

**Mean evolutionary distance between ortholog and paralog amino acid sequence groups**

	Orthologs															Paralogs					
	A1	A10	A11	B	I	P	Q	R	S	T	U	V	W	Z	Avr.	Dr	OI	Ga	Tn	Tr	Avr.
Mean Evol. Distance	0,34	0,44	0,37	0,41	0,47	0,25	0,82	0,69	0,15	0,13	0,56	0,79	0,56	0,11	0,44	1,04	1,07	0,97	1,12	1,18	1,08