

	number of motifs	average PU						average EF						average ED					
		11...20 nt		11...30 nt		11...50 nt		11...20 nt		11...30 nt		11...50 nt		11...20 nt		11...30 nt		11...50 nt	
splicing motifs	77	0.29		0.25		0.21		0.69		0.65		0.62		2.17		2.49		2.77	
exonic splicing motifs	50	0.23		0.19		0.16		0.67		0.62		0.59		2.41		2.77		3.02	
intronic splicing motifs	27	0.40		0.35		0.29		0.73		0.71		0.67		1.72		1.96		2.32	
control 1	100 x 77	0.18	P<0.01	0.15	P<0.01	0.13	P<0.01	0.63	P<0.01	0.59	P<0.01	0.55	P<0.01	2.59	P<0.03	2.86	P<0.04	3.16	P<0.02
control 2	100 x 77	0.21	P<0.01	0.18	P<0.01	0.15	P<0.01	0.64	P<0.02	0.60	P<0.01	0.57	P<0.01	2.60	P<0.04	2.91	P<0.05	3.19	P<0.04
control 3	100 x 77	0.18	P<0.01	0.15	P<0.01	0.12	P<0.01	0.63	P<0.01	0.59	P<0.01	0.55	P<0.01	2.61	P<0.01	2.91	P<0.01	3.22	P<0.02
control 4	10000	0.14	P<0.020	0.12	P<0.023	0.09	P<0.018	0.60	P<0.005	0.57	P<0.047	0.53	P<0.046	2.83	P=0.054	3.12	P=0.154	3.40	P=0.134
control 4 – lower GC content	10000	0.15	P=0.051	0.12	P=0.064	0.10	P=0.051	0.61	P<0.013	0.58	P=0.100	0.54	P=0.097	2.67	P=0.140	2.95	P=0.348	3.22	P=0.316
control 4 – equal GC content	10000	0.15	P<0.041	0.12	P<0.046	0.10	P<0.034	0.61	P<0.010	0.57	P=0.082	0.53	P=0.069	2.73	P=0.105	3.02	P=0.267	3.31	P=0.220
control 4 – higher GC content	10000	0.12	P<0.002	0.10	P<0.002	0.08	P<0.002	0.59	P<0.001	0.55	P<0.013	0.51	P<0.012	3.07	P<0.006	3.37	P<0.022	3.68	P<0.017
control 5	10000	0.18	P<0.004	0.15	P<0.003	0.12	P<0.003	0.62	P<0.004	0.58	P<0.001	0.54	P<0.001	2.52	P<0.003	2.83	P<0.002	3.14	P<0.007
control 5 – higher GC content	10000	0.13	P<0.001	0.11	P<0.001	0.08	P<0.001	0.58	P<0.001	0.54	P<0.001	0.50	P<0.001	3.26	P<0.001	3.60	P<0.001	3.97	P<0.001

Table S2: PU, EF, ED values, and P-values for verified splicing motifs and all controls.