

A

AP2/ERF domain

Nud	MVQSKKKFRGVQRHWGSWSE RHPLLKRRVWLGTFETAAEAARAYDEAA LMSGRNAKTNFPVPRSANGE VAPAAAAA	81	
Os06ERF	MGQSKKKFRGVQRHWGSWSE RHPLLKRRVWLGTFETAAEAARAYDEAA LMSGRNAKTNFPVARNATGELTPAAAVAG	81	
Os02ERF	MVQPKKKKFRGVQRHWGSWSE RHPLLKRRVWLGTFETAAEAARAYDEAAVLMGRNAKTNFPVQRNSTGDLATAADQDA	81	
AtWIN1/SHN1	-MVQTKKFRGVQRHWGSWVAE RHPLLKRR WLGTFETAAEAARAYDEAAVLMGRNAKTNFPVPLNNNTGETSEGKTDIS	80	
AtSHN2	-MVHSRKFRGVQRQWGSWSE RHPLLKRRVWLGTFETAAEAARAYDQAALLMNGQNAKTNFPVVKSEEGSDHVKDVNSP	80	
AtSHN3	-MVHSKKFRGVQRQWGSWSE RHPLL---VWLGTFDAETAARAYDQAAVLMNGQSAKTNFPV KSN--GSNSLE NSA	76	
		. : *****:*****:***** . : *****:*** * ***:***:*** . : *****: .	
“mm”			
Nud	RD RGGVGSSSSG---AAGASSLSQ LSAKLRKCCCKTPSPSLTCLRLDTEKSH GVWQKRAGARADSSWVMTVELNKEPA	158	
Os06ERF	RDGRVGGGSGSSSSMTANGGNNSLSQ LSAKLRKCCCKTPSPSLTCLRLDPEKSH GVWQKRAGARADSSWVMTVELNKDTA	162	
Os02ERF	RSNGGSRNSSAGN-----LSQ LSAKLRKCCCKAPSPSLTCLRLDPEKSH GVWQKRAGARADSNWVMTVELNKEVE	152	
AtWIN1/SHN1	ASSTMSSSTSSSS-----LSS LSAKLRKCCCKSPSPSLTCLRLDTASSH GVWQKRAGSKSDSSWVMTVELGPASS	151	
AtSHN2	LMSPK-----SLSELLNAKLRKSCCKLTPSLTCLRLTDSSH GVWQKRAGSKTSPTWVRLLEGNVVN	144	
AtSHN3	LRSPK-----SLSELLNAKLRKNCKDQTPYLTCRLNDSSH GVWQKRAGSKTSPNWVKLVELGDKVN	139	
			. :*. ** * ** :* ***** . *****: : : . ** :**.
“cm”			
Nud	AAAPPTPSDSTVSATPS-----SSTSTTTGSP--PEAMEDEER ALQM EELLSRSSPASPSPHGLLHGEESLLL 227		
Os06ERF	VSSAATVAAATAVSSSDQPTPSDSTVTTSTTTGSPSPPPAMDEER ALQM EELLGRSGPGSPSHGLLHGEGLSVI 243		
Os02ERF	PTEPAAQPTSTATASQVT-----MDDEEK ALQM EELLSRSSPASPSPHGEGEGSFV --- 205		
AtWIN1/SHN1	SQETTSKASQDA LAPTTEVE GGS-----REEVLDEEEKVVALQM EELLNTN----- 199		
AtSHN2	ESAVDLGLTTMNKQNVEKEEEEEEA-----I SDEDQLAMEM EELLNWS----- 189		
AtSHN3	ARPGGD ETNKMVKVRNEDVQED-----DQMAMQM EELLNWTCPGSGS AQV----- 186		
			: : * :*****. .

B