

ID	Latence	Early-Exponential	Mid-Exponential	Late-Exponential	Statio
5S	2.4	10.76	2.80	2.87	3.85
sra05(<i>4.5S</i>)	12.4	16.14	7.02	2.25	26.31
sra49(<i>tmRNA</i>)	6.9	14.71	19.23	1.99	12.55
sra50(<i>rnpB</i>)	24.3	28.70	57.29	52.77	52.02
sra01(<i>oriC</i>)	1.4	1.47	1.32	1.16	1.09
sra02	1.2	1.09	1.45	1.09	1.24
sra03	4.2	1.85	4.09	5.38	3.26
sra04	3.0	2.53	3.16	1.57	1.78
sra06	1.6	1.08	1.28	1.10	0.94
sra07	1.2	1.16	1.09	0.89	1.05
sra08	1.1	1.13	1.03	1.11	0.88
sra09	1.4	0.96	1.39	1.18	1.29
sra10A	5.5	2.61	4.83	2.65	1.97
sra10B	3.8	1.44	4.33	2.11	2.07
sra11	1.5	1.40	1.49	1.48	1.20
sra12-A	1.5	1.02	1.49	1.22	1.50
sra12-B	5.0	4.33	3.33	3.21	4.56
sra13	0.9	1.02	1.01	0.80	1.00
sra14-A	9.0	2.84	8.67	4.14	3.73
sra14-B	12.5	6.32	10.62	5.89	3.73
sra15	4.9	2.32	3.46	6.33	3.45
sra16	1.9	1.39	2.50	3.16	1.83
sra17	2.6	1.98	2.55	1.88	1.69
sra18	1.8	1.26	2.19	1.41	1.13
sra19	1.0	1.26	1.12	0.92	1.58
sra20	1.3	1.28	1.17	1.10	0.93
sra21	1.6	1.47	1.84	1.28	1.11
sra22-A	1.2	0.92	1.16	1.35	0.95
sra22-B	1.9	1.01	1.09	1.00	1.15
sra23	1.1	1.27	1.01	1.03	0.88
sra24	1.2	1.11	1.38	1.32	0.96
sra25	1.5	1.32	2.09	1.45	1.57
sra26	2.0	1.24	1.84	1.91	1.76
sra27	1.1	1.08	1.17	1.08	0.89
sra28-A	5.8	2.86	7.39	3.72	3.04
sra28-B	3.9	2.32	3.50	2.94	2.06
sra29	3.6	1.10	2.22	1.24	1.65
sra30	1.6	1.21	1.89	1.44	1.25
sra31	1.1	1.11	1.13	1.22	1.12
sra32-A	3.5	5.25	12.02	1.86	2.27
sra32-B	1.6	1.16	1.63	1.02	1.09
sra33	2.3	16.16	2.29	2.50	2.49
sra34	1.3	1.18	1.28	1.21	1.42
sra35	15.0	2.91	14.41	2.08	3.41
sra36	2.4	3.43	2.17	1.43	2.17
sra37	1.7	1.28	1.70	1.15	1.08
sra38A	1.4	1.08	1.53	1.25	1.47

sra38D	1.8	1.17	1.53	1.44	2.03
sra39A	5.1	19.35	20.80	5.09	6.03
sra39B	3.4	3.40	2.05	1.72	4.82
sra40A	1.6	1.00	1.53	1.63	1.23
sra40B	1.5	1.43	1.90	1.66	1.21
sra41	7.5	3.89	9.13	6.98	7.22
sra42	2.1	1.25	2.17	1.57	1.25
sra43-A	3.1	1.67	2.52	3.23	2.19
sra43-B	3.8	2.21	2.52	2.04	3.11
sra44	1.2	1.23	1.28	1.16	1.31
sra45	3.7	3.72	3.13	2.03	1.87
sra46	1.5	1.11	1.61	1.14	0.97
sra47-A	6.3	3.16	7.35	3.30	3.66
sra47-B	10.8	12.50	16.01	4.45	5.82
sra48	4.3	1.85	3.79	1.85	2.48
sra49	6.9	14.71	19.23	1.99	12.55
sra50A	4.4	2.67	5.65	3.78	3.70
sra50B	24.3	28.70	57.29	52.77	52.02
sra51A	3.6	2.19	6.56	5.88	3.14
sra51B	3.1	2.09	2.57	1.96	1.52
sra52	2.1	1.33	2.17	1.57	1.26
sra53A	3.1	2.78	3.44	2.59	1.95
sra53B	3.2	2.05	2.85	2.80	1.54
sra54	2.1	1.69	2.20	1.65	1.26
sra55	6.1	3.06	5.65	3.78	2.26
sra56	3.1	2.36	2.98	1.68	2.63
sra57	1.6	1.43	1.36	1.46	1.21
sra58	2.4	1.37	1.81	1.62	1.49
sra59	18.9	9.83	13.57	5.24	10.58
sra60A	3.4	2.92	4.15	6.98	3.75
sra60B	5.0	2.95	4.76	2.89	2.38
sra61	1.8	1.17	1.58	1.24	1.22
sra62A	26.0	24.86	49.22	18.10	27.05
sra62B	5.6	5.87	13.71	10.70	11.51
sra63A	1.6	1.82	1.68	1.96	1.57
sra63B	1.4	1.04	1.71	1.66	2.62
sra63C	2.5	1.74	1.61	1.51	1.82
sra63D	1.2	1.17	1.15	1.28	1.40
sra64	1.1	1.10	1.27	1.35	1.22
sra65A	4.3	1.09	1.37	1.21	1.16
sra65B	1.7	1.14	1.60	1.39	1.22
sra66	1.2	1.22	1.88	1.45	1.40
sra67	3.8	1.48	3.32	1.59	1.43