

Affymetrix Probe Set	Gene Name / Probe Set	Chromosome Map Position	SAM Score(+ higher in CD-1)
207076_s_at	ASS	9q34.1	7.67
210587_at	INHBE	12q13.3	7.15
220993_s_at	GPR63	6q16.1-q16.3	6.96
212233_at	MAP1B	5q13	6.39
200629_at	WARS	14q32.31	6.29
221539_at	EIF4EBP1	8p12	5.99
229309_at	ADRB1	10q24-q26	5.89
229281_at	229281_at	chr14	5.78
228365_at	CPNE8	12q12	5.71
204411_at	KIF21B	1pter-q31.3	5.69
1553027_a_at	KLHL4	Xq21.3	5.66
203476_at	TPBG	6q14-q15	5.62
209921_at	SLC7A11	4q28-q32	5.42
202847_at	PCK2	14q11.2	5.35
222116_s_at	TBC1D16	17q25.3	5.33
203397_s_at	GALNT3	2q24-q31	5.23
213524_s_at	G0S2	1q32.2-q41	5.15
206039_at	RAB33A	Xq25	5.08
213475_s_at	ITGAL	16p11.2	4.97
201397_at	PHGDH	1p12	4.87
203892_at	WFDC2	20q12-q13.2	4.86
223195_s_at	SESN2	1p35.3	4.83
204114_at	NID2	14q21-q22	4.81
227353_at	227353_at	chr17	4.77
217763_s_at	RAB31	18p11.3	4.73
203423_at	RBP1	3q23	4.65
227117_at	XPOT	12q14.2	4.61
212501_at	CEBPB	20q13.1	4.60
205047_s_at	ASNS	7q21.3	4.59
219463_at	C20orf103	20p12	4.59
224928_at	SET7	4q28	4.56
231202_at	ALDH1L2	12q23.3	4.54
218976_at	DNAJC12	10q22.1	4.52
227443_at	C9orf150	9p23	4.41
224917_at	MIRN21	chr09	4.36
221841_s_at	KLF4	9q31	4.36
224564_s_at	RTN3	11q13	4.32
217967_s_at	C1orf24	1q25	4.31
227915_at	ASB2	14q31-q32	4.30
218145_at	TRIB3	20p13-p12.2	4.28
215930_s_at	CTAGE5	14q13.3	4.26
201761_at	MTHFD2	2p13.1	4.23
219892_at	TM6SF1	15q24-q26	4.16
213888_s_at	TRAF3IP3	1q32.3-q41	4.10
204999_s_at	ATF5	19q13.3	4.10
227361_at	227361_at	chr17	4.08
1568619_s_at	LOC162073	16p12.3	4.07
224839_s_at	GPT2	16q12.1	4.01
201061_s_at	STOM	9q34.1	3.94
203760_s_at	SLA	8q22.3- qter 8q24	3.93
239045_at	ERN1	17q24.2	3.87
209822_s_at	VLDLR	9p24	3.86
220448_at	KCNK12	2p22-p21	3.86
238914_at	238914_at	chr18	3.83
230172_at	FAM14B	14q32.13	3.83
203438_at	STC2	5q35.1	3.83
204203_at	CEBPG	19q13.11	3.82
201036_s_at	HADHSC	4q22-q26	3.77
225975_at	PCDH18	4q31	3.75
231790_at	DMGDH	5q14.1	3.73
230741_at	230741_at	chr12	3.68

224916_at	LOC340061	5q31.2	3.67
239675_at	LOC283143	11q23.3	3.62
218694_at	ARMCX1	Xq21.33-q22.2	3.61
232054_at	PCDH20	13q21	3.53
209083_at	CORO1A	16p11.2	3.48
201195_s_at	SLC7A5	16q24.3	3.37
226505_x_at	USP32	17q23.2	3.32
227823_at	RGAG4	Xq13.1	3.26
201343_at	UBE2D2	5q31.2	-3.17
204681_s_at	RAPGEF5	7p15.3	-3.18
214172_x_at	RYK	3q22	-3.25
207655_s_at	BLNK	10q23.2-q23.33	-3.30
227840_at	LOC130355	2q14.2	-3.32
1557257_at	BCL10	1p22	-3.33
243780_at	243780_at	22q13.2	-3.34
202606_s_at	TLK1	2q31.1	-3.39
228574_at	DKFZp762A217	12q21.31	-3.41
226743_at	FLJ34922	17q12	-3.41
47105_at	DUS2L	16q22.1	-3.41
227767_at	CSNK1G3	5q23	-3.44
229147_at	RASSF6	4q13.3	-3.46
230560_at	STXBP6	14q12	-3.50
236065_at	236065_at	12q12	-3.59
207957_s_at	PRKCB1	16p11.2	-3.68
228551_at	MGC24039	12p11.21	-3.69
220147_s_at	FAM60A	12p11	-3.71
212807_s_at	SORT1	1p21.3-p13.1	-3.71
209764_at	MGAT3	22q13.1	-3.78
226169_at	SBF2	11p15.4	-3.79
228377_at	KLHL14	18q12.1	-3.88
219497_s_at	BCL11A	2p16.1	-4.02
35820_at	GM2A	5q31.3-q33.1	-4.06
210150_s_at	LAMA5	20q13.2-q13.3	-4.12
212739_s_at	NME4	16p13.3	-4.13
214039_s_at	LAPTM4B	8q22.1	-4.15
220059_at	BRDG1	4q13.2	-4.39
235764_at	235764_at	chr04	-4.50
211423_s_at	SC5DL	11q23.3	-4.51
221676_s_at	CORO1C	12q24.1	-4.54
213093_at	PRKCA	17q22-q23.2	-4.61
218330_s_at	NAV2	11p15.1	-4.66
1555510_at	ZNF215	11p15.4	-4.73
208943_s_at	TLOC1	3q26.2	-4.78
212350_at	TBC1D1	4p14	-4.89
205901_at	PNOC	8p21	-4.93
203501_at	PGCP	8q22.2	-4.97
204208_at	RNGTT	6q16	-5.07
223158_s_at	NEK6	9q33.3-q34.11	-5.11
226459_at	PIK3AP1	10q24.1	-5.23
223423_at	GPR160	3q26.2-q27	-5.42
217853_at	TENS1	7p13-p12.3	-5.53
218723_s_at	RGC32	13q14.11	-5.63
229459_at	FAM19A5	22q13.32	-5.72
201998_at	ST6GAL1	3q27-q28	-5.78
209201_x_at	CXCR4	2q21	-6.12
205789_at	CD1D	1q22-q23	-6.32
227123_at	RAB3B	1p32-p31	-6.50
219073_s_at	OSBPL10	3p22.3	-6.54
210715_s_at	SPINT2	19q13.1	-6.74
201313_at	ENO2	12p13	-6.77
212226_s_at	PPAP2B	1pter-p22.1	-6.96
206150_at	TNFRSF7	12p13	-7.42