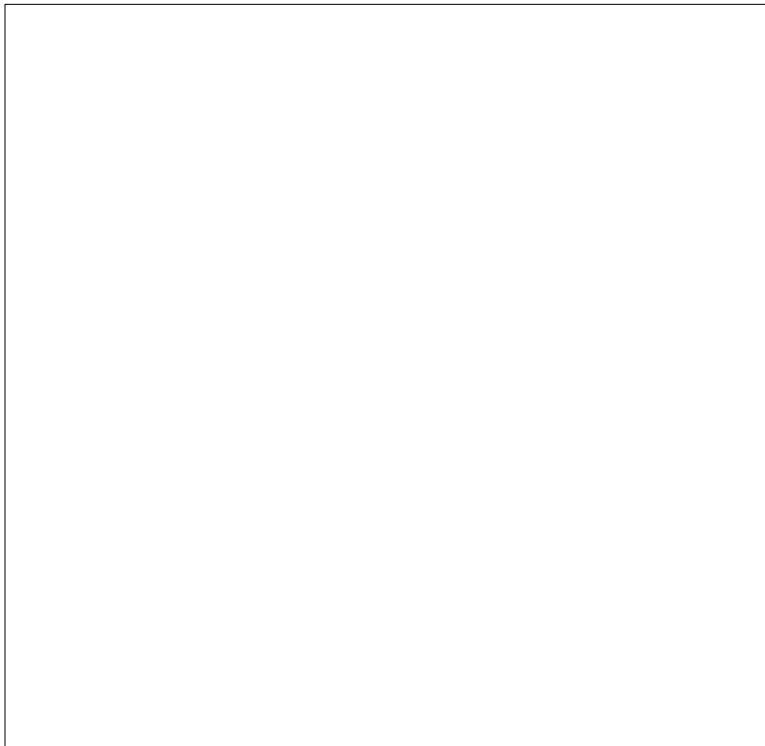
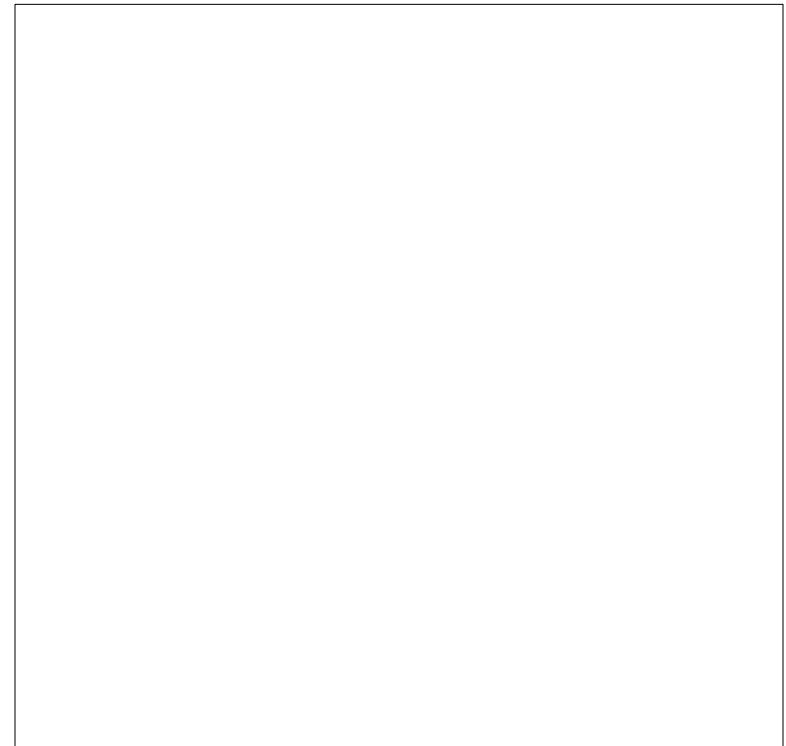


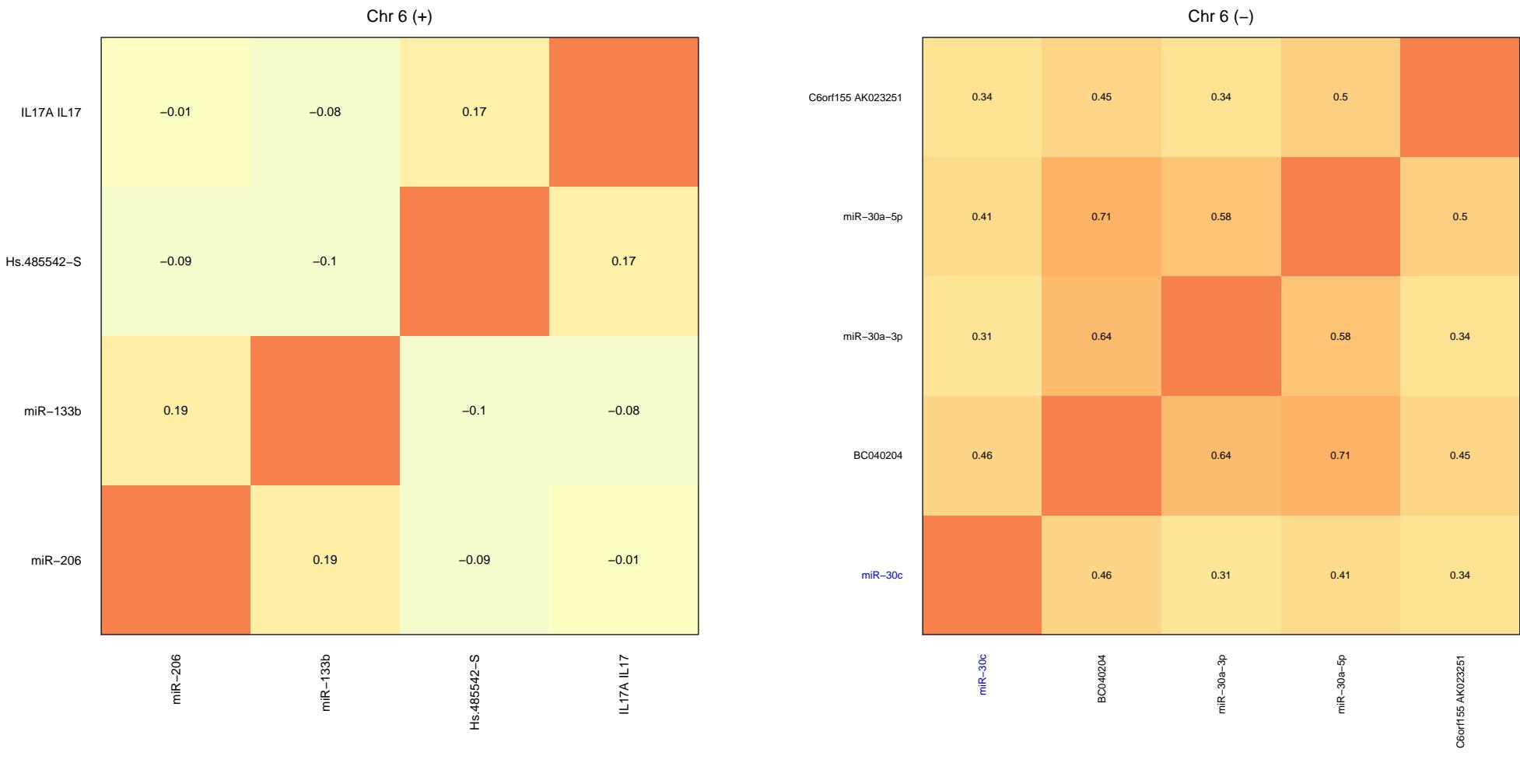
Chr 4 (+)



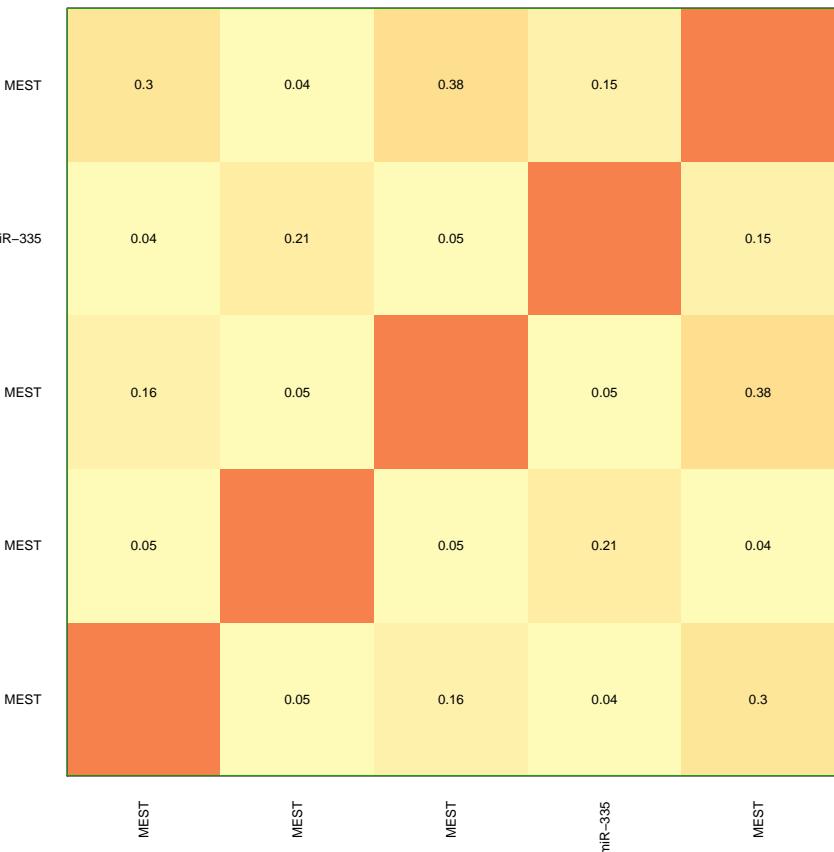
Chr 4 (-)





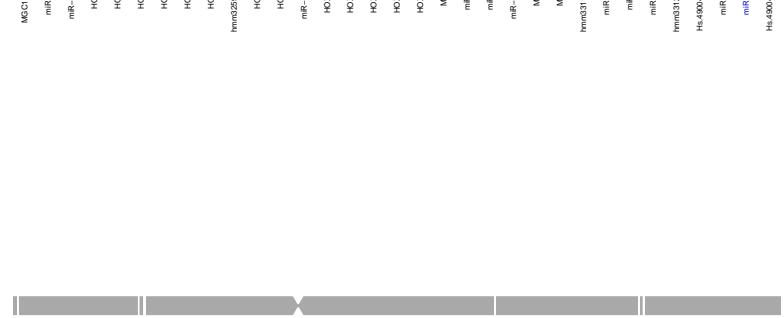


Chr 7 (+)

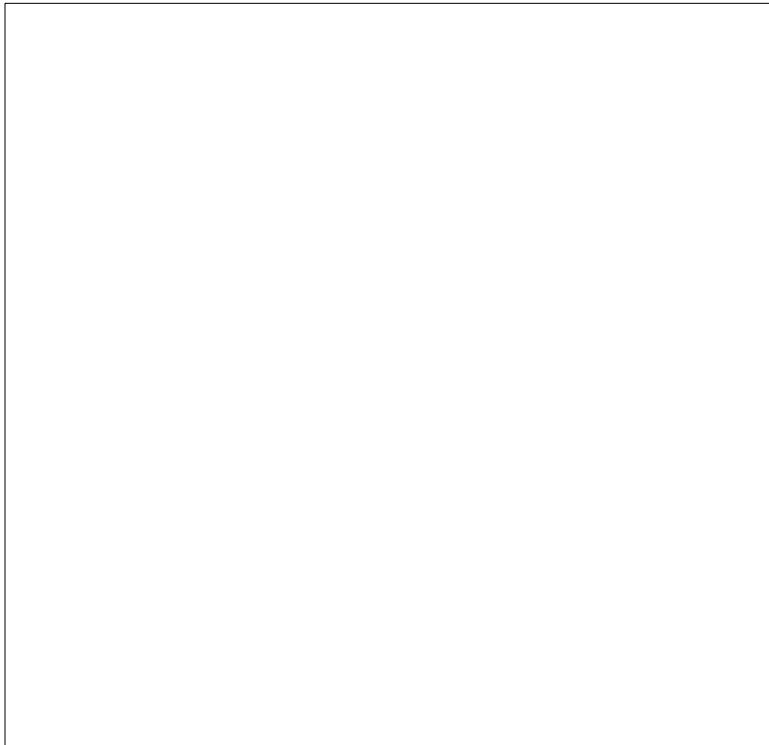


Chr 7 (-)

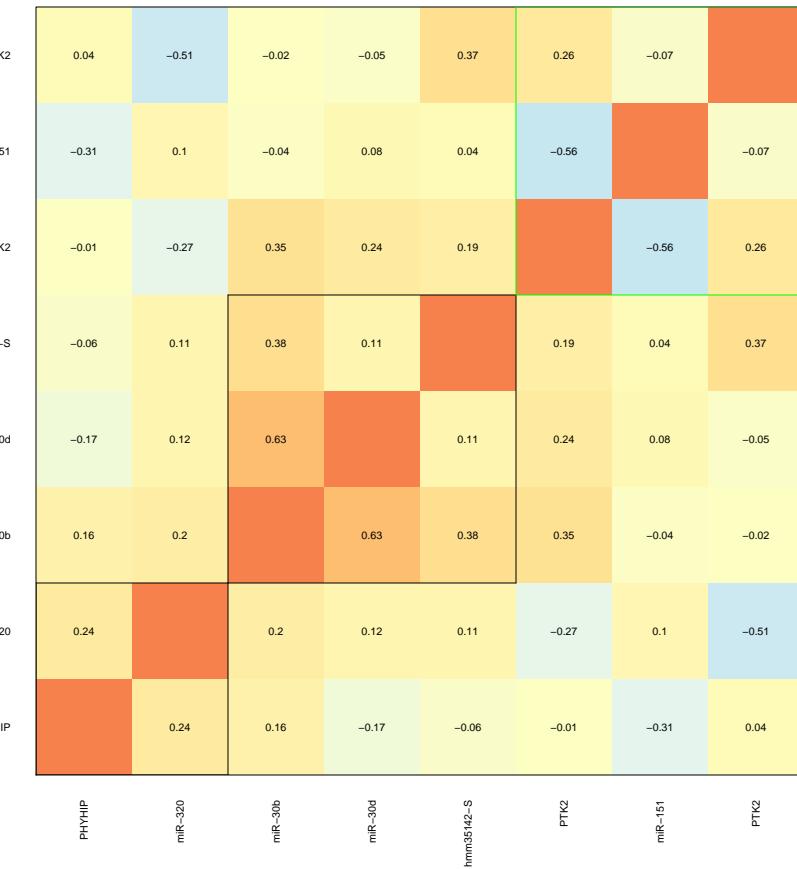
Hs.490044-S	0.01	-0.02	-0.25	0.17	0.27	-0.07	-0.11	0.06	0.1	0.28	0.02	0.03	-0.01	-0.12	0.17	-0.01	-0.06	-0.13	-0.29	0	-0.07	-0.05	0.05	-0.07	-0.15	0.06	-0.15	-0.1	0.06	0.05				
miR-296	0.14	0.16	0.21	0.24	0.51	0.31	0.3	0.56	0.61	0.41	0.39	-0.17	-0.08	0.29	0.09	0.19	-0.31	-0.05	0.21	-0.08	0.29	0.05	0.16	0.05	0.03	-0.01	-0.01	0.05	0.68	0.05				
miR-29a	0.01	-0.02	0.4	0.2	0.17	-0.02	0.14	0.35	0.29	0.38	0.26	-0.03	-0.11	0.25	0.17	0.1	-0.17	0.13	-0.01	0.1	0.29	0.09	0.19	-0.01	0.24	-0.08	0.01	-0.25	0.05	0.68	0.06			
Hs.490043-S	-0.09	-0.02	0.06	-0.03	-0.04	-0.28	-0.03	-0.07	0.02	0.07	-0.07	-0.08	-0.04	0.12	-0.01	0.04	0.21	0.02	0.18	0.13	0.19	0.26	0.1	0.14	-0.18	-0.24	-0.04	0	0.32	0.09	-0.01	-0.15		
hmm33123-S	-0.37	-0.02	0.09	-0.02	0.13	0.12	0.16	0.09	0.15	0.12	0.23	0.18	-0.01	0.15	0.12	0.08	0.1	0.25	-0.06	-0.32	-0.02	-0.08	0.04	0.29	0.15	-0.3	-0.15	-0.15	0.32	0.09	-0.01	-0.15		
miR-183	-0.1	0.29	-0.18	0	-0.19	-0.31	-0.16	-0.19	-0.04	-0.28	-0.02	0.03	0.11	-0.26	-0.18	0.06	0.06	0.07	0.22	0.17	0.02	0.19	0.1	-0.36	0.7	0.34	-0.15	0	-0.25	-0.01	0.06			
miR-96	0.14	0.21	-0.04	-0.1	-0.25	-0.07	-0.35	-0.12	-0.08	-0.16	0.12	0.02	-0.05	0.11	0.22	0.26	0.1	0.21	0.34	-0.47	0.2	0.04	0.5	0.34	-0.15	-0.04	0.01	0.03	-0.15					
miR-182	-0.1	0.27	-0.1	0.08	0	0.02	0	-0.13	-0.01	-0.23	0.04	0.11	-0.17	-0.22	-0.17	0.01	0.11	0.07	0.13	0.09	0.13	-0.22	0.06	-0.19	0.5	0.7	-0.3	-0.24	-0.08	0.05	-0.07			
hmm33113-S	0.09	0.01	0.2	0.1	0.25	0.14	0.14	0.05	0.08	0.29	0.12	-0.24	-0.03	0.16	0.43	0.03	-0.08	-0.03	0.25	0.21	-0.01	-0.16	-0.1	-0.19	0.04	-0.36	0.15	-0.18	0.24	0.16	0.05			
MCM7	-0.2	-0.27	0.14	-0.02	0.06	-0.04	-0.06	0.08	0.02	0.12	-0.1	0.01	0.08	0.19	0.12	0	0.39	-0.11	-0.16	0.11	0.04	0.2	-0.1	0.02	0.1	0.29	0.14	-0.01	0.05	-0.05				
MCM7	-0.08	-0.04	0.4	-0.29	0.08	0.16	0.31	0.35	0.12	0.06	0.22	0.01	0.02	0.32	-0.13	0.12	-0.03	0.12	-0.18	-0.05	-0.01	0.03	0.24	-0.16	-0.22	-0.47	-0.38	0.04	0.1	0.19	0.29	-0.07		
miR-106b	0.3	0.19	0.37	-0.08	0.24	-0.46	-0.38	0.03	-0.16	0.02	-0.14	-0.04	0.05	-0.1	0.02	0.03	0.03	0.01	0.52	0.58	0.58	0.03	0.04	-0.01	0.13	0.34	0.19	-0.08	0					
miR-93	0.37	-0.21	0.5	0.04	0.03	-0.51	-0.41	-0.2	-0.27	0.13	-0.15	-0.08	0.11	0.04	0.11	0.05	-0.04	0.06	0.5	0.48	0.58	0.03	-0.01	0.11	0.21	0.01	0.21	0.02	-0.02	0.19	0.29	0.21	-0.29	
miR-25	0.24	0.24	0.25	-0.08	0.01	-0.36	-0.17	-0.11	-0.18	-0.01	-0.19	0.23	-0.07	-0.11	-0.14	0.49	0.49	0.48	0.58	-0.05	-0.16	0.2	0.09	0.08	0.17	-0.32	0.13	-0.05	-0.13					
MCM7	0.21	0.15	0.05	-0.21	0.04	-0.3	-0.3	-0.27	-0.28	-0.08	-0.25	-0.03	-0.13	-0.15	0.31	-0.2	-0.18	-0.19	0.49	0.5	0.52	-0.18	-0.11	0.25	0.13	0.26	0.22	-0.08	0.18	-0.01	-0.31	-0.06		
HOXA13	-0.17	-0.12	0.23	0.1	0.04	0.04	-0.01	0.26	0.13	-0.07	-0.02	0.22	0.18	0.37	0.01	0.13	0.33	-0.19	-0.14	0.06	0.01	0.12	0.39	-0.03	0.07	0.22	0.07	0.25	0.02	0.13	0.19	0.01		
HOXA11	-0.14	0.1	0.01	0.05	0	-0.02	-0.04	0.06	0.12	-0.23	-0.03	0.08	0.33	0.48	-0.08	0.15	0.33	-0.18	-0.11	-0.04	0.04	-0.03	0	-0.08	0.11	0.23	0.05	0.1	0.21	-0.17	0.09	-0.06		
HOXA10	0	-0.02	0.38	0.1	0.2	0.12	0.18	0.26	0.37	0.21	0.26	0.04	-0.02	0.28	-0.08	0.15	0.13	-0.17	0.05	0.03	0.12	0.12	0.03	0.11	0.06	0.08	0.04	0.1	0.29	-0.01				
HOXA10	0.09	-0.15	0.2	0.08	0.01	-0.02	-0.17	-0.04	-0.08	0.15	-0.27	0.02	0.18	-0.26	-0.08	-0.08	0.01	0.31	0.23	0.11	0.19	0.43	-0.17	-0.05	-0.18	0.12	-0.01	0.17	0.08	0.17				
HOXA10	-0.16	0.14	0.25	0.19	0.18	0.25	0.4	0.49	0.15	0.38	-0.05	0.13	-0.26	0.28	0.48	0.37	-0.15	0.19	0.04	-0.1	0.32	0.08	0.16	-0.22	0.02	-0.26	0.15	0.12	0.25	0.29	-0.12			
miR-196b	0	0.11	0.05	-0.05	-0.07	-0.16	-0.25	-0.17	-0.13	-0.35	-0.2	-0.06	0.13	0.18	-0.02	0.33	0.19	-0.13	-0.01	-0.05	0.02	0.08	0.08	-0.03	-0.07	0.12	0.11	-0.01	-0.04	-0.11	0.01			
HOXA9	0.08	0	0.12	-0.12	-0.14	-0.06	0.07	0.03	-0.01	0.19	0.15	-0.06	-0.05	0.02	0.04	0.08	0.22	-0.03	-0.09	0.08	-0.04	0.01	0.01	-0.24	0.11	-0.11	0.03	0.18	-0.08	-0.03	-0.17	0.03		
HOXA9	-0.31	0.05	0.12	-0.15	0.31	0.48	0.63	0.4	0.67	0.27	0.15	0.1	-0.2	0.38	-0.27	0.26	-0.03	-0.25	-0.12	-0.15	-0.14	0.22	-0.1	0.12	0.06	0.03	-0.33	-0.02	0.23	-0.07	0.26	0.39	0.02	
hmm32592-S	0.27	-0.11	0.02	-0.15	0.38	0.01	0.09	0.37	0.3	0.19	-0.35	0.15	0.15	0.21	-0.23	-0.07	-0.08	0.01	0.13	0.02	0.06	0.12	0.29	-0.23	-0.16	-0.28	0.12	0.07	0.38	0.41	0.28			
HOXA7	0.27	-0.05	-0.16	0.19	0.41	0.49	0.51	0.62	0.32	0.67	-0.01	-0.13	0.49	-0.08	0.37	0.12	0.28	-0.17	-0.16	0.12	0.02	0.08	-0.01	-0.08	0.12	0.02	-0.04	0.15	0.02	0.29	0.61	0.1		
HOXA6	-0.08	-0.12	0.09	0.15	0.47	0.34	0.48	0.62	0.37	0.4	0.03	-0.17	-0.04	0.04	-0.04	0.26	0.08	-0.27	-0.11	-0.02	0.03	0.08	0.06	-0.05	-0.13	-0.12	0.19	0.09	-0.07	0.35	0.06	0.06		
HOXA5	-0.32	0.11	-0.1	0	0.27	0.7	0.48	0.51	0.09	0.63	0.07	-0.25	-0.17	0.18	-0.04	-0.01	-0.3	-0.17	-0.41	-0.38	0.31	-0.06	-0.14	0	-0.35	-0.16	0.16	-0.03	0.14	0.3	-0.11			
HOXA4	-0.14	-0.07	-0.13	-0.06	0.39	0.7	0.34	0.49	0.01	0.48	-0.06	-0.16	0.18	-0.02	0.12	-0.02	0.04	-0.3	-0.36	-0.51	-0.46	0.16	-0.04	0.14	0.02	-0.07	-0.31	0.12	-0.28	-0.02	0.31	-0.07		
HOXA3	-0.02	0.03	-0.05	-0.15	0.38	0.27	0.47	0.41	0.38	0.31	-0.14	-0.07	0.19	0.01	0.2	0	0.04	0.04	0.01	0.03	0.24	0.08	0.06	0.05	0	0.25	-0.19	0.13	-0.04	0.17	0.51	0.27		
HOXA5	-0.02	-0.14	0.1	-0.15	-0.06	0	-0.15	-0.18	-0.15	-0.15	-0.05	-0.25	0.08	0.1	0.05	0.1	-0.21	-0.08	0.04	-0.08	-0.29	-0.02	0.1	0.08	-0.1	0	-0.02	-0.03	0.2	0.24	0.17			
miR-148a	0.08	-0.25	0.15	-0.05	-0.13	-0.1	0.09	-0.05	0.02	0.12	0.12	0.05	0.14	0.2	0.34	0.03	0.23	0.05	0.25	0.54	0.37	0.4	0.14	0.23	-0.1	-0.04	-0.18	0.06	0.06	0.41	0.21	-0.25		
miR-339	0.01	-0.25	-0.14	0.03	-0.07	0.11	-0.12	0.05	-0.11	0.05	0	0.11	-0.01	-0.05	-0.02	0.1	-0.12	0.15	0.24	-0.21	0.19	-0.04	-0.27	0.01	0.27	0.21	0.29	-0.02	-0.2	-0.06	0.16	-0.02		
MGC11257	0.01	0.08	-0.02	-0.04	-0.14	-0.32	-0.06	-0.27	0.27	-0.31	0.08	0	-0.16	0.08	0	-0.14	-0.17	0.21	0.24	0.37	0.3	-0.08	-0.2	0.09	-0.1	0.14	-0.1	-0.37	-0.09	0.01	0.01	0.01	0.01	



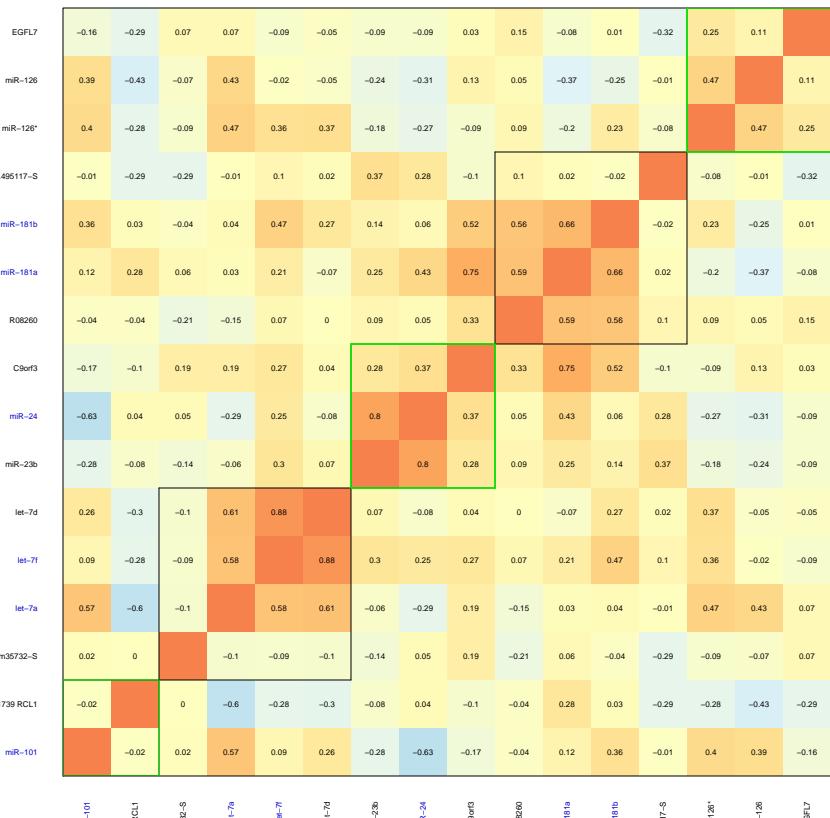
Chr 8 (+)



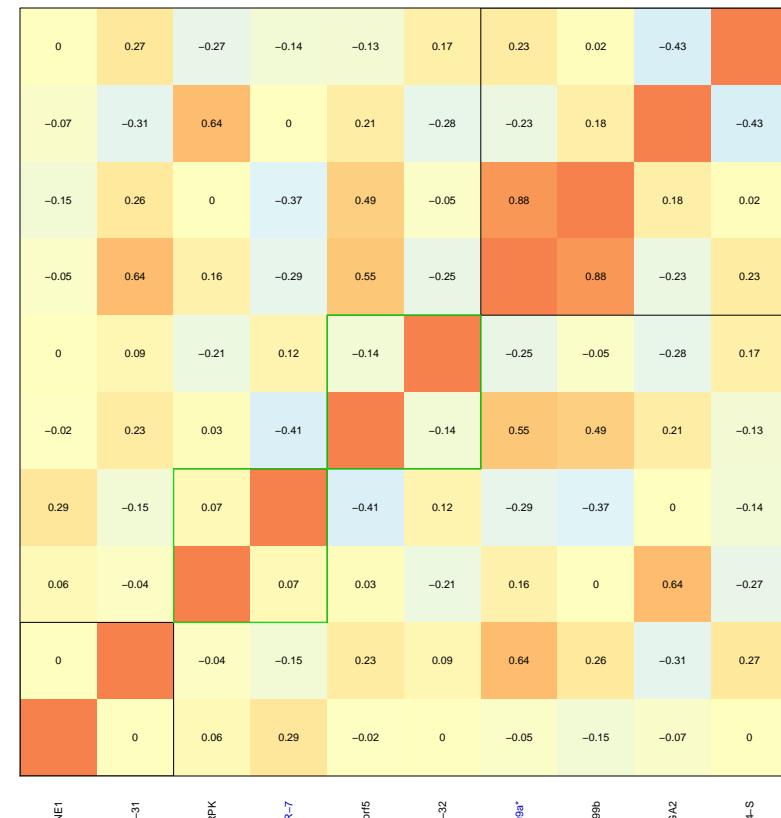
Chr 8 (-)

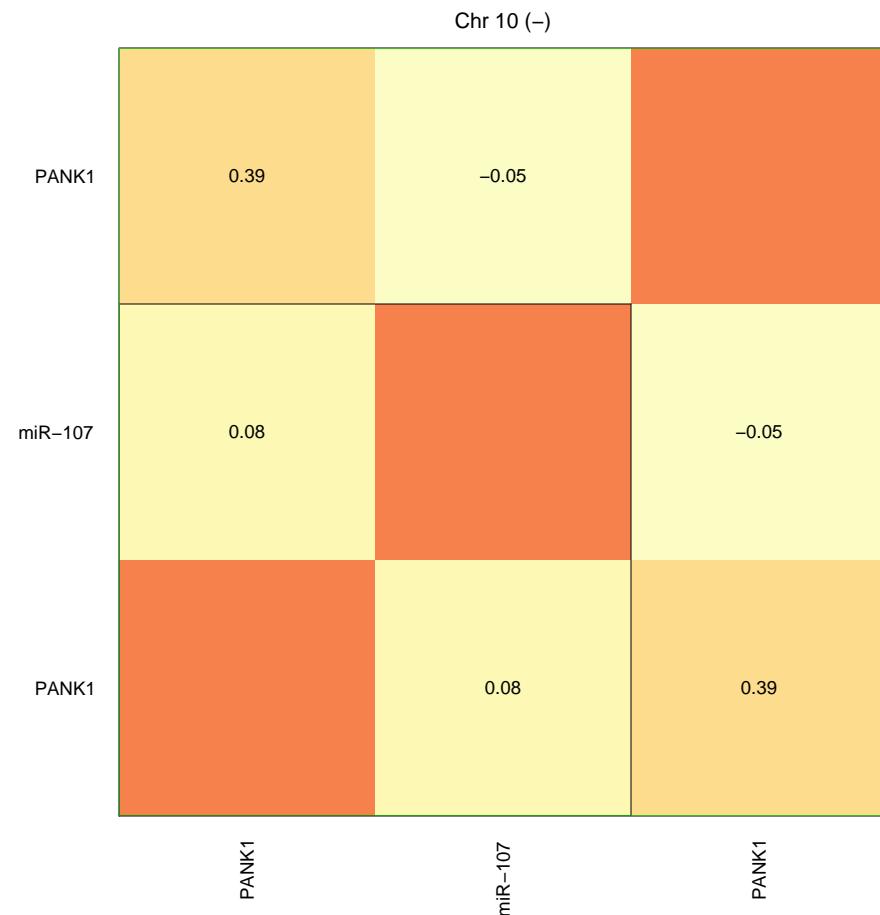
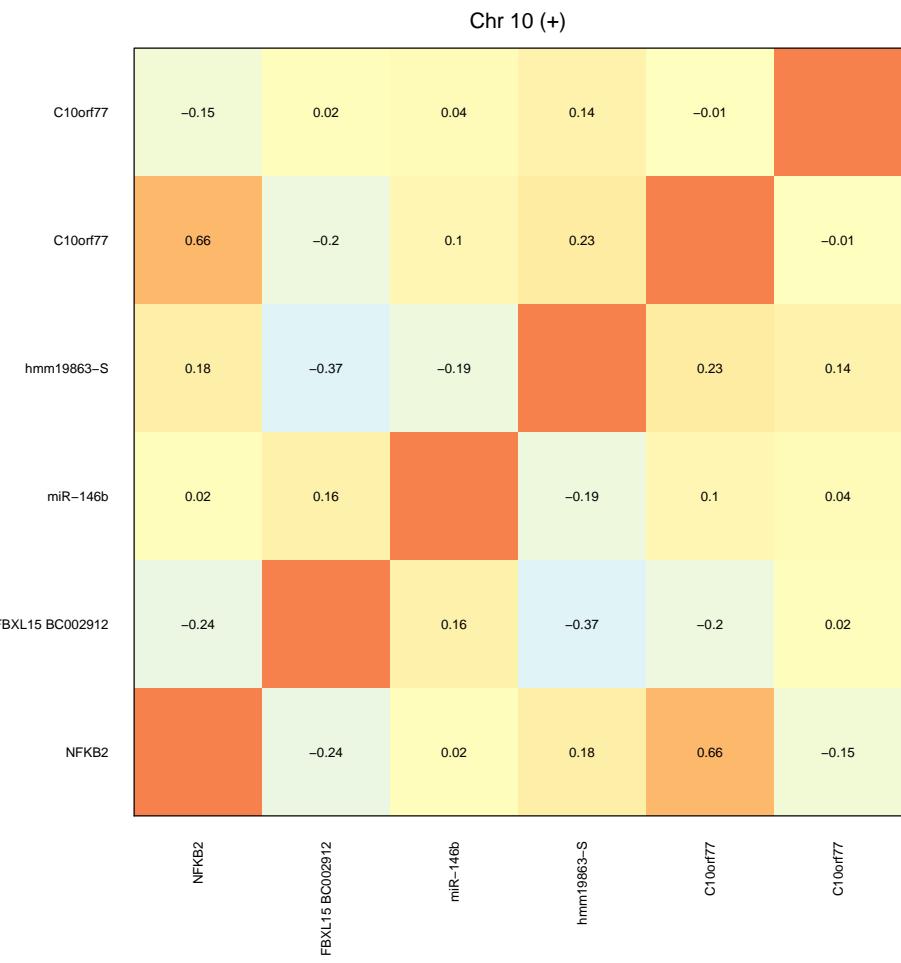


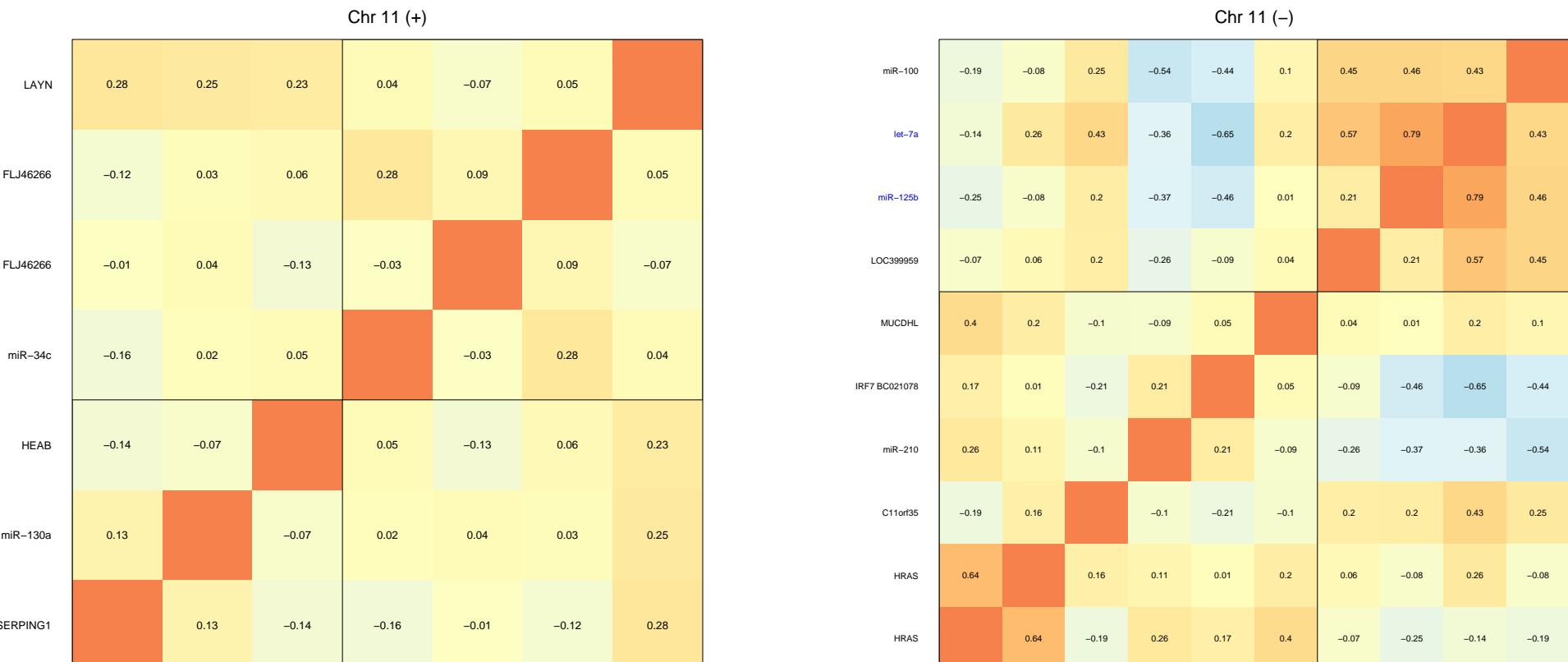
Chr 9 (+)



Chr 9 (-)



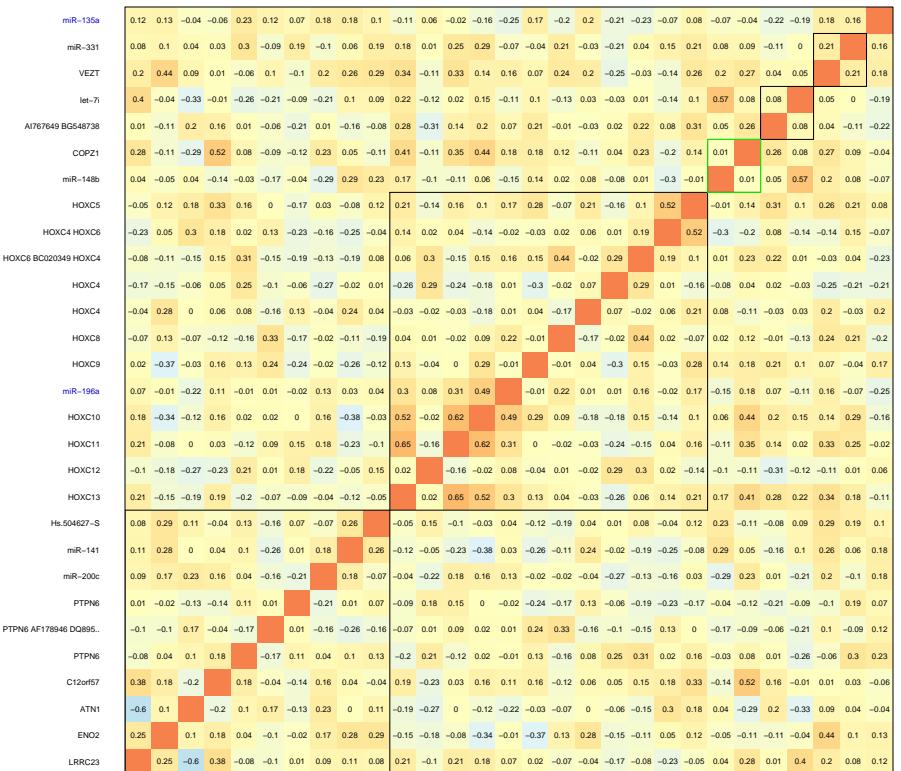




SERPING1 miR-130a HEAB miR-34c FLJ46266 FLJ46266 LAYN

HRAS HRAS C11orf35 miR-210 IRF7 BC021078 MUCDHL LOC399959 miR-125b let-7a miR-100

Chr 12 (+)

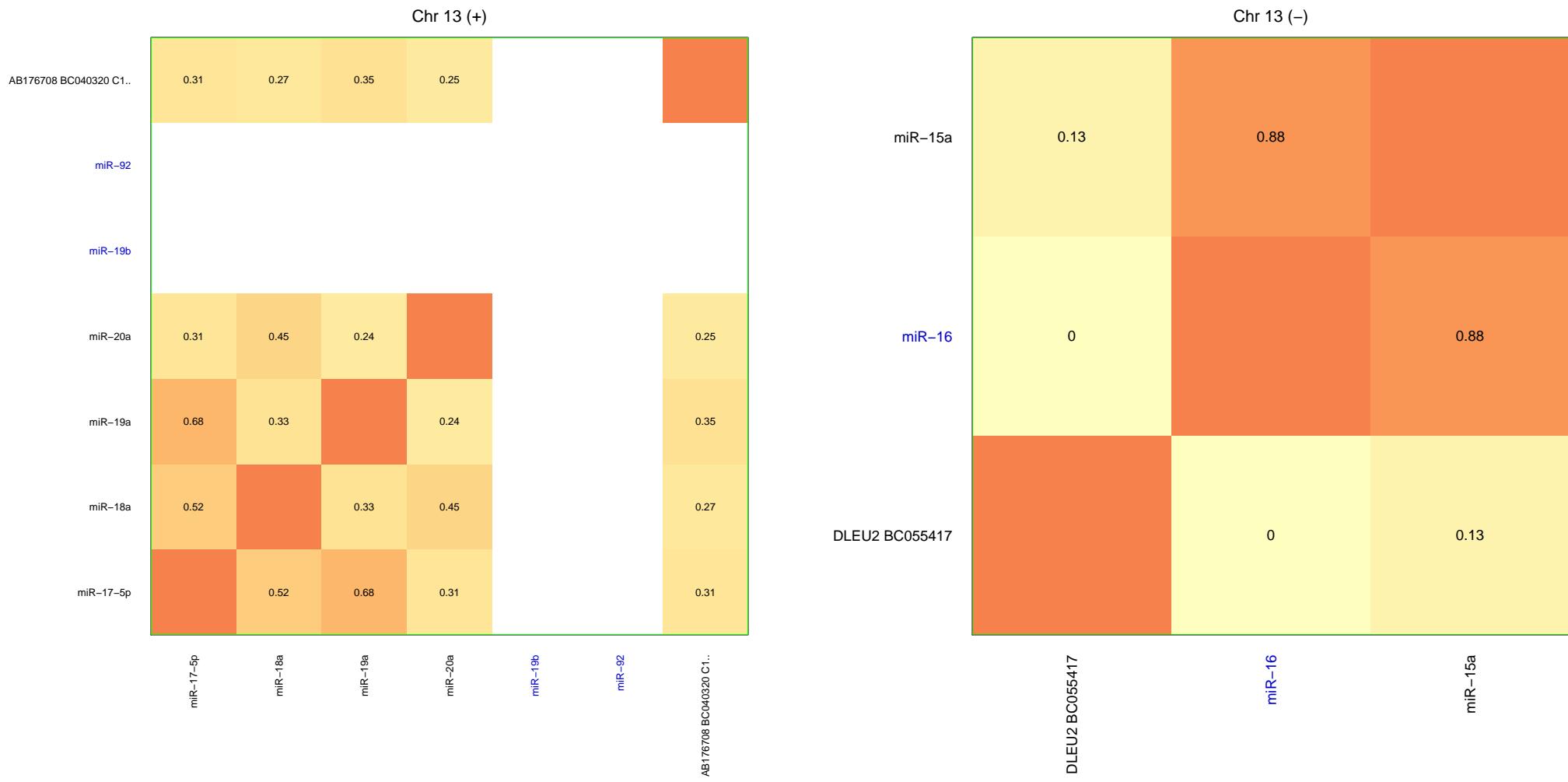


LRRK23 ENO2 ATN1 C12orf57 PTPN6 PTPN6 AF178946 DQ985...  
miR-200c miR-141 Hs.504627-S HOXC13 HOXC12 HOXC11 HOXC10 HOXC9 HOXC8 HOXC4 HOXC4 HOXC6 HOXC6 miR-148b COPZ1 let-7i VEZT miR-331 miR-135a

Chr 12 (-)



miR-26a 0.23  
CTDSP2 0.23  
CTDSP2  
miR-26a

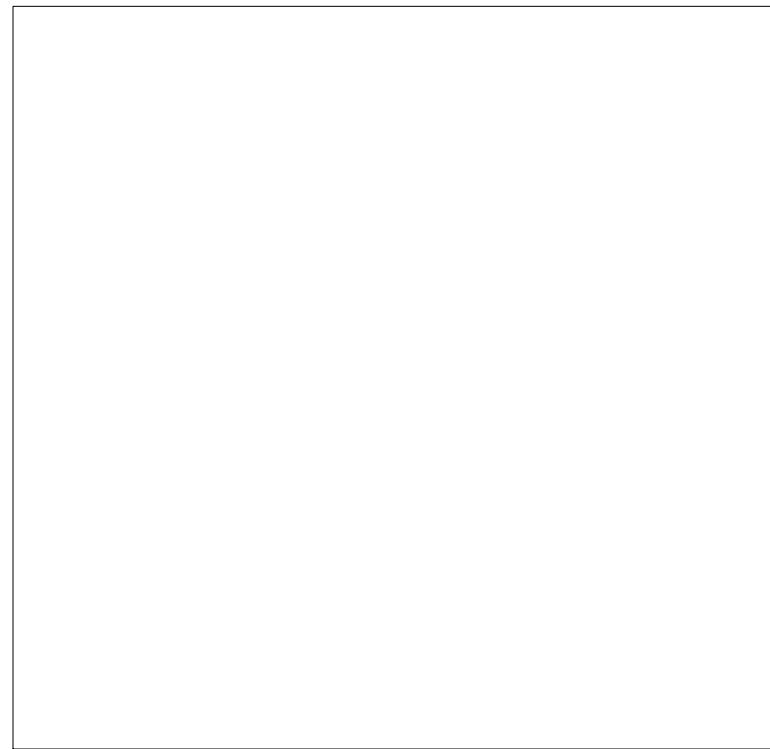


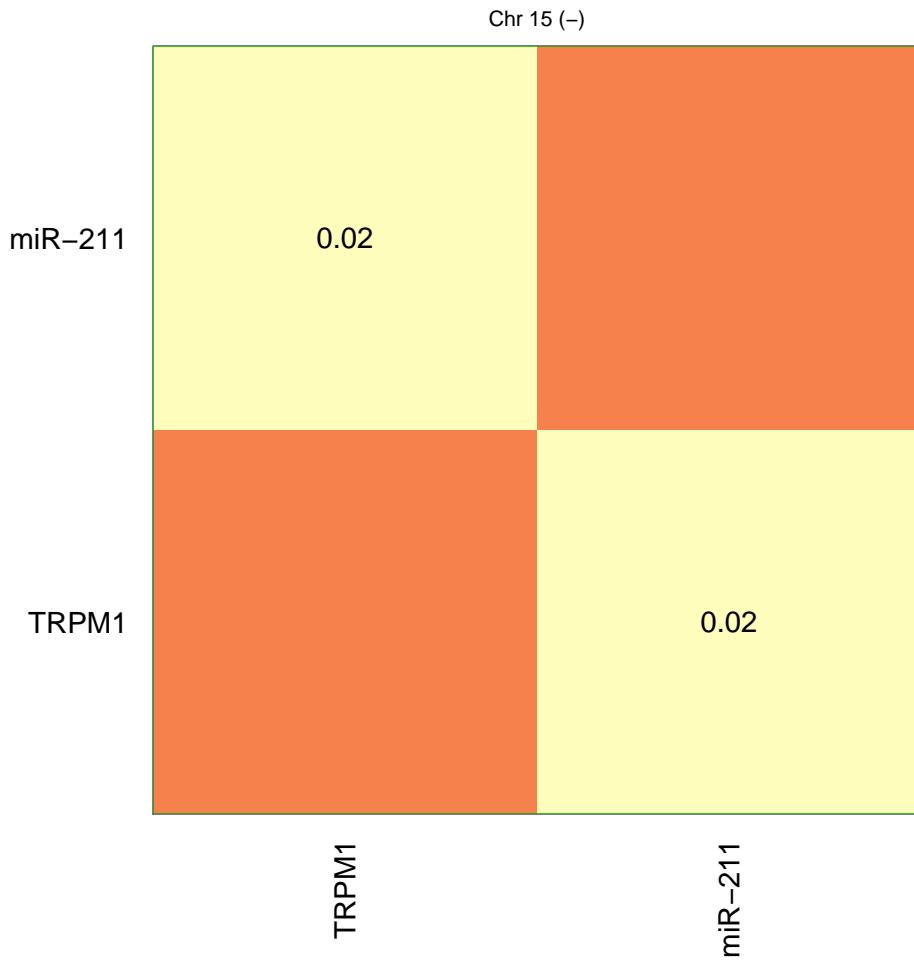
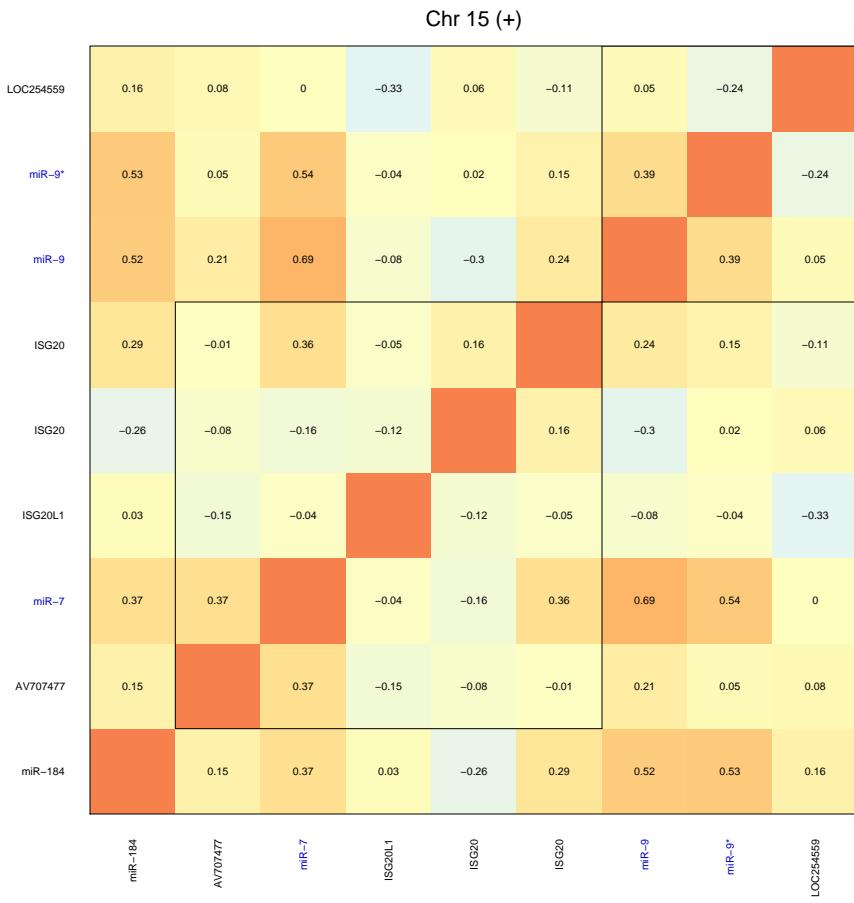
Chr 14 (+)

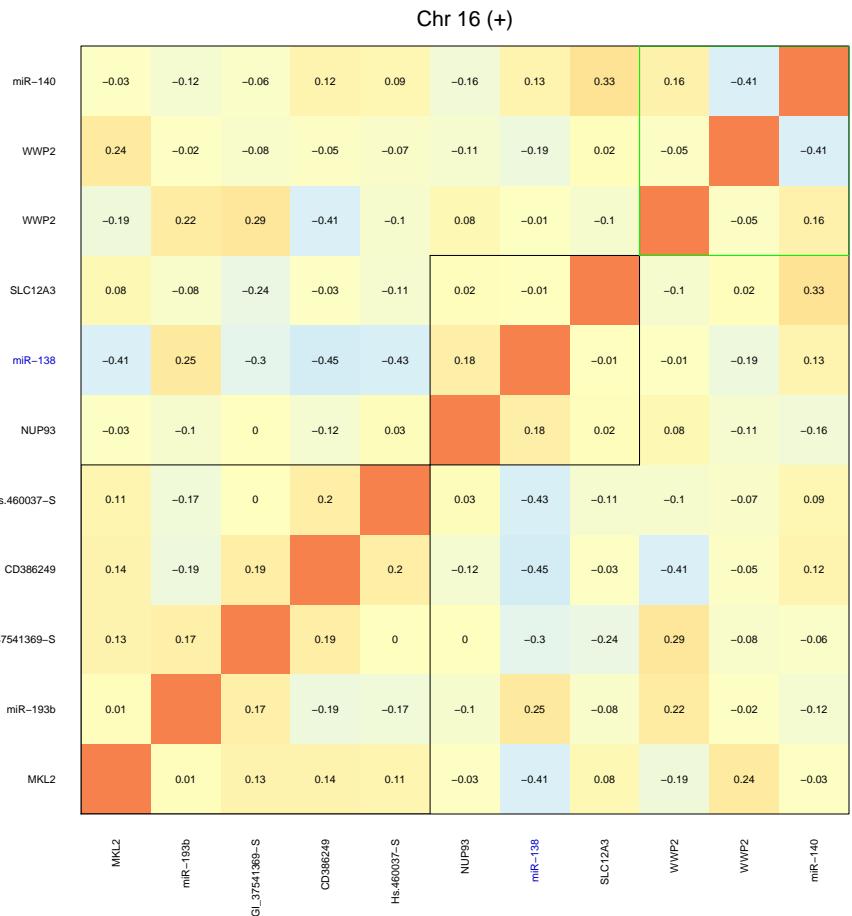
	miR-203	0.13	0.06	0.01	0.06	0.1	-0.11	-0.1	0.07	0.12	0.22	-0.08	0.1	-0.13	0.13
LOC374569 AX721044 A..	0.01	0.05	0.11	0.06	0.32	-0.24	-0.02	0.12	-0.24	0.02	-0.23	0.24	-0.17	0.13	-0.13
GI_41203815-S	-0.01	0.13	-0.05	-0.06	0.06	-0.09	0.11	0.04	0.15	-0.19	0.02	-0.23	0.13	-0.17	0.1
GI_37546002-S	-0.16	-0.16	0.32	0.12	-0.08	-0.24	-0.24	-0.25	0.16	0.31	-0.18	0.13	-0.23	0.24	-0.08
miR-382	0.21	0.26	0.02	0.03	-0.11	0.47	0.22	0.58	-0.32	0.27	0.13	-0.18	0.02	-0.23	0.22
miR-368	-0.02	-0.01	0.21	-0.1	0.09	-0.03	-0.12	0.05	0.06	0.13	0.27	0.31	-0.19	0.02	0.12
hmm22655-S	0.21	0.16	0.03	-0.2	-0.01	-0.18	-0.4	-0.34	0.13	0.06	-0.32	0.16	0.15	-0.24	0.07
miR-494	0.24	0.35	-0.19	0.14	0.22	0.35	0.17	0.13	0.05	0.05	0.58	-0.25	0.04	0.12	-0.1
Hs.398045-S	0.1	0.07	-0.29	-0.27	0	0.22	0.13	0.17	-0.4	-0.12	0.22	-0.24	0.11	-0.02	-0.11
miR-136	0.12	0.25	-0.23	-0.01	-0.09	0.13	0.22	0.35	-0.18	-0.03	0.47	-0.24	-0.09	-0.24	0.1
C14orf68 CR607410	0.17	0.16	0.05	0.11	0.13	0.09	0	0.22	-0.01	0.09	-0.11	-0.08	0.06	0.32	0.06
miR-345	-0.36	-0.27	-0.14	0.13	0.11	-0.01	-0.27	0.14	-0.2	-0.1	0.03	0.12	-0.06	0.06	0.01
YY1	-0.04	-0.19	0.13	-0.14	0.05	-0.23	-0.29	-0.19	0.03	0.21	0.02	0.32	-0.05	0.11	0.06
EVL	0.72	0.72	-0.19	-0.27	0.16	0.25	0.07	0.35	0.16	-0.01	0.26	-0.16	0.13	0.05	0.13
miR-342	0.72	0.72	-0.04	-0.36	0.17	0.12	0.1	0.24	0.21	-0.02	0.21	-0.16	-0.01	0.01	-0.08

miR-342 EVL YY1 miR-346 C14orf68 CR607410 miR-196 Hs.398045-S miR-494 hm22655-S miR-382 miR-368 GI\_37546002-S GI\_41203815-S LOC374569 AX721044 A.. miR-203

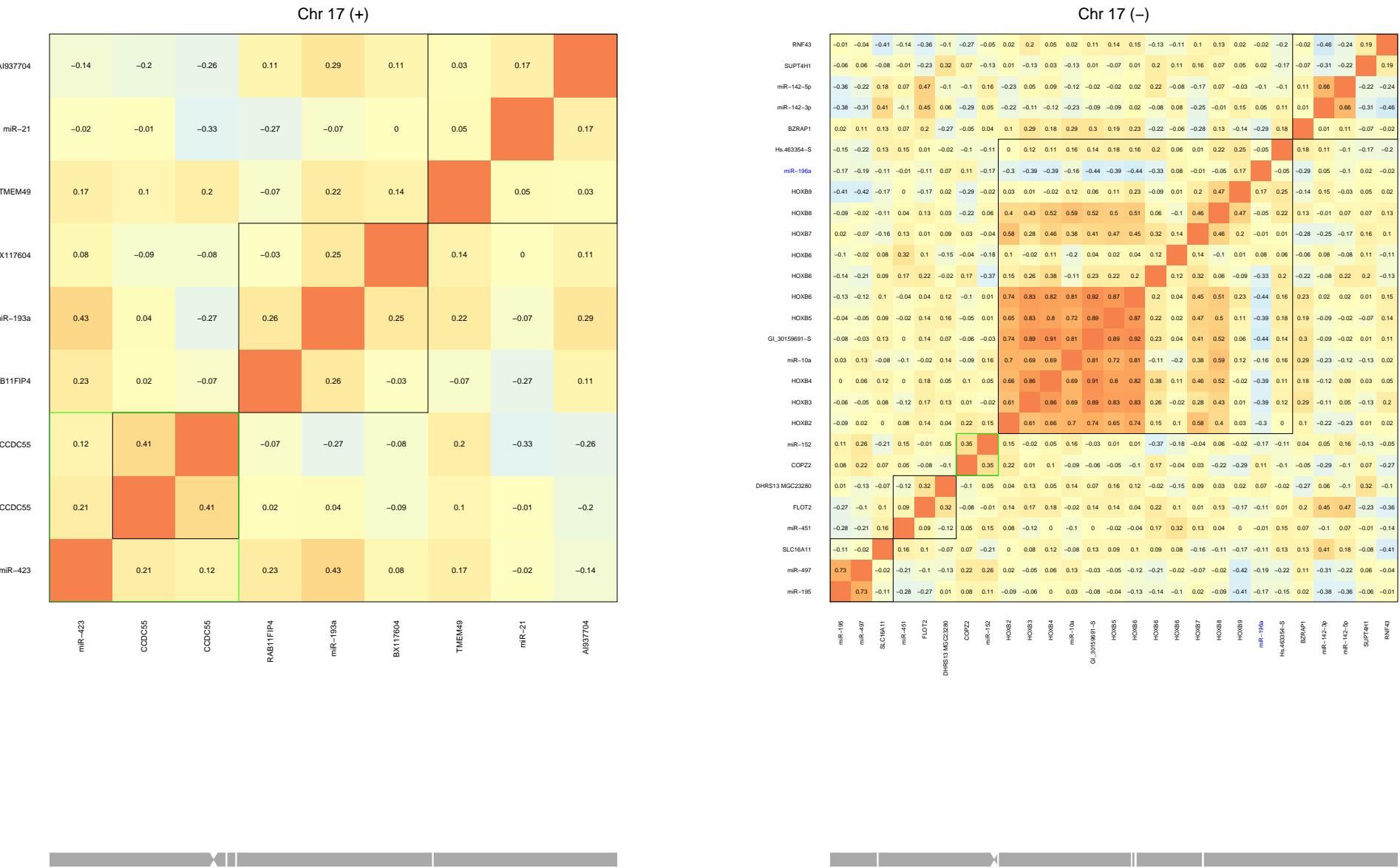
Chr 14 (-)

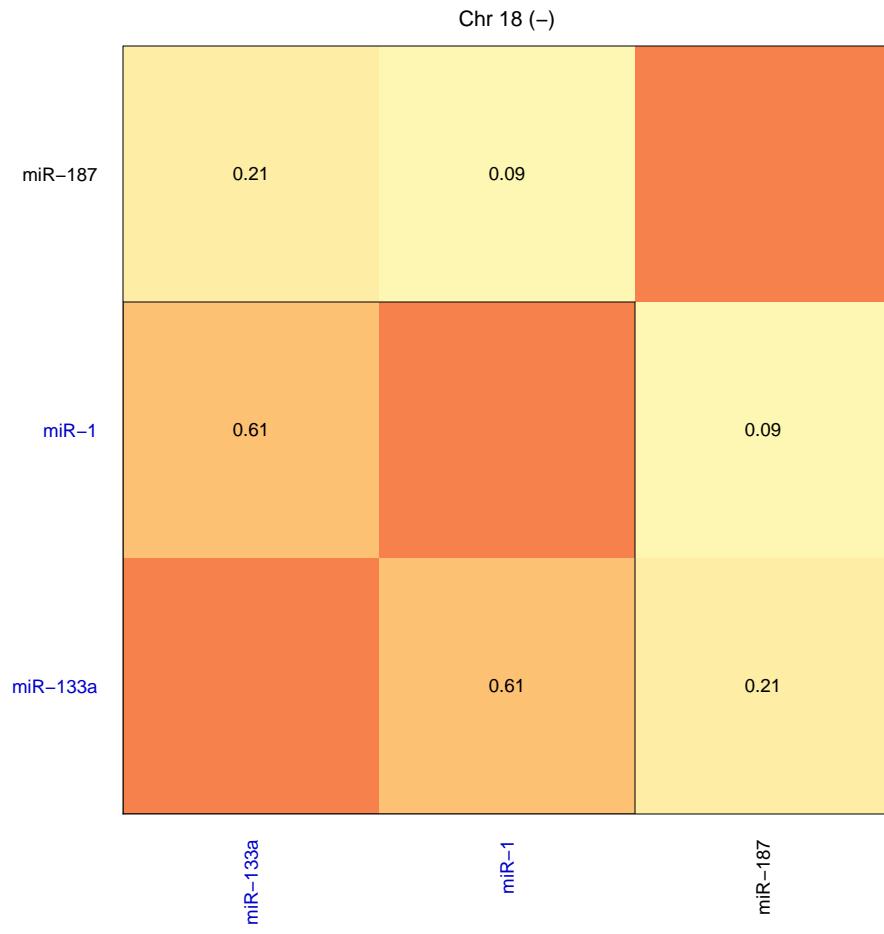
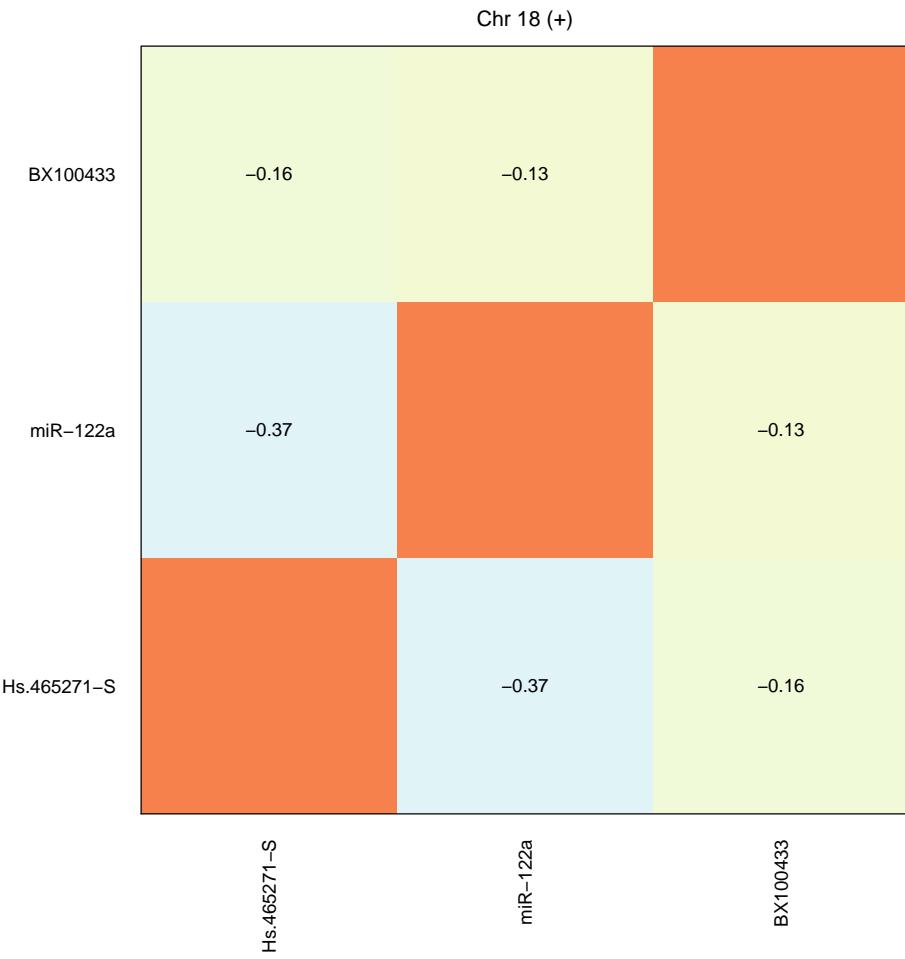




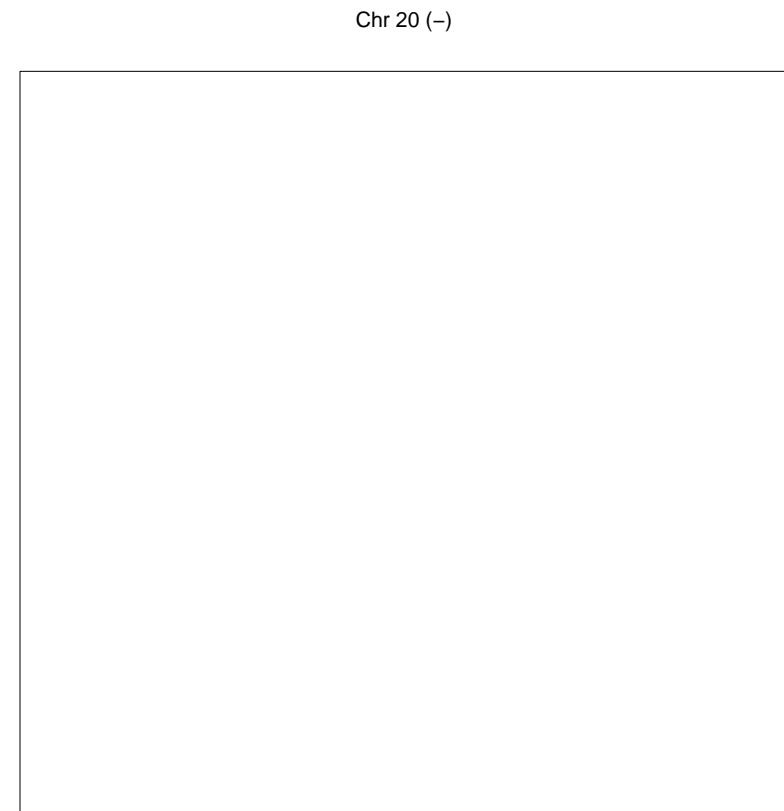
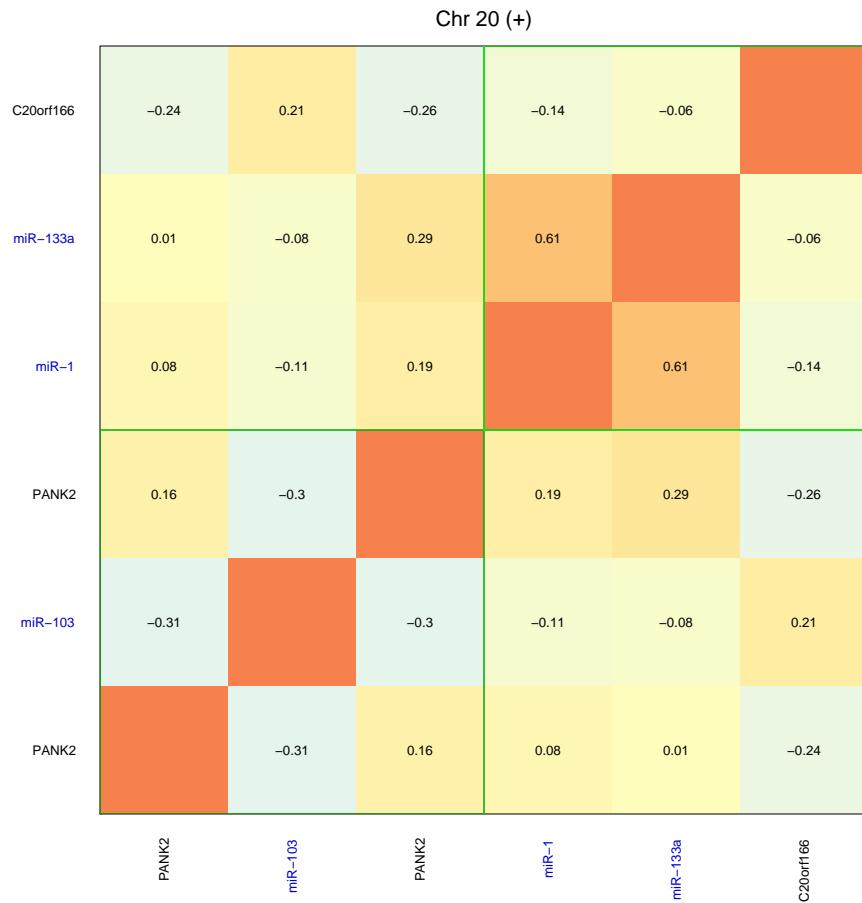


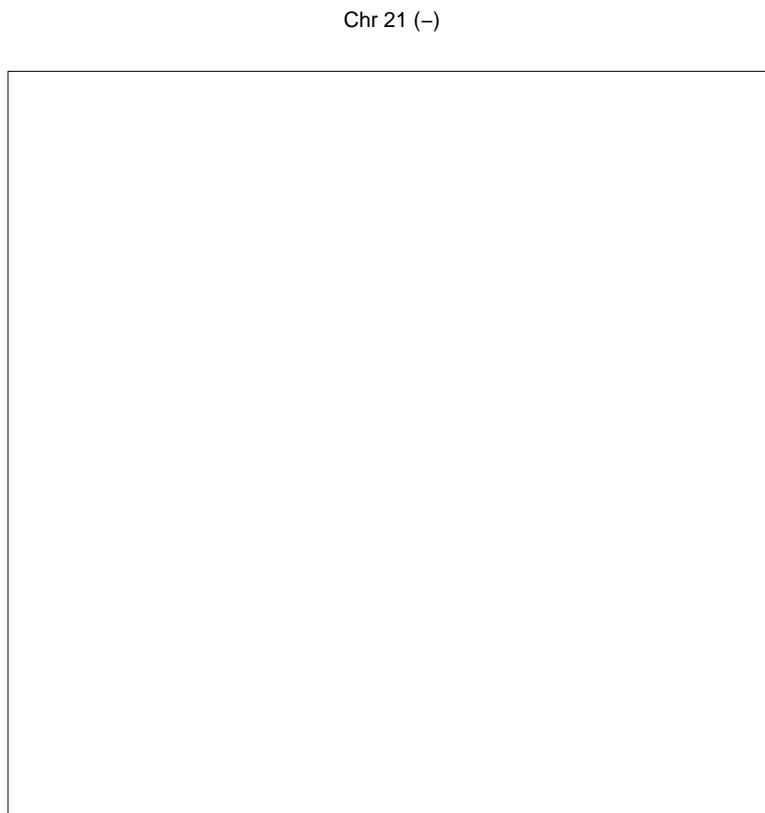
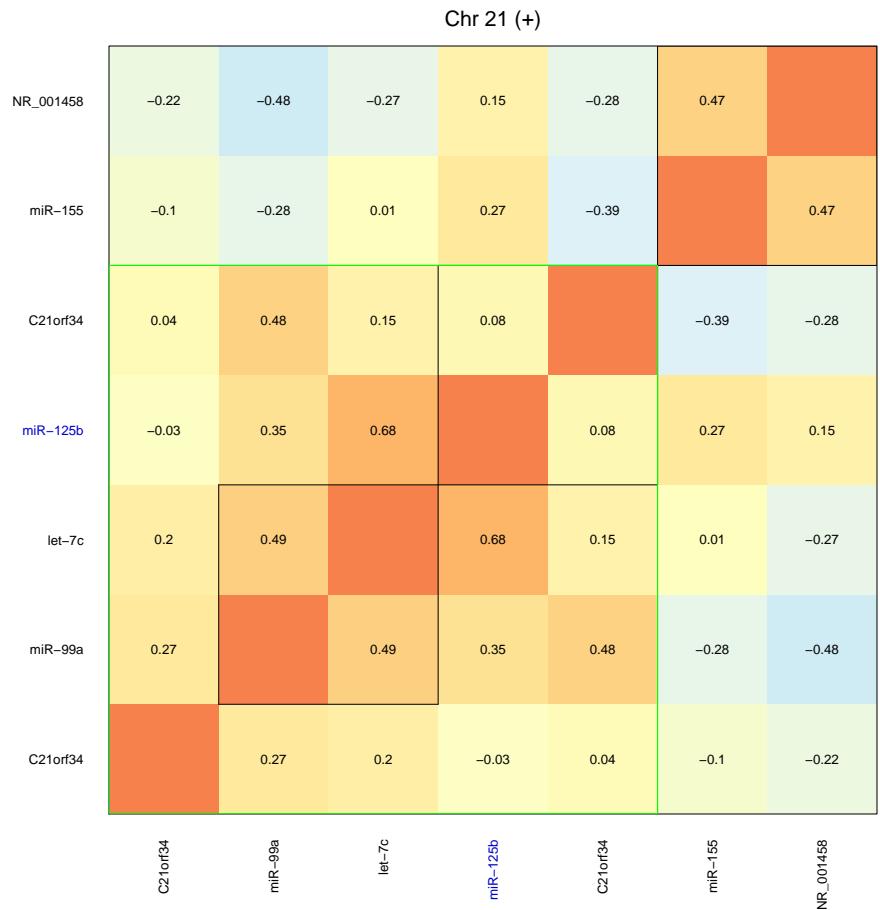
MKL2 miR-193b Gl\_37541369-S CD386249 Hs.460037-S NUP93 miR-138 SLC12A3 WWP2 WWP2 miR-140

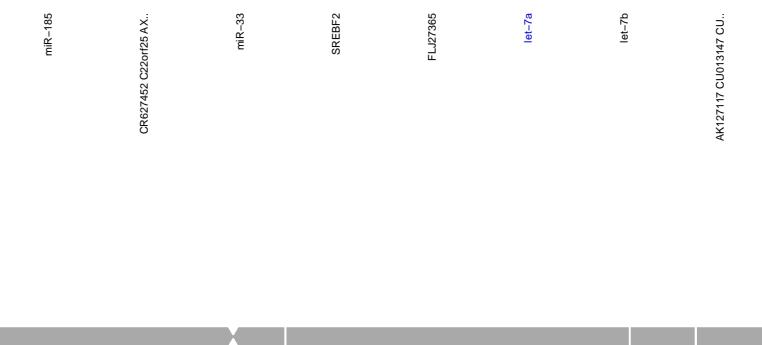
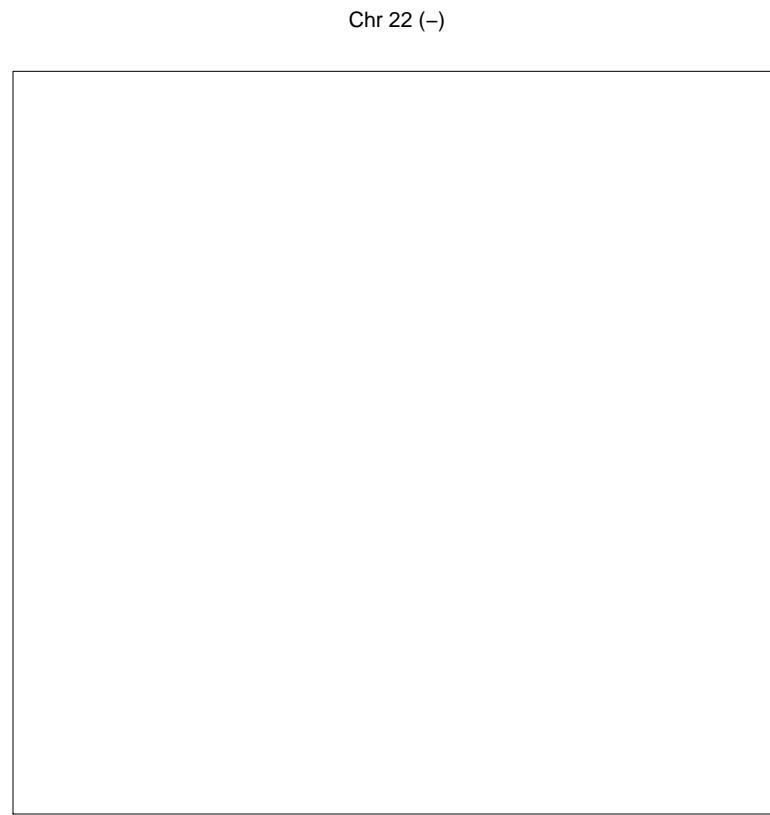
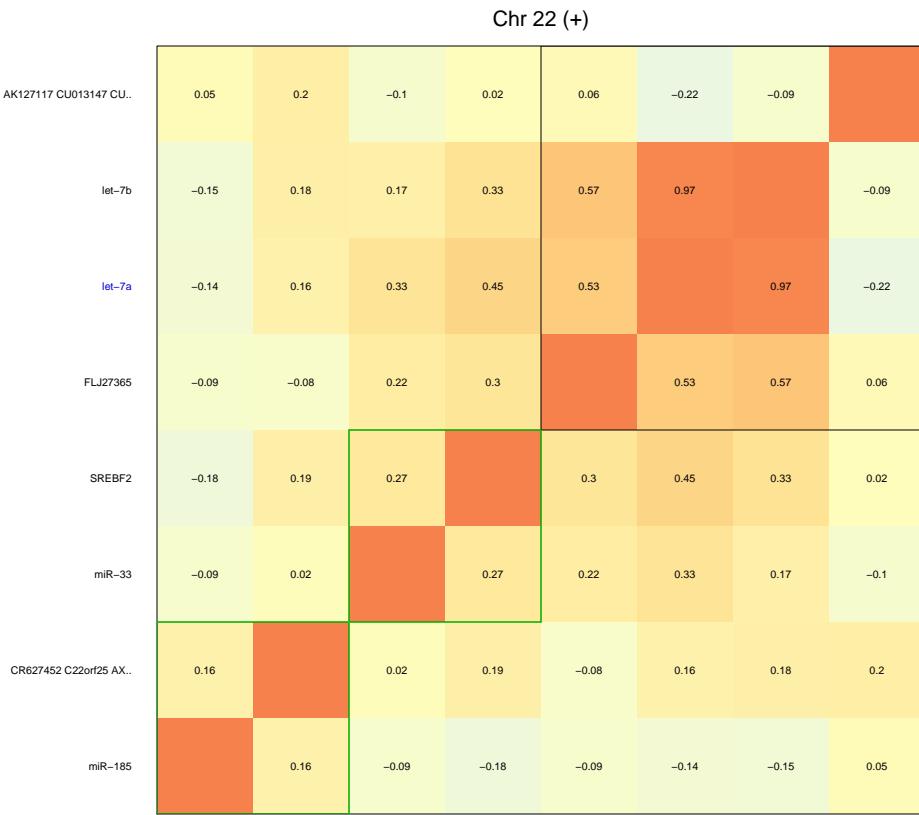




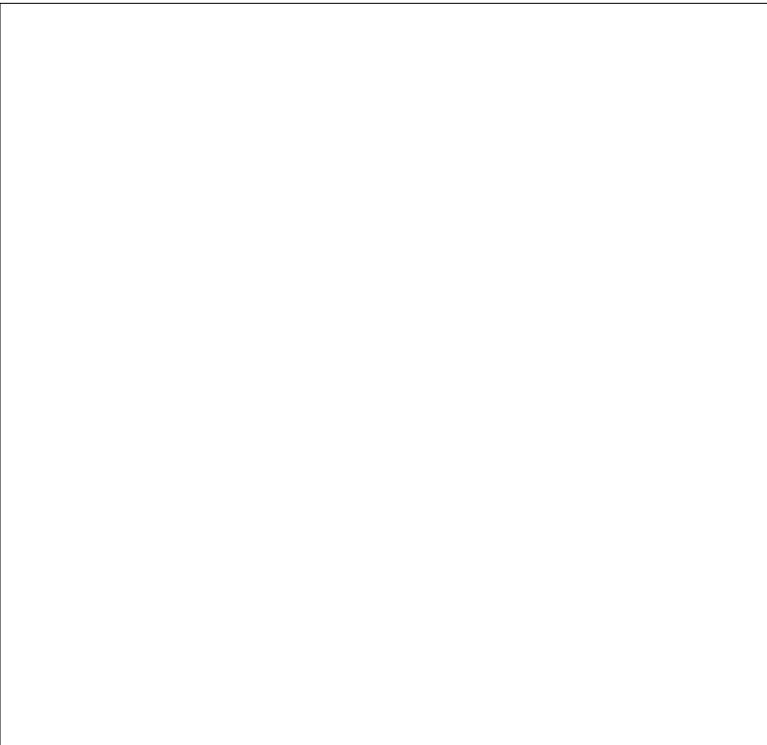








Chr X (+)



Chr X (-)

