

Supplementary Table 1. List of all mutations of the *Ubx* locus surveyed for effects on leg trichome and bristle patterning.

Tested Allele	Tester chromosome <sup>1</sup>	
	“Point mutation” <sup>ii</sup>	Deficiency
<i>abx</i> <sup>1</sup>		Df(3R)P2 Df(3R)109
<i>abx</i> <sup>2</sup>	<i>Ubx</i> <sup>1</sup> <i>Ubx</i> <sup>9.22</sup>	
		Df(3R)P2 Df(3R)109
<i>abx</i> <sup>CAC4</sup>		Df(3R)P2 Df(3R)109
<i>abx</i> <sup>1</sup> <i>bx</i> <sup>3</sup> <i>pbx</i> <sup>1</sup>	<i>Ubx</i> <sup>1</sup> <i>abx</i> <sup>1</sup> <i>bx</i> <sup>3</sup> <i>Ubx</i> <sup>61d</sup> <i>pbx</i> <sup>1</sup>	
		Df(3R)P2 Df(3R)109
<i>bx</i> <sup>1</sup>	homozygote	
		Df(3R)P2 Df(3R)109
<i>bx</i> <sup>3</sup>	<i>Ubx</i> <sup>1</sup> <i>Ubx</i> <sup>9.22</sup> 12.5 <i>Ubx</i> <sup>849</sup>	
		Df(3R)P2 Df(3R)109 Df(3R)C1
<i>bx</i> <sup>4</sup>		Df(3R)P2 Df(3R)109
<i>bx</i> <sup>8</sup>		Df(3R)P2 Df(3R)109
<i>bx</i> <sup>34e</sup>	homozygote <i>Ubx</i> <sup>849</sup>	
		Df(3R)P2 Df(3R)109
<i>bx</i> <sup>83Ka</sup>		Df(3R)P2 Df(3R)109
<i>bx</i> <sup>83kb</sup>		Df(3R)P2 Df(3R)109
<i>bx</i> <sup>d1</sup>	<i>Ubx</i> <sup>1</sup> <i>Ubx</i> <sup>6.28</sup>	

		Df(3R)C1
		Df(3R)P2
<i>bxd</i> <sup>31j</sup>		Df(3R)P2
		Df(3R)109
<i>bxd</i> <sup>68</sup>		Df(3R)P2
		Df(3R)109
<i>Df(3R) bxd</i> <sup>100</sup>	<i>Ubx</i> <sup>1</sup>	
	<i>Ubx</i> <sup>195</sup>	
	<i>Ubx</i> <sup>849</sup>	
	<i>Ubx</i> <sup>9.22</sup>	
		Df(3R)P2
<i>T(3;4) bxd</i> <sup>101</sup>		Df(3R)P2
		Df(3R)109
<i>In(3LR) bxd</i> <sup>106</sup>		Df(3R)P2
		Df(3R)109
<i>Tp(3;1) bxd</i> <sup>111</sup>		Df(3R)P2
		Df(3R)109
<i>In(3LR) bxd</i> <sup>113</sup>		Df(3R)P2
		Df(3R)109
<i>In(3LR) bxd</i> <sup>194</sup>		Df(3R)P2
		Df(3R)109
<i>bxd</i> <sup>266</sup>	homozygote	
		Df(3R)P2
		Df(3R)109
<i>bxd</i> <sup>HIM</sup>	<i>Ubx</i> <sup>1</sup>	
		Df(3R)P2
<i>Cbx</i> <sup>1</sup>	homozygote	
<i>Cbx</i> <sup>3</sup>	homozygote	
	<i>Ubx</i> <sup>1</sup>	
	<i>Cbx</i> <sup>1</sup>	
		Df(3R)P2
		Df(3R)109
		Df(3R)P9
		Df(3R)C1
		Df(3R)50-1
		Df(3R)I3B
		Df(3R)P2
		Df(3R)109
		Df(3R) <i>Ubx</i> <sup>132B1</sup>
		Df(3R) <i>Ubx</i> <sup>82B1</sup>
<i>Cbx</i> <sup>Twt</sup>		Df(3R)P2
		Df(3R)109

		Df(3R)P2
		Df(3R)109
<i>Df(3)Ubx<sup>HC71-1/HC166D</sup></i>	homozygote	
<i>Df(3)Ubx<sup>71-1/HC16-1</sup></i>	homozygote	
<i>pbx<sup>1</sup></i>	<i>Ubx<sup>1</sup></i>	
	<i>Ubx<sup>9,22</sup></i>	
		Df(3R)C1
		Df(3R)P2
		Df(3R)109
<i>pbx<sup>2</sup></i>	homozygote	
	<i>Ubx<sup>1</sup></i>	
	<i>Ubx<sup>6,28</sup></i>	
	<i>Ubx<sup>849</sup></i>	
		Df(3R)P2

<sup>i</sup> Tested allele was placed in *trans* to the indicated mutation on the tester chromosome.

<sup>ii</sup> *Ubx* “point” mutations include transposable element insertions and small deletions that disrupt the transcript to produce a non-functional protein.