q42.3	-6.91	HP
219032_x_at	<i>OPN3</i>	1q43	-6.91	HP
200803_s_at	<i>TEGT</i>	12q12-q13	-6.79	HP
212322_at	<i>SGPL1</i>	10q21	-6.78	HP
239066_at	<i>239066_at</i>	8q24.12	-6.76	HP
200934_at	<i>DEK</i>	6p23	-6.75	HP
228415_at	<i>AP1S2</i>	Xp22.2	-6.71	HP
218976_at	<i>DNAJC12</i>	10q22.1	-6.71	HP
229084_at	<i>CNTN4</i>	3p26-p25	-6.60	CD-1
203988_s_at	<i>FUT8</i>	14q24.3	-6.47	CD-1
226743_at	<i>FLJ34922</i>	17q12	-5.72	CD-1
212463_at	<i>CD59</i>	11p13	-5.59	CD-1
207734_at	<i>LAX1</i>	1q32.1	-5.54	CD-1
230650_at	<i>230650_at</i>	8q13.3	-5.49	CD-1
212699_at	<i>SCAMP5</i>	15q23	-5.45	CD-1
218706_s_at	<i>NS3TP2</i>	5q23.2	-5.37	CD-1
203178_at	<i>GATM</i>	15q21.1	-5.28	CD-1
224516_s_at	<i>CXXC5</i>	5q31.2	-5.24	CD-1
227067_x_at	<i>NOTCH2NL</i>	1q21.2	-5.20	CD-1
208998_at	<i>UCP2</i>	11q13	-5.12	CD-1
217853_at	<i>TENS1</i>	7p13-p12.3	-5.11	CD-1
201189_s_at	<i>ITPR3</i>	6p21	-5.11	CD-1
211084_x_at	<i>PRKD3</i>	2p21	-5.03	CD-1
220998_s_at	<i>UNC93B1</i>	11q13	-4.98	CD-1
212312_at	<i>BCL2L1</i>	20q11.21	-4.85	CD-1
223553_s_at	<i>DOK3</i>	5q35.3	-4.79	CD-1
203395_s_at	<i>HES1</i>	3q28-q29	-4.76	CD-1
208078_s_at	<i>SNF1LK</i>	21q22.3	-4.76	CD-1
214691_x_at	<i>FAM63B</i>	15q21.3	-4.73	CD-1
225009_at	<i>CKLF4</i>	16q22.1	-4.67	CD-1
223000_s_at	<i>F11R</i>	1q21.2-q21.3	-4.58	CD-1
202826_at	<i>SPINT1</i>	15q15.1	-4.48	CD-1
45288_at	<i>ABHD6</i>	3p14.3	-4.47	CD-1
201998_at	<i>ST6GAL1</i>	3q27-q28	-4.46	CD-1
243699_at	<i>243699_at</i>	2p14	-4.40	CD-1
211574_s_at	<i>MCP</i>	1q32	-4.38	CD-1
202545_at	<i>PRKCD</i>	3p21.31	-4.38	CD-1
202369_s_at	<i>TRAM2</i>	6p21.1-p12	-4.35	CD-1
224829_at	<i>CPEB4</i>	5q21	-4.35	CD-1
1558819_at	<i>1558819_at</i>	8q13.3	-4.34	CD-1
209765_at	<i>ADAM19</i>	5q32-q33	-4.32	CD-1
227123_at	<i>RAB3B</i>	1p32-p31	-4.30	CD-1

218552_at	<i>ECHDC2</i>	1p32.3	-4.27	CD-1
213820_s_at	<i>STARD5</i>	15q26	-4.27	CD-1
207809_s_at	<i>ATP6AP1</i>	Xq28	-4.27	CD-1
221530_s_at	<i>BHLHB3</i>	12p11.23-p12.1	-4.22	CD-1
227189_at	<i>CPNE5</i>	6p21.1	-4.19	CD-1
218546_at	<i>C1orf115</i>	1q41	-4.17	CD-1
226873_at	<i>KIAA1164</i>	15q21.3	-4.16	CD-1
211825_s_at	<i>FLI1</i>	11q24.1-q24.3	-4.14	CD-1
221765_at	<i>UGCG</i>	9q31	-4.14	CD-1
213415_at	<i>CLIC2</i>	Xq28	-4.14	CD-1
231399_at	<i>231399_at</i>	12q15	-4.06	CD-1
223471_at	<i>RAB3IP</i>	12q14.3	-4.04	CD-1
212666_at	<i>SMURF1</i>	7q21.1-q31.1	-4.03	CD-1
236986_at	<i>236986_at</i>	1q42.2	-3.98	CD-1
203143_s_at	<i>KIAA0040</i>	1q24-25	-3.96	CD-1
229082_at	<i>KENAE</i>	5q13.2	-3.95	CD-1
201563_at	<i>SORD</i>	15q15.3	-7.30	CD-2
200650_s_at	<i>LDHA</i>	11p15.4	-7.11	CD-2
221524_s_at	<i>RRAGD</i>	6q15-q16	-7.02	CD-2
221297_at	<i>GPRC5D</i>	12p13.3	-6.85	CD-2
209398_at	<i>HIST1H1C</i>	6p21.3	-6.36	CD-2
1558508_a_at	<i>C1orf53</i>	1q31.3	-6.28	CD-2
209581_at	<i>HRASLS3</i>	11q12.3-q13.1	-6.25	CD-2
202345_s_at	<i>FABP5</i>	8q21.13	-6.25	CD-2
225782_at	<i>MSRB3</i>	12q14.3	-6.23	CD-2
240118_at	<i>TXNDC11</i>	16p13.13	-5.91	CD-2
219648_at	<i>DSU</i>	2q35	-5.91	CD-2
226225_at	<i>MCC</i>	5q21-q22	-5.82	CD-2
227677_at	<i>JAK3</i>	19p13.1	-5.73	CD-2
209627_s_at	<i>OSBPL3</i>	7p15	-5.71	CD-2
235117_at	<i>LOC494143</i>	2p16	-5.71	CD-2
217848_s_at	<i>PPA1</i>	10q11.1-q24	-5.56	CD-2
238718_at	<i>238718_at</i>	11q12.3	-5.45	CD-2
1556194_a_at	<i>1556194_a_at</i>	4q28.1	-5.45	CD-2
213012_at	<i>NEDD4</i>	15q	-5.42	CD-2
223278_at	<i>GJB2</i>	13q11-q12	-5.38	CD-2
206653_at	<i>POLR3G</i>	5q14.3	-5.27	CD-2
219366_at	<i>AVEN</i>	15q13.1	-5.19	CD-2
204153_s_at	<i>MFNG</i>	22q12	-5.17	CD-2
242181_at	<i>242181_at</i>	11q12	-5.15	CD-2
217755_at	<i>HN1</i>	17q25.1	-5.12	CD-2
206074_s_at	<i>HMGA1</i>	6p21	-5.07	CD-2
226733_at	<i>PFKFB2</i>	1q31	-5.06	CD-2
202934_at	<i>HK2</i>	2p13	-5.06	CD-2
212563_at	<i>BOP1</i>	8q24.3	-5.03	CD-2
205544_s_at	<i>CR2</i>	1q32	-5.01	CD-2
224441_s_at	<i>USP45</i>	6q16.3	-5.00	CD-2
209631_s_at	<i>GPR37</i>	7q31	-4.94	CD-2
201590_x_at	<i>ANXA2</i>	15q21-q22	-4.91	CD-2
218398_at	<i>MRPS30</i>	5q11	-4.89	CD-2
204175_at	<i>ZNF593</i>	1p36.11	-4.87	CD-2
205943_at	<i>TDO2</i>	4q31-q32	-4.87	CD-2
227013_at	<i>LATS2</i>	13q11-q12	-4.86	CD-2
212218_s_at	<i>FASN</i>	17q25	-4.82	CD-2
224975_at	<i>NFIA</i>	1p31.3-p31.2	-4.79	CD-2
219236_at	<i>PAQR6</i>	1q22	-4.78	CD-2
209825_s_at	<i>UCK2</i>	1q23	-4.78	CD-2
225968_at	<i>PRICKLE2</i>	3p14.1	-4.77	CD-2
243492_at	<i>CTMP</i>	1q21	-4.76	CD-2

217809_at	<i>BZW2</i>	7p21.1	-4.75	CD-2
209302_at	<i>POLR2H</i>	3q28	-4.74	CD-2
230766_at	<i>230766_at</i>	21q22.11	-4.74	CD-2
218587_s_at	<i>MDSRP</i>	3q13.33	-4.73	CD-2
208864_s_at	<i>TXN</i>	9q31	-4.67	CD-2
212771_at	<i>C10orf38</i>	10p13	-4.66	CD-2
227599_at	<i>LOC151963</i>	3q28-q29	-4.62	CD-2
208296_x_at	<i>TNFAIP8</i>	5q23.1	-9.24	MF
213093_at	<i>PRKCA</i>	17q22-q23.2	-8.84	MF
227525_at	<i>GLCCI1</i>	7p21.3	-8.49	MF
203097_s_at	<i>RAPGEF2</i>	4q32.1	-8.16	MF
220595_at	<i>PDZRN4</i>	12q12	-8.16	MF
229814_at	<i>229814_at</i>	5q23.1	-7.77	MF
209815_at	<i>PTCH</i>	9q22.3	-7.28	MF
209708_at	<i>MOXD1</i>	6q23.1-23.3	-7.08	MF
207981_s_at	<i>ESRRG</i>	1q41	-6.93	MF
226372_at	<i>CHST11</i>	12q	-6.82	MF
230560_at	<i>STXBP6</i>	14q12	-6.79	MF
1559170_at	<i>1559170_at</i>	18p11.21	-6.53	MF
229233_at	<i>NRG3</i>	10q22-q23	-6.36	MF
218723_s_at	<i>RGC32</i>	13q14.11	-6.23	MF
226358_at	<i>LOC145842</i>	15q22.2	-6.07	MF
222108_at	<i>AMIGO2</i>	12q13.11	-6.06	MF
213261_at	<i>LBA1</i>	3p22.3	-6.05	MF
225382_at	<i>ZNF275</i>	Xq28	-6.03	MF
212248_at	<i>LYRIC</i>	8q22.1	-5.91	MF
212345_s_at	<i>CREB3L2</i>	7q34	-5.88	MF
1569237_at	<i>1569237_at</i>	4q32.1	-5.85	MF
230900_at	<i>KM-HN-1</i>	4q35.1	-5.84	MF
238752_at	<i>MRS2L</i>	6p22.3-p22.1	-5.83	MF
210613_s_at	<i>SYNGR1</i>	22q13.1	-5.82	MF
201889_at	<i>FAM3C</i>	7q22.1-q31.1	-5.76	MF
212538_at	<i>DOCK9</i>	13q32.3	-5.57	MF
1569040_s_at	<i>1569040_s_at</i>	2p11.2	-5.54	MF
226382_at	<i>LOC283070</i>	10p14	-5.46	MF
228497_at	<i>SLC22A15</i>	1p13.1	-5.45	MF
1552504_a_at	<i>BRSK1</i>	19q13.4	-5.26	MF
204602_at	<i>DKK1</i>	10q11.2	-5.26	MF
235798_at	<i>235798_at</i>	6p24.2	-5.25	MF
219874_at	<i>SLC12A8</i>	3q21.2	-5.24	MF
229513_at	<i>STRBP</i>	9q33.3	-5.24	MF
223866_at	<i>ARMC2</i>	6q21	-5.15	MF
225732_at	<i>KLHDC5</i>	12p11.22	-5.13	MF
212250_at	<i>MTDH</i>	8q22.1	-5.13	MF
201425_at	<i>ALDH2</i>	12q24.2	-5.13	MF
243179_at	<i>243179_at</i>	6p22.3	-5.10	MF
239344_at	<i>239344_at</i>	16q12.1	-5.10	MF
225997_at	<i>MOBKL1A</i>	4q13.3	-5.01	MF
207405_s_at	<i>RAD17</i>	5q13	-4.98	MF
1559822_s_at	<i>1559822_s_at</i>	8q22.1	-4.97	MF
235626_at	<i>CAMK1D</i>	10p13	-4.95	MF
216179_x_at	<i>RNF24</i>	20p13-p12.1	-4.94	MF
209298_s_at	<i>ITSN1</i>	21q22.1-q22.2	-4.92	MF
209741_x_at	<i>ZNF291</i>	15q24	-4.91	MF
217820_s_at	<i>ENAH</i>	1q42.12	-4.89	MF
236646_at	<i>FLJ31166</i>	12p13.2	-4.85	MF
1552790_a_at	<i>TLOC1</i>	3q26.2	-4.83	MF