

Supplemental Data

Evaluation of Genetic Variation Contributing to Differences in Gene Expression between Populations

Wei Zhang, Shiwei Duan, Emily O. Kistner, Wasim K. Bleibel, R. Stephanie Huang, Tyson A. Clark, Tina X. Chen, Anthony C. Schweitzer, John E. Blume, Nancy J. Cox, and M. Eileen Dolan

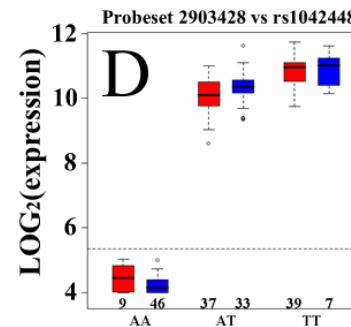
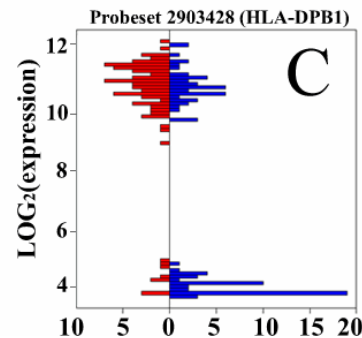
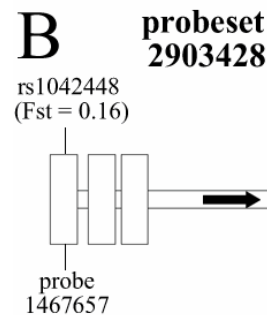
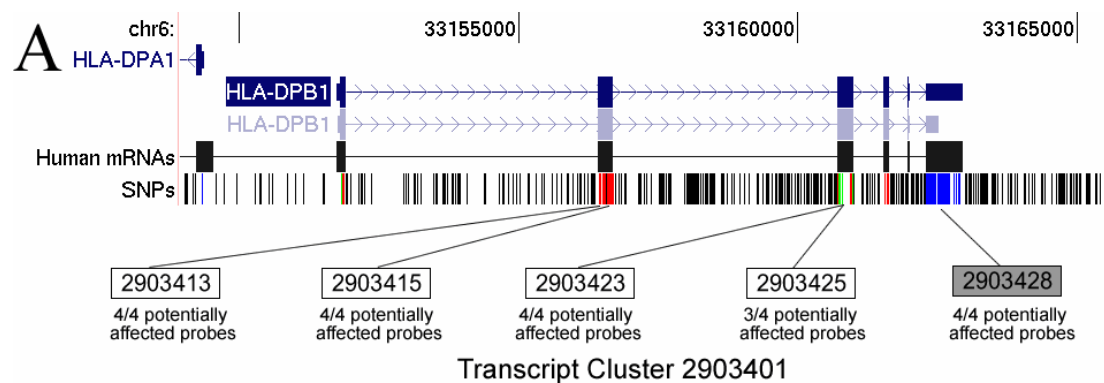


Figure S1. The Measurement of Gene Expression Level Could Be Biased by the Presence of SNPs in Probesets

(A) shows that transcript cluster 2903401, which represents *HLA-DPB1*, consists of five probesets with potentially affected probes.

(B) illustrates SNP rs1042448, which is located in the first probe of probeset 2903428. The arrow shows the direction of *HLA-DPB1*. F_{st} value was estimated between the unrelated CEU and YRI samples.

(C) shows that the expression of probeset 2903428 in CEU (red) and YRI (blue) is significantly different.

(D) shows that SNP rs1042448 significantly affects the expression of probeset 2903428, which represents the 3'-UTR of gene *HLA-DPB1* in both CEU (red) and YRI (blue) populations. The horizontal dashed line is the 1st quantile expression value of the set of core probesets. Probesets with expression below the horizontal dash are considered not expressed.

Table S1. 383 Transcript Clusters Were Differentially Expressed between the CEU and YRI Samples

<i>Affymetrix Transcript Cluster ID</i>	<i>Gene Symbol</i>	<i>M(CEU)^a</i>	<i>M(YRI)^a</i>	<i>S(CEU)^b</i>	<i>S(YRI)^b</i>	<i>P(WY)^c</i>	<i>P(GLM)^d</i>	<i>CNV^e</i>
2326993	SYTL1	6.92	6.67	0.24	0.29	5.0E-04	2.1E-07	N
2333678	B4GALT2 ///ATP6V0B	8.61	8.39	0.24	0.24	1.5E-03	2.4E-06	N
2334191	PLK3 /// SMAD3	8.07	7.82	0.26	0.24	2.0E-04	2.4E-08	N
2391302	CENTB5	7.61	7.49	0.13	0.15	2.8E-03	1.1E-06	Y
2394361	NPHP4	6.73	6.63	0.12	0.11	7.6E-03	2.4E-06	N
2394626	ACOT7	7.43	7.27	0.15	0.16	0	2.8E-08	N
2396461	SRM /// MASP2	10.63	10.42	0.24	0.22	6.0E-04	1.8E-07	N
2400793	HSPG2	6.56	6.43	0.16	0.13	3.4E-03	2.4E-06	Y
2458921	ITPKB	7.73	7.37	0.44	0.40	5.6E-03	2.6E-07	N
2489071	LOC652533 /// MGC22014 /// LOC442020	7.76	7.55	0.23	0.27	4.3E-03	5.3E-06	N
2532021	PTMA	7.74	7.45	0.28	0.27	0	8.6E-08	Y
2550325	HAAO /// OXER1	7.76	7.54	0.24	0.23	3.0E-04	8.0E-08	N
2560141	MRPL53	9.83	9.48	0.33	0.36	2.0E-04	1.1E-07	Y
2576281	LOC130074	9.40	9.24	0.17	0.15	4.0E-04	9.1E-07	Y
2576554	---	8.48	7.79	0.33	0.56	0	2.5E-11	N
2655438	DVL3	8.41	8.29	0.15	0.13	2.5E-03	3.5E-06	N
2672016	FYCO1 /// GRP	6.61	6.43	0.21	0.18	6.0E-04	1.7E-07	N
2676009	PTK9L /// TLR9	9.41	9.19	0.22	0.26	4.0E-04	3.3E-06	N
2694675	H1FX	7.92	7.63	0.29	0.33	4.0E-04	3.5E-07	N
2714729	KIAA1530 /// LOC651314	6.82	6.63	0.22	0.22	7.7E-03	2.8E-06	N
2757347	TMEM129	7.13	6.95	0.19	0.20	8.0E-04	7.3E-07	N
2766262	TLR6	7.76	7.33	0.52	0.46	2.4E-03	1.6E-06	N
2829171	TCF7	7.93	7.43	0.60	0.49	1.2E-03	9.8E-07	N
2830861	EGR1	8.21	7.70	0.55	0.53	4.0E-04	2.4E-07	N
2843091	RGS14	8.70	8.46	0.29	0.22	4.0E-04	1.1E-06	Y
2865050	RPS23	8.71	8.15	0.49	0.38	0	8.0E-10	N
2881672	TNIP1	10.06	9.80	0.26	0.31	1.2E-03	1.2E-06	N
2897899	SOX4	7.89	7.62	0.21	0.25	0	3.2E-09	N

AJHG, Volume 82

2901970	DDR1 /// VARSL	7.13	6.88	0.31	0.24	1.5E-03	9.6E-07	N
2904000	HMGA1	8.28	8.09	0.21	0.25	9.4E-03	3.8E-06	N
2905169	CDKN1A	8.62	8.34	0.34	0.24	7.0E-04	6.5E-07	N
2906824	FOXP4	8.15	7.80	0.38	0.36	4.0E-04	7.0E-07	N
2927722	HEBP2	8.52	7.77	0.47	0.65	0	2.2E-10	N
2939232	TUBB2B	7.61	6.68	1.00	0.67	0	1.8E-07	N
2946215	HIST1H3B	8.48	7.48	1.14	0.77	2.0E-04	1.6E-07	N
2950629	TAPBP	10.85	10.55	0.24	0.37	4.0E-04	1.8E-06	N
2954355	CUL7	7.46	7.25	0.20	0.21	2.0E-04	7.1E-08	N
3008220	CYLN2	8.35	8.09	0.23	0.24	0	6.3E-09	N
3016636	SH2B2	8.70	8.22	0.52	0.64	8.0E-03	1.3E-06	N
3023318	TSPAN33	9.54	9.11	0.46	0.39	2.0E-04	4.1E-07	N
3026969	HSPC268	7.15	6.95	0.21	0.25	2.7E-03	1.9E-07	N
3057755	POMZP3	7.41	7.19	0.24	0.26	1.5E-03	3.7E-06	N
3062868	BAIAP2L1	7.94	6.99	1.02	0.89	3.0E-04	5.3E-08	Y
3065546	FLJ36166	7.29	6.59	0.49	0.73	0	9.5E-09	N
3089360	SLC39A14	8.21	7.87	0.34	0.37	3.0E-04	2.1E-07	Y
3091077	DPYSL2	8.70	8.16	0.52	0.52	1.0E-04	7.9E-09	N
3119945	GRINA	8.86	8.55	0.35	0.32	1.2E-03	4.1E-06	N
3158478	FBXL6	7.35	7.13	0.21	0.18	0	2.3E-08	Y
3158767	RECQL4	7.53	7.35	0.18	0.20	3.0E-04	5.0E-07	N
3158812	LRRC24	7.07	6.89	0.17	0.15	0	1.6E-08	N
3181240	TMOD1	8.06	7.38	0.65	0.57	0	6.6E-09	N
3188697	NEK6	10.68	10.45	0.22	0.30	3.4E-03	9.2E-07	N
3190762	ENDOG	6.83	6.59	0.23	0.25	2.0E-04	1.1E-07	N
3193339	RXRA	7.85	7.59	0.26	0.33	1.9E-03	6.0E-07	N
3225096	NR6A1	7.02	6.66	0.32	0.38	2.0E-04	7.0E-08	N
3226340	PTGES2	7.78	7.54	0.25	0.31	3.4E-03	2.8E-06	N
3230811	DPP7	9.22	8.86	0.29	0.27	0	6.4E-10	N
3261643	NFKB2	9.89	9.62	0.26	0.31	4.0E-04	4.7E-07	N
3299504	ACTA2	8.01	7.50	0.45	0.37	0	2.4E-10	N
3315024	ADAM8	8.43	8.07	0.34	0.31	0	2.7E-09	Y
3316149	EPS8L2	7.01	6.85	0.18	0.16	3.0E-04	2.9E-08	Y

AJHG, Volume 82

3326635	CD44 /// MAPK10	10.52	9.95	0.58	0.62	4.0E-04	4.7E-08	Y
3329649	DDB2	9.32	9.10	0.28	0.23	1.9E-03	9.5E-07	N
3333358	INCENP	8.20	8.00	0.20	0.20	3.0E-04	1.6E-09	N
3337918	TPCN2	7.80	7.52	0.25	0.32	3.0E-04	8.1E-08	N
3338552	CTTN	7.08	6.81	0.34	0.27	2.7E-03	4.5E-07	N
3358425	LRDD	7.62	7.31	0.21	0.21	0	1.4E-11	Y
3431892	SH2B3	8.27	8.02	0.23	0.21	0	3.0E-08	N
3439013	NOC4L	7.53	7.34	0.19	0.20	4.0E-04	3.7E-08	N
3452818	VDR	6.96	6.54	0.53	0.47	7.3E-03	1.4E-06	N
3476457	NCOR2	8.55	8.37	0.19	0.19	4.0E-04	2.1E-07	N
3543539	PAPLN	6.65	6.39	0.29	0.24	3.0E-04	9.3E-08	N
3554728	MTA1	8.84	8.65	0.20	0.22	1.2E-03	2.2E-06	Y
3557666	JPH4	7.07	6.86	0.29	0.17	9.0E-04	5.7E-07	N
3572869	C14orf4	7.98	7.79	0.22	0.19	8.0E-04	4.3E-07	N
3603687	TMED3	8.12	7.92	0.24	0.21	3.2E-03	1.4E-06	N
3604287	IL16	7.06	6.87	0.23	0.22	2.8E-03	2.0E-06	N
3643966	CRAMP1L	7.20	6.97	0.15	0.16	0	4.3E-13	N
3644057	MAPK8IP3	7.71	7.54	0.19	0.20	5.4E-03	4.6E-06	N
3644593	GBL	8.41	8.22	0.21	0.21	9.0E-04	3.1E-06	N
3656318	PRR14	8.53	8.39	0.16	0.17	3.4E-03	4.1E-07	N
3656635	FBXL19	7.73	7.60	0.17	0.15	9.7E-03	4.5E-06	N
3668834	ZNRF1	7.33	7.04	0.31	0.31	4.0E-04	4.1E-07	N
3673684	CDT1	8.55	8.30	0.25	0.28	4.0E-04	4.6E-07	N
3675430	RPUSD1	7.87	7.67	0.21	0.24	2.8E-03	4.3E-06	Y
3676113	NME3	7.37	7.16	0.24	0.22	9.0E-04	4.5E-07	N
3677752	TRAP1	9.84	9.57	0.22	0.26	0	1.4E-08	N
3704376	FAM38A	8.59	8.39	0.22	0.17	2.0E-04	7.8E-08	N
3704495	APRT	8.49	8.23	0.25	0.28	3.0E-04	7.3E-07	N
3712098	SNORD49A /// SNORD65	11.21	10.91	0.25	0.26	0	1.6E-08	N
3722770	C17orf53	7.22	7.06	0.20	0.18	2.7E-03	7.8E-07	N
3726569	SPATA20	7.59	7.07	0.51	0.44	0	5.9E-08	N
3734760	MRPS7	9.63	9.39	0.18	0.24	0	2.7E-09	N
3748188	FLII	8.64	8.42	0.18	0.17	0	8.4E-11	N

AJHG, Volume 82

3756319	CCR7	9.51	8.82	0.85	0.73	2.8E-03	4.2E-06	N
3757602	LGP2 /// GCN5L2	7.96	7.50	0.35	0.31	0	2.5E-11	N
3773980	C17orf70	7.73	7.54	0.19	0.23	1.6E-03	4.4E-07	N
3774635	FASN	9.41	9.19	0.19	0.22	0	1.7E-09	N
3815416	ABCA7 /// GATA3	7.50	7.34	0.16	0.18	6.0E-04	1.1E-06	N
3816225	C19orf36	7.33	7.15	0.23	0.22	9.5E-03	7.5E-07	N
3816611	THOP1	8.49	8.21	0.24	0.30	0	1.4E-07	N
3820469	ICAM5	6.49	6.31	0.21	0.20	1.1E-03	1.3E-06	N
3820727	QTRT1 /// CCRK	7.91	7.69	0.18	0.19	0	1.1E-10	N
3821893	JUNB	9.52	9.13	0.43	0.36	3.0E-04	8.9E-07	N
3823982	MYO9B	9.02	8.78	0.21	0.27	2.0E-04	1.8E-07	N
3824178	ANKRD41	7.29	7.04	0.30	0.29	3.7E-03	2.3E-06	N
3824226	GTPBP3	6.83	6.68	0.19	0.16	3.4E-03	1.8E-06	N
3824497	MAP1S	8.35	8.17	0.23	0.19	1.4E-03	1.5E-06	N
3830002	GRAMD1A	8.80	8.55	0.27	0.28	7.0E-04	2.1E-06	N
3830864	SNX26	6.61	6.49	0.14	0.14	7.3E-03	1.9E-06	N
3833620	LTBP4	7.31	7.15	0.17	0.17	4.0E-04	4.0E-08	N
3837464	SNORD23 /// GLTSCR2	9.18	8.90	0.23	0.21	0	6.9E-11	N
3839006	PTOV1	7.56	7.32	0.31	0.24	4.3E-03	2.9E-06	N
3839057	TBC1D17	8.35	8.17	0.19	0.22	1.1E-03	3.3E-07	N
3840058	PPP2R1A	10.33	10.07	0.21	0.30	2.0E-04	3.1E-07	N
3846982	TICAM1	7.65	7.47	0.23	0.20	3.4E-03	5.9E-07	N
3848492	FCER2	11.06	10.22	0.46	0.78	0	3.8E-11	N
3850234	RAVER1	8.47	8.29	0.20	0.20	6.0E-04	1.2E-06	N
3850278	TYK2	9.46	9.23	0.24	0.27	1.1E-03	3.7E-06	N
3852407	RFX1	6.75	6.63	0.13	0.11	3.0E-04	7.7E-08	N
3853193	BRD4 /// SLC26A6	8.35	8.15	0.23	0.26	9.8E-03	2.8E-06	N
3854349	ABHD8	7.29	7.08	0.22	0.19	2.0E-04	1.7E-07	N
3885537	PLCG1 /// CPNE9 /// BRPF1	8.53	8.17	0.28	0.35	0	5.7E-10	N
3892456	SS18L1	6.47	6.35	0.15	0.13	7.2E-03	1.5E-06	N
3893642	LIME1	7.88	7.59	0.34	0.28	6.0E-04	3.2E-07	Y
3903361	AHCY	9.94	9.62	0.28	0.30	0	3.9E-08	N
3903836	ITGB4BP	9.06	8.66	0.30	0.33	0	7.1E-11	N

AJHG, Volume 82

3923632	PFKL	9.85	9.62	0.24	0.27	3.7E-03	1.0E-06	N
3935232	C21orf56	7.75	7.21	0.35	0.40	0	2.9E-11	N
3939365	SMARCB1	9.40	9.14	0.28	0.28	4.0E-04	4.5E-07	N
3950629	TRABD	8.96	8.73	0.26	0.25	3.4E-03	2.6E-06	N
3960388	PLA2G6	7.19	6.98	0.21	0.21	2.0E-04	1.1E-07	N
3965697	HDAC10	7.65	7.49	0.16	0.18	4.0E-04	1.2E-06	N
3996467	PLXNA3	7.39	6.96	0.20	0.18	0	0.0E+00	N
4027813	F8A3	8.99	8.58	0.32	0.29	0	2.1E-11	N
4044363	CNR2	7.79	7.28	0.56	0.61	3.7E-03	1.0E-06	N
2328868	HDAC1	9.82	10.15	0.33	0.25	0	6.2E-09	N
2331727	CAP1	11.28	11.52	0.22	0.22	1.0E-04	9.3E-09	Y
2336383	PRPF38A	9.05	9.31	0.28	0.29	2.5E-03	1.9E-07	N
2336585	SCP2	7.24	7.60	0.53	0.32	8.8E-03	2.4E-06	N
2342576	ACADM /// RABGGTB /// MSH4	10.42	10.67	0.33	0.27	9.2E-03	1.3E-06	N
2350287	PRPF38B	7.75	8.05	0.35	0.30	1.9E-03	3.2E-07	N
2350840	GNAI3	9.01	9.31	0.34	0.33	2.1E-03	3.8E-07	N
2351393	RBM15	8.38	8.58	0.21	0.27	5.0E-03	3.2E-06	N
2351572	CD53	12.25	12.47	0.20	0.13	0	6.7E-11	N
2351632	CEPT1	9.23	9.64	0.43	0.33	1.0E-04	5.8E-08	N
2365119	MGST3	8.41	8.83	0.54	0.43	4.9E-03	1.7E-07	N
2391647	SSU72	9.25	9.47	0.29	0.25	9.4E-03	2.8E-06	Y
2396009	LZIC	7.19	7.69	0.40	0.39	0	4.1E-11	N
2405893	C1orf212	8.30	8.67	0.30	0.45	1.0E-03	6.9E-07	N
2409613	PRNPIP	7.10	7.52	0.45	0.50	3.1E-03	5.7E-07	N
2412529	NRD1	8.49	8.86	0.38	0.36	4.0E-04	5.9E-09	N
2413153	C1orf123	8.56	8.81	0.31	0.29	6.4E-03	4.0E-06	N
2413578	TMEM59	8.97	9.26	0.35	0.27	1.3E-03	3.1E-07	N
2421883	GBP1	7.58	8.12	0.57	0.65	3.4E-03	1.6E-06	Y
2434319	ANP32E	8.56	8.94	0.42	0.37	1.2E-03	8.8E-08	N
2461891	B3GALNT2	7.67	7.84	0.19	0.21	9.2E-03	4.3E-06	N
2477302	CCDC75	8.34	8.70	0.36	0.43	2.1E-03	1.4E-07	N
2487412	GMCL1 /// ANXA4	8.23	8.79	0.55	0.56	4.0E-04	8.4E-08	N

AJHG, Volume 82

2491676	VAMP8 /// VAMP5	7.96	8.34	0.39	0.41	1.6E-03	7.8E-08	N
2495881	EIF5B	7.94	8.52	0.55	0.46	0	2.7E-09	N
2517408	AGPS	8.16	8.61	0.43	0.36	0	8.2E-10	N
2519860	ASNSD1	7.99	8.25	0.29	0.30	3.6E-03	4.8E-07	N
2540317	PDIA6	11.57	11.80	0.28	0.22	1.6E-03	4.0E-07	N
2547716	FAM98A	8.62	9.03	0.45	0.35	3.0E-04	2.9E-08	N
2574646	BIN1	8.10	8.47	0.50	0.38	6.4E-03	2.5E-06	Y
2619323	SS18L2	8.82	9.21	0.30	0.38	0	8.5E-10	N
2657025	RTP4	7.61	7.94	0.35	0.36	1.8E-03	1.2E-07	N
2671101	TMEM16K	7.19	7.89	0.87	0.79	6.0E-03	8.0E-07	N
2672467	CCDC12	8.12	8.30	0.16	0.23	1.8E-03	1.2E-06	Y
2676518	SFMBT1	6.71	6.93	0.26	0.29	8.4E-03	4.5E-06	Y
2696379	ANAPC13	8.61	8.91	0.29	0.30	4.0E-04	5.1E-08	N
2708855	LIPH	7.24	8.08	0.71	0.61	0	2.6E-10	N
2717049	MRFAP1	8.47	8.85	0.34	0.27	0	2.9E-10	N
2724472	HIP2	9.21	9.59	0.29	0.37	0	4.8E-09	Y
2730531	SAS10	7.58	7.84	0.23	0.26	1.0E-04	3.5E-09	N
2737069	METAP1	9.45	9.73	0.34	0.31	6.1E-03	1.1E-06	N
2750527	KLHL2	6.91	7.20	0.32	0.34	3.6E-03	1.4E-06	N
2759303	MRFAP1L1	6.59	7.12	0.56	0.53	1.0E-03	2.9E-08	N
2765865	LOC253981	7.36	7.64	0.33	0.34	3.9E-03	1.5E-07	N
2772017	YTHDC1	8.48	8.82	0.32	0.28	0	3.9E-09	N
2775965	COQ2	7.93	8.21	0.34	0.33	5.4E-03	1.2E-06	N
2779638	PPP3CA	8.01	8.50	0.62	0.49	3.0E-03	7.6E-07	N
2779823	SLC39A8	9.23	9.57	0.38	0.37	2.8E-03	1.0E-06	N
2792420	FLJ38482	7.01	7.31	0.39	0.33	7.6E-03	2.3E-06	N
2828146	CDC42SE2	11.29	11.49	0.20	0.25	3.0E-03	6.3E-07	N
2832081	ZMAT2	6.77	7.13	0.40	0.40	1.9E-03	2.5E-06	N
2836451	MFAP3	7.05	7.39	0.39	0.40	3.6E-03	1.4E-07	N
2844082	RUFY1	8.01	8.22	0.28	0.20	3.6E-03	7.1E-07	Y
2845043	TRIM41	6.48	6.63	0.17	0.18	5.6E-03	4.0E-06	N
2860614	CCDC125	6.71	6.98	0.32	0.33	6.1E-03	2.2E-07	N
2871685	PGGT1B	7.78	8.19	0.49	0.40	1.8E-03	1.1E-06	N

AJHG, Volume 82

2894711	TMEM14B	10.71	10.99	0.23	0.31	4.0E-04	2.0E-08	N
2924898	RNF146	7.23	7.54	0.37	0.35	3.6E-03	1.3E-06	N
2938972	SERPINB1	7.60	8.31	0.86	0.75	3.6E-03	7.6E-08	N
2939014	MGC39372	7.20	7.94	0.61	0.61	0	8.9E-12	N
2939034	SERPINB9 /// SERPINB6	9.95	10.62	0.77	0.54	4.0E-04	3.2E-09	N
2945645	TTRAP	9.34	9.62	0.29	0.29	1.0E-03	2.4E-07	N
2945882	CMAH	6.43	7.06	0.50	0.49	0	9.2E-12	N
2946369	HIST1H3G	9.01	9.43	0.55	0.42	4.0E-03	4.5E-07	N
2963407	SYNCRIP	7.60	7.97	0.37	0.37	5.0E-04	2.8E-07	N
2974469	STX7	8.47	8.87	0.43	0.40	1.3E-03	1.5E-07	N
2975680	BCLAF1	9.33	9.59	0.27	0.25	1.0E-03	8.0E-08	N
2977510	FUCA2	7.70	8.12	0.42	0.42	5.0E-04	3.8E-08	Y
3009959	PTPN12	6.79	7.25	0.50	0.45	1.3E-03	7.0E-08	N
3014855	ZFP95	6.97	7.26	0.19	0.22	0	1.9E-12	N
3026988	LUC7L2	8.50	8.90	0.30	0.27	0	3.6E-13	N
3032017	NUB1	9.05	9.50	0.39	0.33	0	4.1E-11	N
3042610	SCAP2	8.15	8.57	0.43	0.46	1.3E-03	3.5E-07	N
3088544	ATP6V1B2	9.57	9.84	0.31	0.36	8.3E-03	4.0E-06	N
3089401	PPP3CC	8.04	8.32	0.28	0.31	1.8E-03	1.1E-07	Y
3089740	RHOBTB2	7.16	7.41	0.28	0.31	5.1E-03	1.0E-07	Y
3091628	ELP3	8.57	8.81	0.28	0.24	1.7E-03	9.6E-08	N
3095719	GOLGA7	8.29	8.60	0.31	0.32	7.0E-04	3.1E-08	N
3096368	HOOK3	7.64	7.97	0.35	0.34	1.3E-03	2.6E-07	N
3107342	PPM2C	6.83	7.07	0.24	0.28	1.8E-03	5.4E-08	N
3111530	ENY2	7.91	8.23	0.43	0.36	7.6E-03	2.1E-06	N
3114365	FAM91A2 /// FAM91A1	8.75	9.16	0.43	0.35	2.0E-04	3.6E-08	N
3114600	TRMT12	6.29	6.61	0.28	0.30	1.0E-04	8.2E-09	N
3130161	GSR	9.53	9.90	0.28	0.37	1.0E-04	3.1E-09	N
3131844	LSM1	7.65	7.86	0.25	0.24	6.4E-03	1.8E-06	N
3133345	SLC20A2	7.06	7.21	0.19	0.17	9.1E-03	3.3E-06	N
3133479	RNF170	6.63	6.95	0.37	0.33	1.5E-03	2.2E-08	N
3138414	ARMC1	8.59	8.84	0.30	0.27	5.6E-03	2.8E-06	N
3150844	SNTB1	6.91	7.53	0.63	0.57	2.0E-04	5.0E-08	Y

AJHG, Volume 82

3173748	FAM122A	7.26	7.55	0.35	0.33	5.4E-03	1.2E-07	N
3175119	OSTF1	9.32	9.70	0.29	0.30	0	5.5E-11	N
3212277	C9orf64	7.42	7.77	0.45	0.39	6.0E-03	5.7E-07	Y
3214582	SPTLC1	8.31	8.57	0.29	0.28	2.5E-03	2.9E-07	N
3227121	C9orf78	7.41	7.65	0.21	0.24	1.0E-04	7.7E-09	N
3231774	GTPBP4 /// IDI2	9.02	9.27	0.20	0.23	0	2.9E-09	N
3236448	SUV39H2	7.15	7.41	0.29	0.26	1.4E-03	1.3E-07	N
3236786	PTER	8.00	8.29	0.32	0.27	7.0E-04	2.9E-08	N
3240095	RAB18	8.10	8.37	0.34	0.29	3.6E-03	1.3E-06	N
3243262	HSD17B7	7.11	7.66	0.68	0.63	5.6E-03	5.2E-06	N
3243708	BMS1LTTC7B	8.44	8.83	0.33	0.29	0	5.2E-10	N
3249587	SIRT1	7.58	7.80	0.27	0.26	7.8E-03	1.4E-06	N
3249738	HNRPH3	7.75	8.14	0.42	0.33	2.0E-04	1.3E-08	N
3252382	MYST4	7.92	8.19	0.30	0.27	1.6E-03	1.5E-07	N
3252534	SAMD8 /// VDAC2	8.57	8.87	0.26	0.22	0	7.9E-10	N
3260937	PEO1	6.54	6.78	0.22	0.21	1.0E-04	2.8E-08	N
3264326	ACSL5	8.71	8.93	0.25	0.23	1.8E-03	8.9E-08	N
3264948	CASP7	8.32	8.64	0.36	0.34	1.8E-03	8.1E-08	N
3265494	TRUB1	6.80	7.05	0.29	0.28	3.1E-03	6.1E-07	N
3269587	C10orf137	8.38	8.71	0.39	0.40	5.1E-03	9.4E-07	N
3275132	GDI2	11.91	12.05	0.12	0.15	4.0E-04	1.5E-07	N
3277662	UPF2	7.97	8.22	0.28	0.25	1.6E-03	2.8E-07	N
3295032	AP3M1	9.03	9.23	0.25	0.22	3.6E-03	9.8E-07	N
3301857	TM9SF3	10.05	10.24	0.23	0.20	2.6E-03	3.0E-07	N
3309215	EIF3S10 /// RPL17	9.32	9.68	0.36	0.29	1.0E-04	7.5E-09	N
3320301	CTR9 /// TRMU	8.67	9.10	0.35	0.30	0	4.1E-12	N
3326842	TRIM44	8.26	8.53	0.28	0.26	5.0E-04	8.6E-08	N
3345107	ANKRD49	8.15	8.44	0.29	0.26	2.0E-04	2.6E-08	N
3345142	FUT4 /// PIWIL4	6.63	7.01	0.34	0.48	2.1E-03	1.4E-06	N
3365525	SPTY2D1	7.75	8.04	0.34	0.34	4.8E-03	2.7E-06	N
3368748	FBXO3	7.28	7.54	0.27	0.26	7.0E-04	5.3E-09	N
3373724	SSRP1	9.90	10.07	0.17	0.18	7.0E-04	1.0E-07	N
3382948	CLNS1A	8.58	8.88	0.35	0.33	3.6E-03	1.2E-06	N

AJHG, Volume 82

3383164	ALG8	8.20	8.49	0.35	0.28	2.1E-03	3.3E-08	N
3392996	KIAA0999	7.05	7.39	0.40	0.33	1.6E-03	3.0E-08	N
3396736	PUS3	6.65	6.95	0.32	0.30	1.2E-03	1.3E-07	N
3404436	CLEC2D /// NPM1	9.03	9.79	0.86	0.43	1.0E-04	7.3E-09	N
3412008	PPHLN1	8.40	8.74	0.35	0.28	1.0E-04	1.4E-09	N
3429754	KIAA1033	9.13	9.44	0.33	0.29	4.0E-04	8.1E-09	N
3429857	LOC387882	8.78	9.16	0.42	0.51	6.3E-03	2.3E-06	N
3430552	PWP1	9.08	9.25	0.18	0.18	1.4E-03	3.1E-07	N
3431318	TCHP	6.60	6.87	0.27	0.27	4.0E-04	6.3E-09	N
3433843	SUDS3	8.02	8.35	0.44	0.38	9.6E-03	3.1E-06	N
3440998	---	7.25	7.57	0.34	0.27	2.0E-04	9.1E-09	N
3441955	MRPL51	10.24	10.46	0.24	0.25	3.6E-03	1.9E-06	Y
3442427	MBOAT5	9.02	9.33	0.31	0.29	2.0E-04	3.2E-08	N
3443296	M6PR	10.89	11.09	0.18	0.19	1.0E-04	8.4E-09	N
3447129	KIAA0528	7.57	7.83	0.31	0.31	5.9E-03	5.2E-07	Y
3447863	KRAS	7.57	8.09	0.47	0.44	0	1.4E-09	N
3458551	ARHGAP9	8.37	8.62	0.33	0.26	3.8E-03	2.4E-07	Y
3464000	CCDC59	7.82	8.22	0.44	0.46	3.6E-03	1.0E-06	N
3470549	CORO1C	10.74	10.96	0.27	0.20	1.5E-03	6.7E-07	N
3471374	PPP1CC	10.72	10.98	0.22	0.22	0	7.6E-10	N
3473802	TAOK3	8.80	9.04	0.32	0.27	7.9E-03	2.6E-06	N
3476130	SBNO1	8.71	8.91	0.24	0.24	5.8E-03	2.7E-06	N
3489708	DLEU1 /// SPANXC	6.90	7.19	0.36	0.30	3.1E-03	2.8E-06	Y
3490504	UTP14A /// ALG11 /// UTP14C	6.91	7.19	0.36	0.32	8.5E-03	3.5E-07	N
3503224	UPF3A	7.45	7.88	0.43	0.41	4.0E-04	1.3E-08	N
3503976	PSPC1	8.34	8.69	0.26	0.24	0	2.2E-12	N
3504392	LOC221143	7.17	7.43	0.28	0.35	7.9E-03	2.2E-06	N
3511031	ELF1	10.24	10.44	0.24	0.19	1.6E-03	4.0E-07	N
3515009	VPS36	7.74	8.01	0.31	0.33	4.0E-03	1.1E-07	N
3518977	C13orf7	7.86	8.13	0.36	0.28	4.6E-03	8.5E-07	N
3528115	C14orf92	8.64	8.91	0.22	0.18	0	1.0E-11	N
3529156	NGDN	7.25	7.62	0.32	0.32	0	8.7E-10	N

AJHG, Volume 82

3536905	KTN1 /// PDIA6	8.17	8.53	0.44	0.39	3.7E-03	8.4E-08	N
3540007	MTHFD1	10.13	10.28	0.18	0.18	6.5E-03	7.7E-07	N
3545525	C14orf156	10.88	11.13	0.27	0.26	1.0E-03	3.1E-08	Y
3549220	C14orf130	8.03	8.32	0.36	0.35	8.4E-03	2.5E-06	N
3553607	SNORA28 /// EIF5	8.91	9.15	0.28	0.31	7.0E-03	3.1E-06	N
3555461	OSGEP	7.78	8.11	0.26	0.27	0	1.1E-09	N
3556323	SUPT16H	9.88	10.11	0.23	0.16	0	2.0E-09	N
3556966	C14orf94	9.05	9.30	0.29	0.26	1.8E-03	3.1E-07	N
3557947	CHMP4A /// MDP-1	7.72	7.91	0.23	0.21	7.6E-03	2.3E-06	N
3561321	MBIP	7.96	8.18	0.28	0.23	3.7E-03	1.2E-07	N
3562003	TRAPPC6B	8.05	8.30	0.27	0.27	1.8E-03	2.9E-07	N
3568108	SGPP1	8.40	8.66	0.34	0.25	5.7E-03	1.4E-06	N
3568667	MAX	6.80	7.08	0.30	0.32	2.8E-03	1.2E-07	N
3570049	ERH	9.90	10.29	0.38	0.48	2.1E-03	1.1E-06	N
3571347	NUMB	8.76	9.02	0.32	0.29	4.7E-03	9.5E-08	N
3573152	SPTLC2	8.65	9.03	0.31	0.29	0	1.2E-09	Y
3573261	SNW1	8.34	8.61	0.36	0.28	6.3E-03	1.9E-06	Y
3573994	TRIO	6.78	7.17	0.45	0.39	1.5E-03	8.0E-08	N
3590014	CASC5	7.61	7.87	0.33	0.30	9.7E-03	8.4E-07	Y
3590341	CHP	9.96	10.13	0.19	0.18	1.2E-03	4.3E-07	N
3590422	RTF1	7.91	8.14	0.25	0.24	1.3E-03	5.4E-08	N
3591400	76P	7.94	8.23	0.30	0.29	5.0E-04	3.3E-08	N
3597977	TRIP4	7.37	7.65	0.23	0.23	0	4.3E-09	N
3603408	PSMA4	10.30	10.60	0.30	0.27	1.0E-04	2.5E-09	N
3619991	NDUFAF1	7.96	8.32	0.40	0.32	4.0E-04	1.5E-08	N
3621692	MFAP1	7.21	7.88	0.46	0.34	0	5.1E-15	Y
3624362	LEO1	7.75	8.16	0.36	0.33	0	2.5E-11	N
3629761	LOC652499 /// C15orf44	8.49	8.71	0.25	0.25	5.5E-03	1.8E-06	N
3650802	COQ7	6.60	6.84	0.30	0.27	4.8E-03	1.6E-06	Y
3656904	FUS	9.91	10.15	0.21	0.29	1.3E-03	2.6E-07	N
3665116	CBFB	9.54	9.82	0.28	0.20	0	2.0E-11	N
3666732	CYB5B	11.25	11.46	0.24	0.25	3.6E-03	1.7E-06	N
3668617	PSMD7	9.36	9.60	0.27	0.27	2.5E-03	4.8E-08	Y

AJHG, Volume 82

3680610	GSPT1	9.71	9.96	0.26	0.25	7.0E-04	1.1E-07	N
3681705	RRN3	9.00	9.26	0.22	0.26	1.0E-04	3.3E-09	Y
3687342	HIRIP3	6.40	6.62	0.20	0.20	1.0E-04	2.3E-09	N
3697799	APIG1	9.60	9.81	0.22	0.21	7.0E-04	3.5E-08	N
3699581	TMEM170	7.81	8.03	0.23	0.20	2.0E-04	1.2E-09	N
3701384	C16orf61	9.03	9.35	0.24	0.27	0	5.2E-11	N
3708462	CENTB1	8.55	8.74	0.23	0.22	3.9E-03	4.3E-07	N
3716337	CCDC55	6.99	7.44	0.34	0.32	0	5.7E-13	N
3718382	CCDC16	7.63	7.88	0.28	0.28	3.7E-03	2.2E-06	N
3718791	TAF15	8.57	8.96	0.37	0.36	1.0E-04	2.2E-08	N
3724858	TBX21	6.70	7.34	0.51	0.53	0	5.9E-12	N
3727712	PCTP	6.76	7.16	0.32	0.35	0	3.3E-10	N
3740304	PITPNA /// MYO1C	9.24	9.54	0.33	0.29	1.2E-03	1.5E-07	N
3747522	TNFRSF13B	8.80	9.16	0.39	0.30	2.0E-04	1.4E-08	N
3755714	PPARBP	8.40	8.67	0.26	0.25	1.0E-04	1.6E-09	N
3755862	IKZF3	10.55	10.76	0.24	0.18	1.3E-03	8.3E-07	N
3757487	DNAJC7	9.23	9.42	0.15	0.18	0	1.9E-09	N
3757970	PSMC3IP	7.18	7.47	0.37	0.32	6.4E-03	1.7E-06	N
3759186	GPATC8	8.06	8.26	0.26	0.23	8.5E-03	6.9E-07	N
3763656	TRIM25	9.34	9.73	0.32	0.23	0	1.3E-13	N
3763687	COIL	7.67	8.04	0.24	0.27	0	1.8E-12	N
3764384	SUPT4H1	8.58	8.89	0.27	0.28	1.0E-04	7.1E-09	N
3764738	FAM33A	9.72	10.14	0.32	0.26	0	2.6E-12	Y
3765059	ABC1	6.87	7.14	0.33	0.31	9.6E-03	3.6E-06	Y
3766334	CCDC47	8.75	9.02	0.32	0.28	2.6E-03	3.5E-07	N
3766373	FTSJ3	8.32	8.64	0.26	0.26	0	1.2E-09	N
3772719	LGALS3BP	6.93	7.55	0.48	0.84	2.2E-03	5.4E-07	N
3774823	CSNK1D	9.29	9.47	0.20	0.21	3.1E-03	1.4E-06	N
3781082	SNRPD1	7.23	7.59	0.39	0.37	1.4E-03	9.4E-08	N
3795942	YES1	7.20	7.61	0.50	0.49	5.9E-03	1.9E-06	N
3799415	AFG3L2	8.93	9.17	0.27	0.27	3.4E-03	7.8E-07	Y
3802129	SS18	8.73	9.16	0.33	0.33	0	1.6E-11	N
3811459	FVT1	8.13	8.44	0.36	0.33	2.1E-03	6.0E-07	N

3828162	C19orf2	8.91	9.19	0.30	0.24	2.0E-04	1.9E-08	N
3857811	C19orf12 /// LOC650006	7.27	7.48	0.23	0.22	1.3E-03	1.4E-07	N
3861978	PAF1	8.40	8.59	0.23	0.21	3.8E-03	3.9E-07	N
3872983	CHMP2A	10.24	10.49	0.23	0.25	2.0E-04	8.7E-08	N
3878429	POLR3F	6.52	6.80	0.31	0.30	1.3E-03	1.6E-08	N
3884324	CTNBL1	7.90	8.08	0.14	0.16	0	2.3E-10	Y
3890218	RP5-1153D9.3 /// C20orf43	8.67	8.94	0.32	0.28	2.7E-03	1.5E-06	N
3896370	RP5-1022P6.2	8.98	9.31	0.41	0.35	5.3E-03	1.6E-06	N
3896524	CGI-09	8.01	8.16	0.18	0.18	6.4E-03	8.8E-07	N
3909395	DPM1	8.73	9.07	0.41	0.40	6.5E-03	6.3E-07	N
3933817	WDR4	7.70	7.96	0.32	0.27	3.7E-03	1.8E-06	N
3949017	FLJ20699	7.45	7.77	0.24	0.34	1.0E-04	3.9E-08	Y
3956290	PITPNB	8.68	9.01	0.41	0.40	7.3E-03	2.7E-06	N
3959918	TST	7.44	7.80	0.43	0.44	9.1E-03	4.9E-06	N
3970833	PDHA1	9.08	9.25	0.21	0.18	3.7E-03	1.2E-06	N
3982242	CXorf26	7.53	7.76	0.24	0.23	6.0E-04	2.5E-08	N
3983105	FAM121A	7.56	7.85	0.36	0.29	2.5E-03	1.8E-07	N
3986514	PRPS1	9.16	9.38	0.29	0.26	7.6E-03	2.6E-06	N
3994100	FMR1	7.06	7.34	0.34	0.31	3.7E-03	7.4E-07	Y
3996667	SNORA36A /// DKC1 ///N	8.78	8.97	0.25	0.21	7.6E-03	3.7E-06	N
3996755	---	7.59	7.82	0.26	0.21	1.0E-03	2.1E-08	N
4002741	ACOT9 /// NOMO3	7.25	7.72	0.39	0.34	0	5.4E-11	Y
4006416	FUNDC1	7.86	8.17	0.35	0.32	1.2E-03	2.8E-08	N
4011989	CXCR3	7.37	8.02	0.62	0.55	1.0E-04	5.7E-09	N
4015838	ARMCX6	8.05	8.21	0.18	0.20	3.6E-03	1.5E-06	N
4021469	PDCD8	7.50	7.87	0.44	0.39	2.3E-03	5.9E-07	N
4043943	INPP5B /// SF3A3	9.13	9.41	0.30	0.29	7.0E-04	5.3E-08	N

^a denotes the average expression level of genes (\log_2 transformed).

^b denotes the standard deviation of expression level of genes.

^c denotes the one-sided permutation-adjusted p values.

^d denotes the p values using a general linear model.

^e indicates copy-number variations reported; Y:yes, N:no.

Table S2. 3,136 Transcript Clusters Were Differentially Expressed between the CEU and YRI Samples (QVALUE $P_c < 0.01$)

<i>Affymetrix Transcript Cluster ID</i>	<i>Gene Symbol</i>	<i>M(CEU)^a</i>	<i>M(YRI)^a</i>	<i>S(CEU)^b</i>	<i>S(YRI)^b</i>	<i>P(GLM)^c</i>	<i>QVALUE^d</i>
2946215	HIST1H3B	8.48	7.48	1.14	0.77	1.6E-07	2.5E-06
3062868	BAIAP2L1	7.94	6.99	1.02	0.89	5.3E-08	1.2E-06
2939232	TUBB2A	7.61	6.68	1.00	0.67	1.8E-07	2.8E-06
3848492	FCER2	11.06	10.22	0.46	0.78	3.8E-11	4.8E-09
2927722	HEBP2	8.52	7.77	0.47	0.65	2.2E-10	1.9E-08
3065546	FLJ36166	7.29	6.59	0.49	0.73	9.5E-09	3.1E-07
3756319	CCR7	9.51	8.82	0.85	0.73	4.2E-06	3.0E-05
2711034	C3orf59	9.14	8.45	0.82	1.30	7.8E-04	1.4E-03
2576554	LOC65378	8.48	7.79	0.33	0.56	2.5E-11	3.4E-09
3181240	TMOD1	8.06	7.38	0.65	0.57	6.6E-09	2.4E-07
2725013	UCHL1	8.55	7.96	0.94	1.00	1.2E-04	3.6E-04
3326635	CD44	10.52	9.95	0.58	0.62	4.7E-08	1.1E-06
2865050	LOC65365	8.71	8.15	0.49	0.38	8.0E-10	5.2E-08
2377283	CR2	8.91	8.35	0.87	0.83	7.8E-05	2.6E-04
3447694	BCAT1	8.76	8.22	0.79	0.69	1.9E-05	8.7E-05
3662687	CCL22	10.75	10.21	0.88	0.79	1.3E-04	3.9E-04
3935232	C21orf56	7.75	7.21	0.35	0.40	2.9E-11	3.7E-09
3091077	DPYSL2	8.70	8.16	0.52	0.52	7.9E-09	2.8E-07
3726569	SPATA20	7.59	7.07	0.51	0.44	5.9E-08	1.3E-06
2427791	DENND2D	9.44	8.92	0.71	0.62	1.5E-05	7.5E-05
2830861	EGR1	8.21	7.70	0.55	0.53	2.4E-07	3.6E-06
3299504	ACTA2	8.01	7.50	0.45	0.37	2.4E-10	1.9E-08
2883440	ADAM19	7.76	7.25	0.84	0.68	8.6E-05	2.7E-04
4044363	CNR2	7.79	7.28	0.56	0.61	1.0E-06	1.1E-05
2565902	ENSESTT0	7.31	6.81	0.49	0.71	1.9E-05	8.7E-05
2829171	TCF7	7.93	7.43	0.60	0.49	9.8E-07	1.0E-05
3016636	APS	8.70	8.22	0.52	0.64	1.3E-06	1.3E-05
3757602	GCN5L2	7.96	7.50	0.35	0.31	2.5E-11	3.4E-09

AJHG, Volume 82

3303165	DNMBP	8.10	7.65	0.68	0.76	3.1E-04	7.2E-04
3022814	HIG2	7.73	7.28	0.75	0.77	5.4E-04	1.1E-03
3402506	TNFRSF7	10.94	10.51	0.47	0.76	5.4E-05	1.9E-04
3996467	PLXNA3	7.39	6.96	0.20	0.18	0.0E+00	0.0E+00
2766262	TLR6	7.76	7.33	0.52	0.46	1.6E-06	1.5E-05
3023318	TSPAN33	9.54	9.11	0.46	0.39	4.1E-07	5.4E-06
3639406	LOC40045	7.85	7.43	0.64	0.52	1.1E-04	3.4E-04
3512948	LOC65381	7.75	7.32	1.05	0.99	7.7E-03	7.9E-03
3945684	RP4-742C	7.23	6.81	0.51	0.55	4.1E-06	2.9E-05
3452818	VDR	6.96	6.54	0.53	0.47	1.4E-06	1.3E-05
2594535	PPIL3	7.72	7.31	0.53	0.61	5.4E-05	1.9E-04
4027813	F8A1	8.99	8.58	0.32	0.29	2.1E-11	3.4E-09
2796338	MGC24125	7.41	7.00	0.71	0.64	1.6E-04	4.4E-04
2515240	CYBRD1	9.05	8.64	0.58	0.63	3.3E-04	7.5E-04
3903836	ITGB4BP	9.06	8.66	0.30	0.33	7.1E-11	6.7E-09
3159946	SMARCA2	9.14	8.74	0.56	0.50	1.1E-05	6.1E-05
3676300	LOC91561	9.19	8.79	0.56	0.39	1.8E-05	8.4E-05
2823880	CAMK4	8.53	8.14	0.44	0.53	1.5E-05	7.6E-05
3544525	FOS	6.90	6.51	0.50	0.47	7.5E-06	4.4E-05
3766621	ICAM2	8.73	8.35	0.44	0.58	1.0E-04	3.1E-04
2646125	CHST2	8.23	7.85	0.65	0.64	5.5E-04	1.1E-03
3821893	JUNB	9.52	9.13	0.43	0.36	8.9E-07	9.5E-06
2693014	LOC38839	8.49	8.11	0.82	0.87	3.8E-03	4.7E-03
2900051	HIST1H3H	9.13	8.76	0.48	0.55	2.0E-04	5.2E-04
2688605	GCET2	9.51	9.15	0.61	0.74	9.5E-04	1.7E-03
3223738	TRAF1	9.58	9.22	0.51	0.49	1.1E-04	3.4E-04
3230811	DPP7	9.22	8.86	0.29	0.27	6.4E-10	4.5E-08
3225096	NR6A1	7.02	6.66	0.32	0.38	7.0E-08	1.5E-06
3518086	TBC1D4	7.87	7.51	0.53	0.52	1.6E-04	4.3E-04
3885537	PLCG1	8.53	8.17	0.28	0.35	5.7E-10	4.1E-08
3315024	ADAM8	8.43	8.07	0.34	0.31	2.7E-09	1.2E-07
3452743	HDAC7A	7.42	7.06	0.49	0.41	4.2E-06	3.0E-05
2327677	EPB41	8.18	7.83	0.53	0.57	1.1E-04	3.3E-04

AJHG, Volume 82

2458921	ITPKB	7.73	7.37	0.44	0.40	2.6E-07	3.8E-06
2766893	APBB2	7.72	7.37	0.61	0.59	4.5E-04	9.6E-04
3950452	CRELD2	8.42	8.07	0.43	0.37	7.1E-06	4.3E-05
3450775	KIF21A	7.56	7.21	0.44	0.61	4.3E-05	1.6E-04
3470523	SELPLG	7.93	7.58	0.57	0.62	4.8E-04	1.0E-03
2906824	FOXP4	8.15	7.80	0.38	0.36	7.0E-07	7.9E-06
2560141	FLJ14397	9.83	9.48	0.33	0.36	1.1E-07	1.9E-06
3177880	DAPK1	8.91	8.56	0.74	0.60	2.2E-03	3.1E-03
3089360	SLC39A14	8.21	7.87	0.34	0.37	2.1E-07	3.2E-06
3822849	FLJ45910	9.22	8.88	0.48	0.44	6.7E-05	2.3E-04
2950145	HLA-DOB	8.68	8.34	0.63	0.67	1.3E-03	2.1E-03
2766492	LOC20189	9.26	8.92	0.70	0.78	5.6E-03	6.3E-03
3839103	ATF5	8.38	8.04	0.64	0.65	3.3E-03	4.2E-03
3824427	BCNP1	7.09	6.76	0.56	0.53	2.3E-04	5.8E-04
3115008	TRIB1	8.30	7.97	0.51	0.40	5.3E-05	1.9E-04
2581349	CACNB4	7.54	7.21	0.65	0.63	1.0E-03	1.7E-03
3634811	CTSH	10.62	10.29	0.40	0.46	3.5E-05	1.4E-04
3188656	LHX2	6.86	6.53	0.62	0.48	6.0E-04	1.2E-03
2360257	IL6R	7.16	6.83	0.56	0.55	3.0E-04	7.1E-04
3903361	AHCY	9.94	9.62	0.28	0.30	3.9E-08	9.1E-07
3453837	TUBA3	7.56	7.24	0.53	0.52	4.2E-04	9.2E-04
3127745	TNFRSF10	7.16	6.85	0.52	0.36	4.6E-05	1.7E-04
2946681	H2BFS	7.34	7.03	0.63	0.66	5.1E-03	5.8E-03
2379314	FLJ12505	7.94	7.63	0.55	0.44	6.6E-04	1.3E-03
2636125	CD200	8.20	7.89	0.70	0.62	2.2E-03	3.1E-03
3195344	MRPL41	8.31	8.00	0.47	0.60	6.1E-03	6.6E-03
2904946	MAPK13	6.67	6.36	0.55	0.31	7.3E-05	2.4E-04
2484752	LOC38812	9.50	9.20	0.35	0.37	6.3E-06	3.9E-05
3361381	CYB5R2	7.11	6.81	0.69	0.59	6.5E-03	7.0E-03
2341663	CTH	7.85	7.54	0.58	0.70	4.6E-03	5.4E-03
3866094	PTGIR	7.20	6.90	0.46	0.43	1.3E-04	3.9E-04
3871504	ISOC2	8.30	7.99	0.45	0.35	2.7E-05	1.2E-04
3362263	RAB6IP1	8.45	8.15	0.71	0.59	5.4E-03	6.1E-03

AJHG, Volume 82

2329266	FLJ25476	7.10	6.79	0.40	0.44	1.7E-05	8.2E-05
3832978	ZFP36	8.49	8.18	0.46	0.29	2.3E-05	1.0E-04
3119945	GRINA	8.86	8.55	0.35	0.32	4.1E-06	2.9E-05
3358425	LRDD	7.62	7.31	0.21	0.21	1.4E-11	2.7E-09
3013255	PEG10	8.50	8.20	0.47	0.57	4.8E-04	1.0E-03
2360206	ATP8B2	8.01	7.71	0.41	0.52	1.1E-04	3.3E-04
2713111	MFI2	7.68	7.38	0.38	0.38	6.8E-06	4.2E-05
3817380	EBI3	9.70	9.40	0.54	0.49	9.0E-04	1.6E-03
3662774	LOC65409	8.34	8.04	0.64	0.60	3.9E-03	4.8E-03
3014227	BHLHB8	7.21	6.91	0.53	0.54	5.4E-04	1.1E-03
3657041	ITGAX	7.14	6.85	0.63	0.60	4.1E-03	5.0E-03
2878074	NRG2	7.18	6.89	0.52	0.39	5.5E-04	1.1E-03
2950629	TAPBP	10.85	10.55	0.24	0.37	1.8E-06	1.6E-05
3712098	C17orf45	11.21	10.91	0.25	0.26	1.6E-08	4.7E-07
3682445	LOC64743	7.21	6.91	0.61	0.53	2.9E-03	3.8E-03
3668834	ZNRF1	7.33	7.04	0.31	0.31	4.1E-07	5.4E-06
3830993	HCST	8.84	8.55	0.54	0.56	1.3E-03	2.1E-03
2320683	TNFRSF8	8.90	8.60	0.38	0.36	3.2E-06	2.4E-05
3382061	XRRA1	7.08	6.79	0.34	0.35	2.6E-05	1.1E-04
2532021	LOC44145	7.74	7.45	0.28	0.27	8.6E-08	1.7E-06
2694675	HIFX	7.92	7.63	0.29	0.33	3.5E-07	4.7E-06
3654227	IL21R	9.35	9.06	0.37	0.43	7.0E-05	2.4E-04
3726960	NME2	9.49	9.20	0.37	0.37	1.6E-05	7.7E-05
3893642	LIME1	7.88	7.59	0.34	0.28	3.2E-07	4.4E-06
3561039	NFKBIA	10.89	10.61	0.36	0.38	6.6E-05	2.3E-04
3590275	CHAC1	8.03	7.74	0.52	0.57	1.6E-03	2.4E-03
3708644	FGF11	7.11	6.83	0.42	0.40	8.9E-05	2.8E-04
3535628	GNG2	9.67	9.39	0.42	0.42	2.4E-04	6.0E-04
3816611	THOP1	8.49	8.21	0.24	0.30	1.4E-07	2.4E-06
3337918	TPCN2	7.80	7.52	0.25	0.32	8.1E-08	1.6E-06
2867873	ELL2	8.84	8.56	0.58	0.56	2.5E-04	6.2E-04
2988726	FSCN1	10.87	10.59	0.45	0.42	4.9E-04	1.0E-03
2461531	IRF2BP2	9.27	8.99	0.35	0.40	1.7E-05	8.4E-05

AJHG, Volume 82

3837464	GLTSCR2	9.18	8.90	0.23	0.21	6.9E-11	6.7E-09
2676182	NT5DC2	8.80	8.52	0.54	0.40	8.9E-04	1.6E-03
3647993	CIITA	8.76	8.48	0.41	0.45	6.2E-05	2.2E-04
3820443	ICAM1	10.25	9.97	0.31	0.36	1.3E-05	6.8E-05
2897899	SOX4	7.89	7.62	0.21	0.25	3.2E-09	1.4E-07
3261643	NFKB2	9.89	9.62	0.26	0.31	4.7E-07	5.9E-06
2905169	CDKN1A	8.62	8.34	0.34	0.24	6.5E-07	7.6E-06
3947036	RP5-821D	7.87	7.60	0.43	0.43	1.5E-04	4.3E-04
3338552	CTTN	7.08	6.81	0.34	0.27	4.5E-07	5.7E-06
3753372	RFFL	8.64	8.37	0.38	0.37	2.3E-05	1.0E-04
2550339	LOC64476	8.15	7.88	0.37	0.36	1.1E-05	6.1E-05
3939365	SMARCB1	9.40	9.14	0.28	0.28	4.5E-07	5.7E-06
3193339	RXRA	7.85	7.59	0.26	0.33	6.0E-07	7.1E-06
3954887	C22orf16	8.23	7.96	0.39	0.29	2.7E-05	1.2E-04
3677752	TRAP1	9.84	9.57	0.22	0.26	1.4E-08	4.3E-07
2947073	HIST1H1B	10.72	10.45	0.45	0.45	4.1E-04	8.9E-04
3543539	PAPLN	6.65	6.39	0.29	0.24	9.3E-08	1.8E-06
2902407	LTA	10.17	9.91	0.64	0.53	4.2E-03	5.0E-03
2908179	VEGF	8.44	8.18	0.65	0.59	9.3E-03	9.2E-03
3704495	APRT	8.49	8.23	0.25	0.28	7.3E-07	8.2E-06
3840058	PPP2R1A	10.33	10.07	0.21	0.30	3.1E-07	4.3E-06
3008220	CYLN2	8.35	8.09	0.23	0.24	6.3E-09	2.4E-07
3845175	GAMT	7.14	6.88	0.45	0.33	1.7E-04	4.5E-04
3842301	ZNF581	8.31	8.06	0.29	0.32	6.1E-06	3.9E-05
3835966	RELB	8.45	8.19	0.32	0.35	3.1E-05	1.3E-04
4011096	EDA2R	6.92	6.67	0.56	0.55	5.5E-03	6.2E-03
2881672	GTF2IP1	10.06	9.80	0.26	0.31	1.2E-06	1.2E-05
3673684	CDT1	8.55	8.30	0.25	0.28	4.6E-07	5.7E-06
2766192	TLR10	8.92	8.66	0.52	0.50	3.3E-03	4.2E-03
2658785	FAM43A	7.13	6.88	0.35	0.31	2.1E-05	9.5E-05
3184408	AKAP2	7.48	7.23	0.41	0.37	1.3E-04	3.8E-04
3824178	ANKRD41	7.29	7.04	0.30	0.29	2.3E-06	1.9E-05
3824993	GDF15	6.92	6.67	0.53	0.48	9.0E-04	1.6E-03

AJHG, Volume 82

3830002	GRAMD1A	8.80	8.55	0.27	0.28	2.1E-06	1.8E-05
3009399	HSPB1	8.60	8.35	0.44	0.42	3.8E-04	8.5E-04
2334191	PLK3	8.07	7.82	0.26	0.24	2.4E-08	6.8E-07
2326993	SYTL1	6.92	6.67	0.24	0.29	2.1E-07	3.2E-06
3494137	LMO7	6.99	6.74	0.59	0.61	7.2E-03	7.5E-03
2901970	DDR1	7.13	6.88	0.31	0.24	9.6E-07	1.0E-05
3960110	MFNG	8.97	8.72	0.32	0.47	4.9E-04	1.0E-03
2450855	PHLDA3	6.85	6.60	0.44	0.41	4.1E-04	9.0E-04
3431892	LNK	8.27	8.02	0.23	0.21	3.0E-08	7.6E-07
3823982	MYO9B	9.02	8.78	0.21	0.27	1.8E-07	2.8E-06
3403015	ENO2	9.78	9.53	0.50	0.54	3.8E-03	4.7E-03
3333711	SLC3A2	9.57	9.33	0.38	0.42	5.6E-04	1.1E-03
3902764	C20orf11	7.02	6.78	0.35	0.28	1.4E-05	7.0E-05
3226340	PTGES2	7.78	7.54	0.25	0.31	2.8E-06	2.2E-05
3907011	ADA	9.26	9.02	0.42	0.33	3.1E-04	7.3E-04
3851545	MAN2B1	9.65	9.41	0.27	0.31	3.0E-05	1.3E-04
3115504	MYC	10.59	10.35	0.40	0.45	1.0E-03	1.8E-03
3179669	C9orf89	6.78	6.54	0.33	0.32	4.5E-05	1.7E-04
2843091	RGS14	8.70	8.46	0.29	0.22	1.1E-06	1.1E-05
3868681	KLK1	10.39	10.15	0.68	0.57	1.0E-02	9.8E-03
3680213	SOCS1	7.78	7.54	0.37	0.30	5.7E-05	2.0E-04
3190762	ENDOG	6.83	6.59	0.23	0.25	1.1E-07	2.0E-06
3855538	MEF2B	8.30	8.06	0.37	0.31	3.7E-05	1.4E-04
2330253	ADPRHL2	7.83	7.59	0.30	0.41	3.6E-04	8.1E-04
3706113	HIC1	7.42	7.18	0.38	0.35	1.7E-04	4.7E-04
3734760	MRPS7	9.63	9.39	0.18	0.24	2.7E-09	1.3E-07
2515707	PDK1	9.28	9.04	0.44	0.50	3.1E-03	4.0E-03
2849469	ANKH	7.70	7.46	0.50	0.38	1.2E-03	1.9E-03
2550522	ZFP36L2	9.05	8.81	0.31	0.28	6.9E-06	4.2E-05
3845647	MKNK2	11.01	10.77	0.35	0.36	3.2E-04	7.4E-04
3358492	POLR2L	8.74	8.51	0.42	0.41	1.2E-03	1.9E-03
3721010	IGFBP4	7.74	7.50	0.42	0.36	2.6E-04	6.4E-04
3140213	MSC	9.76	9.52	0.33	0.39	4.6E-04	9.7E-04

AJHG, Volume 82

3839006	PTOV1	7.56	7.32	0.31	0.24	2.9E-06	2.2E-05
3643966	C16orf34	7.20	6.97	0.15	0.16	4.3E-13	2.6E-10
3839346	SPIB	8.38	8.15	0.46	0.46	4.2E-03	5.1E-03
3852823	NDUFB7	8.72	8.49	0.31	0.33	1.2E-05	6.3E-05
2717593	SH3TC1	7.52	7.28	0.30	0.33	3.3E-05	1.3E-04
3818468	TNFSF9	8.64	8.41	0.34	0.35	1.0E-05	5.6E-05
3850278	TYK2	9.46	9.23	0.24	0.27	3.7E-06	2.7E-05
3815538	GPX4	11.32	11.09	0.33	0.30	7.7E-05	2.6E-04
3847989	TNFSF7	10.40	10.17	0.26	0.34	2.9E-05	1.2E-04
3475324	RHOF	8.98	8.75	0.37	0.35	8.5E-04	1.5E-03
2905404	PIM1	8.42	8.19	0.38	0.41	1.1E-03	1.9E-03
3781980	C18orf17	8.61	8.38	0.60	0.48	9.3E-03	9.2E-03
3945914	ATF4	9.12	8.88	0.38	0.34	1.4E-03	2.2E-03
3417435	MYL6B	7.32	7.09	0.27	0.31	1.3E-05	6.8E-05
3770457	FDXR	7.89	7.66	0.36	0.27	5.7E-05	2.0E-04
2926802	MYB	8.10	7.87	0.54	0.52	6.9E-03	7.3E-03
3320169	AMPD3	8.11	7.88	0.40	0.42	4.4E-04	9.5E-04
2452859	LGTN	8.92	8.69	0.43	0.40	1.3E-03	2.0E-03
3394488	PVRL1	7.10	6.87	0.42	0.34	1.5E-04	4.1E-04
3450655	CPNE8	7.52	7.29	0.50	0.53	7.1E-03	7.5E-03
2550325	OXER1	7.76	7.54	0.24	0.23	8.0E-08	1.6E-06
3815097	FSTL3	7.53	7.31	0.41	0.36	8.2E-04	1.5E-03
3751164	MGC23280	7.62	7.40	0.38	0.30	1.7E-04	4.7E-04
3569754	ZFP36L1	10.73	10.50	0.35	0.35	1.8E-04	4.8E-04
2946232	HIST1H1C	11.79	11.56	0.26	0.29	1.3E-05	6.8E-05
3188697	NEK6	10.68	10.45	0.22	0.30	9.2E-07	9.8E-06
3820727	QTRT1	7.91	7.69	0.18	0.19	1.1E-10	9.3E-09
2887309	DUSP1	7.65	7.42	0.47	0.47	4.4E-03	5.2E-03
3774635	FASN	9.41	9.19	0.19	0.22	1.7E-09	8.6E-08
3962145	TNFRSF13	9.45	9.22	0.52	0.48	2.4E-03	3.3E-03
3057755	POMZP3	7.41	7.19	0.24	0.26	3.7E-06	2.7E-05
2363852	FCRLM1	10.61	10.39	0.44	0.51	6.1E-03	6.6E-03
3329649	DDB2	9.32	9.10	0.28	0.23	9.5E-07	9.9E-06

AJHG, Volume 82

2676009	PTK9L	9.41	9.19	0.22	0.26	3.3E-06	2.4E-05
3846238	C19orf28	8.40	8.18	0.23	0.29	1.4E-05	7.2E-05
3823625	AP1M1	8.85	8.63	0.26	0.26	1.8E-05	8.6E-05
3950629	RP3-402G	8.96	8.73	0.26	0.25	2.6E-06	2.0E-05
3923632	LOC44034	9.85	9.62	0.24	0.27	1.0E-06	1.1E-05
2524577	SNORD51	7.15	6.93	0.33	0.38	1.1E-03	1.9E-03
3075778	HIPK2	9.33	9.11	0.36	0.34	2.7E-04	6.5E-04
2504328	GYPC	8.43	8.21	0.49	0.40	6.3E-03	6.8E-03
3065601	FLJ36166	7.92	7.70	0.29	0.37	2.4E-04	6.1E-04
3855071	FKBP8	8.80	8.58	0.29	0.31	4.3E-05	1.6E-04
3205659	MCART1	6.98	6.76	0.33	0.29	2.3E-05	1.0E-04
3855818	PBX4	6.87	6.65	0.44	0.48	3.6E-03	4.5E-03
3687452	YPEL3	7.68	7.46	0.29	0.30	3.2E-05	1.3E-04
3848243	LOC64569	7.71	7.49	0.46	0.52	4.2E-03	5.1E-03
3405032	ETV6	9.63	9.42	0.29	0.24	1.5E-05	7.5E-05
2333678	LOC64473	8.61	8.39	0.24	0.24	2.4E-06	2.0E-05
2758043	TETRA	9.23	9.01	0.33	0.27	8.0E-05	2.6E-04
3557666	JPH4	7.07	6.86	0.29	0.17	5.7E-07	6.9E-06
3824197	MRPL34	8.85	8.64	0.27	0.30	1.3E-05	6.6E-05
3820501	PDE4A	7.54	7.32	0.39	0.27	3.0E-04	7.1E-04
3963676	C22orf9	8.50	8.29	0.33	0.28	5.8E-05	2.0E-04
2528159	WNT10A	8.43	8.21	0.31	0.31	7.5E-05	2.5E-04
2319423	PIK3CD	8.93	8.71	0.28	0.33	7.7E-05	2.5E-04
3665846	THAP11	7.68	7.46	0.32	0.28	8.1E-05	2.6E-04
3742400	PFN1	8.80	8.58	0.34	0.34	2.2E-04	5.8E-04
3377463	FAU	9.12	8.91	0.34	0.31	6.0E-05	2.1E-04
3961496	MKL1	8.11	7.89	0.36	0.28	2.8E-05	1.2E-04
2902427	LST1	7.32	7.11	0.36	0.32	1.9E-04	5.1E-04
3748188	FLII	8.64	8.42	0.18	0.17	8.4E-11	7.7E-09
3869030	SIGLEC10	6.60	6.38	0.32	0.28	9.1E-06	5.2E-05
2949380	VARS	8.42	8.21	0.31	0.28	6.0E-05	2.1E-04
2527672	MGC50811	7.02	6.81	0.49	0.38	1.2E-03	2.0E-03
2396461	MASP2	10.63	10.42	0.24	0.22	1.8E-07	2.8E-06

AJHG, Volume 82

3675116	TMEM8	8.62	8.40	0.30	0.21	3.4E-05	1.4E-04
3855324	COPE	9.13	8.91	0.38	0.37	1.2E-03	2.0E-03
3158478	C8ORFK29	7.35	7.13	0.21	0.18	2.3E-08	6.6E-07
3759540	DCAKD	8.45	8.23	0.31	0.26	1.8E-05	8.4E-05
3316375	TSPAN4	6.83	6.62	0.35	0.35	2.9E-04	7.0E-04
2948630	IER3	8.22	8.00	0.48	0.43	7.6E-03	7.9E-03
2489071	LOC44202	7.76	7.55	0.23	0.27	5.3E-06	3.4E-05
3431620	FLJ21127	6.94	6.73	0.39	0.36	7.5E-04	1.4E-03
3644541	TRAF7	8.25	8.04	0.30	0.31	1.1E-04	3.4E-04
2954355	CUL7	7.46	7.25	0.20	0.21	7.1E-08	1.5E-06
4007617	PIM2	10.29	10.08	0.45	0.39	1.6E-03	2.4E-03
3057520	TMPIT	7.63	7.42	0.47	0.39	4.2E-03	5.1E-03
3855856	EDG4	6.93	6.72	0.21	0.30	3.0E-06	2.3E-05
3230530	FBXW5	8.65	8.44	0.27	0.38	8.7E-04	1.6E-03
2588127	ATP5G3	10.20	9.99	0.32	0.29	1.2E-04	3.6E-04
3956909	THOC5	8.34	8.13	0.35	0.37	6.3E-04	1.2E-03
3678083	CORO7	8.70	8.49	0.26	0.27	6.8E-06	4.2E-05
3960388	PLA2G6	7.19	6.98	0.21	0.21	1.1E-07	1.9E-06
2782230	TIFA	8.61	8.40	0.46	0.44	7.4E-03	7.7E-03
3653123	PRKCB1	10.45	10.25	0.44	0.35	2.1E-03	3.0E-03
3676113	NME3	7.37	7.16	0.24	0.22	4.5E-07	5.7E-06
2429914	LOC65392	6.54	6.33	0.58	0.26	4.8E-03	5.6E-03
3356115	APLP2	7.28	7.08	0.50	0.50	9.4E-03	9.2E-03
3759493	C1QL1	7.73	7.52	0.32	0.28	4.8E-05	1.8E-04
2527131	SMARCAL1	8.23	8.03	0.29	0.29	2.9E-05	1.2E-04
3873160	TRIB3	8.03	7.82	0.24	0.28	2.2E-05	1.0E-04
3852507	SAMD1	8.45	8.25	0.25	0.25	1.5E-05	7.3E-05
3954910	DERL3	6.85	6.65	0.35	0.29	3.7E-04	8.3E-04
2326126	SEPN1	9.91	9.70	0.33	0.32	1.8E-04	4.9E-04
3960478	CSNK1E	8.69	8.48	0.31	0.30	2.9E-05	1.2E-04
3868659	MGC13170	8.64	8.43	0.32	0.36	8.0E-04	1.5E-03
3434888	TMEM142A	8.43	8.22	0.25	0.25	9.9E-06	5.6E-05
3854349	ABHD8	7.29	7.08	0.22	0.19	1.7E-07	2.6E-06

AJHG, Volume 82

4007765	PRAF2	7.08	6.87	0.28	0.28	1.7E-05	8.1E-05
3026969	HSPC268	7.15	6.95	0.21	0.25	1.9E-07	2.9E-06
3704376	FAM38A	8.59	8.39	0.22	0.17	7.8E-08	1.6E-06
3818842	ZNF358	6.72	6.52	0.37	0.32	3.0E-04	7.1E-04
3328349	PHACS	6.58	6.38	0.40	0.23	1.0E-03	1.7E-03
3846363	APBA3	7.24	7.04	0.22	0.28	4.4E-06	3.1E-05
3820414	MRPL4	8.46	8.26	0.23	0.24	1.0E-05	5.8E-05
3822657	CD97	9.06	8.86	0.29	0.29	1.4E-04	4.0E-04
3716993	RNF135	7.43	7.23	0.26	0.28	5.1E-06	3.4E-05
2370355	MR1	9.20	9.00	0.22	0.29	6.9E-06	4.2E-05
3014229	BRI3	7.98	7.78	0.33	0.31	2.2E-04	5.6E-04
3893458	C20orf14	9.06	8.86	0.25	0.27	4.4E-05	1.7E-04
3226253	FAM102A	8.05	7.85	0.45	0.42	3.7E-03	4.6E-03
3655172	SPIN1	8.41	8.21	0.23	0.25	7.0E-06	4.2E-05
3853193	BRD4	8.35	8.15	0.23	0.26	2.8E-06	2.2E-05
3753860	CCL5	8.27	8.07	0.30	0.24	8.3E-05	2.7E-04
3868905	ATPBD3	7.11	6.92	0.27	0.24	9.2E-06	5.2E-05
3358049	RNH1	7.79	7.60	0.29	0.32	3.9E-04	8.6E-04
2995420	GARS	9.00	8.80	0.32	0.32	8.3E-04	1.5E-03
3864646	KCNN4	8.27	8.07	0.40	0.34	1.5E-03	2.4E-03
3675430	RPUSD1	7.87	7.67	0.21	0.24	4.3E-06	3.0E-05
3643229	KIAA1924	8.72	8.52	0.21	0.29	3.1E-05	1.3E-04
3608398	FURIN	7.97	7.77	0.39	0.38	4.8E-03	5.6E-03
3603687	TMED3	8.12	7.92	0.24	0.21	1.4E-06	1.3E-05
2395965	CTNNBIP1	8.52	8.32	0.27	0.29	2.1E-05	9.8E-05
2401493	ID3	7.22	7.03	0.40	0.45	4.5E-03	5.3E-03
3195139	UAP1L1	8.07	7.87	0.36	0.37	3.9E-04	8.6E-04
3723378	FMNL1	8.84	8.64	0.28	0.28	1.0E-05	5.6E-05
3341137	B3GNT6	6.71	6.51	0.35	0.35	6.1E-04	1.2E-03
2315951	LOC65416	8.53	8.33	0.27	0.28	2.5E-05	1.1E-04
2474341	C2orf28	8.60	8.41	0.26	0.30	7.6E-05	2.5E-04
3604287	IL16	7.06	6.87	0.23	0.22	2.0E-06	1.7E-05
3333358	INCENP	8.20	8.00	0.20	0.20	1.6E-09	8.3E-08

AJHG, Volume 82

3631794	MYO9A	7.14	6.95	0.37	0.34	1.1E-03	1.9E-03
3890597	RNPC1	9.05	8.86	0.36	0.36	1.5E-03	2.3E-03
3338968	NADSYN1	8.80	8.60	0.29	0.26	1.3E-04	3.9E-04
3644593	GBL	8.41	8.22	0.21	0.21	3.1E-06	2.3E-05
2428405	RHOC	10.17	9.98	0.37	0.40	1.0E-02	1.0E-02
3554728	LOC64731	8.84	8.65	0.20	0.22	2.2E-06	1.9E-05
3724989	CDK5RAP3	8.63	8.44	0.29	0.33	1.5E-04	4.3E-04
3314614	NKX6-2	7.46	7.27	0.26	0.25	3.0E-06	2.3E-05
3378320	ZDHHC24	8.00	7.81	0.24	0.26	3.0E-05	1.2E-04
2502952	MGC10993	7.33	7.14	0.30	0.34	3.3E-04	7.7E-04
3884191	SRC	8.47	8.28	0.26	0.30	1.7E-04	4.6E-04
3695699	ATP6V0D1	9.42	9.23	0.32	0.37	1.9E-03	2.8E-03
2491686	LOC51255	8.73	8.54	0.23	0.27	8.2E-05	2.7E-04
3832616	EIF3S12	10.64	10.45	0.27	0.26	6.3E-05	2.2E-04
2392584	TNFRSF14	9.20	9.01	0.39	0.36	2.0E-03	2.9E-03
2904000	HMGA1	8.28	8.09	0.21	0.25	3.8E-06	2.7E-05
3263743	DUSP5	10.02	9.84	0.41	0.41	9.1E-03	9.0E-03
3733911	SSTR2	7.08	6.89	0.44	0.30	4.2E-03	5.1E-03
3572869	C14orf4	7.98	7.79	0.22	0.19	4.3E-07	5.5E-06
3848408	PEX11G	6.66	6.47	0.33	0.29	1.6E-04	4.4E-04
3824497	BPY2IP1	8.35	8.17	0.23	0.19	1.5E-06	1.4E-05
3773980	C17orf70	7.73	7.54	0.19	0.23	4.4E-07	5.6E-06
3846982	TICAM1	7.65	7.47	0.23	0.20	5.9E-07	7.0E-06
3611684	LOC65086	8.20	8.01	0.42	0.32	2.2E-03	3.1E-03
3439013	NOC4L	7.53	7.34	0.19	0.20	3.7E-08	8.9E-07
3158767	RECQL4	7.53	7.35	0.18	0.20	5.0E-07	6.2E-06
3850234	RAVER1	8.47	8.29	0.20	0.20	1.2E-06	1.2E-05
2835576	SYNPO	7.10	6.92	0.38	0.30	2.5E-03	3.4E-03
3854877	JUND	9.09	8.91	0.29	0.28	4.7E-04	9.9E-04
3830530	TMEM147	8.47	8.28	0.26	0.24	5.5E-05	2.0E-04
2401994	RUNX3	10.03	9.85	0.25	0.26	1.5E-04	4.3E-04
2714729	LOC65131	6.82	6.63	0.22	0.22	2.8E-06	2.2E-05
3674146	LOC38834	8.63	8.44	0.34	0.28	9.8E-04	1.7E-03

AJHG, Volume 82

3580498	CDC42BPB	7.11	6.92	0.36	0.32	2.0E-03	2.9E-03
3743486	GABARAP	9.80	9.62	0.34	0.36	2.1E-03	3.0E-03
3820469	ICAM5	6.49	6.31	0.21	0.20	1.3E-06	1.2E-05
3839057	TBC1D17	8.35	8.17	0.19	0.22	3.3E-07	4.6E-06
3023565	NRF1	6.98	6.79	0.25	0.28	5.1E-05	1.9E-04
3011830	ENSESTT0	10.55	10.37	0.36	0.40	4.1E-03	4.9E-03
3190061	FPGS	8.66	8.48	0.24	0.32	7.2E-04	1.4E-03
3844855	C19orf22	9.04	8.86	0.21	0.28	5.6E-05	2.0E-04
3334749	PPP2R5B	7.43	7.24	0.26	0.22	1.3E-05	6.7E-05
3738205	MRPL12	8.81	8.62	0.27	0.32	5.3E-04	1.1E-03
2341083	GADD45A	8.50	8.32	0.36	0.28	4.8E-04	1.0E-03
3818395	ALKBH7	7.46	7.28	0.31	0.34	8.1E-04	1.5E-03
3739812	GEMIN4	8.09	7.91	0.26	0.27	8.2E-05	2.7E-04
3776279	EMILIN2	9.01	8.83	0.30	0.34	3.5E-04	7.9E-04
3816225	C19orf36	7.33	7.15	0.23	0.22	7.5E-07	8.3E-06
3741171	KIAA0664	8.77	8.59	0.23	0.22	7.0E-06	4.2E-05
3336351	LOC65278	7.70	7.51	0.25	0.22	1.0E-05	5.6E-05
2970985	TSPYL4	7.28	7.10	0.22	0.31	1.2E-04	3.6E-04
2946353	HIST1H1D	10.04	9.85	0.42	0.41	7.8E-03	8.0E-03
2589214	PRKRA	9.17	8.99	0.30	0.25	2.0E-04	5.4E-04
2947077	HIST1H3I	11.78	11.60	0.32	0.37	2.7E-03	3.6E-03
3632940	UBL7	8.84	8.66	0.41	0.37	7.3E-03	7.7E-03
3158812	MGC70857	7.07	6.89	0.17	0.15	1.6E-08	4.7E-07
3819543	LOC44125	8.59	8.41	0.42	0.35	6.8E-04	1.3E-03
3847873	SLC25A23	9.17	8.99	0.37	0.37	2.3E-03	3.2E-03
2535830	RNPEPL1	8.39	8.21	0.24	0.24	5.6E-05	2.0E-04
3320123	ADM	6.97	6.79	0.38	0.31	1.5E-03	2.3E-03
3865586	FBXO46	8.43	8.25	0.41	0.31	4.4E-03	5.2E-03
3945006	H1FO	7.47	7.29	0.34	0.27	1.0E-03	1.8E-03
2672016	FYCO1	6.61	6.43	0.21	0.18	1.7E-07	2.7E-06
3642707	ITFG3	8.69	8.51	0.21	0.24	1.4E-05	7.0E-05
2662473	PRRT3	6.83	6.65	0.41	0.32	5.6E-03	6.3E-03
3977886	SSX8	7.88	7.70	0.40	0.41	5.5E-03	6.2E-03

AJHG, Volume 82

3851020	SITPEC	7.58	7.40	0.23	0.21	4.7E-06	3.2E-05
3558071	RABGGTA	8.43	8.25	0.21	0.26	5.3E-05	1.9E-04
3819016	STXBP2	8.64	8.46	0.20	0.30	2.0E-04	5.2E-04
3990727	RAB33A	7.55	7.37	0.35	0.34	1.7E-03	2.6E-03
3770979	UNC13D	7.87	7.69	0.24	0.22	7.8E-06	4.6E-05
2992936	MGC27348	7.83	7.65	0.31	0.28	2.5E-04	6.1E-04
2757347	TMEM129	7.13	6.95	0.19	0.20	7.3E-07	8.2E-06
3685610	ARHGAP17	8.76	8.58	0.37	0.31	3.0E-03	4.0E-03
3854627	LOC65266	8.75	8.57	0.32	0.36	2.7E-03	3.6E-03
3400034	WNK1	9.76	9.58	0.32	0.30	1.0E-03	1.8E-03
3120051	CYC1	9.83	9.65	0.28	0.35	1.6E-03	2.5E-03
3894288	TCF15	7.87	7.69	0.30	0.27	4.1E-04	9.1E-04
3623717	FLJ10038	7.28	7.11	0.23	0.21	1.2E-06	1.2E-05
3944084	TOM1	7.29	7.11	0.38	0.27	1.2E-03	1.9E-03
2532626	UNQ830	7.51	7.33	0.31	0.24	2.3E-04	5.9E-04
3358174	IRF7	8.79	8.62	0.31	0.27	4.7E-04	1.0E-03
3227454	P518	8.17	7.99	0.24	0.31	3.7E-04	8.4E-04
3742708	C1QBP	10.82	10.64	0.24	0.27	1.1E-04	3.3E-04
2817291	JMY	6.80	6.63	0.38	0.44	8.6E-03	8.7E-03
2330075	EIF2C1	7.97	7.79	0.21	0.26	4.3E-05	1.6E-04
3334339	FKBP2	8.79	8.62	0.35	0.30	2.4E-03	3.3E-03
3956984	ZMAT5	6.67	6.50	0.30	0.32	1.1E-03	1.9E-03
3871576	FLJ14768	7.02	6.84	0.24	0.29	2.6E-04	6.4E-04
3337360	NDUFS8	7.95	7.77	0.28	0.33	1.2E-03	2.0E-03
3824395	PGLS	7.27	7.10	0.26	0.26	1.4E-04	4.0E-04
3823901	SIN3B	7.82	7.65	0.20	0.23	7.7E-06	4.5E-05
3230932	C9orf75	7.13	6.95	0.25	0.22	1.0E-04	3.2E-04
3476457	NCOR2	8.55	8.37	0.19	0.19	2.1E-07	3.1E-06
3850040	EIF3S4	9.76	9.59	0.22	0.23	8.1E-06	4.7E-05
3977083	CCDC22	7.72	7.55	0.20	0.24	5.3E-05	1.9E-04
3833443	PLD3	8.63	8.45	0.28	0.28	3.3E-04	7.7E-04
3896200	PCNA	10.46	10.28	0.28	0.30	5.2E-04	1.1E-03
3881282	HM13	8.74	8.56	0.29	0.27	1.8E-04	4.9E-04

AJHG, Volume 82

3531163	COCH	7.44	7.27	0.40	0.31	4.3E-03	5.1E-03
3819104	TRAPPC5	9.94	9.76	0.34	0.31	2.1E-03	3.0E-03
3607232	ISG20L1	7.50	7.33	0.25	0.26	3.4E-05	1.4E-04
3334277	NUDT22	7.90	7.72	0.31	0.30	1.8E-03	2.7E-03
2321466	KIAA1026	6.66	6.49	0.32	0.22	6.5E-05	2.2E-04
3696016	PSMB10	8.54	8.37	0.27	0.32	9.3E-04	1.6E-03
3655920	ALDOA	8.31	8.14	0.34	0.33	2.2E-03	3.1E-03
2669930	AXUD1	8.14	7.97	0.30	0.34	1.9E-03	2.7E-03
2857112	UNG2	6.64	6.47	0.24	0.29	1.0E-04	3.2E-04
3415937	C12orf10	8.41	8.24	0.28	0.30	9.8E-04	1.7E-03
2965653	GPR63	7.31	7.14	0.35	0.39	3.6E-03	4.5E-03
2450501	KIF21B	7.50	7.32	0.27	0.25	1.1E-04	3.3E-04
2916716	PNRC1	9.54	9.37	0.36	0.42	7.5E-03	7.8E-03
3715839	TRAF4	9.46	9.28	0.25	0.26	1.3E-04	3.7E-04
2460551	EGLN1	8.36	8.19	0.39	0.33	3.6E-03	4.5E-03
3855506	FLJ20422	7.63	7.45	0.28	0.32	1.6E-03	2.4E-03
3847959	TUBB4	7.14	6.97	0.37	0.33	3.7E-05	1.4E-04
3951732	CECR5	7.78	7.61	0.34	0.35	2.2E-03	3.1E-03
3644249	TBL3	8.49	8.31	0.25	0.31	7.3E-04	1.4E-03
3334325	VEGFB	8.98	8.80	0.26	0.34	5.0E-04	1.0E-03
3674886	C16orf35	8.53	8.35	0.27	0.31	5.2E-04	1.1E-03
3771120	FBF1	8.26	8.08	0.25	0.28	6.7E-04	1.3E-03
3795403	KCNG2	7.15	6.98	0.22	0.23	5.4E-05	1.9E-04
2903488	HSD17B8	7.67	7.50	0.28	0.33	3.4E-04	7.8E-04
3265140	ADRB1	7.21	7.04	0.28	0.22	5.2E-05	1.9E-04
3815399	CNN2	10.66	10.49	0.42	0.32	9.1E-03	9.0E-03
3329247	DGKZ	7.12	6.95	0.23	0.23	3.4E-05	1.4E-04
3887107	LOC65166	7.27	7.11	0.35	0.35	3.7E-03	4.6E-03
2881370	CD74	12.49	12.32	0.22	0.19	1.3E-05	6.8E-05
3454006	FMNL3	8.79	8.63	0.38	0.32	9.2E-03	9.1E-03
3375935	B3GAT3	7.92	7.75	0.26	0.33	1.1E-03	1.9E-03
3841474	LENG8	8.91	8.74	0.25	0.25	6.9E-05	2.4E-04
3643019	PIGQ	7.37	7.20	0.21	0.24	3.6E-05	1.4E-04

AJHG, Volume 82

2552051	KCNK12	7.40	7.23	0.31	0.27	1.1E-04	3.4E-04
3824540	FCHO1	7.58	7.42	0.22	0.27	6.1E-05	2.1E-04
3715460	PYY2	7.03	6.86	0.25	0.28	5.1E-04	1.1E-03
3357279	VPS26B	6.98	6.81	0.27	0.29	6.8E-05	2.3E-04
3273667	ADARB2	6.56	6.39	0.25	0.25	2.4E-05	1.1E-04
3975815	CHST7	7.09	6.92	0.25	0.28	2.4E-04	6.0E-04
3228463	RALGDS	7.75	7.59	0.26	0.32	6.1E-04	1.2E-03
3825586	RFXANK	8.26	8.10	0.22	0.20	1.0E-05	5.7E-05
3736204	LOC64259	6.97	6.81	0.35	0.27	1.4E-03	2.2E-03
3676649	DCI	7.98	7.81	0.27	0.30	6.9E-04	1.3E-03
2949885	NOTCH4	6.79	6.63	0.34	0.36	2.6E-03	3.4E-03
3696057	SLC12A4	7.83	7.66	0.22	0.24	1.6E-05	8.0E-05
2394626	ACOT7	7.43	7.27	0.15	0.16	2.8E-08	7.4E-07
3358361	PDDC1	8.05	7.89	0.22	0.23	1.1E-04	3.4E-04
3656665	MGC13024	8.28	8.11	0.37	0.29	1.7E-03	2.6E-03
3908631	PREX1	9.73	9.56	0.21	0.26	1.5E-04	4.2E-04
2713555	KIAA0226	9.03	8.87	0.26	0.20	1.2E-05	6.6E-05
3722770	C17orf53	7.22	7.06	0.20	0.18	7.8E-07	8.6E-06
3337168	GSTP1	11.67	11.51	0.33	0.35	2.1E-03	3.0E-03
3196842	RFX3	6.92	6.75	0.33	0.34	2.0E-03	2.9E-03
3056656	LOC64521	6.95	6.79	0.37	0.34	8.3E-03	8.4E-03
3644625	E4F1	7.23	7.07	0.21	0.23	4.0E-05	1.6E-04
2399718	AKR7A2	8.59	8.43	0.24	0.26	1.3E-04	3.8E-04
2745712	LOC44104	6.93	6.76	0.34	0.29	1.0E-03	1.8E-03
3644057	MAPK8IP3	7.71	7.54	0.19	0.20	4.6E-06	3.1E-05
3544905	C14orf11	8.03	7.87	0.35	0.31	6.4E-03	6.9E-03
3316149	EPS8L2	7.01	6.85	0.18	0.16	2.9E-08	7.6E-07
3842558	ZNF444	6.51	6.34	0.32	0.23	4.9E-04	1.0E-03
2401609	GALE	7.95	7.78	0.32	0.34	5.1E-03	5.9E-03
3873338	C20orf55	7.32	7.16	0.21	0.24	4.4E-05	1.7E-04
2673648	NCKIPSD	7.56	7.40	0.25	0.30	7.1E-04	1.3E-03
3850166	LOC64610	8.04	7.88	0.32	0.35	2.0E-03	2.9E-03
3854000	SLC35E1	9.13	8.96	0.24	0.23	1.5E-04	4.3E-04

AJHG, Volume 82

3846538	EEF2	12.14	11.97	0.23	0.29	4.1E-04	9.0E-04
3334783	SNX15	8.17	8.00	0.27	0.24	3.1E-05	1.3E-04
3865223	TRAPPC6A	8.05	7.89	0.34	0.40	5.1E-03	5.8E-03
3317145	MRPL23	8.12	7.96	0.31	0.36	3.1E-03	4.0E-03
3157138	LYPD2	6.71	6.54	0.23	0.22	8.9E-05	2.8E-04
3825446	DDX49	7.79	7.63	0.26	0.28	8.2E-04	1.5E-03
3844978	KIAA0963	7.91	7.75	0.22	0.27	3.1E-04	7.2E-04
3434142	PRKAB1	8.63	8.46	0.34	0.29	3.5E-03	4.3E-03
2641479	GP9	6.82	6.66	0.32	0.33	1.8E-03	2.7E-03
3939707	CABIN1	8.20	8.04	0.16	0.22	5.6E-06	3.6E-05
3833620	LTBP4	7.31	7.15	0.17	0.17	4.0E-08	9.1E-07
3676134	SPSB3	7.44	7.28	0.21	0.21	5.3E-06	3.5E-05
3194810	MAMDC4	7.73	7.57	0.26	0.23	1.6E-04	4.5E-04
3815809	NDUFS7	7.91	7.75	0.30	0.28	1.6E-03	2.5E-03
4012154	RPS4X	6.84	6.68	0.35	0.38	8.4E-03	8.5E-03
3850261	ICAM3	10.37	10.21	0.29	0.29	1.9E-03	2.7E-03
3337390	TCIRG1	9.53	9.37	0.29	0.31	3.9E-03	4.8E-03
2788287	LOC64659	7.53	7.37	0.31	0.30	4.2E-04	9.2E-04
3863547	ERF	7.47	7.31	0.32	0.28	8.8E-04	1.6E-03
3688424	C16orf58	7.99	7.82	0.20	0.23	5.0E-05	1.9E-04
3470831	MMAB	7.94	7.77	0.23	0.27	8.0E-05	2.6E-04
3822805	GPSN2	7.90	7.74	0.30	0.39	3.3E-03	4.2E-03
4045676	S100A13	7.07	6.91	0.36	0.33	9.9E-03	9.6E-03
3698256	ATBF1	6.96	6.80	0.35	0.28	4.0E-03	4.8E-03
3965697	HDAC10	7.65	7.49	0.16	0.18	1.2E-06	1.2E-05
3848871	CD320	8.30	8.14	0.21	0.19	5.3E-06	3.4E-05
3743734	C17orf61	7.70	7.54	0.36	0.36	9.2E-03	9.1E-03
3023350	SMO	6.83	6.67	0.31	0.21	4.3E-04	9.3E-04
3816778	GNA11	6.63	6.47	0.26	0.27	4.5E-04	9.6E-04
2848464	DAP	8.85	8.69	0.28	0.30	1.5E-03	2.4E-03
3675205	MGC13114	7.85	7.69	0.24	0.25	3.9E-04	8.7E-04
3304355	CUEDC2	8.50	8.34	0.33	0.34	6.8E-03	7.3E-03
3815610	ATP5D	9.38	9.22	0.30	0.31	2.5E-03	3.4E-03

AJHG, Volume 82

3803120	B4GALT6	8.14	7.98	0.35	0.29	3.2E-03	4.1E-03
3814978	CDC34	7.35	7.19	0.25	0.27	5.5E-04	1.1E-03
2326018	LDLRAP1	7.36	7.20	0.23	0.31	7.3E-04	1.4E-03
3743906	TP53	9.79	9.63	0.26	0.25	4.2E-04	9.2E-04
3861738	SARS2	7.76	7.60	0.31	0.29	2.1E-03	3.0E-03
3764471	MTMR4	9.61	9.45	0.24	0.22	6.3E-05	2.2E-04
3743701	C17orf61	7.81	7.65	0.21	0.21	5.2E-05	1.9E-04
3302360	MMS19L	8.67	8.51	0.23	0.28	5.3E-04	1.1E-03
3744150	PER1	7.27	7.11	0.28	0.34	2.7E-03	3.6E-03
2902463	BAT2	9.42	9.26	0.21	0.18	7.9E-06	4.6E-05
3706255	RUTBC1	7.60	7.44	0.20	0.19	2.3E-05	1.0E-04
3572209	PGF	6.99	6.83	0.34	0.26	9.6E-04	1.7E-03
3865776	IRF2BP1	7.49	7.33	0.27	0.27	1.2E-03	2.0E-03
4027370	SLC10A3	7.90	7.74	0.22	0.23	5.9E-04	1.2E-03
3158516	CPSF1	8.80	8.64	0.20	0.18	1.3E-05	6.7E-05
2573641	LOC44090	9.01	8.85	0.29	0.37	5.1E-03	5.8E-03
2558595	FLJ14668	7.45	7.30	0.27	0.30	1.5E-04	4.3E-04
3863323	RABAC1	8.54	8.38	0.36	0.32	5.6E-03	6.3E-03
2695648	ACAD11	7.12	6.96	0.40	0.39	9.8E-03	9.5E-03
3602767	PSTPIP1	6.77	6.61	0.28	0.30	7.9E-04	1.5E-03
3814956	C19orf20	6.53	6.37	0.30	0.29	1.1E-03	1.9E-03
2437577	YY1AP1	9.24	9.09	0.23	0.23	7.3E-05	2.5E-04
3708306	ACADVL	9.68	9.52	0.25	0.26	5.3E-04	1.1E-03
3829687	GPI	11.30	11.14	0.23	0.31	1.6E-03	2.4E-03
2820884	GPR150	7.35	7.19	0.26	0.23	2.2E-04	5.7E-04
3865679	DMPK	7.55	7.39	0.21	0.19	8.0E-06	4.6E-05
3824316	LOC93343	7.88	7.72	0.27	0.25	5.2E-04	1.1E-03
3845620	BTBD2	8.87	8.72	0.26	0.30	3.8E-03	4.7E-03
2315894	LOC64396	8.74	8.58	0.27	0.28	3.2E-04	7.5E-04
3815566	STK11	8.23	8.07	0.28	0.33	4.0E-03	4.9E-03
3204744	TLN1	9.92	9.76	0.24	0.29	2.9E-03	3.8E-03
3023246	IRF5	9.35	9.19	0.31	0.33	3.0E-03	3.9E-03
3403299	PEX5	7.39	7.23	0.29	0.29	8.8E-04	1.6E-03

AJHG, Volume 82

3302240	KIAA0690	7.58	7.42	0.26	0.22	4.6E-05	1.7E-04
3322717	GTF2H1	7.52	7.37	0.31	0.30	2.1E-03	3.0E-03
2404521	PEF1	8.89	8.74	0.28	0.30	2.7E-03	3.6E-03
3977646	GSPT2	7.48	7.32	0.29	0.26	1.1E-03	1.9E-03
3866106	GNG8	6.61	6.45	0.29	0.23	2.5E-03	3.4E-03
3832760	NFKBIB	8.60	8.45	0.20	0.19	5.4E-06	3.5E-05
3815416	ABCA7	7.50	7.34	0.16	0.18	1.1E-06	1.1E-05
3075136	CREB3L2	9.41	9.26	0.35	0.36	2.3E-03	3.2E-03
3716151	ANKRD13B	6.91	6.75	0.23	0.19	2.8E-04	6.7E-04
2391172	TNFRSF4	7.37	7.22	0.23	0.21	1.3E-05	6.9E-05
3304215	LDB1	8.79	8.64	0.24	0.22	8.5E-05	2.7E-04
2673937	QARS	9.93	9.78	0.27	0.26	1.3E-03	2.1E-03
3842315	LOC65376	7.55	7.40	0.22	0.22	7.3E-05	2.5E-04
3825225	FLJ20850	7.70	7.54	0.19	0.22	3.7E-05	1.5E-04
2829416	SEC24A	8.81	8.66	0.40	0.41	8.9E-03	8.9E-03
3157460	ZC3H3	7.84	7.69	0.18	0.22	1.7E-05	8.4E-05
3200689	RPS6	7.53	7.37	0.31	0.29	2.2E-03	3.1E-03
3851826	DNASE2	8.22	8.07	0.34	0.30	3.4E-03	4.3E-03
3580832	XRCC3	7.08	6.92	0.26	0.25	1.2E-03	1.9E-03
2619120	TRAK1	7.96	7.81	0.31	0.30	2.3E-03	3.2E-03
3815493	HMHA1	8.76	8.61	0.21	0.26	5.1E-04	1.1E-03
2576281	LOC13007	9.40	9.24	0.17	0.15	9.1E-07	9.7E-06
3553803	C14orf17	7.08	6.93	0.20	0.20	3.4E-05	1.4E-04
2459487	TRIM11	7.57	7.42	0.19	0.21	1.5E-05	7.4E-05
2489258	ZNHIT4	7.59	7.43	0.26	0.21	2.1E-04	5.6E-04
3221988	DFNB31	6.49	6.33	0.22	0.19	5.3E-06	3.4E-05
3846742	SH3GL1	8.42	8.26	0.25	0.25	4.5E-04	9.6E-04
3835726	BCL3	7.56	7.41	0.28	0.22	9.2E-04	1.6E-03
2948587	FLOT1	9.08	8.93	0.23	0.27	4.5E-04	9.7E-04
2518155	UBE2E3	7.55	7.40	0.29	0.28	2.1E-03	3.0E-03
3944826	SH3BP1	8.00	7.85	0.30	0.24	1.9E-03	2.7E-03
2756782	DGKQ	7.00	6.84	0.21	0.17	7.6E-05	2.5E-04
2829463	CAMLG	8.69	8.54	0.28	0.33	1.3E-03	2.1E-03

AJHG, Volume 82

3035795	C7orf27	7.79	7.64	0.20	0.23	6.9E-05	2.4E-04
3874198	OXT	6.76	6.61	0.24	0.24	4.0E-05	1.6E-04
3120021	GPAA1	8.13	7.98	0.29	0.30	3.3E-03	4.2E-03
2950329	HLA-DPA1	12.60	12.45	0.30	0.29	1.9E-03	2.7E-03
3643114	C16orf14	7.18	7.03	0.19	0.21	9.4E-06	5.3E-05
3824226	GTPBP3	6.83	6.68	0.19	0.16	1.8E-06	1.6E-05
3920385	LOC28649	8.40	8.25	0.29	0.30	5.0E-03	5.7E-03
3836156	MARK4	7.12	6.97	0.21	0.23	8.3E-05	2.7E-04
2842194	CPLX2	6.47	6.31	0.24	0.27	2.7E-04	6.6E-04
2987632	TTYH3	8.18	8.03	0.34	0.33	8.2E-03	8.3E-03
3320251	ENST0000	6.67	6.52	0.36	0.34	4.6E-03	5.4E-03
3351895	TMEM24	6.74	6.59	0.26	0.27	9.6E-04	1.7E-03
2960903	LOC44059	8.15	8.00	0.33	0.33	7.1E-03	7.5E-03
3438847	LOC64203	7.59	7.44	0.24	0.20	6.3E-05	2.2E-04
3193900	MRPS2	8.68	8.53	0.25	0.26	9.0E-04	1.6E-03
3048749	DDX56	8.65	8.50	0.33	0.34	4.7E-03	5.5E-03
3261723	C10orf77	6.93	6.79	0.24	0.26	4.3E-04	9.3E-04
3735752	SEC14L1	8.17	8.02	0.30	0.29	4.0E-03	4.8E-03
3678147	NMRAL1	8.27	8.12	0.22	0.27	1.7E-04	4.6E-04
3965751	MAPK12	7.75	7.60	0.29	0.30	6.9E-03	7.4E-03
3335029	POLA2	8.76	8.61	0.29	0.33	4.4E-03	5.2E-03
3758291	VAT1	7.36	7.21	0.31	0.23	1.8E-03	2.7E-03
3838886	AP2A1	8.76	8.61	0.23	0.21	6.7E-04	1.3E-03
3773742	MGC15523	8.65	8.50	0.27	0.36	5.2E-03	5.9E-03
2641032	SEC61A1	10.20	10.05	0.32	0.28	3.0E-03	3.9E-03
3064638	RABL5	7.31	7.16	0.25	0.25	4.9E-04	1.0E-03
3730322	MRC2	6.50	6.35	0.33	0.30	2.1E-03	3.0E-03
3158642	NFKBIL2	7.39	7.24	0.18	0.18	1.2E-05	6.3E-05
3617403	LOC65100	9.19	9.04	0.31	0.31	5.8E-03	6.4E-03
2334374	AKR1A1	6.82	6.68	0.30	0.31	5.4E-03	6.1E-03
3453513	WNT10B	6.57	6.43	0.30	0.31	4.9E-04	1.0E-03
3157563	NAPRT1	6.75	6.60	0.24	0.30	2.2E-03	3.1E-03
3602634	ISL2	6.83	6.68	0.29	0.24	6.6E-04	1.3E-03

AJHG, Volume 82

3226181	ST6GALNA	8.44	8.29	0.26	0.21	3.5E-04	7.9E-04
3075531	MGC14289	8.06	7.91	0.32	0.31	8.6E-04	1.5E-03
3301218	PDLIM1	10.56	10.42	0.30	0.35	7.7E-03	7.9E-03
3950602	PANX2	6.75	6.60	0.21	0.20	1.8E-05	8.7E-05
3847356	PRSS15	8.52	8.37	0.25	0.24	2.7E-04	6.6E-04
3867538	GYS1	8.62	8.47	0.22	0.29	2.5E-03	3.4E-03
3375192	VWCE	6.95	6.81	0.33	0.27	1.7E-03	2.6E-03
2340315	AK3L1	6.88	6.73	0.27	0.30	1.4E-03	2.2E-03
3844238	TRIM28	10.61	10.46	0.24	0.23	6.8E-04	1.3E-03
3638590	MESP1	6.95	6.81	0.25	0.26	4.1E-04	9.0E-04
3373845	SLC43A3	10.19	10.04	0.29	0.29	2.0E-03	2.9E-03
2568687	FHL2	6.41	6.26	0.34	0.30	2.5E-03	3.4E-03
3713794	EPN2	7.16	7.01	0.23	0.24	2.0E-04	5.4E-04
2335172	FOXD2	6.63	6.48	0.23	0.21	5.6E-05	2.0E-04
3031345	LRRC61	7.73	7.59	0.33	0.34	8.2E-03	8.3E-03
3335338	FAM89B	7.62	7.47	0.31	0.28	4.0E-03	4.9E-03
3329018	SLC35C1	7.91	7.77	0.29	0.26	7.6E-03	7.8E-03
3168066	CA9	6.65	6.51	0.21	0.22	3.4E-05	1.4E-04
2845829	TERT	6.57	6.42	0.22	0.15	2.9E-06	2.2E-05
2675836	ABHD14B	7.61	7.46	0.33	0.37	9.3E-03	9.2E-03
2397847	ZBTB17	7.51	7.37	0.18	0.21	2.7E-05	1.2E-04
2408062	BMP8B	8.38	8.23	0.21	0.22	9.9E-05	3.1E-04
2396121	DFFA	8.11	7.96	0.32	0.31	5.2E-03	5.9E-03
3015740	GNB2	8.86	8.71	0.25	0.26	1.4E-03	2.2E-03
3815268	KISS1R	6.51	6.37	0.26	0.26	7.4E-05	2.5E-04
3194613	TMEM141	6.90	6.75	0.29	0.30	2.7E-03	3.6E-03
2390489	ZNF672	8.18	8.04	0.22	0.22	3.2E-05	1.3E-04
3816112	SCAMP4	8.38	8.24	0.22	0.33	2.9E-03	3.8E-03
3930360	RUNX1	7.42	7.27	0.39	0.32	8.4E-03	8.5E-03
3589947	BAHD1	7.52	7.37	0.24	0.21	3.4E-04	7.8E-04
2567242	LOC64387	7.69	7.55	0.26	0.29	2.3E-03	3.2E-03
2407496	POU3F1	7.66	7.52	0.28	0.29	2.7E-03	3.6E-03
4021341	ZDHHC9	7.37	7.23	0.23	0.24	5.2E-04	1.1E-03

AJHG, Volume 82

2489411	HTRA2	8.47	8.33	0.31	0.27	4.4E-03	5.2E-03
3646277	MGRN1	8.74	8.60	0.19	0.16	9.9E-06	5.5E-05
3656318	PRR14	8.53	8.39	0.16	0.17	4.1E-07	5.4E-06
2466039	ZNF692	8.08	7.93	0.30	0.32	4.2E-03	5.1E-03
3378830	CORO1B	7.66	7.51	0.31	0.26	1.3E-03	2.0E-03
3957260	SF3A1	9.54	9.40	0.18	0.20	7.7E-06	4.5E-05
3000010	DKFZp761	8.93	8.78	0.19	0.21	3.9E-05	1.5E-04
4007186	LOC64346	8.14	8.00	0.30	0.26	6.4E-03	6.9E-03
3612166	FLJ00038	7.88	7.74	0.28	0.32	1.1E-03	1.8E-03
3610611	ARRDC4	6.88	6.73	0.29	0.30	7.9E-04	1.5E-03
3770588	NT5C	7.56	7.42	0.31	0.35	7.9E-03	8.1E-03
2798538	SDHAL1	10.76	10.62	0.24	0.33	4.2E-03	5.0E-03
3459604	LOC64508	6.84	6.70	0.22	0.23	3.4E-04	7.8E-04
2528674	MGC99813	6.55	6.41	0.19	0.22	1.6E-04	4.5E-04
4042392		7.28	7.14	0.17	0.20	5.5E-05	2.0E-04
3015769	POP7	8.18	8.04	0.28	0.31	8.3E-03	8.4E-03
2318170	C1orf188	6.96	6.82	0.21	0.23	9.5E-05	3.0E-04
3685306	NDUFAB1	8.54	8.40	0.28	0.29	5.9E-03	6.5E-03
2840789	FGF18	7.04	6.90	0.24	0.24	6.1E-04	1.2E-03
2437801	ARHGEF2	8.74	8.60	0.24	0.23	2.9E-04	7.0E-04
2921022	GPR6	6.86	6.72	0.29	0.29	3.8E-03	4.7E-03
3118451	LOC64610	8.50	8.36	0.23	0.25	4.7E-04	1.0E-03
3841901	NALP2	6.76	6.62	0.33	0.33	6.5E-03	7.0E-03
3734479	TMEM104	6.99	6.84	0.21	0.20	3.2E-05	1.3E-04
3334415	GPR137	8.02	7.88	0.21	0.20	7.4E-05	2.5E-04
3390860	POU2AF1	9.41	9.27	0.28	0.27	3.0E-03	3.9E-03
3819505	RAB11B	9.52	9.38	0.22	0.26	1.1E-03	1.8E-03
3770923	GALK1	7.42	7.28	0.20	0.19	8.3E-05	2.7E-04
3946380	RUTBC3	7.87	7.73	0.21	0.26	8.6E-04	1.5E-03
3332838	DAK	8.48	8.34	0.22	0.25	1.3E-03	2.1E-03
2655168	YEATS2	8.30	8.16	0.30	0.33	8.3E-03	8.4E-03
3554282	C14orf15	7.34	7.20	0.24	0.29	1.8E-03	2.6E-03
3996339	TAZ	8.15	8.01	0.27	0.29	4.1E-03	5.0E-03

AJHG, Volume 82

3381317	STARD10	7.00	6.86	0.33	0.30	8.8E-03	8.8E-03
3676356	ZNF598	7.75	7.61	0.18	0.19	2.4E-06	2.0E-05
3704980	FANCA	7.81	7.67	0.24	0.27	1.4E-03	2.3E-03
3003228	SUMF2	9.45	9.31	0.25	0.32	6.7E-03	7.1E-03
3656362	FBS1	8.30	8.17	0.26	0.21	1.1E-03	1.8E-03
2621949	C3orf60	7.64	7.50	0.25	0.25	6.1E-04	1.2E-03
3863021	TGFB1	9.45	9.31	0.26	0.27	1.9E-03	2.8E-03
3675858	C16orf28	7.07	6.93	0.19	0.17	2.3E-05	1.0E-04
2611546	FBLN2	8.26	8.12	0.25	0.25	7.5E-04	1.4E-03
2327391	SESN2	8.52	8.38	0.29	0.31	8.1E-03	8.3E-03
3150060	EXT1	6.81	6.67	0.28	0.29	3.5E-03	4.4E-03
3851603	DHPS	8.23	8.09	0.30	0.32	7.4E-03	7.8E-03
3851651	TNPO2	8.66	8.53	0.18	0.20	3.3E-05	1.4E-04
2621451	DHX30	8.23	8.10	0.18	0.28	6.8E-04	1.3E-03
3642604	MPG	7.76	7.62	0.21	0.20	1.2E-04	3.6E-04
2757540	WHSC2	7.83	7.69	0.19	0.21	8.6E-05	2.8E-04
2846522	IRX2	6.71	6.57	0.32	0.33	6.5E-03	7.0E-03
3158114	SHARPIN	8.45	8.31	0.21	0.19	1.4E-04	4.1E-04
3880175	NXT1	7.10	6.96	0.31	0.26	2.8E-03	3.7E-03
3430926	UNG	7.89	7.76	0.28	0.24	2.8E-03	3.7E-03
3819312	SNAPC2	8.08	7.94	0.22	0.25	1.2E-03	2.0E-03
3818897	NTE	8.14	8.01	0.24	0.28	5.1E-03	5.8E-03
3758928	C17orf65	7.09	6.95	0.27	0.29	2.1E-03	3.0E-03
3035281	INTS1	8.12	7.98	0.19	0.21	2.4E-04	6.0E-04
3841310	TSEN34	6.89	6.75	0.21	0.22	2.1E-04	5.4E-04
3883971	C20orf24	7.68	7.55	0.30	0.23	1.0E-03	1.8E-03
2907730	SRF	8.92	8.79	0.21	0.22	1.5E-04	4.3E-04
3779612	C18orf43	6.38	6.24	0.20	0.21	4.6E-05	1.7E-04
3655877	CCDC95	7.67	7.54	0.21	0.21	9.0E-05	2.8E-04
3031754	ABCB8	7.36	7.23	0.17	0.21	1.1E-04	3.4E-04
3401217	TULP3	6.91	6.77	0.31	0.30	5.4E-03	6.1E-03
3642946	LOC65365	7.72	7.59	0.18	0.18	5.8E-05	2.0E-04
2982028	RSHL2	6.47	6.33	0.19	0.18	1.3E-06	1.3E-05

AJHG, Volume 82

3864445	IRGQ	8.26	8.13	0.23	0.24	7.6E-04	1.4E-03
2863451	ZBED3	7.52	7.38	0.19	0.20	1.8E-04	4.9E-04
3743440	DVL2	7.91	7.77	0.18	0.18	3.3E-05	1.4E-04
4009315	HUWE1	10.16	10.02	0.22	0.21	3.2E-04	7.4E-04
3707095	ARRB2	8.28	8.14	0.29	0.24	4.2E-03	5.0E-03
3376779	TRPT1	8.25	8.12	0.26	0.22	9.9E-04	1.7E-03
3665230	HSF4	6.89	6.75	0.17	0.17	3.9E-05	1.5E-04
3846316	PIP5K1C	7.89	7.76	0.29	0.25	4.0E-03	4.9E-03
3761989	FAM117A	7.91	7.77	0.22	0.23	9.7E-04	1.7E-03
4053462	KLHL17	6.78	6.64	0.17	0.17	2.6E-06	2.0E-05
2326912	WDTC1	7.96	7.82	0.26	0.22	6.6E-04	1.3E-03
3642875	RAB11FIP	7.34	7.20	0.17	0.17	4.0E-05	1.5E-04
3339880	TNFRSF19	7.68	7.54	0.22	0.27	1.5E-03	2.3E-03
2672712	SCAP	8.16	8.02	0.20	0.18	1.2E-04	3.4E-04
3719231	MRM1	7.02	6.88	0.22	0.25	2.3E-03	3.2E-03
3965833	SBF1	8.35	8.21	0.20	0.25	1.9E-03	2.8E-03
2540007	CYS1	7.75	7.62	0.28	0.23	2.2E-03	3.1E-03
3379031	NUDT8	7.71	7.57	0.28	0.23	2.2E-04	5.7E-04
3904333	SCAND1	7.00	6.86	0.25	0.25	1.9E-03	2.7E-03
3334257	URP2	10.18	10.04	0.22	0.24	2.3E-03	3.2E-03
2315739	PUSL1	7.20	7.07	0.28	0.28	4.2E-03	5.1E-03
3642687	HBQ1	7.53	7.40	0.26	0.25	6.0E-04	1.2E-03
3648247	MGC24665	8.51	8.37	0.20	0.24	1.4E-04	3.9E-04
3839499	ACPT	6.74	6.61	0.30	0.24	1.2E-03	2.0E-03
3647421	ABAT	7.42	7.29	0.30	0.33	5.5E-03	6.2E-03
3937252	ZDHHC8	7.42	7.28	0.17	0.14	5.9E-06	3.8E-05
3978999	UBQLN2	8.72	8.59	0.19	0.20	2.3E-04	5.9E-04
2607055	PASK	7.83	7.70	0.22	0.31	6.0E-03	6.6E-03
3944873	PDXP	7.86	7.73	0.18	0.21	3.0E-04	7.2E-04
3226369	CIZ1	8.47	8.33	0.17	0.20	5.2E-05	1.9E-04
3380142	FGF4	7.78	7.64	0.20	0.21	2.0E-05	9.0E-05
3861272	PPP1R14A	6.72	6.59	0.26	0.23	2.5E-03	3.4E-03
3816153	CSNK1G2	9.30	9.17	0.21	0.21	5.4E-04	1.1E-03

AJHG, Volume 82

3378895	PITPNM1	7.93	7.80	0.27	0.22	6.3E-03	6.8E-03
3656635	FBXL19	7.73	7.60	0.17	0.15	4.5E-06	3.1E-05
3945014	GCAT	7.02	6.88	0.29	0.23	1.4E-03	2.2E-03
3883819	DLGAP4	7.87	7.74	0.24	0.22	1.3E-03	2.0E-03
3743501	C9orf38	8.06	7.93	0.24	0.22	5.1E-04	1.1E-03
3824713	ARRDC2	7.22	7.09	0.25	0.26	1.4E-03	2.2E-03
3847814	KHSRP	8.28	8.15	0.19	0.21	1.6E-04	4.4E-04
3239760	APBB1IP	8.49	8.36	0.30	0.30	5.7E-03	6.4E-03
3847703	MLLT1	8.13	8.00	0.21	0.16	2.3E-04	5.8E-04
3844744	PRSSL1	6.64	6.51	0.27	0.23	5.3E-04	1.1E-03
3847420	DUS3L	7.64	7.51	0.23	0.21	5.1E-04	1.1E-03
3601840	CSK	9.72	9.59	0.25	0.22	2.0E-03	2.9E-03
3230894	RP11-350	6.86	6.73	0.26	0.26	5.5E-03	6.2E-03
3377474	SYVN1	9.02	8.89	0.33	0.27	6.5E-03	7.0E-03
2673873	IMPDH2	9.97	9.83	0.29	0.31	8.7E-03	8.7E-03
3953033	HTF9C	8.01	7.88	0.20	0.22	4.0E-04	8.9E-04
2324616	HSPC157	7.09	6.96	0.24	0.29	8.6E-03	8.7E-03
2359646	LOR	7.12	6.99	0.27	0.29	2.7E-04	6.6E-04
3844781	PRG2	6.96	6.83	0.20	0.20	5.8E-05	2.0E-04
3918429	OLIG1	6.89	6.76	0.23	0.25	4.5E-04	9.6E-04
3158011	PARP10	8.25	8.12	0.20	0.23	1.2E-03	2.0E-03
3886532	PKIG	7.97	7.84	0.23	0.26	1.2E-03	2.0E-03
3676421	LOC33904	7.35	7.22	0.17	0.16	3.7E-05	1.4E-04
3817733	JMJD2B	7.93	7.80	0.18	0.22	2.7E-04	6.5E-04
3358393	PDDC1	6.98	6.85	0.25	0.23	1.4E-03	2.2E-03
3377456	ZNHIT2	6.97	6.84	0.22	0.18	1.5E-04	4.3E-04
3463056	CSRP2	6.91	6.78	0.30	0.34	6.7E-03	7.1E-03
2621122	NBEAL2	8.87	8.74	0.24	0.28	3.8E-03	4.7E-03
2330843	MANEAL	6.87	6.74	0.22	0.20	8.9E-05	2.8E-04
3861658	FLJ45909	7.42	7.29	0.29	0.31	9.2E-03	9.1E-03
3850817	RAB3D	7.41	7.28	0.25	0.29	7.2E-03	7.6E-03
3675285	WDR24	7.20	7.07	0.22	0.25	1.8E-03	2.7E-03
3873185	C20orf18	8.96	8.83	0.25	0.24	3.3E-03	4.2E-03

AJHG, Volume 82

3378957	CABP2	6.87	6.74	0.23	0.28	3.8E-03	4.7E-03
3713874	MAPK7	6.96	6.83	0.21	0.22	9.4E-05	2.9E-04
3962000	PMM1	7.63	7.50	0.22	0.25	3.1E-03	4.1E-03
3846667	SIRT6	7.22	7.10	0.23	0.23	1.4E-03	2.2E-03
3825496	ARMC6	8.36	8.23	0.23	0.30	6.6E-03	7.1E-03
3192954	ADAMTS13	6.66	6.53	0.31	0.30	6.0E-03	6.6E-03
3953524	SCARF2	6.47	6.34	0.20	0.21	1.4E-04	3.9E-04
2770427	C4orf14	7.73	7.61	0.25	0.28	4.4E-03	5.2E-03
3432641	C12orf52	7.55	7.42	0.23	0.28	4.6E-03	5.4E-03
3016380	CUTL1	7.49	7.36	0.26	0.26	3.0E-03	3.9E-03
3866135	PRKD2	8.68	8.55	0.23	0.23	1.7E-03	2.6E-03
3378210	BRMS1	7.42	7.29	0.21	0.25	8.4E-04	1.5E-03
3912718	TAF4	7.74	7.62	0.16	0.17	7.0E-06	4.3E-05
4049862	EIF4EBP1	7.96	7.83	0.27	0.23	1.2E-03	2.0E-03
3883941	TGIF2	8.62	8.49	0.25	0.32	9.5E-03	9.3E-03
3358262	LOC65259	7.57	7.45	0.21	0.22	1.3E-03	2.0E-03
3417988	NXPH4	6.48	6.35	0.21	0.23	1.1E-04	3.4E-04
2662397	RPUSD3	8.33	8.20	0.22	0.25	1.8E-03	2.6E-03
3335952	PACS1	9.05	8.93	0.23	0.21	8.9E-04	1.6E-03
3358950	CTSD	9.04	8.91	0.24	0.28	4.4E-03	5.2E-03
3820865	CARM1	9.42	9.29	0.26	0.22	3.6E-03	4.4E-03
3190151	SLC25A25	7.13	7.01	0.28	0.30	7.5E-03	7.8E-03
3707214	PLD2	6.91	6.79	0.22	0.23	1.5E-03	2.3E-03
3643143	KIAA1924	7.39	7.27	0.16	0.17	4.5E-05	1.7E-04
3818076	RPL36	7.87	7.75	0.22	0.24	1.1E-03	1.8E-03
3818860	MCOLN1	7.36	7.23	0.18	0.26	1.7E-03	2.6E-03
3649890	ABCC1	9.03	8.90	0.21	0.23	1.2E-03	2.0E-03
3057650	YWHAG	8.70	8.57	0.21	0.19	4.5E-04	9.7E-04
3359121	C11orf43	6.53	6.41	0.26	0.32	9.8E-03	9.5E-03
3950726	LOC65287	8.21	8.08	0.19	0.22	9.3E-04	1.6E-03
2447066	GLUL	6.64	6.51	0.36	0.27	9.9E-03	9.5E-03
3965784	MAPK11	6.55	6.42	0.19	0.17	1.6E-04	4.4E-04
2724377	WDR5	7.15	7.03	0.29	0.22	2.4E-03	3.3E-03

AJHG, Volume 82

3954294	PPM1F	7.25	7.12	0.16	0.17	3.3E-06	2.4E-05
3224650	DENND1A	8.37	8.24	0.28	0.26	4.3E-03	5.2E-03
2723752	TBC1D1	8.53	8.41	0.32	0.29	8.8E-03	8.8E-03
3454092	KIAA1602	6.90	6.78	0.25	0.19	1.2E-03	2.0E-03
3866117	MGC15476	7.33	7.20	0.27	0.25	2.4E-03	3.3E-03
3192117	KIAA0515	9.30	9.18	0.19	0.23	5.1E-04	1.1E-03
3708508	KCTD11	7.01	6.89	0.23	0.27	1.1E-03	1.8E-03
2326640	ARID1A	8.67	8.54	0.22	0.19	4.9E-04	1.0E-03
2891052	SNORD96A	12.62	12.49	0.19	0.22	3.7E-04	8.3E-04
2675088	IFRD2	7.94	7.82	0.23	0.21	2.2E-03	3.1E-03
3303478	SEC31L2	6.69	6.57	0.24	0.19	7.1E-04	1.3E-03
3233182	NET1	7.56	7.43	0.20	0.21	1.1E-04	3.4E-04
2318157	FLJ46380	6.50	6.38	0.20	0.21	1.6E-04	4.4E-04
2655438	DVL3	8.41	8.29	0.15	0.13	3.5E-06	2.6E-05
3157751	SCRIB	7.67	7.54	0.15	0.16	1.3E-05	6.8E-05
3719210	MRM1	6.93	6.81	0.29	0.27	9.9E-03	9.6E-03
3923608	AIRE	7.13	7.01	0.32	0.33	4.1E-03	5.0E-03
2400793	HSPG2	6.56	6.43	0.16	0.13	2.4E-06	1.9E-05
2467691	TTC15	7.51	7.39	0.23	0.23	6.8E-04	1.3E-03
2700828	SIAH2	8.19	8.07	0.23	0.24	3.7E-04	8.3E-04
3946762	ZC3H7B	8.15	8.03	0.20	0.18	1.6E-04	4.4E-04
3316311	EFCAB4A	7.10	6.97	0.22	0.19	6.6E-04	1.3E-03
2408244	COL9A2	7.05	6.93	0.20	0.20	3.1E-04	7.4E-04
2391302	CENTB5	7.61	7.49	0.13	0.15	1.1E-06	1.1E-05
3737242	SLC26A11	6.68	6.56	0.16	0.16	1.2E-05	6.3E-05
3592109	LOC65235	8.38	8.25	0.24	0.25	8.0E-04	1.5E-03
2438207	MEF2D	8.75	8.63	0.25	0.24	5.4E-03	6.1E-03
2409507	SLC6A9	7.21	7.09	0.22	0.23	9.8E-04	1.7E-03
3950832	ADM2	7.03	6.90	0.22	0.20	1.3E-03	2.1E-03
3997946	LOC64452	8.55	8.43	0.24	0.21	4.9E-03	5.7E-03
3888850	BCAS4	8.18	8.05	0.27	0.29	6.0E-03	6.6E-03
2835213	PPARGC1B	7.60	7.48	0.17	0.17	4.2E-05	1.6E-04
2565099	ASTL	6.45	6.32	0.23	0.27	1.2E-03	1.9E-03

AJHG, Volume 82

3845210	C19orf25	7.33	7.21	0.30	0.31	8.0E-03	8.2E-03
3853942	CHERP	8.58	8.46	0.16	0.15	6.5E-07	7.6E-06
3766415	SMARCD2	8.99	8.87	0.24	0.25	8.1E-03	8.3E-03
3371303	PEX16	7.94	7.82	0.23	0.27	1.0E-02	1.0E-02
3331262	RTN4RL2	7.26	7.14	0.27	0.26	3.0E-03	3.9E-03
3863504	DEDD2	7.57	7.44	0.21	0.25	6.0E-04	1.2E-03
3432030	ACAD10	7.04	6.91	0.20	0.26	1.3E-03	2.0E-03
3553389	AMN	6.86	6.74	0.20	0.24	1.8E-04	4.8E-04
2983030	AGPAT4	6.38	6.26	0.25	0.25	5.9E-03	6.5E-03
3158609	VPS28	8.25	8.12	0.22	0.20	1.6E-03	2.4E-03
2350880	AMPD2	7.88	7.75	0.25	0.25	3.3E-03	4.2E-03
2403707	TTMB	7.22	7.10	0.23	0.22	1.3E-03	2.1E-03
4000704	LOC65365	8.44	8.32	0.24	0.21	2.0E-03	2.9E-03
3190210	C9orf16	8.82	8.70	0.23	0.25	3.7E-03	4.6E-03
2805939	RXFP3	6.33	6.21	0.22	0.21	5.3E-04	1.1E-03
3271018	TXNL2	9.18	9.06	0.17	0.17	1.0E-04	3.2E-04
3965936	TMEM153	8.19	8.07	0.23	0.25	4.6E-03	5.4E-03
3608466	MAN2A2	7.73	7.60	0.30	0.26	6.8E-03	7.3E-03
3836057	LOC14324	7.08	6.96	0.22	0.20	1.3E-04	3.8E-04
3866339	FLJ20512	8.42	8.29	0.24	0.22	1.4E-03	2.2E-03
3693240	CCDC102A	6.61	6.49	0.27	0.24	4.5E-03	5.3E-03
2949148	BAT3	9.51	9.39	0.22	0.26	2.9E-03	3.9E-03
2663551	NUP210	9.99	9.87	0.24	0.20	1.8E-03	2.7E-03
3952825	FLJ21125	6.76	6.64	0.19	0.18	8.3E-05	2.7E-04
3816919	NFIC	8.01	7.88	0.25	0.24	4.2E-03	5.0E-03
3643892	KIAA0683	7.77	7.65	0.20	0.19	8.9E-04	1.6E-03
2907444	PTCRA	7.12	6.99	0.19	0.22	4.8E-04	1.0E-03
2843579	RMND5B	8.57	8.45	0.25	0.32	8.6E-03	8.7E-03
3226644	ZDHHC12	8.23	8.11	0.26	0.27	9.4E-03	9.3E-03
3285119	FZD8	6.94	6.82	0.24	0.23	2.1E-03	3.0E-03
3119656	GSDMDC1	6.89	6.77	0.16	0.16	2.5E-05	1.1E-04
3816333	SF3A2	8.61	8.49	0.23	0.24	5.2E-03	5.9E-03
3022465	NAG8	10.72	10.60	0.20	0.22	7.0E-04	1.3E-03

AJHG, Volume 82

3852735	PTGER1	6.57	6.45	0.17	0.19	6.6E-05	2.3E-04
3336576	LRFN4	6.86	6.74	0.22	0.20	6.9E-04	1.3E-03
2621881	PH-4	7.64	7.52	0.22	0.23	1.1E-03	1.9E-03
4027009	IRAK1	8.34	8.22	0.23	0.22	4.5E-03	5.3E-03
3195083	C9orf142	7.43	7.31	0.21	0.21	1.1E-03	1.8E-03
3075742	FLJ44186	7.00	6.88	0.26	0.25	1.8E-03	2.7E-03
3015241	AP4M1	7.30	7.18	0.21	0.23	1.1E-03	1.9E-03
3738471	RAC3	6.85	6.73	0.20	0.20	3.2E-04	7.4E-04
3377789	RELA	9.22	9.10	0.18	0.26	1.3E-03	2.1E-03
3965631	TUBGCP6	7.68	7.57	0.18	0.21	1.3E-03	2.1E-03
3357885	SIGIRR	6.87	6.75	0.22	0.22	1.8E-03	2.7E-03
3903052	SNTA1	6.54	6.42	0.27	0.24	4.6E-03	5.4E-03
3865635	DMPK	7.51	7.39	0.18	0.18	5.0E-04	1.0E-03
3852407	RFX1	6.75	6.63	0.13	0.11	7.7E-08	1.6E-06
2361241	MAPBPIP	6.66	6.54	0.25	0.27	5.4E-03	6.1E-03
2335160	FOXE3	6.74	6.62	0.27	0.29	8.6E-03	8.7E-03
2494579	ARID5A	6.96	6.84	0.25	0.20	1.1E-03	1.9E-03
3846011	SGTA	8.48	8.36	0.25	0.22	3.2E-03	4.1E-03
3064574	CLDN15	6.91	6.79	0.19	0.20	4.3E-04	9.4E-04
3414561	DIP2B	8.71	8.59	0.27	0.25	9.0E-03	9.0E-03
2458607	PYCR2	8.77	8.65	0.24	0.24	3.0E-03	3.9E-03
3601348	LOXL1	6.75	6.63	0.22	0.21	9.3E-04	1.6E-03
3844704	RNF126	8.20	8.08	0.22	0.25	4.9E-03	5.6E-03
3161398	UHRF2	8.35	8.23	0.24	0.21	1.3E-03	2.1E-03
3774331	THOC4	7.07	6.95	0.23	0.27	5.3E-03	6.0E-03
3760894	OSBPL7	7.09	6.97	0.14	0.16	4.1E-05	1.6E-04
3402398	PLEKHG6	6.49	6.37	0.31	0.19	6.5E-03	7.0E-03
3934642	KRTAP12-	6.68	6.56	0.29	0.27	4.9E-03	5.7E-03
3414632	DIP2B	8.58	8.46	0.23	0.28	5.8E-03	6.4E-03
2360506	ZBTB7B	8.04	7.92	0.29	0.18	6.0E-03	6.6E-03
2714407	IDUA	7.42	7.31	0.21	0.20	1.1E-03	1.9E-03
3850576	YIPF2	7.61	7.49	0.23	0.22	3.4E-03	4.3E-03
2536625	BOK	6.91	6.80	0.22	0.20	1.4E-03	2.2E-03

AJHG, Volume 82

3771091	TRIM65	7.09	6.98	0.20	0.20	5.4E-04	1.1E-03
3456212	MAP3K12	6.63	6.51	0.26	0.19	3.5E-03	4.4E-03
3865301	ERCC2	7.67	7.55	0.22	0.24	5.5E-03	6.2E-03
3377669	LTBP3	6.79	6.68	0.19	0.16	3.0E-05	1.3E-04
3830864	SNX26	6.61	6.49	0.14	0.14	1.9E-06	1.7E-05
2604953	ASB18	6.71	6.59	0.20	0.19	9.0E-05	2.8E-04
3871557	ZNF579	6.89	6.77	0.20	0.22	7.7E-04	1.4E-03
3554906	TMEM121	6.93	6.81	0.22	0.22	9.6E-04	1.7E-03
3035464	MAD1L1	7.62	7.51	0.18	0.21	4.2E-04	9.1E-04
3748026	LOC65024	7.28	7.16	0.24	0.24	1.7E-03	2.5E-03
3942681	SMTN	7.05	6.93	0.18	0.16	2.4E-04	6.1E-04
3119236	C8orf55	7.37	7.25	0.24	0.25	4.5E-03	5.3E-03
3572164	RPS6KL1	6.46	6.35	0.17	0.19	5.1E-05	1.9E-04
3250726	KIAA1274	7.67	7.56	0.24	0.31	6.6E-03	7.1E-03
2359377	LCE2A	7.29	7.18	0.27	0.28	6.4E-03	6.9E-03
3231157	ZMYND19	7.53	7.42	0.22	0.22	1.8E-03	2.7E-03
3557791	C14orf12	7.50	7.38	0.21	0.20	1.2E-03	2.0E-03
3935374	C21orf58	6.90	6.79	0.18	0.19	1.2E-04	3.6E-04
3580357	ANKRD9	6.42	6.31	0.22	0.19	1.1E-03	1.8E-03
3358401	SLC25A22	7.84	7.72	0.18	0.17	2.5E-04	6.3E-04
2459438	MRPL55	7.15	7.03	0.17	0.19	1.8E-04	4.8E-04
3892456	SS18L1	6.47	6.35	0.15	0.13	1.5E-06	1.4E-05
3643333	METRN	7.35	7.23	0.25	0.25	6.2E-03	6.7E-03
3836432	QPCTL	8.02	7.90	0.24	0.26	5.5E-03	6.2E-03
3319613	MGC10850	7.44	7.33	0.19	0.20	2.6E-04	6.4E-04
3358090	HRAS	7.90	7.78	0.24	0.23	5.6E-03	6.3E-03
2674653	GMPPB	7.76	7.64	0.21	0.22	1.9E-03	2.8E-03
3850859	RGL3	6.97	6.85	0.23	0.26	1.8E-03	2.7E-03
3662545	LOC64434	9.98	9.86	0.21	0.22	2.7E-03	3.6E-03
3824259	SLC27A1	6.49	6.38	0.16	0.15	3.4E-05	1.4E-04
3643347	C16orf24	8.00	7.88	0.24	0.23	2.2E-03	3.1E-03
2437273	C1orf2	7.97	7.85	0.15	0.15	1.5E-05	7.6E-05
3819200	EVI5L	6.91	6.79	0.20	0.25	2.1E-03	3.0E-03

AJHG, Volume 82

3351498	TMEM25	6.43	6.32	0.21	0.20	1.4E-03	2.2E-03
3833728	ITPKC	6.34	6.22	0.18	0.17	4.3E-05	1.6E-04
3960356	BAIAP2L2	6.32	6.20	0.15	0.17	5.4E-06	3.5E-05
2890239	MGAT4B	7.49	7.38	0.25	0.24	5.6E-03	6.3E-03
3773703	C17orf56	7.56	7.44	0.18	0.17	2.2E-04	5.6E-04
2551189	SIX2	7.76	7.64	0.26	0.27	5.7E-03	6.4E-03
3767053	LOC44045	6.89	6.78	0.21	0.20	9.4E-04	1.7E-03
2408146	MYCL1	6.78	6.67	0.24	0.22	3.0E-03	3.9E-03
3844132	FLJ45850	6.77	6.66	0.23	0.21	1.8E-03	2.7E-03
2374414	GPR25	7.18	7.06	0.22	0.18	8.0E-04	1.5E-03
3063727	TAF6	7.95	7.83	0.21	0.29	5.5E-03	6.2E-03
3742460	CAMTA2	8.18	8.06	0.15	0.17	1.6E-05	7.7E-05
3221916	AKNA	8.68	8.56	0.24	0.18	2.0E-03	2.9E-03
3704513	GALNS	7.32	7.21	0.25	0.24	8.0E-03	8.2E-03
3643431	CHTF18	7.63	7.52	0.19	0.16	5.2E-04	1.1E-03
3836135	BLOC1S3	7.66	7.55	0.19	0.20	1.0E-03	1.8E-03
2408437	CITED4	6.63	6.51	0.24	0.23	2.7E-03	3.7E-03
2899171	HIST1H1E	12.57	12.46	0.19	0.19	5.1E-04	1.1E-03
3030585	LOC15506	6.59	6.48	0.18	0.16	2.5E-04	6.2E-04
3525538	FLJ12118	8.09	7.98	0.24	0.24	4.6E-03	5.4E-03
3473378	HRK	8.03	7.91	0.19	0.19	2.8E-04	6.8E-04
3644309	SYNGR3	7.50	7.39	0.29	0.25	8.5E-03	8.6E-03
3376054	HNRPUL2	7.68	7.56	0.23	0.22	4.5E-03	5.3E-03
3642747	PDIA2	6.53	6.42	0.24	0.28	9.5E-03	9.3E-03
3818142	NRTN	6.84	6.73	0.24	0.22	1.5E-03	2.3E-03
2901043	LOC55422	6.63	6.52	0.23	0.26	2.6E-03	3.4E-03
3870895	CDC42EP5	7.17	7.06	0.26	0.23	7.5E-04	1.4E-03
3633109	ULK3	7.55	7.44	0.23	0.20	3.9E-03	4.7E-03
3832918	SAMD4B	7.89	7.78	0.20	0.14	3.8E-04	8.6E-04
2727762	SRD5A2L	7.14	7.03	0.29	0.23	9.4E-03	9.2E-03
3834651	ZNF526	7.49	7.38	0.26	0.26	9.4E-03	9.3E-03
3235235	LOC43995	7.17	7.06	0.24	0.23	5.3E-03	6.0E-03
2651916	PRKCI	9.16	9.05	0.22	0.20	5.1E-03	5.9E-03

AJHG, Volume 82

2675171	HYAL2	7.43	7.32	0.22	0.26	5.7E-03	6.3E-03
2845351	LOC25845	6.88	6.76	0.25	0.27	9.3E-03	9.2E-03
3716113	TP53I13	7.09	6.97	0.23	0.21	2.5E-03	3.4E-03
3836317	VASP	8.67	8.56	0.22	0.24	5.1E-03	5.8E-03
3966057	CPT1B	8.28	8.17	0.22	0.22	3.1E-03	4.0E-03
3316057	DRD4	6.79	6.68	0.22	0.23	1.1E-03	1.8E-03
2711957	LOC65411	7.47	7.36	0.23	0.18	6.5E-04	1.2E-03
3506093	FLJ25477	6.62	6.51	0.21	0.19	4.3E-04	9.2E-04
3807261	SMAD7	7.39	7.28	0.24	0.20	3.1E-03	4.0E-03
7385552	CARKL	6.76	6.65	0.26	0.25	7.3E-03	7.6E-03
3376023	LOC51035	7.78	7.67	0.23	0.24	3.2E-03	4.1E-03
3725779	MYST2	8.59	8.48	0.25	0.29	8.7E-03	8.7E-03
3844486	MIER2	7.53	7.42	0.21	0.23	4.8E-03	5.6E-03
3643503	SOX8	6.52	6.41	0.25	0.22	1.5E-03	2.3E-03
3945040	GALR3	7.22	7.11	0.22	0.21	5.2E-04	1.1E-03
2624291	PRKCD	10.09	9.98	0.22	0.24	2.3E-03	3.2E-03
3335719	CCDC85B	7.86	7.75	0.23	0.28	6.3E-03	6.8E-03
3866435	BBC3	6.93	6.81	0.19	0.20	8.7E-05	2.8E-04
2891768	FOXC1	7.40	7.29	0.26	0.26	8.5E-03	8.5E-03
3944758	CDC42EP1	6.41	6.30	0.25	0.25	5.2E-03	5.9E-03
3231121	C9orf112	7.21	7.10	0.20	0.20	5.1E-04	1.1E-03
3942648	TUG1	9.93	9.82	0.22	0.23	3.8E-03	4.6E-03
3119792	MAPK15	6.63	6.52	0.19	0.16	6.8E-05	2.3E-04
3852691	DDX39	8.93	8.82	0.23	0.25	5.8E-03	6.4E-03
3944778	GGA1	7.82	7.71	0.21	0.19	1.5E-03	2.4E-03
3427014	SNRPF	8.51	8.40	0.26	0.29	9.3E-03	9.2E-03
2599647	FEV	6.88	6.77	0.24	0.23	5.3E-03	6.0E-03
3453774	LMBR1L	7.07	6.96	0.23	0.21	3.2E-03	4.1E-03
3120682	MFSD3	7.59	7.48	0.24	0.23	9.4E-03	9.2E-03
3272795	PAOX	7.67	7.56	0.19	0.21	2.4E-03	3.3E-03
3620054	RPAP1	7.48	7.37	0.22	0.21	3.6E-03	4.4E-03
3899346	SNX5	8.23	8.12	0.25	0.26	8.7E-03	8.7E-03
3957207	LOC65296	6.76	6.65	0.22	0.18	6.6E-04	1.3E-03

AJHG, Volume 82

2489385	TLX2	7.12	7.02	0.25	0.22	3.3E-03	4.2E-03
3787675	LOC64787	6.51	6.40	0.21	0.20	3.6E-03	4.5E-03
2955118	RP11-444	7.43	7.32	0.17	0.26	4.2E-03	5.1E-03
3946889	ACO2	10.22	10.11	0.23	0.19	4.9E-03	5.7E-03
3418513	9-Mar	7.51	7.40	0.26	0.27	9.6E-03	9.4E-03
2332767	C1orf50	7.10	6.99	0.25	0.29	5.5E-03	6.2E-03
3261820	TRIM8	8.64	8.54	0.27	0.25	1.0E-02	9.9E-03
2361697	C1orf66	6.93	6.82	0.17	0.20	8.3E-04	1.5E-03
3863606	LIPE	6.86	6.75	0.21	0.19	2.1E-03	3.0E-03
2383915	GJA12	7.62	7.52	0.23	0.23	2.1E-03	3.0E-03
3960246	LOC12913	7.66	7.55	0.18	0.16	3.9E-04	8.7E-04
2391150	TNFRSF18	6.90	6.79	0.22	0.17	3.4E-03	4.3E-03
3756046	NR1D1	7.10	7.00	0.23	0.23	3.4E-03	4.3E-03
2320657	TNFRSF8	7.91	7.80	0.25	0.20	3.4E-03	4.3E-03
3120358	LOC64226	7.89	7.78	0.22	0.25	6.0E-03	6.5E-03
3903089	APBA2BP	7.21	7.10	0.21	0.19	2.3E-03	3.2E-03
3337196	NDUFV1	10.14	10.03	0.20	0.22	9.1E-03	9.0E-03
3696035	LCAT	6.74	6.63	0.22	0.21	8.0E-04	1.5E-03
3336043	LOC64976	7.94	7.84	0.17	0.20	1.1E-03	1.9E-03
3094157	ZNF703	7.24	7.13	0.23	0.20	2.4E-03	3.3E-03
2756673	GAK	8.40	8.29	0.18	0.16	1.0E-03	1.8E-03
3891048	LOC65414	7.12	7.02	0.22	0.22	2.5E-03	3.4E-03
3048373	LOC64644	7.12	7.01	0.17	0.17	1.8E-04	4.7E-04
3261544	GBF1	9.72	9.61	0.18	0.20	1.5E-03	2.3E-03
2888385	KIAA1893	7.35	7.24	0.21	0.19	2.0E-03	2.9E-03
3836266	FOSB	7.25	7.15	0.24	0.24	7.6E-03	7.9E-03
2985964	WDR27	6.41	6.31	0.24	0.25	7.2E-03	7.6E-03
3867928	NOSIP	7.63	7.52	0.22	0.20	1.7E-03	2.6E-03
3842278	ZNF524	6.89	6.79	0.25	0.28	7.8E-03	8.1E-03
3194635	C9orf86	7.24	7.14	0.24	0.22	9.7E-03	9.5E-03
3194832	MAMDC4	7.30	7.19	0.17	0.17	2.4E-04	6.0E-04
2493746	LOC65305	6.61	6.51	0.22	0.23	3.3E-03	4.2E-03
3675266	LOC33912	7.89	7.79	0.21	0.24	6.0E-03	6.6E-03

AJHG, Volume 82

3738007	FSCN2	6.38	6.28	0.25	0.21	6.4E-03	6.9E-03
3633221	COX5A	10.63	10.52	0.20	0.21	3.9E-03	4.8E-03
3226661	ZYG11BL	7.61	7.50	0.20	0.23	4.8E-03	5.6E-03
3850406	EDG8	7.77	7.66	0.25	0.22	9.3E-03	9.2E-03
3078520	ZNF746	8.11	8.01	0.18	0.18	4.8E-04	1.0E-03
3758845	HDAC5	7.74	7.64	0.20	0.21	4.4E-03	5.2E-03
3226027	TOR2A	6.59	6.49	0.19	0.20	2.4E-03	3.3E-03
3841260	CNOT3	8.27	8.17	0.24	0.21	2.3E-03	3.2E-03
2877861	SLC23A1	6.72	6.62	0.21	0.23	2.9E-03	3.9E-03
2890292	LOC51149	6.84	6.74	0.18	0.19	1.2E-03	1.9E-03
2410111	MUTYH	7.12	7.01	0.17	0.22	1.8E-03	2.7E-03
3335267	SCYL1	8.84	8.74	0.16	0.16	1.9E-04	5.1E-04
3334884	TM7SF2	8.06	7.96	0.25	0.22	8.7E-03	8.7E-03
2986906	C7orf20	7.88	7.78	0.22	0.25	7.9E-03	8.1E-03
3645452	KREMEN2	7.11	7.01	0.22	0.18	4.1E-03	5.0E-03
3167553	IL11RA	6.57	6.47	0.21	0.16	1.5E-03	2.3E-03
3883013	LOC65367	6.95	6.84	0.19	0.25	6.5E-03	7.0E-03
3334812	SAC3D1	7.57	7.47	0.20	0.22	1.1E-03	1.8E-03
3335643	MUS81	8.35	8.25	0.21	0.18	2.6E-03	3.5E-03
3065007	ALKBH4	6.62	6.52	0.20	0.24	3.6E-03	4.5E-03
3924372	COL6A1	7.00	6.90	0.27	0.28	9.9E-03	9.6E-03
2878368	APBB3	7.88	7.78	0.21	0.21	3.1E-03	4.0E-03
2987578	IQCE	6.93	6.83	0.19	0.16	8.5E-04	1.5E-03
3042001	CYCS	7.70	7.59	0.19	0.20	9.8E-04	1.7E-03
3413852	PRPH	6.41	6.31	0.25	0.20	6.0E-03	6.6E-03
3985644	TCEAL3	7.30	7.20	0.27	0.26	5.7E-03	6.4E-03
3260957	LZTS2	7.13	7.03	0.22	0.19	3.0E-03	3.9E-03
3896594	C20orf75	6.31	6.21	0.20	0.20	8.5E-04	1.5E-03
3873142	SOX12	6.73	6.63	0.23	0.24	2.9E-03	3.9E-03
3862128	DYRK1B	7.01	6.90	0.17	0.21	2.1E-03	3.0E-03
3819263	LOC64578	7.41	7.31	0.17	0.15	2.8E-05	1.2E-04
3845081	C19orf26	7.09	6.99	0.24	0.26	4.2E-03	5.0E-03
2503021	PTPN4	7.08	6.98	0.26	0.28	5.0E-03	5.7E-03

AJHG, Volume 82

3126739	LZTS1	6.41	6.31	0.18	0.24	3.5E-03	4.3E-03
3822216	IER2	8.41	8.31	0.24	0.25	1.0E-02	9.7E-03
2330289	RPRC1	8.54	8.44	0.22	0.24	8.7E-03	8.8E-03
3837759	GRIN2D	6.48	6.38	0.20	0.19	1.3E-03	2.0E-03
3909064	UBE2V1	7.69	7.59	0.21	0.21	3.3E-03	4.2E-03
3864597	FLJ12886	7.79	7.69	0.23	0.23	7.0E-03	7.4E-03
3770305	CD300C	6.48	6.38	0.24	0.22	9.5E-03	9.3E-03
3708704	POLR2A	9.24	9.14	0.19	0.19	1.3E-03	2.1E-03
3735478	SPHK1	6.62	6.52	0.19	0.20	5.6E-04	1.1E-03
2467855	SOX11	6.59	6.48	0.23	0.19	3.7E-03	4.5E-03
2528198	CDK5R2	6.55	6.45	0.20	0.22	1.7E-03	2.6E-03
3814927	MADCAM1	7.06	6.96	0.21	0.23	6.7E-03	7.1E-03
2350741	ATXN7L2	6.67	6.57	0.15	0.22	1.8E-03	2.6E-03
3675815	MGC24381	8.38	8.28	0.20	0.22	2.5E-03	3.4E-03
3879112	INSM1	6.86	6.76	0.22	0.21	2.7E-03	3.6E-03
3942998	SFI1	7.18	7.08	0.16	0.14	2.2E-05	9.9E-05
3759077	CGI-69	9.64	9.54	0.21	0.22	1.0E-02	9.6E-03
2812690	LOC37544	7.15	7.05	0.19	0.21	1.8E-03	2.6E-03
2889486	MGC15875	7.96	7.86	0.19	0.26	9.5E-03	9.3E-03
3815210	AZU1	6.71	6.62	0.21	0.22	1.6E-03	2.4E-03
3707258	MINK1	8.09	7.99	0.15	0.18	3.6E-04	8.2E-04
3333226	LOC64593	7.73	7.63	0.21	0.27	1.0E-02	9.9E-03
3852034	TRMT1	7.27	7.17	0.22	0.23	6.8E-03	7.3E-03
2606026	LOC64235	6.95	6.86	0.12	0.15	2.6E-05	1.1E-04
3945084	MICAL-L1	6.84	6.74	0.22	0.19	9.3E-03	9.2E-03
3119708	TIGD5	7.09	6.99	0.24	0.18	4.6E-03	5.4E-03
3155937	LOC64416	7.74	7.64	0.21	0.19	2.1E-03	3.0E-03
2324097	PINK1	6.60	6.50	0.21	0.20	3.9E-03	4.7E-03
3838947	MED25	7.38	7.28	0.20	0.21	5.4E-03	6.1E-03
3845315	MBD3	7.34	7.24	0.14	0.19	4.7E-04	1.0E-03
2333195	KIAA0467	7.83	7.73	0.19	0.16	2.8E-04	6.9E-04
3554868	C14orf80	7.31	7.21	0.20	0.18	1.2E-03	2.0E-03
3381540	LOC65198	7.83	7.73	0.18	0.18	1.2E-03	2.0E-03

AJHG, Volume 82

3825838	FLJ44968	6.47	6.38	0.20	0.20	8.0E-04	1.5E-03
3334633	SLC22A11	6.59	6.49	0.16	0.22	7.4E-04	1.4E-03
3844175	ZNF446	6.68	6.58	0.18	0.15	6.5E-04	1.2E-03
3315835	PTDSS2	7.83	7.73	0.21	0.22	7.6E-03	7.9E-03
2641667	IFT122	6.72	6.62	0.20	0.22	3.8E-03	4.7E-03
3697005	EXOSC6	8.34	8.24	0.18	0.18	1.0E-03	1.8E-03
3676557	CASKIN1	6.50	6.40	0.18	0.17	2.1E-04	5.4E-04
3438527	ULK1	7.70	7.61	0.16	0.14	1.5E-04	4.1E-04
3764289	BZRAP1	6.36	6.26	0.15	0.16	5.6E-04	1.1E-03
3893287	ARFGAP1	8.01	7.92	0.18	0.18	2.1E-03	3.0E-03
3830712	MLL4	7.59	7.49	0.12	0.14	2.7E-05	1.2E-04
3266934	NANOS1	7.17	7.07	0.20	0.18	4.3E-04	9.2E-04
3677662	NOD3	6.96	6.86	0.18	0.18	9.0E-03	8.9E-03
3725685	NGFR	6.38	6.29	0.22	0.20	5.8E-03	6.4E-03
3661559	IRX5	6.40	6.30	0.22	0.24	4.4E-03	5.2E-03
3458177	SDR-O	6.37	6.27	0.21	0.21	2.8E-03	3.7E-03
3620741	CDAN1	6.84	6.75	0.19	0.19	5.0E-03	5.7E-03
3829398	CHST8	6.41	6.31	0.20	0.21	1.4E-03	2.2E-03
3676165	HAGH	7.06	6.97	0.21	0.22	5.3E-03	6.0E-03
3704939	C16orf7	6.66	6.56	0.17	0.14	2.9E-04	7.0E-04
3816424	SPPL2B	8.27	8.17	0.17	0.21	5.2E-03	5.9E-03
3624804	ONECUT1	7.04	6.95	0.24	0.21	8.4E-03	8.5E-03
3713278	FLJ35934	7.35	7.25	0.19	0.18	1.6E-03	2.4E-03
3871730	LOC12620	7.80	7.71	0.21	0.19	2.9E-03	3.8E-03
3035223	MICAL-L2	6.28	6.18	0.16	0.16	4.2E-05	1.6E-04
3120613	PPP1R16A	7.20	7.10	0.18	0.15	1.4E-03	2.2E-03
3644375	TSC2	7.74	7.65	0.16	0.18	5.4E-04	1.1E-03
3380901	NUMA1	8.89	8.80	0.20	0.22	8.3E-03	8.5E-03
3317024	SYT8	6.97	6.88	0.17	0.18	1.2E-03	1.9E-03
3868828	KLK10	6.53	6.44	0.19	0.22	1.0E-02	9.7E-03
3359432	CDKN1C	6.73	6.63	0.27	0.24	5.6E-03	6.3E-03
3596894	NLF1	6.64	6.55	0.20	0.24	4.4E-03	5.2E-03
3652489	POLR3E	8.14	8.05	0.18	0.19	2.4E-03	3.3E-03

AJHG, Volume 82

3676328	NOXO1	6.36	6.27	0.18	0.16	3.8E-04	8.6E-04
3005956	FLJ10099	8.95	8.85	0.22	0.20	9.7E-03	9.4E-03
2394361	NPHP4	6.73	6.63	0.12	0.11	2.4E-06	2.0E-05
3913220	C20orf15	6.57	6.48	0.19	0.18	2.4E-03	3.3E-03
3372235	RAPSN	6.66	6.57	0.23	0.22	3.8E-03	4.7E-03
2459837	ACTA1	7.06	6.96	0.21	0.21	5.6E-03	6.3E-03
3759587	PLCD3	6.87	6.78	0.15	0.14	1.1E-04	3.4E-04
2474161	FLJ21839	7.34	7.25	0.22	0.22	8.1E-03	8.3E-03
4035762	TTY3	7.24	7.15	0.24	0.26	9.6E-03	9.4E-03
3888383	SLC9A8	7.26	7.16	0.20	0.21	5.1E-03	5.8E-03
3031880	CENTG3	7.37	7.27	0.15	0.14	1.1E-04	3.3E-04
3103745	CRISPLD1	7.21	7.12	0.19	0.22	4.6E-03	5.4E-03
2623859	NISCH	8.06	7.96	0.14	0.16	4.2E-04	9.1E-04
3815233	ELA2	6.70	6.61	0.21	0.20	1.7E-03	2.6E-03
3409364	KLHDC5	7.55	7.45	0.22	0.19	4.1E-03	4.9E-03
3119516	ZNF696	6.49	6.39	0.24	0.19	6.3E-03	6.8E-03
3844952	POLR2E	9.13	9.03	0.20	0.21	8.6E-03	8.6E-03
3715809	NEK8	6.90	6.80	0.16	0.18	2.0E-03	2.9E-03
3394315	C1QTNF5	7.44	7.34	0.20	0.23	6.9E-03	7.4E-03
3726325	XYLT2	7.06	6.96	0.19	0.17	1.8E-03	2.7E-03
3772581	USP36	7.80	7.71	0.19	0.22	9.4E-03	9.2E-03
3837372	GLTSCR1	6.89	6.80	0.13	0.16	7.7E-06	4.5E-05
3458400	NDUFA4L2	6.73	6.64	0.23	0.21	7.4E-03	7.7E-03
3722806	ASB16	6.87	6.78	0.22	0.20	5.7E-03	6.3E-03
3598381	LOC65250	7.74	7.64	0.24	0.20	8.7E-03	8.7E-03
3771160	FBF1	6.68	6.59	0.16	0.16	5.0E-04	1.0E-03
3667241	FUK	7.18	7.09	0.18	0.17	1.2E-03	1.9E-03
3071700	IMPDH1	7.40	7.31	0.19	0.18	4.6E-03	5.4E-03
3030799	KIAA1862	7.17	7.08	0.15	0.17	5.8E-04	1.1E-03
3736666	FLJ21865	7.10	7.01	0.18	0.17	2.0E-03	2.9E-03
3677218	PRSS33	6.88	6.79	0.22	0.24	7.7E-03	7.9E-03
2348962	GPR88	6.34	6.25	0.23	0.24	8.9E-03	8.9E-03
3846214	DOHH	6.96	6.87	0.19	0.20	8.1E-03	8.3E-03

AJHG, Volume 82

3842379	EPN1	8.16	8.07	0.19	0.16	2.7E-03	3.6E-03
3937130	C22orf25	7.79	7.70	0.18	0.19	4.1E-03	5.0E-03
3293312	NPFFR1	6.38	6.29	0.23	0.19	8.3E-03	8.4E-03
3642993	FLJ36208	6.88	6.79	0.19	0.21	2.9E-03	3.8E-03
2693937	GPR175	8.03	7.94	0.22	0.19	7.1E-03	7.5E-03
3834778	MEGF8	7.03	6.94	0.12	0.12	1.6E-05	7.9E-05
3377044	SF1	9.66	9.57	0.20	0.19	5.1E-03	5.8E-03
3817256	PIAS4	7.94	7.85	0.17	0.19	3.0E-03	3.9E-03
2322957	ARHGEF10	6.49	6.40	0.16	0.14	3.2E-04	7.4E-04
3838757	SR-A1	7.43	7.34	0.16	0.15	2.7E-04	6.6E-04
3848907	ANKRD47	6.51	6.43	0.20	0.19	2.9E-03	3.8E-03
2673830	DALRD3	7.70	7.62	0.18	0.20	4.9E-03	5.7E-03
3982293	MAGEE1	6.34	6.26	0.23	0.20	9.8E-03	9.5E-03
3275690	IL15RA	7.95	7.86	0.19	0.18	7.4E-03	7.8E-03
3476796	LOC65340	8.13	8.04	0.17	0.19	6.5E-03	7.0E-03
3851630	FBXW9	6.52	6.43	0.18	0.18	2.5E-03	3.4E-03
2487882	VAX2	6.66	6.58	0.21	0.22	6.0E-03	6.6E-03
3830825	LOC14813	7.15	7.06	0.19	0.18	2.3E-03	3.2E-03
3907711	CDH22	6.59	6.50	0.17	0.16	1.8E-03	2.7E-03
3820921	SMARCA4	8.76	8.67	0.19	0.18	3.7E-03	4.5E-03
3760552	RPRML	7.48	7.40	0.21	0.23	8.4E-03	8.5E-03
2843209	PRR7	7.74	7.65	0.21	0.18	4.1E-03	5.0E-03
3866231	STRN4	7.78	7.69	0.16	0.20	5.2E-03	5.9E-03
3188478	CRB2	6.91	6.82	0.20	0.17	3.2E-03	4.1E-03
3924144	COL18A1	7.05	6.97	0.17	0.17	1.2E-03	2.0E-03
3870883	LENG9	6.37	6.28	0.18	0.17	1.4E-03	2.2E-03
3089140	RAI16	7.32	7.24	0.17	0.17	3.5E-03	4.3E-03
2738949	LOC65098	8.26	8.17	0.20	0.22	1.0E-02	9.7E-03
2402601	FLJ38020	6.51	6.43	0.17	0.19	4.7E-03	5.5E-03
3685261	GGA2	7.15	7.07	0.15	0.17	1.7E-03	2.6E-03
2716810	EVC	8.57	8.48	0.17	0.18	2.4E-03	3.3E-03
3671651	LOC16193	6.83	6.75	0.18	0.19	2.9E-03	3.8E-03
3675840	UNKL	7.01	6.92	0.18	0.16	2.1E-03	3.0E-03

AJHG, Volume 82

3743611	KIAA1787	7.06	6.98	0.13	0.15	2.7E-04	6.7E-04
3836217	KLC3	6.41	6.33	0.19	0.18	3.4E-03	4.3E-03
2497812	POU3F3	7.30	7.21	0.18	0.22	7.3E-03	7.7E-03
2953777	FRS3	6.44	6.35	0.19	0.17	4.4E-03	5.2E-03
3854621	INSL3	6.61	6.52	0.22	0.21	2.3E-03	3.2E-03
2391005	C1orf159	6.80	6.71	0.16	0.16	1.5E-03	2.3E-03
2316953	PRDM16	6.24	6.15	0.17	0.13	6.5E-04	1.2E-03
2798586	PDCD6	8.09	8.01	0.20	0.16	5.9E-03	6.5E-03
3726537	EPN3	6.73	6.64	0.18	0.20	8.4E-03	8.5E-03
3127259	NUDT18	7.13	7.05	0.19	0.19	6.0E-03	6.6E-03
3858907	SLC7A10	6.62	6.54	0.18	0.18	3.7E-03	4.6E-03
2406662	C1orf78	7.42	7.34	0.17	0.17	1.4E-03	2.2E-03
3995885	PLXNB3	6.56	6.48	0.14	0.15	4.2E-04	9.2E-04
2360773	MTX1	7.81	7.72	0.19	0.20	9.0E-03	8.9E-03
3755976	LOC64329	8.42	8.33	0.17	0.18	6.0E-03	6.6E-03
2621333	PTPN23	7.49	7.41	0.12	0.13	1.7E-04	4.6E-04
2317512	DFFB	6.92	6.84	0.15	0.15	1.2E-03	2.0E-03
2986951	CYP2W1	6.56	6.48	0.22	0.18	3.8E-03	4.7E-03
2571608	PAX8	6.48	6.40	0.17	0.18	4.7E-03	5.5E-03
3924424	COL6A2	6.99	6.91	0.20	0.18	7.3E-03	7.7E-03
3893520	TNFRSF6B	6.84	6.76	0.14	0.14	9.2E-04	1.6E-03
3336857	ANKRD13D	7.34	7.26	0.19	0.17	5.4E-03	6.1E-03
3644932	AMDHD2	7.54	7.46	0.18	0.19	9.1E-03	9.0E-03
4003155	ARX	6.51	6.43	0.21	0.22	5.8E-03	6.4E-03
3868125	PNKP	7.66	7.58	0.15	0.17	2.7E-03	3.6E-03
3817222	ITGB1BP3	6.39	6.31	0.21	0.17	8.9E-03	8.9E-03
3842105	SUV420H2	7.45	7.37	0.17	0.17	4.9E-03	5.6E-03
3762198	COL1A1	6.58	6.50	0.14	0.14	3.1E-04	7.3E-04
3064293	EPHB4	6.35	6.27	0.15	0.18	5.4E-03	6.1E-03
3643196	KIAA1924	6.78	6.70	0.19	0.19	1.0E-02	9.7E-03
3360901	TRIM3	6.27	6.20	0.11	0.13	3.6E-04	8.1E-04
3817116	TJP3	6.57	6.49	0.17	0.16	5.0E-03	5.7E-03
2560178	PCGF1	6.41	6.33	0.19	0.21	7.2E-03	7.6E-03

AJHG, Volume 82

3695450	LOC65331	6.28	6.21	0.14	0.15	1.0E-03	1.7E-03
3709540	PFAS	8.31	8.24	0.18	0.17	8.7E-03	8.7E-03
3945396	GTPBP1	9.10	9.02	0.17	0.18	5.6E-03	6.3E-03
3370869	ALX4	6.67	6.59	0.23	0.22	6.1E-03	6.7E-03
3190893	FAM73B	7.24	7.16	0.16	0.18	8.0E-03	8.2E-03
3738969	FOXK2	9.18	9.10	0.16	0.13	1.9E-03	2.7E-03
3119017	LOC65014	6.56	6.48	0.19	0.18	5.7E-03	6.3E-03
3530002	KIAA0323	7.34	7.26	0.18	0.21	7.1E-03	7.5E-03
3406421	STRAP	8.03	7.95	0.16	0.18	9.9E-03	9.6E-03
2694817	PLXND1	6.36	6.29	0.17	0.14	2.3E-03	3.2E-03
3960902	NPTXR	6.68	6.61	0.19	0.18	9.1E-03	9.0E-03
2835619	MYOZ3	6.44	6.36	0.23	0.22	6.7E-03	7.1E-03
3553337	TRAF3	8.68	8.61	0.19	0.21	7.0E-03	7.5E-03
4050590	NOXA1	6.98	6.90	0.17	0.17	4.9E-03	5.7E-03
3914021	GMEB2	7.54	7.47	0.18	0.17	7.8E-03	8.1E-03
3738138	HGS	8.50	8.42	0.17	0.17	6.3E-03	6.8E-03
3816359	AMH	6.82	6.75	0.18	0.18	5.9E-03	6.5E-03
4037595	ENST0000	12.72	12.65	0.15	0.15	2.0E-03	2.9E-03
3645253	SRRM2	10.17	10.10	0.15	0.17	7.9E-03	8.1E-03
3452865	COL2A1	6.54	6.47	0.17	0.17	9.6E-03	9.4E-03
2474568	KRTCAP3	7.07	7.00	0.16	0.17	5.0E-03	5.7E-03
3557350	SLC22A17	6.39	6.32	0.18	0.17	9.8E-03	9.5E-03
3834674	CIC	7.67	7.60	0.18	0.17	8.1E-03	8.3E-03
3738439	LRRC45	6.91	6.84	0.15	0.17	1.0E-02	9.8E-03
2494447	WDR39	8.41	8.34	0.15	0.15	3.7E-03	4.6E-03
2375038	GPR37L1	6.48	6.41	0.19	0.19	6.1E-03	6.6E-03
3418214	MBD6	7.13	7.06	0.16	0.15	1.1E-03	1.9E-03
3893338	COL20A1	6.63	6.55	0.19	0.17	7.7E-03	7.9E-03
3675047	AXIN1	7.64	7.57	0.16	0.15	6.1E-03	6.6E-03
2404693	BAI2	6.23	6.16	0.18	0.13	2.6E-03	3.5E-03
3643752	BAIAP3	6.28	6.21	0.15	0.15	3.0E-03	3.9E-03
2888674	RAB24	7.21	7.14	0.15	0.16	7.4E-03	7.8E-03
3872817	A1BG	6.44	6.37	0.17	0.18	6.7E-03	7.1E-03

AJHG, Volume 82

2907623	KLC4	7.04	6.97	0.16	0.16	6.9E-03	7.4E-03
3695648	ZDHHC1	6.30	6.23	0.17	0.16	5.6E-03	6.3E-03
3662924	KATNB1	7.65	7.58	0.14	0.16	8.3E-03	8.5E-03
3861503	CAPN12	6.34	6.28	0.18	0.16	7.9E-03	8.1E-03
3693314	KIFC3	6.58	6.52	0.16	0.15	2.5E-03	3.4E-03
3853108	NOTCH3	6.20	6.14	0.12	0.12	7.5E-04	1.4E-03
3230610	ABCA2	6.23	6.16	0.12	0.13	8.6E-04	1.5E-03
4051619	FLJ20433	6.82	6.75	0.16	0.15	6.9E-03	7.3E-03
3913018	LOC64595	6.87	6.81	0.15	0.14	7.6E-03	7.9E-03
2889916	ADAMTS2	6.40	6.33	0.17	0.17	5.2E-03	6.0E-03
3188780	GPR144	6.70	6.63	0.14	0.15	3.0E-03	3.9E-03
3179706	LOC65021	6.37	6.31	0.16	0.15	7.0E-03	7.5E-03
3414029	KCNH3	6.39	6.33	0.14	0.14	3.8E-03	4.7E-03
3158060	OPLAH	6.73	6.67	0.16	0.14	6.2E-03	6.8E-03
3023149	FLNC	6.24	6.18	0.14	0.13	4.5E-03	5.3E-03
3848745	FBN3	6.25	6.19	0.14	0.12	4.5E-03	5.3E-03
3191805	LAMC3	6.45	6.39	0.17	0.15	5.1E-03	5.9E-03
3815888	APC2	6.55	6.49	0.16	0.15	8.8E-03	8.8E-03
3712978	MYO15A	6.22	6.16	0.11	0.12	8.1E-03	8.3E-03
3309124	C10orf46	7.82	7.90	0.18	0.16	1.0E-02	9.7E-03
3157901	PLEC1	7.44	7.51	0.13	0.17	4.5E-03	5.3E-03
3095002	ADAM9	8.77	8.84	0.19	0.18	8.4E-03	8.5E-03
3912137	PPP1R3D	7.89	7.97	0.19	0.16	5.3E-03	6.0E-03
3934652	UBE2G2	8.39	8.47	0.18	0.17	2.5E-03	3.4E-03
2696764	MSL2L1	10.06	10.15	0.18	0.18	4.5E-03	5.3E-03
3743852	FXR2	8.27	8.36	0.19	0.19	6.0E-03	6.6E-03
3696571	TERF2	8.56	8.64	0.16	0.16	2.2E-03	3.1E-03
3442054	SCARNA11	10.02	10.10	0.17	0.19	5.3E-03	6.0E-03
3773932	ACTG1	11.77	11.86	0.19	0.16	2.9E-03	3.8E-03
3553690	MARK3	8.77	8.86	0.19	0.19	4.2E-03	5.1E-03
3457315	WIBG	7.13	7.22	0.18	0.22	9.9E-03	9.5E-03
3567984	PPP2R5E	9.04	9.13	0.17	0.20	5.3E-03	6.0E-03
3030285	CUL1	8.63	8.72	0.20	0.17	4.0E-03	4.8E-03

AJHG, Volume 82

3328389	EXT2	6.99	7.08	0.21	0.19	7.4E-03	7.7E-03
3348852	FKSG49	8.98	9.06	0.21	0.18	4.5E-03	5.3E-03
3179551	FGD3	7.30	7.39	0.20	0.21	7.2E-03	7.6E-03
2393740	KIAA0562	7.48	7.57	0.22	0.24	9.5E-03	9.3E-03
3215245	C9orf100	7.81	7.90	0.22	0.20	9.8E-03	9.5E-03
3234140	ATP5C1	11.05	11.14	0.22	0.19	7.0E-03	7.4E-03
3474815	C12orf43	7.41	7.50	0.15	0.18	2.5E-03	3.4E-03
3103187	TERF1	7.55	7.64	0.18	0.19	1.4E-03	2.3E-03
3855660	SF4	7.01	7.10	0.19	0.24	7.5E-03	7.8E-03
2738466	SCYE1	8.05	8.14	0.18	0.22	7.9E-03	8.1E-03
3407229	AEBP2	8.06	8.15	0.22	0.22	8.7E-03	8.7E-03
3938175	UBE2L3	7.07	7.17	0.21	0.21	5.8E-03	6.4E-03
3730731	WDR68	9.49	9.59	0.20	0.19	1.6E-03	2.5E-03
2902207	HCG27	6.66	6.75	0.19	0.22	6.2E-03	6.7E-03
3704717	LOC65310	8.06	8.16	0.18	0.18	2.4E-03	3.3E-03
3086206	FDFT1	10.09	10.19	0.24	0.23	9.7E-03	9.5E-03
3853299	AKAP8	8.16	8.26	0.17	0.16	1.6E-03	2.4E-03
3294854	LOC65365	7.41	7.50	0.19	0.18	2.1E-03	3.0E-03
3478957	DDX51	7.71	7.80	0.19	0.21	5.2E-03	6.0E-03
2830742	JMJD1B	9.06	9.16	0.22	0.21	8.1E-03	8.3E-03
3416522	COPZ1	9.79	9.89	0.22	0.26	9.3E-03	9.1E-03
3923312	D21S2056	7.95	8.04	0.22	0.20	9.5E-03	9.3E-03
3832643	ACTN4	10.06	10.16	0.17	0.20	1.7E-03	2.6E-03
3706000	RPA1	9.34	9.43	0.18	0.15	4.1E-04	8.9E-04
2801526	CCT5	10.57	10.67	0.20	0.21	4.8E-03	5.5E-03
3667902	DHX38	7.76	7.86	0.19	0.20	2.0E-03	2.9E-03
3227014	ASB6	6.91	7.01	0.20	0.24	8.4E-03	8.5E-03
3548152	TDPI	8.54	8.64	0.22	0.20	4.3E-03	5.2E-03
3223605	FBXW2	8.97	9.07	0.20	0.16	1.3E-03	2.1E-03
3572278	NEK9	8.80	8.90	0.18	0.20	3.0E-03	3.9E-03
3888055	ARFGEF2	8.61	8.71	0.21	0.24	6.0E-03	6.6E-03
3329724	MADD	8.36	8.46	0.20	0.19	1.7E-03	2.6E-03
3946563	RBX1	9.48	9.57	0.23	0.17	3.3E-03	4.2E-03

AJHG, Volume 82

3932131	DSCR2	7.81	7.91	0.19	0.20	1.1E-03	1.8E-03
3190035	CDK9	9.27	9.37	0.17	0.18	1.5E-03	2.4E-03
3452231	SLC38A1	10.87	10.97	0.26	0.21	8.9E-03	8.9E-03
3457549	ANKRD52	6.50	6.59	0.18	0.23	4.8E-03	5.6E-03
2675628	VPRBP	8.58	8.68	0.23	0.25	9.1E-03	9.0E-03
3755359	PIP5K2B	7.96	8.06	0.19	0.26	4.6E-03	5.4E-03
3724824	TBKBP1	6.58	6.68	0.21	0.26	7.8E-03	8.0E-03
3881443	TPX2	9.32	9.43	0.28	0.24	8.9E-03	8.9E-03
3985866	CXorf39	7.83	7.93	0.19	0.20	6.1E-04	1.2E-03
3995371	NSDHL	7.87	7.97	0.22	0.25	7.6E-03	7.9E-03
3192171	POMT1	6.99	7.09	0.18	0.15	1.2E-04	3.5E-04
3951887	ATP6V1E1	9.24	9.34	0.24	0.25	1.0E-02	9.7E-03
2407191	GNL2	9.00	9.11	0.23	0.24	6.2E-03	6.7E-03
3214359	AUH	6.73	6.83	0.23	0.26	3.2E-03	4.1E-03
3886704	STK4	10.07	10.17	0.20	0.17	1.8E-03	2.7E-03
3131720	BRF2	7.36	7.46	0.22	0.22	3.6E-03	4.5E-03
3421630	CCT2	10.27	10.38	0.22	0.23	4.7E-03	5.5E-03
2892979	CDYL	8.27	8.37	0.24	0.22	9.4E-03	9.2E-03
2760371	WDR1	11.06	11.16	0.21	0.23	9.5E-03	9.3E-03
3729172	CLTC	10.16	10.26	0.22	0.22	5.7E-03	6.3E-03
3535000	LOC64460	9.83	9.93	0.18	0.20	1.8E-03	2.7E-03
3705641	TIMM22	8.84	8.94	0.19	0.22	2.7E-03	3.6E-03
3813604	ZADH2	7.68	7.78	0.22	0.21	2.5E-03	3.4E-03
3740462	RILP	6.75	6.85	0.22	0.22	4.9E-03	5.6E-03
2881521	RBM22	8.80	8.91	0.23	0.27	6.4E-03	6.9E-03
3294242	ECD	8.88	8.99	0.24	0.21	4.3E-03	5.1E-03
3724782	KPNB1	10.20	10.31	0.25	0.24	4.1E-03	5.0E-03
3923498	PWP2H	7.68	7.79	0.23	0.25	7.5E-03	7.8E-03
3293187	AMID	6.94	7.04	0.24	0.24	4.4E-03	5.2E-03
3212143	UBQLN1	9.12	9.23	0.27	0.23	4.2E-03	5.1E-03
4003954	TAB3	8.12	8.22	0.26	0.27	9.7E-03	9.4E-03
3453177	SNORA34	7.62	7.73	0.28	0.25	8.3E-03	8.5E-03
3579205	SETD3	7.94	8.04	0.27	0.26	8.6E-03	8.7E-03

AJHG, Volume 82

3770721	SLC25A19	7.30	7.41	0.27	0.22	8.8E-03	8.8E-03
3837001	GRLF1	8.19	8.30	0.23	0.26	6.9E-03	7.4E-03
3190659	LOC64681	11.40	11.50	0.18	0.20	3.2E-04	7.4E-04
3476265	EIF2B1	9.46	9.57	0.21	0.16	1.4E-03	2.1E-03
3829575	LSM14A	9.89	10.00	0.14	0.15	1.0E-05	5.7E-05
3015178	ZNF38	6.63	6.74	0.22	0.24	2.8E-03	3.7E-03
3331433	ZDHHC5	8.82	8.93	0.22	0.18	9.0E-04	1.6E-03
3749086	AKAP10	7.46	7.57	0.29	0.29	8.8E-03	8.8E-03
3850409	FLJ12949	7.01	7.12	0.19	0.17	4.5E-04	9.7E-04
3804195	SLC39A6	8.27	8.38	0.22	0.22	1.8E-03	2.6E-03
3139035	ARFGEF1	7.87	7.98	0.30	0.25	8.7E-03	8.7E-03
3288845	PARG	7.23	7.34	0.26	0.27	5.8E-03	6.4E-03
3637006	SEC11L1	7.78	7.89	0.16	0.23	1.3E-03	2.0E-03
3923218	KIAA0179	8.22	8.33	0.24	0.26	6.5E-03	7.0E-03
3781734	C18orf8	8.65	8.77	0.23	0.25	4.5E-03	5.3E-03
3412345	TMEM117	6.52	6.63	0.33	0.25	7.7E-03	7.9E-03
3717737	PSMD11	9.54	9.65	0.27	0.26	9.2E-03	9.1E-03
2330334	C1orf113	9.11	9.22	0.27	0.25	3.9E-03	4.7E-03
3192525	GTF3C4	8.23	8.34	0.24	0.27	9.1E-03	9.0E-03
3924573	PCNT	7.16	7.27	0.19	0.19	5.1E-04	1.1E-03
3982811	SH3BGRL	10.20	10.31	0.26	0.22	3.6E-03	4.5E-03
3957873	EIF4ENIF	8.21	8.32	0.27	0.24	1.0E-02	9.6E-03
2695393	SNORA58	10.29	10.40	0.23	0.25	4.8E-03	5.6E-03
3405297	LOH12CR1	7.05	7.17	0.27	0.27	9.0E-03	8.9E-03
3683037	ARL6IP	11.38	11.49	0.20	0.19	5.0E-04	1.0E-03
3831917	ZNF570	6.76	6.87	0.30	0.25	7.9E-03	8.1E-03
2636726	QTRTD1	7.97	8.08	0.27	0.25	6.2E-03	6.7E-03
3789442	WDR7	7.51	7.62	0.23	0.21	2.1E-03	3.0E-03
3647632	PRO0149	8.71	8.83	0.24	0.23	3.7E-03	4.5E-03
3231846	WDR37	7.04	7.16	0.21	0.24	1.3E-03	2.0E-03
2937984	TBP	7.86	7.97	0.31	0.27	6.0E-03	6.5E-03
3606304	AKAP13	8.81	8.93	0.24	0.22	2.5E-03	3.4E-03
3293963	DNAJB12	6.97	7.08	0.13	0.17	1.8E-05	8.6E-05

AJHG, Volume 82

3400625	ADIPOR2	8.07	8.18	0.22	0.23	2.1E-03	3.0E-03
2971014	TSPYL1	8.52	8.63	0.22	0.21	1.3E-03	2.1E-03
4026669	BCAP31	9.23	9.34	0.26	0.25	6.3E-03	6.8E-03
2904248	SNRPC	8.64	8.75	0.22	0.24	3.3E-03	4.2E-03
3908149	PRKCBP1	8.35	8.46	0.25	0.22	4.8E-03	5.6E-03
3203135	TOPORS	6.71	6.83	0.27	0.24	5.0E-03	5.7E-03
3843934	LOC11338	8.63	8.75	0.18	0.20	2.3E-04	5.9E-04
2383312	PSEN2	6.58	6.69	0.25	0.28	8.3E-03	8.4E-03
3678395	N-PAC	8.77	8.89	0.16	0.22	6.7E-04	1.3E-03
3537264	C14orf10	7.50	7.62	0.22	0.24	1.1E-03	1.9E-03
3630912	ANP32A	7.49	7.61	0.22	0.21	1.9E-03	2.8E-03
3569401	RDH11	8.87	8.98	0.28	0.24	5.0E-03	5.8E-03
3919124	C21orf51	7.12	7.24	0.22	0.21	5.3E-04	1.1E-03
3114358	FAM91A1	7.53	7.64	0.21	0.24	4.3E-03	5.1E-03
3436571	AACS	7.91	8.02	0.24	0.24	3.2E-03	4.1E-03
3874249	ITPA	7.46	7.57	0.22	0.21	1.1E-03	1.8E-03
3246372	NCOA4	8.78	8.89	0.29	0.27	5.5E-03	6.2E-03
2469296	FLJ25102	6.87	6.99	0.20	0.20	6.5E-04	1.2E-03
3190939	PPP2R4	8.87	8.99	0.29	0.23	7.8E-03	8.1E-03
3596008	C15orf31	6.53	6.64	0.21	0.22	1.3E-03	2.1E-03
2593464	LOC64201	8.63	8.75	0.30	0.25	6.0E-03	6.6E-03
3769969	FAM104A	8.89	9.01	0.16	0.18	4.4E-05	1.7E-04
3354799	CHEK1	8.20	8.32	0.29	0.26	5.7E-03	6.3E-03
3135184	RB1CC1	6.71	6.83	0.28	0.32	1.0E-02	1.0E-02
3651588	LOC57149	6.83	6.95	0.28	0.29	8.1E-03	8.2E-03
3979659	MSN	11.55	11.67	0.16	0.18	3.4E-05	1.4E-04
3417574	SPRYD4	7.20	7.32	0.32	0.30	7.6E-03	7.9E-03
2610044	JAGN1	9.22	9.34	0.27	0.27	5.6E-03	6.3E-03
3429365	TDG	8.04	8.16	0.23	0.20	5.4E-04	1.1E-03
3873699	STK35	8.05	8.17	0.20	0.21	5.6E-04	1.1E-03
3440921	EFCAB4B	6.82	6.93	0.24	0.24	4.1E-03	5.0E-03
2621275	KLHL18	7.77	7.89	0.26	0.29	9.0E-03	8.9E-03
2436938	PBXIP1	7.29	7.40	0.30	0.25	7.4E-03	7.8E-03

AJHG, Volume 82

3352070	CBL	8.81	8.93	0.24	0.21	9.6E-04	1.7E-03
3016692	LOC39271	7.27	7.39	0.27	0.23	8.7E-04	1.6E-03
3791168	KIAA1468	7.89	8.01	0.27	0.31	9.5E-03	9.3E-03
3042421	HNRPA2B1	11.59	11.70	0.24	0.24	2.3E-03	3.2E-03
2901620	LOC64204	11.71	11.83	0.20	0.26	4.3E-03	5.2E-03
3147321	LOC64210	9.92	10.04	0.22	0.21	5.8E-04	1.1E-03
2572601	CCDC93	7.28	7.40	0.28	0.27	7.3E-03	7.7E-03
3331926	FAM111A	9.00	9.12	0.29	0.24	4.9E-03	5.7E-03
3740126	LOC44091	11.50	11.62	0.31	0.27	7.3E-03	7.7E-03
3859622	FLJ38451	6.34	6.46	0.24	0.25	2.7E-03	3.6E-03
3378411	RBM4B	8.39	8.51	0.23	0.24	1.9E-03	2.8E-03
3578278	C14orf10	7.58	7.70	0.28	0.29	6.1E-03	6.6E-03
7385696	SHFM1	8.47	8.59	0.28	0.24	3.2E-03	4.1E-03
3531355	NUBPL	6.69	6.81	0.29	0.26	3.4E-03	4.3E-03
2356142	LIX1L	8.27	8.39	0.29	0.26	3.0E-03	3.9E-03
3978424	RP1-112K	7.29	7.41	0.24	0.19	5.8E-04	1.1E-03
4017961	AMMECR1	7.45	7.57	0.24	0.27	4.7E-03	5.5E-03
3105777	LOC65289	7.60	7.72	0.27	0.29	9.0E-03	9.0E-03
2444842	KIAA0040	7.91	8.03	0.32	0.30	9.1E-03	9.0E-03
2614517	OXSM	7.20	7.32	0.30	0.24	4.8E-03	5.5E-03
3129121	CCDC25	8.27	8.39	0.26	0.24	1.1E-03	1.9E-03
2834093	TCERG1	9.17	9.29	0.24	0.23	2.0E-03	2.9E-03
3355114	DCPS	8.62	8.74	0.25	0.25	3.5E-03	4.4E-03
3189580	ZBTB43	6.70	6.83	0.19	0.23	6.7E-04	1.3E-03
3683050	LOC44034	8.84	8.96	0.28	0.27	5.7E-03	6.3E-03
3679564	USP7	10.06	10.18	0.20	0.16	7.0E-05	2.4E-04
2348854	FLJ44815	9.17	9.29	0.27	0.24	5.0E-03	5.8E-03
3564071	NIN	8.61	8.74	0.32	0.28	9.4E-03	9.2E-03
3139882	TRAM1	10.12	10.24	0.24	0.25	2.2E-03	3.1E-03
3722152	PSME3	9.48	9.60	0.31	0.25	4.2E-03	5.1E-03
3617230	C15orf24	8.50	8.62	0.24	0.23	1.7E-03	2.5E-03
3972929	LOC64646	7.07	7.20	0.27	0.26	2.0E-03	2.9E-03
2562685	IMMT	9.55	9.67	0.25	0.18	2.3E-03	3.2E-03

AJHG, Volume 82

3374856	MRPL16	7.65	7.77	0.28	0.28	5.5E-03	6.2E-03
3751323	TIAF1	7.53	7.65	0.24	0.24	5.5E-03	6.2E-03
3669092	TERF2IP	9.15	9.27	0.23	0.21	5.4E-04	1.1E-03
2359736	C1orf77	8.64	8.77	0.16	0.19	1.2E-04	3.5E-04
3765642	INTS2	7.89	8.01	0.26	0.20	7.6E-04	1.4E-03
3674602	AFG3L1	7.08	7.21	0.28	0.29	4.2E-03	5.0E-03
3812206	TXNDC10	7.69	7.82	0.32	0.29	9.9E-03	9.6E-03
3405396	CREBL2	7.27	7.40	0.31	0.25	3.9E-03	4.8E-03
2795819	DCTD	9.78	9.91	0.25	0.25	6.7E-03	7.1E-03
3730806	MAP3K3	6.86	6.98	0.22	0.21	5.5E-04	1.1E-03
3282213	YME1L1	9.82	9.95	0.27	0.29	6.6E-03	7.1E-03
3311715	UROS	9.35	9.47	0.31	0.29	9.1E-03	9.0E-03
3209497	C9orf77	7.50	7.62	0.23	0.25	1.1E-03	1.8E-03
3629378	MTFMT	7.69	7.81	0.22	0.24	1.0E-03	1.8E-03
3904189	NFS1	8.22	8.34	0.28	0.26	3.5E-03	4.4E-03
3888217	DDX27	8.48	8.60	0.14	0.17	7.8E-06	4.6E-05
3160773	RCL1	7.98	8.10	0.25	0.28	5.5E-03	6.2E-03
3340032	MRPL48	6.34	6.47	0.31	0.27	4.3E-03	5.1E-03
3417146	CDK2	9.02	9.15	0.29	0.29	7.3E-03	7.7E-03
3471224	ATPBD1C	7.06	7.19	0.26	0.28	6.1E-03	6.6E-03
3014957	ZNF498	6.38	6.51	0.19	0.27	1.5E-03	2.3E-03
3168415	CLTA	9.15	9.27	0.22	0.25	1.2E-03	2.0E-03
2527606	ARPC2	11.43	11.55	0.23	0.19	1.2E-04	3.6E-04
3649052	FAM18B	7.25	7.37	0.25	0.26	3.2E-03	4.1E-03
3981027	TAF1L	7.29	7.41	0.27	0.23	2.0E-03	2.9E-03
3633522	RNUT1	7.39	7.51	0.24	0.25	2.5E-03	3.4E-03
3532313	LOC65063	8.99	9.11	0.27	0.29	2.5E-03	3.4E-03
2705748	AADACL1	7.34	7.46	0.27	0.31	7.8E-03	8.0E-03
3806913	SMAD2	8.61	8.74	0.27	0.24	1.6E-03	2.4E-03
3902051	NANP	7.27	7.39	0.29	0.22	2.6E-03	3.5E-03
2750227	FLJ11184	8.18	8.31	0.32	0.29	7.8E-03	8.0E-03
2831209	PAIP2	9.70	9.83	0.29	0.31	9.5E-03	9.3E-03
3913544	DIDO1	8.33	8.46	0.24	0.25	1.9E-03	2.8E-03

AJHG, Volume 82

2468920	CPSF3	8.78	8.91	0.31	0.28	5.9E-03	6.5E-03
2475209	SPDYA	9.35	9.47	0.24	0.21	8.8E-04	1.6E-03
3298738	WAPAL	8.20	8.32	0.28	0.26	2.3E-03	3.2E-03
3883309	CEP250	6.30	6.42	0.17	0.18	8.1E-05	2.6E-04
7385683	VPS41	8.75	8.88	0.30	0.27	6.2E-03	6.7E-03
3799167	MPPE1	6.60	6.73	0.24	0.32	5.8E-03	6.4E-03
2688759	ATG3	8.55	8.67	0.31	0.30	1.0E-02	9.7E-03
3651057	MGC16824	7.88	8.01	0.26	0.25	6.2E-04	1.2E-03
3781654	RIOK3	9.29	9.42	0.24	0.22	1.1E-03	1.9E-03
3687752	1-Sep	9.44	9.56	0.30	0.25	5.7E-03	6.3E-03
2358700	MGC29891	6.55	6.68	0.32	0.28	3.9E-03	4.8E-03
2756029	LOC28378	9.80	9.93	0.27	0.32	6.7E-03	7.2E-03
3706736	TMEM93	8.43	8.56	0.29	0.28	6.1E-03	6.6E-03
3167220	FLJ39257	9.37	9.50	0.23	0.28	2.7E-03	3.6E-03
3425108	C12orf29	7.03	7.15	0.36	0.29	9.1E-03	9.0E-03
3846709	STAP2	6.94	7.07	0.27	0.26	4.2E-03	5.0E-03
2953435	LOC65214	8.06	8.19	0.28	0.29	5.5E-03	6.2E-03
3642060	CHSY1	8.04	8.17	0.21	0.22	6.2E-04	1.2E-03
2359036	SNX27	7.66	7.78	0.30	0.33	6.7E-03	7.2E-03
3771297	SRP68	8.86	8.99	0.25	0.24	7.8E-04	1.4E-03
3388914	DCUN1D5	8.37	8.50	0.21	0.25	2.7E-04	6.6E-04
3014714	LOC65388	10.68	10.80	0.20	0.21	5.0E-04	1.0E-03
3548788	CPSF2	9.08	9.21	0.30	0.27	5.7E-03	6.3E-03
3159330	DOCK8	9.45	9.58	0.35	0.26	6.1E-03	6.6E-03
3474619	POP5	7.40	7.53	0.27	0.25	2.8E-03	3.8E-03
3716048	TAOK1	8.00	8.13	0.29	0.33	9.5E-03	9.3E-03
3580179	LOC64530	11.93	12.05	0.20	0.24	4.0E-04	8.8E-04
2317434	FAM79A	7.83	7.96	0.29	0.30	7.7E-03	8.0E-03
3260423	CUTC	7.96	8.09	0.21	0.21	1.4E-04	4.1E-04
2572595	CCDC93	6.56	6.68	0.33	0.32	9.9E-03	9.6E-03
3945585	APOBEC3D	8.90	9.03	0.25	0.27	4.1E-03	5.0E-03
2999640	UBE2D4	7.08	7.21	0.23	0.24	4.1E-04	9.1E-04
3673723	HSPC176	7.24	7.37	0.26	0.31	7.0E-03	7.4E-03

AJHG, Volume 82

2715634	ADD1	9.46	9.59	0.22	0.22	5.5E-04	1.1E-03
3430129	POLR3B	6.74	6.87	0.26	0.25	5.1E-04	1.0E-03
2520138	FLJ20160	9.17	9.30	0.30	0.23	5.1E-03	5.8E-03
3662041	OGFOD1	8.93	9.06	0.27	0.24	2.4E-03	3.3E-03
3851055	ELOF1	9.47	9.60	0.24	0.20	6.7E-04	1.3E-03
3641871	LINS1	7.05	7.18	0.33	0.31	4.9E-03	5.7E-03
3337618	SAPS3	9.18	9.31	0.24	0.21	4.1E-04	8.9E-04
3310725	C10orf88	6.52	6.65	0.28	0.27	5.1E-03	5.8E-03
3565571	WDHD1	7.94	8.07	0.29	0.29	3.7E-03	4.6E-03
3243078	ZNF649	6.48	6.61	0.34	0.34	1.0E-02	9.8E-03
3929038	C21orf45	8.20	8.34	0.20	0.18	4.3E-05	1.6E-04
3895022	ZNF343	6.66	6.80	0.31	0.24	4.5E-03	5.3E-03
7385515	MALAT1	11.85	11.98	0.27	0.25	5.1E-03	5.9E-03
3074039	SLC35B4	7.83	7.96	0.28	0.28	6.9E-03	7.4E-03
2809885	SKIV2L2	7.76	7.89	0.29	0.22	1.0E-03	1.7E-03
3048886	PURB	7.61	7.74	0.27	0.26	1.2E-03	2.0E-03
2546008	SUPT7L	7.26	7.39	0.31	0.34	6.0E-03	6.5E-03
2866590	LYSMD3	7.91	8.04	0.33	0.30	4.0E-03	4.9E-03
3419849	TBK1	8.38	8.51	0.29	0.28	2.3E-03	3.2E-03
3697632	LOC64539	6.34	6.47	0.26	0.27	1.3E-03	2.1E-03
3251353	C10orf10	9.06	9.19	0.33	0.26	7.1E-03	7.5E-03
3071636	RBM28	6.86	6.99	0.23	0.23	8.6E-04	1.5E-03
2447454	ARPC5	10.65	10.78	0.26	0.23	1.4E-03	2.3E-03
4015602	LOC64704	7.35	7.48	0.23	0.22	3.2E-04	7.5E-04
2685034	CGGBP1	9.70	9.83	0.29	0.25	1.9E-03	2.8E-03
3414186	TEGT	10.75	10.88	0.24	0.21	6.6E-04	1.3E-03
2974188	CRSP3	7.92	8.06	0.31	0.31	5.8E-03	6.4E-03
3559570	FAM106B	8.77	8.90	0.21	0.20	1.3E-04	3.8E-04
2951300	TAF11	7.75	7.88	0.31	0.34	8.2E-03	8.3E-03
3504434	XPO4	7.87	8.00	0.32	0.31	7.7E-03	7.9E-03
2417174	SERBP1	11.06	11.20	0.28	0.27	2.4E-03	3.3E-03
3463571	PPP1R12A	8.14	8.27	0.30	0.26	4.0E-03	4.9E-03
3202171	PLAA	8.23	8.37	0.19	0.20	7.1E-05	2.4E-04

AJHG, Volume 82

2709062	SFRS10	10.04	10.17	0.23	0.24	5.7E-04	1.1E-03
3450180	YARS2	7.29	7.42	0.27	0.33	7.3E-03	7.6E-03
3269662	BCCIP	6.93	7.07	0.26	0.26	1.5E-03	2.3E-03
3762416	ANKRD40	7.53	7.67	0.31	0.35	8.4E-03	8.5E-03
3331392	HEAB	7.42	7.56	0.24	0.20	3.0E-04	7.1E-04
3878934	NAT5	7.05	7.18	0.31	0.27	6.7E-03	7.2E-03
3883547	PHF20	7.72	7.85	0.32	0.30	9.0E-03	8.9E-03
3728889	TMEM49	9.41	9.54	0.23	0.23	2.4E-04	6.1E-04
3435902	DDX55	6.98	7.11	0.34	0.28	7.9E-03	8.1E-03
2334706	NSUN4	8.58	8.71	0.25	0.24	6.4E-04	1.2E-03
3417531	COQ10A	6.97	7.10	0.26	0.25	8.7E-04	1.6E-03
2592268	STAT1	11.56	11.70	0.26	0.24	5.6E-04	1.1E-03
3225456	MAPKAP1	9.93	10.07	0.25	0.26	2.0E-03	3.0E-03
3770743	LOC65324	9.71	9.84	0.22	0.18	9.0E-05	2.9E-04
3359751	ZNF195	7.88	8.02	0.33	0.27	5.7E-03	6.4E-03
3076340	BRAF	8.87	9.00	0.34	0.32	9.8E-03	9.5E-03
3708764	TNFSF12	6.54	6.67	0.34	0.32	7.9E-03	8.1E-03
3091797	EXTL3	7.05	7.18	0.26	0.31	3.8E-03	4.7E-03
4016572	MORF4L2	9.58	9.71	0.32	0.25	9.7E-04	1.7E-03
2485433	AFTIPHIL	9.38	9.51	0.20	0.25	8.4E-04	1.5E-03
3952543	SLC25A1	9.01	9.15	0.30	0.25	2.9E-03	3.8E-03
2321238	PRDM2	7.61	7.75	0.27	0.31	5.5E-03	6.2E-03
3684782	CDR2	8.39	8.52	0.25	0.29	2.5E-03	3.4E-03
3847252	SAFB2	7.49	7.62	0.28	0.34	7.3E-03	7.7E-03
3397589	ETS1	10.38	10.51	0.33	0.25	3.6E-03	4.5E-03
2679864	PSMD6	9.35	9.49	0.26	0.28	3.5E-03	4.4E-03
3164914	LOC64639	6.98	7.11	0.22	0.21	3.0E-05	1.3E-04
3275132	LOC64261	11.91	12.05	0.12	0.15	1.5E-07	2.5E-06
3765299	APPBP2	8.25	8.39	0.29	0.30	2.9E-03	3.8E-03
3739679	VPS53	7.84	7.98	0.21	0.23	5.7E-05	2.0E-04
3719362	AATF	8.75	8.89	0.32	0.28	4.8E-03	5.6E-03
2419113	USP33	8.20	8.34	0.30	0.27	1.6E-03	2.4E-03
3874900	CDS2	8.80	8.94	0.29	0.29	3.1E-03	4.0E-03

AJHG, Volume 82

3219547	IKBKAP	8.08	8.22	0.21	0.24	8.1E-05	2.6E-04
3464967	GALNT4	6.69	6.83	0.29	0.25	3.1E-03	4.0E-03
3545466	AHSA1	9.42	9.55	0.23	0.24	7.2E-04	1.4E-03
3354764	STT3A	10.55	10.69	0.28	0.24	1.9E-03	2.8E-03
3335907	SF3B2	8.97	9.11	0.16	0.19	2.3E-05	1.0E-04
3499453	TPP2	9.13	9.27	0.26	0.23	2.0E-04	5.2E-04
3593652	USP8	7.27	7.41	0.31	0.30	3.7E-03	4.5E-03
3735107	SAP30BP	7.84	7.97	0.25	0.24	8.3E-04	1.5E-03
3448428	C12orf11	8.73	8.87	0.35	0.32	8.5E-03	8.6E-03
3649245	BFAR	8.43	8.57	0.26	0.24	1.4E-03	2.2E-03
2622912	MAPKAPK3	7.63	7.77	0.24	0.30	4.9E-03	5.7E-03
3734575	ICT1	8.15	8.29	0.27	0.24	7.9E-04	1.5E-03
2408189	PPT1	8.99	9.13	0.28	0.27	2.1E-03	3.0E-03
3831698	ZNF658	6.83	6.97	0.39	0.28	7.3E-03	7.7E-03
2440117	COPA	8.01	8.15	0.32	0.29	8.8E-03	8.8E-03
3523881	KDELC1	6.69	6.82	0.33	0.33	1.0E-02	9.8E-03
3891643	C20orf17	6.98	7.12	0.28	0.29	2.7E-03	3.6E-03
3974708	USP9X	9.27	9.41	0.31	0.32	6.7E-03	7.2E-03
3543411	RBM25	7.80	7.94	0.31	0.28	3.5E-03	4.4E-03
3580791	BAG5	7.92	8.06	0.30	0.29	4.7E-03	5.5E-03
3687698	CD2BP2	7.63	7.77	0.26	0.26	1.6E-03	2.4E-03
2643157	CDV3	11.16	11.30	0.24	0.23	4.2E-04	9.1E-04
3727962	DGKE	6.96	7.10	0.27	0.30	1.3E-03	2.1E-03
3615985	MTMR10	7.22	7.36	0.27	0.26	1.5E-03	2.3E-03
3576014	C14orf10	6.57	6.70	0.23	0.27	1.3E-03	2.1E-03
3504617	C13orf3	7.21	7.35	0.35	0.32	8.9E-03	8.9E-03
3627363	NARG2	7.89	8.03	0.30	0.31	4.2E-03	5.1E-03
3537813	ACTR10	6.98	7.12	0.25	0.26	7.1E-04	1.3E-03
3210130	C9orf41	7.22	7.35	0.33	0.27	2.6E-03	3.5E-03
2992863	C7orf30	8.30	8.44	0.30	0.22	6.3E-04	1.2E-03
3732885	PRKAR1A	10.71	10.85	0.20	0.19	1.4E-05	7.2E-05
2347096	DR1	8.73	8.87	0.21	0.22	2.3E-04	5.9E-04
2676471	TMEM110	8.06	8.20	0.29	0.29	6.1E-03	6.6E-03

AJHG, Volume 82

2982381	TCP1	11.79	11.93	0.18	0.17	7.3E-06	4.4E-05
3096545	FLJ23356	7.85	7.99	0.32	0.33	1.0E-02	9.6E-03
3183757	RAD23B	7.93	8.07	0.26	0.25	1.0E-03	1.8E-03
3536650	SOCS4	7.63	7.77	0.36	0.31	7.1E-03	7.5E-03
3235726	OPTN	8.45	8.59	0.33	0.26	2.7E-03	3.6E-03
3619773	INOC1	7.69	7.83	0.23	0.24	3.7E-04	8.2E-04
4021633	COVA1	6.73	6.87	0.26	0.27	7.1E-04	1.3E-03
3354731	EI24	9.38	9.52	0.32	0.27	3.8E-03	4.7E-03
3940185	SNRPD3	9.64	9.78	0.31	0.30	3.3E-03	4.2E-03
3541137	EIF2S1	9.56	9.70	0.27	0.22	5.3E-04	1.1E-03
3458216	ZBTB39	7.10	7.25	0.25	0.26	1.1E-03	1.8E-03
3229943	SDCCAG3	7.42	7.56	0.22	0.26	5.7E-04	1.1E-03
2320762	VPS13D	7.14	7.28	0.27	0.30	3.5E-03	4.4E-03
3829857	LOC65335	7.16	7.30	0.26	0.30	2.4E-03	3.3E-03
3012633	GATAD1	8.37	8.51	0.32	0.32	6.3E-03	6.8E-03
2593670	SF3B1	10.38	10.52	0.25	0.23	6.4E-04	1.2E-03
2364155	UHMK1	9.85	10.00	0.24	0.25	1.8E-03	2.6E-03
2888519	RAP80	8.26	8.40	0.25	0.27	1.0E-03	1.8E-03
2356344	ZNF364	8.22	8.36	0.32	0.37	9.5E-03	9.3E-03
2738697	CYP2U1	6.37	6.51	0.29	0.29	3.4E-03	4.3E-03
2514658	ZNF650	7.31	7.45	0.32	0.35	7.5E-03	7.8E-03
3119735	ZNF623	6.41	6.55	0.38	0.33	5.8E-03	6.4E-03
3924783	PRMT2	7.31	7.45	0.25	0.21	3.3E-04	7.7E-04
3962165	C22orf18	8.40	8.54	0.29	0.31	6.2E-03	6.7E-03
2786462	PPP1R14B	6.67	6.81	0.30	0.31	7.5E-03	7.8E-03
2454838	C1orf48	8.88	9.02	0.32	0.34	6.0E-03	6.6E-03
2437645	GON4L	7.57	7.72	0.29	0.32	2.7E-03	3.6E-03
3264004	SHOC2	9.60	9.74	0.28	0.26	8.4E-04	1.5E-03
3015216	COPS6	9.75	9.89	0.27	0.26	8.4E-04	1.5E-03
3787031	C18orf25	6.61	6.75	0.42	0.39	2.7E-03	3.6E-03
3144760	RBM12B	7.99	8.13	0.30	0.31	3.0E-03	3.9E-03
3431376	ANKRD13	9.27	9.41	0.33	0.30	5.9E-03	6.5E-03
2639874	UMPS	8.22	8.36	0.27	0.24	1.4E-04	4.1E-04

AJHG, Volume 82

2632491	NSUN3	7.33	7.48	0.29	0.31	4.6E-03	5.4E-03
3485074	RFC3	9.18	9.32	0.23	0.24	2.7E-04	6.6E-04
2763805	DHX15	9.80	9.94	0.24	0.22	2.6E-04	6.4E-04
2384956	COG2	7.48	7.63	0.32	0.31	3.7E-03	4.5E-03
3453556	PRKAG1	9.04	9.18	0.27	0.30	3.8E-03	4.6E-03
2401275	HNRPR	10.25	10.39	0.28	0.26	7.4E-04	1.4E-03
3204202	ARID3C	8.68	8.82	0.15	0.21	2.5E-05	1.1E-04
3387413	FAM76B	7.50	7.65	0.29	0.27	9.0E-04	1.6E-03
3147726	SLC25A32	9.25	9.39	0.20	0.20	3.3E-05	1.4E-04
2852237	GOLPH3	9.25	9.39	0.27	0.24	5.1E-04	1.1E-03
2969810	TRAF3IP2	8.61	8.75	0.25	0.25	1.4E-03	2.2E-03
2707764	DCUN1D1	9.75	9.89	0.31	0.27	3.5E-03	4.4E-03
3483348	C13orf12	10.32	10.46	0.23	0.23	5.1E-05	1.9E-04
3307795	C10orf11	6.73	6.87	0.40	0.40	7.1E-03	7.5E-03
3263790	CSPG6	7.83	7.98	0.34	0.28	6.9E-03	7.3E-03
2475710	LYCAT	7.49	7.64	0.35	0.33	7.7E-03	7.9E-03
3755396	CCDC49	7.14	7.28	0.30	0.29	2.1E-03	3.0E-03
3788220	ME2	9.71	9.85	0.24	0.25	2.3E-04	5.9E-04
3760945	MRPL10	8.19	8.34	0.26	0.26	9.5E-04	1.7E-03
3223872	RAB14	8.61	8.75	0.32	0.32	2.7E-03	3.6E-03
3801411	NPC1	8.31	8.45	0.38	0.35	7.5E-03	7.8E-03
2827525	KDELC1	8.04	8.18	0.30	0.37	9.9E-03	9.6E-03
2434633	ARNT	8.35	8.50	0.25	0.29	3.9E-03	4.7E-03
2388219	EXO1	8.35	8.50	0.35	0.33	5.5E-03	6.2E-03
3739827	C17orf25	8.91	9.06	0.32	0.26	2.1E-03	3.0E-03
3101385	MTFR1	7.39	7.53	0.35	0.30	6.2E-03	6.7E-03
3423184	ZDHHC17	6.92	7.07	0.33	0.33	3.5E-03	4.4E-03
2501697	ACTR3	11.55	11.70	0.24	0.21	1.9E-04	5.1E-04
2948259	LOC65255	7.97	8.12	0.27	0.26	6.4E-04	1.2E-03
3180263	LOC65265	9.23	9.37	0.28	0.27	2.3E-03	3.2E-03
3850363	KEAP1	8.36	8.51	0.23	0.25	2.3E-04	5.9E-04
3030562	ZNF212	7.06	7.21	0.27	0.27	1.4E-03	2.2E-03
2751385	CLCN3	7.81	7.95	0.29	0.32	3.1E-03	4.0E-03

AJHG, Volume 82

3559497	STRN3	6.99	7.13	0.37	0.35	7.9E-03	8.1E-03
3474228	RAB35	9.02	9.17	0.24	0.25	4.6E-04	9.8E-04
3056044	BAZ1B	8.64	8.78	0.22	0.21	1.1E-04	3.2E-04
2477980	GEMIN6	7.92	8.06	0.31	0.27	7.0E-04	1.3E-03
3454223	RACGAP1	8.84	8.98	0.25	0.22	1.6E-04	4.4E-04
3722554	DHX8	8.30	8.45	0.19	0.25	2.1E-04	5.4E-04
2434892	VPS72	8.61	8.76	0.31	0.27	3.4E-03	4.3E-03
3907652	NCOA5	8.51	8.66	0.29	0.25	1.4E-03	2.2E-03
3462693	KRR1	8.03	8.18	0.31	0.31	1.2E-03	2.0E-03
3910785	AURKA	7.57	7.72	0.31	0.25	3.4E-04	7.8E-04
3470793	KCTD10	8.13	8.27	0.28	0.27	2.0E-03	2.9E-03
3304624	MARVELD2	9.21	9.35	0.29	0.27	1.9E-03	2.8E-03
3972093	POLA	8.02	8.17	0.33	0.32	3.4E-03	4.3E-03
4017245	RP13-383	7.00	7.14	0.32	0.30	2.6E-03	3.5E-03
3311342	LOC39981	6.86	7.01	0.30	0.31	5.3E-04	1.1E-03
3471704	BRAP	8.06	8.21	0.21	0.22	8.6E-05	2.8E-04
2454378	SLC30A1	7.60	7.75	0.30	0.29	8.1E-03	8.3E-03
3892409	LSM14B	7.20	7.35	0.25	0.22	6.7E-05	2.3E-04
2326496	DHDDS	8.91	9.06	0.24	0.28	1.1E-03	1.8E-03
2691014	GSK3B	9.63	9.78	0.32	0.31	7.0E-03	7.4E-03
3550392	PAPOLA	9.68	9.83	0.31	0.27	1.2E-03	1.9E-03
3273484	LARP5	8.05	8.20	0.31	0.38	6.2E-03	6.8E-03
2436401	JTB	7.38	7.53	0.39	0.29	5.9E-03	6.5E-03
3766861	POLG2	7.02	7.17	0.33	0.28	1.3E-03	2.1E-03
2403740	SFRS4	10.05	10.20	0.18	0.19	1.4E-05	7.2E-05
2495555	UNC50	7.11	7.26	0.27	0.31	2.8E-03	3.7E-03
3896524	CGI-09	8.01	8.16	0.18	0.18	8.8E-07	9.4E-06
2779434	DNAJB14	7.69	7.84	0.27	0.30	2.2E-03	3.1E-03
3779756	LOC64618	8.93	9.08	0.21	0.18	9.1E-06	5.2E-05
3716664	SUZ12P	8.08	8.23	0.31	0.34	1.0E-02	9.8E-03
3456592	SMUG1	6.89	7.04	0.27	0.20	1.6E-04	4.3E-04
4052881	LOC65382	8.11	8.26	0.31	0.33	2.5E-03	3.4E-03
3611126	MEF2A	9.30	9.45	0.26	0.21	2.9E-04	7.0E-04

AJHG, Volume 82

3343008	TMEM126A	7.05	7.20	0.38	0.33	9.8E-03	9.5E-03
3571904	LOC64665	8.97	9.12	0.39	0.33	4.7E-03	5.4E-03
2845043	TRIM41	6.48	6.63	0.17	0.18	4.0E-06	2.8E-05
2866045	MGC33214	8.20	8.35	0.36	0.35	8.9E-03	8.9E-03
3260666	HIF1AN	8.06	8.21	0.36	0.34	5.7E-03	6.3E-03
3764680	TRIM37	7.30	7.45	0.28	0.31	2.3E-03	3.2E-03
2587520	LOC64407	8.09	8.24	0.25	0.30	1.5E-03	2.3E-03
2534615	SCLY	7.56	7.71	0.30	0.31	3.7E-03	4.5E-03
3815649	CIRBP	10.25	10.40	0.23	0.31	1.4E-03	2.2E-03
3415969	SP1	9.10	9.25	0.26	0.24	2.3E-04	5.9E-04
2720145	LAP3	9.77	9.92	0.29	0.27	2.1E-03	3.0E-03
3916576	GABPA	8.54	8.69	0.31	0.34	4.6E-03	5.4E-03
3291682	JMJD1C	8.56	8.71	0.33	0.31	6.4E-03	6.9E-03
3310413	ATE1	8.19	8.34	0.30	0.33	1.5E-03	2.4E-03
3887635	NCOA3	10.44	10.59	0.23	0.24	3.6E-05	1.4E-04
3182019	STX17	7.72	7.87	0.27	0.27	1.1E-03	1.9E-03
3133345	SLC20A2	7.06	7.21	0.19	0.17	3.3E-06	2.4E-05
3906942	SERINC3	9.75	9.90	0.31	0.23	5.8E-04	1.1E-03
2458289	LBR	10.06	10.21	0.38	0.32	6.6E-03	7.1E-03
3639031	PRC1	8.38	8.53	0.31	0.27	8.6E-04	1.5E-03
3764066	LOC64731	8.42	8.57	0.29	0.30	2.5E-03	3.4E-03
2419046	USP33	7.88	8.03	0.34	0.34	4.5E-03	5.3E-03
2766532	ENST0000	7.29	7.44	0.29	0.35	7.1E-03	7.5E-03
2481308	LOC12928	7.05	7.20	0.31	0.37	6.2E-03	6.7E-03
2910477	FBXO9	7.19	7.34	0.39	0.31	4.4E-03	5.2E-03
2454444	NEK2	7.66	7.81	0.23	0.22	7.9E-05	2.6E-04
3882681	CHMP4B	7.35	7.50	0.23	0.26	2.7E-05	1.2E-04
2476116	SLC30A6	8.09	8.24	0.32	0.31	2.2E-03	3.1E-03
3429460	TXNRD1	8.61	8.76	0.33	0.34	6.3E-03	6.8E-03
3629494	CLPX	8.67	8.82	0.33	0.29	2.9E-03	3.8E-03
3728776	RAD51C	7.16	7.31	0.42	0.37	9.6E-03	9.4E-03
3005332	RCP9	8.03	8.18	0.26	0.29	1.2E-03	2.0E-03
3182489	RNF20	7.88	8.03	0.29	0.27	5.6E-04	1.1E-03

AJHG, Volume 82

3941907	EWSR1	8.88	9.03	0.32	0.27	1.5E-03	2.4E-03
3759305	CCDC43	7.05	7.21	0.33	0.33	5.2E-03	5.9E-03
3185558	PRPF4	8.57	8.72	0.27	0.24	7.7E-04	1.4E-03
3129588	KIF13B	7.51	7.66	0.24	0.26	2.8E-04	6.7E-04
3540007	MTHFD1	10.13	10.28	0.18	0.18	7.7E-07	8.5E-06
3453036	ASB8	7.41	7.57	0.28	0.26	8.1E-04	1.5E-03
3282268	ACBD5	7.75	7.91	0.22	0.24	3.3E-05	1.3E-04
3132333	TM2D2	6.83	6.98	0.28	0.30	1.1E-03	1.8E-03
3422269	RAB21	9.59	9.74	0.21	0.27	1.9E-04	5.1E-04
3764103	SFRS1	10.89	11.05	0.22	0.23	4.4E-05	1.7E-04
3693083	LOC15266	9.08	9.23	0.24	0.21	8.8E-06	5.0E-05
3693533	FLJ43934	9.64	9.79	0.31	0.25	5.7E-04	1.1E-03
3888133	CSE1L	9.32	9.47	0.34	0.29	2.3E-03	3.2E-03
3670725	GAN	7.05	7.21	0.28	0.29	1.1E-03	1.8E-03
3918574	IFNAR1	8.18	8.33	0.35	0.28	2.3E-03	3.2E-03
2664395	HACL1	7.94	8.09	0.29	0.35	5.9E-03	6.5E-03
3417309	PA2G4	11.52	11.67	0.29	0.34	3.4E-03	4.3E-03
2581548	LOC64245	8.81	8.97	0.35	0.34	6.0E-03	6.6E-03
3623683	GABPB2	8.75	8.91	0.28	0.26	1.3E-03	2.1E-03
2650066	IL12A	6.55	6.70	0.37	0.36	8.4E-03	8.5E-03
3094245	SPFH2	6.90	7.06	0.28	0.32	1.5E-03	2.3E-03
2986546	PDCD2	8.06	8.22	0.30	0.27	6.2E-04	1.2E-03
3418551	TSFM	7.29	7.45	0.30	0.28	1.5E-03	2.3E-03
3303652	MRPL43	6.93	7.08	0.27	0.31	4.1E-03	5.0E-03
2921086	CDC40	8.44	8.59	0.28	0.23	1.3E-04	3.8E-04
2449619	ZBTB41	6.74	6.90	0.34	0.38	5.7E-03	6.4E-03
3793888	LOC65394	6.74	6.89	0.31	0.30	1.5E-03	2.3E-03
2325251	TCEB3	8.53	8.68	0.36	0.37	7.8E-03	8.1E-03
2759404	GRPEL1	8.11	8.27	0.29	0.27	9.8E-04	1.7E-03
3405531	DDX47	9.22	9.37	0.31	0.28	8.7E-04	1.6E-03
3990795	RBMX2	7.86	8.01	0.19	0.20	9.1E-06	5.1E-05
3668898	ZFP1	7.05	7.20	0.37	0.28	9.3E-03	9.2E-03
2419235	FUBP1	9.55	9.70	0.28	0.22	3.9E-04	8.6E-04

AJHG, Volume 82

2723710	PGM2	8.41	8.56	0.30	0.28	1.3E-03	2.1E-03
2454935	ANGEL2	7.47	7.62	0.28	0.29	1.2E-03	1.9E-03
3250168	VPS26A	8.98	9.13	0.32	0.26	1.3E-03	2.1E-03
3256689	PTEN	10.35	10.51	0.35	0.33	2.7E-03	3.7E-03
3097208	UBE2V2	8.37	8.52	0.29	0.31	6.7E-04	1.3E-03
2378937	DTL	8.91	9.07	0.33	0.32	2.5E-03	3.4E-03
3779314	CHMP1B	8.65	8.80	0.19	0.25	1.3E-04	3.8E-04
3730941	PSMC5	8.83	8.98	0.30	0.27	4.5E-04	9.7E-04
3471005	GIT2	8.40	8.55	0.24	0.25	9.1E-05	2.9E-04
2737717	NFKB1	9.85	10.00	0.27	0.29	8.1E-04	1.5E-03
2633587	TBC1D23	6.94	7.10	0.36	0.37	7.9E-03	8.1E-03
3021123	ING3	7.87	8.03	0.33	0.34	8.9E-03	8.9E-03
3451670	PUS7L	7.53	7.69	0.40	0.40	7.6E-03	7.9E-03
3189110	GAPVD1	8.00	8.16	0.24	0.26	1.0E-04	3.2E-04
3575103	GALC	6.44	6.60	0.32	0.34	5.3E-03	6.1E-03
3150663	TAF2	8.23	8.38	0.26	0.25	7.2E-05	2.4E-04
3911814	C20orf45	9.24	9.39	0.24	0.29	3.3E-04	7.7E-04
2536183	PPP1R7	8.57	8.73	0.23	0.25	2.6E-04	6.3E-04
3821727	ZNF136	7.18	7.33	0.31	0.24	7.8E-04	1.4E-03
2407163	SNIP1	7.27	7.42	0.20	0.19	1.8E-05	8.4E-05
2793137	SH3RF1	7.59	7.75	0.35	0.30	6.0E-03	6.6E-03
3971329	MBTPS2	7.01	7.17	0.35	0.28	9.6E-04	1.7E-03
3109191	POLR2K	7.44	7.60	0.31	0.30	1.8E-03	2.7E-03
2338487	FLJ10986	6.93	7.09	0.30	0.33	3.8E-03	4.7E-03
3523118	RP11-151	6.44	6.60	0.20	0.25	1.0E-04	3.2E-04
3880191	ZNF336	6.88	7.04	0.25	0.25	1.1E-04	3.3E-04
2668035	DYNC1LI1	7.13	7.28	0.33	0.33	8.6E-03	8.7E-03
2426791	CLCC1	7.36	7.52	0.36	0.39	3.5E-03	4.4E-03
3817501	CHAF1A	7.51	7.67	0.25	0.23	6.2E-05	2.2E-04
2608419	SETMAR	6.50	6.65	0.43	0.37	7.7E-03	8.0E-03
3430331	RIC8B	6.88	7.04	0.28	0.24	1.4E-04	4.0E-04
3991650	PHF6	8.50	8.66	0.36	0.31	3.5E-03	4.4E-03
3382972	FTHL12	6.93	7.08	0.32	0.30	2.8E-03	3.7E-03

AJHG, Volume 82

3750939	SDF2	7.98	8.13	0.30	0.25	4.1E-04	8.9E-04
2927873	CCDC28A	7.24	7.40	0.30	0.34	3.8E-03	4.7E-03
2968054	SEC63	9.65	9.81	0.30	0.26	4.6E-04	9.8E-04
3828887	ZNF507	7.30	7.46	0.39	0.36	8.5E-03	8.6E-03
3224341	PDCL	7.17	7.33	0.31	0.32	1.9E-03	2.8E-03
2711818	LSG1	7.01	7.16	0.33	0.33	2.2E-03	3.1E-03
2704188	PDCD10	6.76	6.92	0.34	0.29	1.0E-03	1.8E-03
2980812	TFB1M	6.74	6.90	0.40	0.34	7.1E-03	7.5E-03
2892738	PRPF4B	7.88	8.04	0.38	0.34	5.7E-03	6.4E-03
2458701	ACBD3	8.71	8.87	0.24	0.25	1.3E-04	3.8E-04
2556302	PELI1	9.13	9.29	0.32	0.33	3.1E-03	4.0E-03
3563687	C14orf13	7.21	7.37	0.27	0.26	4.1E-04	9.1E-04
3289031	LOC65228	8.87	9.03	0.29	0.31	1.5E-03	2.4E-03
2848233	LOC13414	6.64	6.80	0.34	0.39	2.8E-03	3.7E-03
2613386	RAB5A	8.77	8.93	0.36	0.36	7.5E-03	7.8E-03
3895075	IDH3B	9.52	9.68	0.22	0.23	3.8E-05	1.5E-04
3510858	FOXO1A	8.53	8.69	0.32	0.26	5.1E-04	1.1E-03
3630099	FLJ20516	6.60	6.76	0.35	0.36	3.2E-03	4.1E-03
3989180	MCTS1	7.38	7.54	0.29	0.27	5.0E-04	1.0E-03
2575161	MGC4268	7.08	7.24	0.35	0.35	7.6E-03	7.9E-03
3872335	DKFZp686	6.70	6.86	0.31	0.33	3.3E-03	4.2E-03
2658346	OPA1	8.80	8.96	0.33	0.36	5.7E-03	6.3E-03
2565484	LMAN2L	6.90	7.06	0.32	0.30	1.1E-03	1.8E-03
3537747	PSMA3	9.63	9.79	0.27	0.34	1.2E-03	2.0E-03
2594569	MGC39518	7.93	8.09	0.34	0.33	2.4E-03	3.3E-03
3387483	MTMR2	8.74	8.90	0.28	0.27	4.1E-04	9.0E-04
3347549	CUL5	7.08	7.24	0.33	0.34	2.7E-03	3.6E-03
3135452	ATP6V1H	7.89	8.05	0.33	0.31	1.3E-03	2.1E-03
2785114	PGRMC2	7.60	7.76	0.42	0.41	8.9E-03	8.9E-03
2773907	SDAD1	9.22	9.38	0.40	0.33	8.7E-03	8.7E-03
3588069	TMEM85	8.93	9.09	0.32	0.27	2.3E-03	3.2E-03
2450865	CSRP1	8.36	8.52	0.29	0.36	3.0E-03	3.9E-03
3456630	CBX5	9.95	10.11	0.31	0.32	3.8E-03	4.7E-03

AJHG, Volume 82

3178611	SECISBP2	7.69	7.85	0.38	0.33	1.8E-03	2.7E-03
2853768	NUP155	8.56	8.72	0.28	0.28	3.7E-04	8.3E-04
3589212	FAM98B	6.47	6.63	0.37	0.34	3.4E-03	4.3E-03
3441011	PARP11	6.68	6.84	0.32	0.33	2.6E-03	3.5E-03
2321942	DDI2	8.25	8.41	0.33	0.31	1.3E-03	2.1E-03
3332938	C11orf66	8.91	9.07	0.24	0.25	1.1E-04	3.4E-04
3414512	LARP4	8.65	8.81	0.23	0.25	1.1E-04	3.4E-04
3081624	LMBR1	8.54	8.70	0.32	0.34	2.7E-03	3.6E-03
3593770	AP4E1	7.03	7.19	0.30	0.27	4.0E-04	8.9E-04
3996815	VBP1	7.82	7.99	0.29	0.26	3.2E-04	7.4E-04
2978026	FBXO30	7.72	7.88	0.28	0.28	6.0E-04	1.2E-03
3809671	NARS	7.01	7.18	0.36	0.38	2.9E-03	3.8E-03
4015838	ARMCX6	8.05	8.21	0.18	0.20	1.5E-06	1.4E-05
3393834	C11orf60	6.64	6.80	0.29	0.30	3.4E-04	7.8E-04
3504791	EFHA1	7.54	7.70	0.41	0.37	8.7E-03	8.7E-03
2999485	STK17A	9.65	9.81	0.39	0.38	9.7E-03	9.4E-03
2712958	WDR53	6.86	7.02	0.25	0.30	5.6E-04	1.1E-03
3436544	BRI3BP	9.17	9.34	0.23	0.23	6.0E-05	2.1E-04
2773023	ANKRD17	8.82	8.98	0.28	0.28	2.8E-04	6.8E-04
3659931	PAPD5	7.85	8.01	0.41	0.39	7.2E-03	7.6E-03
3378790	PPP1CA	10.68	10.85	0.29	0.25	3.0E-04	7.1E-04
3325768	QSER1	6.63	6.80	0.40	0.38	9.5E-03	9.3E-03
3598165	PLEKHQ1	8.09	8.26	0.24	0.31	8.4E-04	1.5E-03
3603199	IDH3A	10.48	10.64	0.21	0.21	7.5E-06	4.4E-05
2595443	WDR12	8.53	8.69	0.33	0.31	3.4E-03	4.3E-03
2588827	NFE2L2	8.63	8.80	0.30	0.34	1.9E-03	2.8E-03
3517594	KIAA1008	8.35	8.51	0.37	0.31	3.0E-03	3.9E-03
3199431	ZDHHC21	7.80	7.96	0.38	0.36	5.0E-03	5.8E-03
3072276	LOC64646	8.41	8.57	0.26	0.32	1.6E-04	4.5E-04
3989089	ZBTB33	8.45	8.62	0.28	0.28	2.9E-04	7.0E-04
2724671	RHOH	9.62	9.79	0.33	0.36	4.9E-03	5.6E-03
3188993	ARPC5L	8.17	8.34	0.30	0.32	1.7E-03	2.5E-03
3408018	LOC64510	8.39	8.56	0.37	0.35	2.1E-03	3.0E-03

AJHG, Volume 82

3486883	NARG1L	6.46	6.62	0.37	0.31	2.4E-03	3.3E-03
3133465	THAP1	6.78	6.94	0.22	0.28	1.1E-04	3.4E-04
2878246	PFDN1	7.04	7.21	0.35	0.36	6.1E-03	6.7E-03
2366132	TIPRL	7.68	7.85	0.36	0.38	8.0E-03	8.2E-03
3807569	LOC64860	7.89	8.05	0.38	0.38	4.0E-03	4.8E-03
3044129	C7orf24	8.06	8.22	0.32	0.32	1.6E-03	2.4E-03
2619344	NKTR	7.59	7.75	0.36	0.38	6.1E-03	6.6E-03
3960782	JOSD1	8.40	8.57	0.28	0.34	1.8E-03	2.6E-03
2900423	ZNF187	6.58	6.74	0.38	0.33	5.3E-03	6.0E-03
2655773	POLR2H	9.50	9.66	0.29	0.29	3.4E-04	7.8E-04
2437329	CLK2P	8.91	9.07	0.24	0.28	3.0E-04	7.2E-04
3726992	UTP18	7.29	7.46	0.39	0.41	6.9E-03	7.4E-03
2780999	PAPSS1	8.41	8.58	0.36	0.29	1.9E-03	2.7E-03
3398241	BTBD15	8.20	8.37	0.34	0.35	3.0E-03	4.0E-03
2440549	ARHGAP30	8.96	9.13	0.19	0.23	1.8E-05	8.4E-05
3716893	C17orf41	7.32	7.49	0.36	0.37	4.1E-03	4.9E-03
3665603	CTCF	8.92	9.09	0.22	0.21	7.7E-06	4.5E-05
2523635	LOC44258	7.03	7.19	0.30	0.32	4.0E-04	8.9E-04
3060051	C7orf23	9.66	9.83	0.39	0.35	3.1E-03	4.0E-03
2461891	B3GALNT2	7.67	7.84	0.19	0.21	4.3E-06	3.0E-05
3465791	UBE2N	8.89	9.05	0.32	0.37	3.4E-03	4.3E-03
3151534	ATAD2	7.75	7.91	0.36	0.34	3.2E-03	4.1E-03
2979679	ZBTB2	7.43	7.59	0.38	0.39	9.9E-03	9.6E-03
2500615	TMEM87B	8.36	8.52	0.35	0.33	2.9E-03	3.9E-03
3592484	PLDN	8.86	9.02	0.19	0.25	1.4E-05	7.2E-05
3446796	RECQL	8.45	8.61	0.32	0.34	2.1E-03	3.0E-03
3308864	RAB11FIP	7.31	7.48	0.28	0.35	1.7E-03	2.6E-03
3250019	DDX50	8.08	8.24	0.32	0.30	5.1E-04	1.1E-03
3730211	METTL2A	7.05	7.22	0.37	0.37	3.4E-03	4.3E-03
2980241	FBXO5	8.53	8.70	0.36	0.30	1.6E-03	2.4E-03
2327603	GMEB1	7.81	7.98	0.26	0.27	4.0E-04	8.9E-04
3952718	UFD1L	8.92	9.09	0.30	0.29	4.0E-04	8.9E-04
2438504	MRPL24	8.93	9.09	0.28	0.31	8.7E-04	1.6E-03

AJHG, Volume 82

2676901	ACTR8	7.71	7.88	0.32	0.32	2.3E-03	3.2E-03
2693081	SLC12A8	8.41	8.58	0.33	0.29	1.6E-03	2.4E-03
2480619	SOCS5	7.75	7.92	0.28	0.26	1.1E-04	3.4E-04
4012204	HDAC8	7.43	7.59	0.31	0.29	5.4E-04	1.1E-03
3308619	PDZD8	8.63	8.80	0.32	0.26	5.5E-04	1.1E-03
3403567	NECAP1	7.06	7.23	0.32	0.36	2.2E-03	3.1E-03
3225348	PPP6C	9.42	9.59	0.22	0.20	3.2E-06	2.4E-05
2761734	FBXL5	8.38	8.55	0.32	0.29	5.3E-04	1.1E-03
2559807	MOBK1B	10.42	10.59	0.34	0.30	2.1E-03	3.0E-03
3402736	FLJ35282	7.84	8.01	0.36	0.33	1.8E-03	2.7E-03
3457201	DNAJC14	7.56	7.73	0.39	0.36	3.4E-03	4.3E-03
3722384	LOC64414	6.77	6.94	0.32	0.30	5.2E-04	1.1E-03
3242425	C10orf9	8.25	8.41	0.26	0.24	4.5E-05	1.7E-04
2620410	EXOSC7	6.98	7.14	0.32	0.29	8.7E-04	1.6E-03
3508330	HSPH1	9.14	9.31	0.32	0.40	5.0E-03	5.7E-03
3257559	RPP30	8.29	8.46	0.31	0.30	5.1E-04	1.1E-03
3418303	PIP5K2C	8.06	8.22	0.25	0.26	2.4E-04	6.0E-04
3537557	C14orf10	7.57	7.74	0.45	0.44	9.8E-03	9.5E-03
3106310	DECR1	8.46	8.63	0.36	0.38	4.4E-03	5.2E-03
3613300	NIPA2	8.77	8.94	0.22	0.28	1.4E-04	4.0E-04
3432267	TRAFD1	9.22	9.39	0.38	0.35	4.5E-03	5.3E-03
3625234	LOC28428	8.78	8.95	0.43	0.36	9.9E-03	9.6E-03
2456204	GPATC2	6.80	6.97	0.36	0.35	2.8E-03	3.7E-03
3391029	PPP2R1B	8.61	8.78	0.29	0.30	5.8E-04	1.1E-03
3751463	NUFIP2	8.61	8.78	0.27	0.25	1.9E-04	5.1E-04
3819968	LOC64739	6.31	6.48	0.29	0.24	1.4E-04	4.0E-04
2799184	NDUFS6	9.46	9.63	0.34	0.29	5.3E-04	1.1E-03
3180957	HABP4	7.07	7.24	0.26	0.25	1.4E-04	4.0E-04
2349043	SLC30A7	8.53	8.70	0.36	0.33	2.3E-03	3.2E-03
2430370	GDAP2	7.55	7.72	0.37	0.38	3.3E-03	4.2E-03
3430552	LOC64476	9.08	9.25	0.18	0.18	3.1E-07	4.3E-06
3591838	CASC4	8.31	8.48	0.29	0.27	3.3E-04	7.7E-04
3756193	TOP2A	9.08	9.25	0.38	0.33	2.2E-03	3.1E-03

AJHG, Volume 82

3970833	PDHA1	9.08	9.25	0.21	0.18	1.2E-06	1.2E-05
3372368	MTCH2	10.40	10.57	0.24	0.24	5.3E-05	1.9E-04
2559967	SLC4A5	8.16	8.33	0.28	0.33	1.2E-03	2.0E-03
3373724	SSRP1	9.90	10.07	0.17	0.18	1.0E-07	1.9E-06
2890148	HNRPH1	11.25	11.42	0.22	0.23	5.0E-06	3.4E-05
2526980	XRCC5	10.60	10.77	0.26	0.20	1.2E-05	6.4E-05
3809621	FECH	7.26	7.43	0.29	0.26	3.1E-04	7.3E-04
3045739	HERPUD2	8.64	8.81	0.31	0.30	1.0E-03	1.8E-03
2650199	SMC4L1	8.63	8.81	0.36	0.34	2.3E-03	3.2E-03
3339230	RNF121	8.57	8.74	0.31	0.28	2.5E-04	6.2E-04
3515965	DIAPH3	6.93	7.10	0.37	0.32	1.7E-03	2.6E-03
4024160	ATP11C	8.07	8.24	0.33	0.33	1.7E-03	2.6E-03
3212728	AGTPBP1	7.55	7.72	0.39	0.36	7.0E-03	7.4E-03
2724338	LIAS	6.64	6.81	0.38	0.35	2.3E-03	3.2E-03
2367793	KLHL20	6.85	7.02	0.30	0.29	3.5E-04	7.9E-04
2531377	SP100	8.37	8.54	0.36	0.32	7.2E-04	1.4E-03
3010030	RSBN1L	7.78	7.95	0.29	0.28	2.7E-04	6.6E-04
2629693	PPP4R2	9.25	9.43	0.29	0.36	1.8E-03	2.6E-03
3569200	ATP6V1D	7.22	7.39	0.44	0.37	6.1E-03	6.7E-03
2370991	DHX9	9.46	9.63	0.33	0.30	8.5E-04	1.5E-03
3500772	ABHD13	7.67	7.84	0.24	0.27	8.8E-05	2.8E-04
2562115	LSM3	7.62	7.79	0.33	0.34	1.0E-03	1.8E-03
2925510	L3MBTL3	6.85	7.02	0.44	0.40	9.7E-03	9.4E-03
3689880	SHCBP1	8.63	8.80	0.36	0.29	1.4E-03	2.3E-03
2593352	GTF3C3	8.34	8.51	0.32	0.30	1.2E-03	2.0E-03
3611049	HSP90B1	7.68	7.85	0.39	0.38	5.7E-03	6.3E-03
3623865	SPPL2A	9.14	9.31	0.26	0.29	3.1E-04	7.3E-04
2757720	POLN	6.93	7.10	0.34	0.36	8.3E-04	1.5E-03
3063083	SMURF1	7.14	7.31	0.31	0.35	2.3E-03	3.2E-03
2708610	MAGEF1	8.14	8.31	0.36	0.35	4.0E-03	4.8E-03
3811497	VPS4B	8.24	8.41	0.24	0.22	1.3E-05	6.7E-05
3911177	ZBP1	7.00	7.17	0.35	0.34	2.8E-03	3.7E-03
3145020	KIAA1429	8.16	8.33	0.28	0.23	4.0E-05	1.5E-04

AJHG, Volume 82

3455973	SPRYD3	8.07	8.24	0.25	0.30	2.9E-04	7.0E-04
3882069	MAPRE1	10.27	10.44	0.32	0.27	3.1E-04	7.3E-04
2880905	CSNK1A1	8.74	8.91	0.33	0.33	2.0E-03	2.9E-03
4005627	CXorf38	8.05	8.22	0.40	0.45	9.8E-03	9.5E-03
3627076	BNIP2	8.88	9.06	0.31	0.27	2.4E-04	6.1E-04
3666033	NFATC3	8.07	8.24	0.25	0.27	9.0E-05	2.8E-04
2519140	LEREPO4	8.76	8.93	0.37	0.35	3.6E-03	4.5E-03
3988740	PGRMC1	9.08	9.26	0.28	0.25	1.5E-04	4.3E-04
3217487	ALG2	8.90	9.07	0.25	0.28	7.1E-05	2.4E-04
3565524	GCH1	8.13	8.31	0.44	0.35	7.2E-03	7.6E-03
3890870	LOC64422	8.16	8.33	0.25	0.22	3.4E-05	1.4E-04
2372924	TROVE2	8.83	9.01	0.35	0.37	2.7E-03	3.6E-03
2367287	KIAA0859	7.72	7.90	0.28	0.29	6.3E-04	1.2E-03
3984779	HNRPH2	8.81	8.98	0.32	0.33	2.5E-03	3.4E-03
3217736	TXNDC4	9.83	10.01	0.33	0.30	7.2E-04	1.4E-03
3620515	LOC64292	8.32	8.49	0.24	0.27	1.7E-04	4.6E-04
3740171	CRK	8.12	8.29	0.29	0.28	4.2E-04	9.1E-04
3435946	GTF2H3	7.76	7.94	0.47	0.34	9.7E-03	9.5E-03
2464484	LOC28470	7.46	7.63	0.29	0.38	4.1E-03	4.9E-03
3250093	KIAA1279	7.53	7.71	0.37	0.33	3.2E-03	4.1E-03
3620590	ZFP106	8.74	8.91	0.27	0.22	1.3E-05	6.7E-05
3758317	BRCA1	7.49	7.66	0.35	0.37	3.0E-03	3.9E-03
3037142	LOC39271	8.15	8.32	0.34	0.35	8.3E-04	1.5E-03
3304746	USMG5	10.18	10.36	0.30	0.33	1.3E-03	2.1E-03
3348891	C11orf57	7.24	7.42	0.30	0.28	2.5E-04	6.2E-04
2827156	RNUXA	7.41	7.59	0.35	0.34	2.2E-03	3.1E-03
3843525	ZNF587	6.51	6.69	0.35	0.35	1.8E-03	2.7E-03
2676579	RFT1	7.98	8.15	0.41	0.38	4.4E-03	5.2E-03
3626555	HSP90AB4	8.86	9.03	0.32	0.28	4.6E-04	9.8E-04
2854737	PRKAA1	8.50	8.67	0.30	0.24	1.6E-04	4.5E-04
2842570	UBXD8	8.92	9.09	0.33	0.30	3.2E-04	7.4E-04
2508016	LOC33974	7.59	7.77	0.45	0.46	9.6E-03	9.4E-03
2594627	MGC39518	7.35	7.52	0.29	0.28	3.3E-04	7.7E-04

AJHG, Volume 82

2407439	SF3A3	9.11	9.29	0.30	0.25	1.5E-04	4.1E-04
3563459	MARVELD2	7.32	7.50	0.32	0.30	6.5E-04	1.2E-03
2697792	COPB2	9.19	9.36	0.33	0.27	4.2E-04	9.1E-04
2571217	ZC3H8	7.35	7.52	0.31	0.31	8.9E-04	1.6E-03
2502300	LOC38902	8.31	8.48	0.38	0.33	1.7E-03	2.6E-03
2485257	UGP2	8.44	8.62	0.35	0.31	2.2E-03	3.1E-03
3513953	C13orf1	8.06	8.23	0.25	0.26	2.4E-05	1.1E-04
2346023	LRRC8D	8.95	9.12	0.34	0.29	4.7E-04	1.0E-03
2943434	ATXN1	7.54	7.72	0.46	0.36	3.1E-03	4.1E-03
3506153	LOC64648	7.59	7.77	0.32	0.25	5.6E-04	1.1E-03
3790259	MALT1	9.19	9.36	0.30	0.22	6.9E-05	2.3E-04
3391769	ZW10	7.42	7.60	0.33	0.30	2.1E-04	5.5E-04
3342525	PCF11	7.99	8.17	0.35	0.31	4.3E-04	9.2E-04
3087501	ZDHHC2	6.81	6.98	0.42	0.33	7.1E-03	7.5E-03
3228007	SETX	9.14	9.31	0.29	0.24	8.6E-05	2.7E-04
3988365	WDR44	7.04	7.22	0.35	0.33	1.6E-03	2.4E-03
2654023	ACTL6A	7.64	7.82	0.41	0.37	4.3E-03	5.1E-03
2877141	HNRPA0	9.65	9.83	0.31	0.34	2.0E-03	2.9E-03
3752437	UTP6	8.75	8.92	0.29	0.29	3.9E-04	8.6E-04
3434823	RNF34	8.93	9.10	0.32	0.31	8.7E-04	1.6E-03
3543481	PSEN1	8.83	9.01	0.25	0.25	4.1E-05	1.6E-04
2989537	FLJ43276	10.27	10.44	0.44	0.39	1.5E-03	2.3E-03
3624607	MYO5A	7.78	7.96	0.36	0.36	1.5E-03	2.3E-03
3860208	ALKBH6	8.11	8.28	0.29	0.29	1.4E-04	4.1E-04
3130823	C8orf41	7.99	8.17	0.27	0.25	2.9E-05	1.2E-04
3891006	STX16	8.06	8.23	0.28	0.30	2.6E-04	6.4E-04
2735459	HERC3	6.90	7.07	0.36	0.31	1.1E-03	1.9E-03
2786578	NDUFC1	9.70	9.88	0.38	0.35	2.3E-03	3.2E-03
3421897	CNOT2	8.50	8.68	0.31	0.31	4.7E-04	1.0E-03
2385696	C1orf57	7.47	7.65	0.36	0.31	3.0E-03	3.9E-03
2421753	GTF2B	7.67	7.84	0.31	0.30	7.3E-04	1.4E-03
3599432	FEM1B	8.54	8.72	0.29	0.32	5.5E-04	1.1E-03
3969455	OFD1	7.38	7.56	0.43	0.44	9.9E-03	9.5E-03

AJHG, Volume 82

3380080	ORAOV1	6.51	6.69	0.24	0.24	1.7E-05	8.2E-05
2728448	POLR2B	9.91	10.09	0.31	0.28	4.9E-04	1.0E-03
3107661	INTS8	8.00	8.18	0.40	0.33	2.6E-03	3.5E-03
2511432	GPD2	7.80	7.98	0.40	0.43	8.4E-03	8.5E-03
3217807	TEX10	8.16	8.34	0.37	0.34	2.0E-03	2.9E-03
3434374	15E1.2	8.63	8.80	0.27	0.23	8.8E-06	5.0E-05
3590341	CHP	9.96	10.13	0.19	0.18	4.3E-07	5.6E-06
3319685	C11orf17	7.04	7.22	0.35	0.37	3.6E-03	4.5E-03
3541073	MPP5	6.68	6.85	0.44	0.38	8.4E-03	8.5E-03
3934695	PTTG1IP	9.28	9.46	0.27	0.26	2.6E-05	1.1E-04
2366028	IQWD1	8.08	8.26	0.31	0.31	5.3E-04	1.1E-03
2484970	EHBP1	6.85	7.03	0.38	0.41	8.4E-03	8.5E-03
3444958	DUSP16	8.70	8.88	0.42	0.39	3.0E-03	3.9E-03
3660213	CYLD	8.69	8.87	0.32	0.29	2.3E-04	5.9E-04
3912861	PSMA7	9.53	9.71	0.23	0.26	2.5E-05	1.1E-04
3167325	UBAP1	8.60	8.78	0.22	0.22	2.2E-06	1.8E-05
3503164	CDC16	8.27	8.45	0.33	0.27	3.8E-04	8.6E-04
3884324	CTNBL1	7.90	8.08	0.14	0.16	2.3E-10	1.9E-08
2448232	PDC	8.29	8.47	0.37	0.36	5.3E-03	6.0E-03
3733999	C17orf80	6.81	6.99	0.26	0.27	2.6E-05	1.1E-04
3091699	PNOC	8.43	8.61	0.32	0.27	1.7E-04	4.7E-04
2465182	TFB2M	7.74	7.92	0.35	0.30	1.1E-03	1.9E-03
3444195	FLJ10292	8.29	8.47	0.29	0.33	4.9E-04	1.0E-03
3402684	ENST0000	6.54	6.72	0.37	0.47	6.3E-03	6.8E-03
3250863	SGPL1	8.07	8.25	0.22	0.24	1.1E-05	6.1E-05
3412296	IRAK4	7.19	7.37	0.35	0.31	4.4E-04	9.5E-04
3699707	ADAT1	7.78	7.96	0.27	0.24	2.9E-05	1.2E-04
2520533	OBFC2A	8.43	8.61	0.40	0.30	3.3E-03	4.2E-03
2620685	SACM1L	7.97	8.15	0.41	0.35	3.9E-03	4.8E-03
2622359	RBM6	8.31	8.49	0.35	0.36	3.3E-03	4.2E-03
3223646	PSMD5	8.07	8.25	0.40	0.37	2.5E-03	3.4E-03
2969467	CDC2L6	7.92	8.10	0.32	0.30	1.2E-03	1.9E-03
3774823	CSNK1D	9.29	9.47	0.20	0.21	1.4E-06	1.3E-05

AJHG, Volume 82

3420497	HELB	7.01	7.19	0.38	0.35	2.8E-03	3.7E-03
2521556	MARS2	8.23	8.41	0.43	0.38	6.5E-03	7.0E-03
2321911	DDI2	8.24	8.42	0.36	0.30	1.2E-03	2.0E-03
3090697	CDCA2	7.75	7.93	0.38	0.35	1.9E-03	2.7E-03
3568080	C14orf15	7.34	7.53	0.41	0.37	2.8E-03	3.7E-03
3103494	TMEM70	6.92	7.10	0.33	0.32	1.1E-03	1.8E-03
2830010	SMAD5	6.65	6.83	0.43	0.45	1.0E-02	9.7E-03
3453370	ARF3	10.21	10.39	0.25	0.23	2.7E-05	1.2E-04
2672467	CCDC12	8.12	8.30	0.16	0.23	1.2E-06	1.2E-05
2618665	ZNF619	6.42	6.61	0.29	0.26	3.1E-05	1.3E-04
2632453	ARL13B	6.93	7.11	0.39	0.39	3.5E-03	4.4E-03
2835848	SLC36A1	6.80	6.99	0.24	0.27	1.2E-05	6.2E-05
2488959	STAMBP	8.49	8.67	0.31	0.27	1.5E-04	4.2E-04
2352228	CAPZA1	10.62	10.80	0.29	0.25	6.5E-05	2.2E-04
2800503	POLS	8.77	8.95	0.34	0.27	3.0E-04	7.1E-04
3599811	KIF23	8.03	8.21	0.36	0.29	5.3E-04	1.1E-03
3600744	ARIH1	8.45	8.63	0.27	0.25	3.1E-05	1.3E-04
3457160	CD63	9.99	10.17	0.26	0.22	7.6E-06	4.5E-05
3903481	CDC91L1	8.08	8.27	0.35	0.31	6.1E-04	1.2E-03
3507003	LNX2	7.23	7.41	0.28	0.30	1.7E-05	8.2E-05
2827185	LMNB1	9.59	9.77	0.29	0.30	1.8E-04	4.8E-04
2731757	THAP6	6.87	7.05	0.41	0.40	3.2E-03	4.1E-03
3262198	PDCD11	7.79	7.98	0.29	0.25	3.7E-05	1.4E-04
3467637	KIAA0701	7.08	7.26	0.30	0.33	6.1E-04	1.2E-03
3138811	VCPIP1	7.10	7.29	0.35	0.34	8.2E-04	1.5E-03
2525053	CREB1	9.03	9.21	0.30	0.26	1.1E-04	3.3E-04
3843399	ZNF134	6.64	6.83	0.35	0.35	2.1E-03	3.0E-03
3293244	SARIA	9.07	9.25	0.30	0.31	5.6E-04	1.1E-03
2870397	PJA2	9.59	9.77	0.33	0.32	8.0E-04	1.5E-03
2358743	SCNM1	8.65	8.83	0.30	0.29	2.2E-04	5.7E-04
3238491	BMI1	8.14	8.32	0.41	0.42	3.4E-03	4.3E-03
3475545	VPS33A	7.70	7.88	0.32	0.26	1.6E-04	4.5E-04
2644461	ARMC8	8.04	8.23	0.33	0.31	6.3E-04	1.2E-03

AJHG, Volume 82

3825911	ZNF101	6.80	6.98	0.34	0.36	1.5E-03	2.3E-03
3345427	ENDOD1	8.05	8.24	0.44	0.37	3.6E-03	4.5E-03
3757487	DNAJC7	9.23	9.42	0.15	0.18	1.9E-09	9.9E-08
2907190	UBR2	7.82	8.01	0.36	0.36	1.1E-03	1.9E-03
2353237	VANGL1	6.49	6.67	0.40	0.36	1.3E-03	2.1E-03
2370317	MR1	8.60	8.79	0.34	0.30	5.5E-04	1.1E-03
3557947	CHMP4A	7.72	7.91	0.23	0.21	2.3E-06	1.9E-05
3839818	ZNF175	6.51	6.70	0.41	0.30	2.1E-03	3.0E-03
2429261	CSDE1	9.80	9.98	0.31	0.31	8.9E-04	1.6E-03
3970130	SYAP1	8.02	8.21	0.45	0.45	9.9E-03	9.6E-03
3657367	ZNF267	8.44	8.62	0.36	0.40	4.2E-03	5.1E-03
3215701	FANCC	6.99	7.18	0.35	0.35	1.2E-03	2.0E-03
3743167	MED31	7.54	7.73	0.37	0.40	2.5E-03	3.4E-03
3294499	PPP3CB	8.09	8.27	0.31	0.29	2.9E-05	1.2E-04
3945133	POLR2F	8.36	8.54	0.27	0.23	4.8E-06	3.2E-05
3719112	ZNHIT3	8.22	8.41	0.33	0.26	1.0E-04	3.2E-04
2654855	ATP11B	9.13	9.32	0.25	0.24	4.6E-06	3.1E-05
3497659	RAP2A	8.89	9.08	0.38	0.33	7.2E-04	1.4E-03
3683845	DCUN1D3	6.55	6.74	0.26	0.30	1.4E-04	4.0E-04
3332615	TMEM109	10.74	10.92	0.30	0.27	1.9E-04	5.0E-04
3708074	BIRC4BP	9.05	9.23	0.37	0.35	2.2E-03	3.1E-03
2601544	CUL3	8.71	8.90	0.32	0.33	5.7E-04	1.1E-03
2811745	IPO11	7.09	7.27	0.46	0.44	7.4E-03	7.7E-03
3368707	CD59	8.24	8.42	0.40	0.36	4.2E-03	5.0E-03
3250055	DDX21	9.27	9.45	0.31	0.30	2.9E-04	7.0E-04
3771800	SFRS2	10.05	10.24	0.24	0.24	1.2E-05	6.3E-05
2947283	ZNF96	6.55	6.74	0.32	0.33	6.4E-04	1.2E-03
2875348	IRF1	9.03	9.21	0.35	0.37	2.8E-03	3.7E-03
3904691	SAMHD1	8.78	8.97	0.37	0.37	1.5E-03	2.4E-03
3741668	LOC65319	6.96	7.15	0.28	0.31	5.7E-05	2.0E-04
3129948	TMEM66	9.96	10.14	0.28	0.27	3.1E-05	1.3E-04
3451246	GLT8D3	7.31	7.49	0.37	0.30	2.7E-04	6.6E-04
3821603	LOC91561	7.85	8.04	0.40	0.33	1.2E-03	2.0E-03

AJHG, Volume 82

3339261	IL18BP	7.08	7.27	0.31	0.34	1.0E-03	1.8E-03
2962525	IBTK	8.62	8.81	0.34	0.36	8.9E-04	1.6E-03
2437417	ASH1L	7.90	8.09	0.33	0.34	1.1E-03	1.8E-03
3591909	LOC64906	8.38	8.56	0.34	0.33	9.3E-04	1.6E-03
2499158	LOC65308	8.77	8.96	0.41	0.35	4.0E-03	4.9E-03
3835544	ZNF155	6.91	7.09	0.35	0.31	4.8E-04	1.0E-03
3202136	C9orf82	7.50	7.69	0.31	0.30	4.4E-05	1.7E-04
3471819	C12orf30	7.26	7.45	0.30	0.32	4.0E-04	8.9E-04
3139722	LOC64606	8.26	8.45	0.36	0.29	5.8E-04	1.1E-03
2597010	IDH1	7.84	8.03	0.25	0.24	1.6E-06	1.5E-05
3565361	GMFB	8.49	8.68	0.32	0.29	3.3E-04	7.6E-04
3454296	LASS5	8.02	8.21	0.26	0.27	6.0E-05	2.1E-04
2714644	MGC21675	7.81	8.00	0.33	0.31	5.0E-04	1.0E-03
3327906	API5	9.16	9.35	0.31	0.28	1.4E-04	3.9E-04
2566645	LOC12953	8.00	8.19	0.37	0.42	4.3E-03	5.1E-03
2553911	SMEK2	8.68	8.87	0.33	0.34	4.1E-04	8.9E-04
2749560	ETFDH	6.87	7.05	0.45	0.42	7.7E-03	8.0E-03
3666686	NIP7	9.59	9.78	0.23	0.24	8.7E-06	5.0E-05
2470654	DDX1	9.27	9.46	0.34	0.29	4.2E-04	9.2E-04
3861978	PAF1	8.40	8.59	0.23	0.21	3.9E-07	5.1E-06
3591963	EIF3S1	7.48	7.67	0.39	0.39	2.5E-03	3.4E-03
2342391	TYW3	8.73	8.92	0.42	0.38	6.3E-03	6.8E-03
3652271	C16orf52	6.70	6.89	0.46	0.41	9.8E-03	9.5E-03
3560711	BAZ1A	8.00	8.19	0.36	0.30	2.0E-04	5.4E-04
2779408	MAP2K11P	8.74	8.93	0.25	0.29	8.6E-05	2.8E-04
2934167	MRPL18	8.45	8.64	0.43	0.35	2.1E-03	3.0E-03
3490741	SUGT1P	7.95	8.14	0.34	0.32	3.9E-04	8.7E-04
3594066	LOC64561	7.69	7.88	0.36	0.31	2.3E-04	5.9E-04
3518455	FBXL3	8.90	9.09	0.34	0.34	8.5E-04	1.5E-03
2442103	ALDH9A1	8.44	8.63	0.33	0.27	2.2E-04	5.7E-04
2858592	DEPDC1B	8.12	8.31	0.32	0.30	2.0E-04	5.2E-04
2707359	DNAJC19	6.37	6.56	0.28	0.47	1.8E-03	2.6E-03
2395890	CLSTN1	8.41	8.60	0.29	0.27	6.5E-05	2.2E-04

AJHG, Volume 82

3816509	GADD45B	9.22	9.41	0.37	0.33	6.6E-04	1.3E-03
3144973	RAD54B	6.73	6.92	0.34	0.39	1.2E-03	1.9E-03
3755820	PERLD1	6.75	6.94	0.20	0.26	2.2E-05	9.9E-05
3130113	GTF2E2	7.71	7.90	0.33	0.32	2.6E-04	6.3E-04
2824198	APC	6.51	6.70	0.39	0.44	4.4E-03	5.2E-03
3018696	DLD	9.72	9.91	0.31	0.32	7.3E-04	1.4E-03
3728037	SCPEP1	8.74	8.93	0.28	0.27	4.8E-05	1.8E-04
2883380	CRSP9	7.18	7.37	0.37	0.32	2.8E-04	6.7E-04
3301857	TM9SF3	10.05	10.24	0.23	0.20	3.0E-07	4.2E-06
3094447	ASH2L	8.78	8.97	0.24	0.24	7.8E-06	4.6E-05
3258168	KIF11	7.67	7.86	0.46	0.43	6.8E-03	7.2E-03
2397695	CASP9	7.33	7.52	0.26	0.31	2.2E-04	5.7E-04
3800619	LOC65064	8.19	8.38	0.34	0.33	5.7E-04	1.1E-03
2388525	SDCCAG8	6.57	6.76	0.37	0.39	2.1E-03	3.0E-03
3591704	WDR76	6.78	6.98	0.37	0.36	3.2E-04	7.4E-04
2626141	RPP14	7.41	7.60	0.45	0.48	9.3E-03	9.2E-03
2574884	IWS1	7.67	7.86	0.40	0.30	8.3E-04	1.5E-03
3224366	MNAB	7.78	7.97	0.30	0.29	1.2E-04	3.5E-04
2522212	SGOL2	7.11	7.30	0.36	0.36	1.4E-03	2.2E-03
2442134	TMCO1	8.29	8.48	0.37	0.34	9.3E-04	1.6E-03
3933399	LOC64540	7.89	8.09	0.29	0.23	2.0E-05	9.4E-05
3707990	TXNL5	7.10	7.29	0.42	0.33	1.3E-03	2.1E-03
3265047	NHLRC2	8.32	8.51	0.34	0.31	2.5E-04	6.2E-04
3923702	TRPM2	6.67	6.86	0.41	0.45	7.4E-03	7.8E-03
3753690	PEX12	6.65	6.84	0.32	0.28	3.9E-05	1.5E-04
2432647	POLR3C	8.75	8.94	0.32	0.29	2.4E-04	6.0E-04
2457261	DUSP10	7.92	8.11	0.44	0.45	8.5E-03	8.6E-03
2659577	PAK2	8.51	8.70	0.40	0.40	3.6E-03	4.4E-03
2693149	SNX4	8.33	8.52	0.35	0.38	3.9E-03	4.8E-03
3809324	TXNL1	9.38	9.57	0.24	0.23	2.8E-06	2.2E-05
3708462	CENTB1	8.55	8.74	0.23	0.22	4.3E-07	5.5E-06
3774029	NPLOC4	9.68	9.88	0.29	0.40	2.6E-03	3.4E-03
3991814	RP3-473B	6.86	7.05	0.31	0.29	1.1E-04	3.4E-04

AJHG, Volume 82

3061456	SAMD9L	8.98	9.18	0.50	0.46	9.3E-03	9.2E-03
3989721	STAG2	8.22	8.41	0.34	0.29	2.7E-04	6.5E-04
2553970	PNPT1	8.76	8.95	0.40	0.35	2.5E-03	3.4E-03
3996667	SNORA56	8.78	8.97	0.25	0.21	3.7E-06	2.7E-05
3410384	LOC65203	8.73	8.92	0.40	0.38	1.5E-03	2.3E-03
3921391	WRB	7.96	8.15	0.36	0.34	7.2E-04	1.4E-03
2876046	PPP2CA	10.11	10.30	0.24	0.23	5.7E-06	3.7E-05
3083778	MCPH1	7.20	7.39	0.36	0.35	1.4E-03	2.2E-03
3449304	IPO8	7.99	8.19	0.27	0.27	1.6E-05	8.0E-05
3409127	ARNTL2	8.24	8.44	0.42	0.44	3.5E-03	4.4E-03
3766960	SMURF2	7.32	7.52	0.30	0.30	3.0E-04	7.0E-04
3751625	LOC33904	8.41	8.61	0.35	0.30	5.1E-04	1.1E-03
2372967	CDC73	7.90	8.09	0.33	0.35	5.1E-04	1.1E-03
3617757	AQR	8.05	8.24	0.30	0.29	6.9E-05	2.3E-04
3012019	CLDN12	7.50	7.69	0.46	0.47	9.0E-03	9.0E-03
3944690	PSCD4	7.96	8.15	0.41	0.44	5.8E-03	6.4E-03
3591281	TMEM62	7.34	7.54	0.36	0.38	1.6E-03	2.5E-03
2967650	RTN4IP1	6.55	6.74	0.33	0.35	3.2E-04	7.4E-04
3620880	UBR1	7.77	7.97	0.32	0.33	1.5E-04	4.2E-04
2644155	NCK1	7.58	7.77	0.37	0.36	5.8E-04	1.1E-03
3142485	SLC10A5	8.76	8.95	0.35	0.34	9.7E-04	1.7E-03
3106276	C8orf1	7.18	7.37	0.26	0.26	1.3E-05	6.8E-05
2552153	FBXO11	7.95	8.15	0.42	0.41	1.8E-03	2.7E-03
2852989	RAD1	6.51	6.71	0.38	0.36	1.6E-03	2.5E-03
4022106	MBNL3	8.21	8.40	0.37	0.30	4.8E-04	1.0E-03
2857131	DHX29	7.53	7.73	0.44	0.45	7.1E-03	7.5E-03
2789266	LRBA	8.86	9.05	0.31	0.30	2.5E-04	6.2E-04
3629103	KIAA0101	9.23	9.43	0.38	0.37	1.1E-03	1.9E-03
3306299	XPNPEP1	7.12	7.32	0.32	0.32	2.5E-04	6.3E-04
2949859	PBX2	6.60	6.79	0.45	0.37	4.1E-03	5.0E-03
3986933	NXT2	6.90	7.10	0.30	0.28	1.7E-04	4.6E-04
3829174	GPATC1	6.98	7.17	0.23	0.26	1.8E-06	1.6E-05
3421579	FRS2	7.20	7.40	0.24	0.27	1.5E-05	7.4E-05

AJHG, Volume 82

3027915	SSBP1	9.47	9.66	0.32	0.32	4.2E-04	9.1E-04
3074640	MTPN	9.95	10.15	0.27	0.26	2.9E-05	1.2E-04
3408966	FGFR1OP2	7.92	8.11	0.34	0.37	1.1E-03	1.9E-03
2454532	INTS7	7.73	7.93	0.39	0.37	1.5E-03	2.3E-03
2914777	TTK	6.98	7.17	0.45	0.42	4.4E-03	5.2E-03
2944491	OACT1	7.59	7.79	0.40	0.38	4.3E-03	5.2E-03
3739108	FN3KRP	8.25	8.44	0.24	0.27	1.0E-05	5.8E-05
2998404	RALA	7.64	7.84	0.46	0.44	1.0E-02	9.6E-03
3203855	WDR40A	8.88	9.08	0.29	0.23	4.5E-06	3.1E-05
2434575	CTSS	9.22	9.42	0.35	0.31	9.5E-04	1.7E-03
3250204	SUPV3L1	8.53	8.73	0.28	0.24	5.6E-06	3.6E-05
3659156	PHKB	8.46	8.66	0.33	0.29	2.3E-04	5.9E-04
3160895	LOC64261	7.61	7.81	0.36	0.34	4.3E-04	9.2E-04
3493391	FLJ22624	7.26	7.46	0.32	0.29	1.0E-04	3.2E-04
3904747	RBL1	7.85	8.04	0.28	0.26	2.4E-05	1.1E-04
3550485	VRK1	7.97	8.17	0.48	0.37	2.4E-03	3.3E-03
3538324	C14orf10	8.57	8.77	0.31	0.31	1.7E-04	4.6E-04
2894689	TMEM14C	10.42	10.62	0.22	0.30	5.1E-05	1.9E-04
2539821	ADAM17	7.50	7.70	0.32	0.36	4.6E-04	9.8E-04
3786039	PIK3C3	7.85	8.05	0.38	0.40	1.8E-03	2.7E-03
2693217	OSBPL11	6.90	7.10	0.37	0.39	2.8E-03	3.7E-03
2899095	HIST1H4A	7.88	8.08	0.42	0.49	8.0E-03	8.2E-03
3312490	LOC44244	9.02	9.22	0.37	0.28	4.3E-04	9.3E-04
3284882	LOC64622	7.79	7.99	0.26	0.26	1.7E-05	8.1E-05
3969081	TLR7	9.83	10.02	0.56	0.36	9.2E-03	9.1E-03
3577870	LOC64769	8.13	8.33	0.31	0.28	2.3E-04	5.9E-04
2739755	C4orf16	6.81	7.01	0.44	0.47	7.3E-03	7.6E-03
3012064	PFTK1	8.21	8.41	0.44	0.42	1.5E-03	2.3E-03
3598482	RAB11A	9.67	9.87	0.38	0.36	6.7E-04	1.3E-03
2580635	C2orf25	9.28	9.48	0.44	0.44	5.8E-03	6.4E-03
3387771	CCDC82	7.30	7.50	0.38	0.36	1.1E-03	1.9E-03
2911413	LOC64759	7.40	7.60	0.47	0.48	6.5E-03	7.0E-03
3233547	RBM17	7.06	7.26	0.35	0.36	5.7E-04	1.1E-03

AJHG, Volume 82

2828146	CDC42SE2	11.29	11.49	0.20	0.25	6.3E-07	7.4E-06
3422855	GLIPR1	8.17	8.37	0.44	0.45	5.7E-03	6.3E-03
3980560	LOC28564	7.69	7.89	0.33	0.29	6.1E-05	2.1E-04
3256560	MINPP1	7.63	7.83	0.39	0.38	1.9E-03	2.8E-03
2423625	GCLM	6.51	6.71	0.36	0.38	9.1E-04	1.6E-03
2650538	LOC64925	7.93	8.12	0.45	0.45	5.0E-03	5.8E-03
3065963	ORC5L	7.16	7.36	0.49	0.46	6.6E-03	7.0E-03
2963313	SNX14	7.75	7.95	0.40	0.38	1.1E-03	1.9E-03
2631845	CHMP2B	7.99	8.19	0.35	0.34	3.0E-04	7.2E-04
2416218	ITGB3BP	7.80	8.00	0.48	0.46	9.7E-03	9.4E-03
3203311	APTX	7.34	7.54	0.27	0.29	4.4E-06	3.0E-05
3363979	PSMA1	9.52	9.72	0.28	0.26	7.4E-06	4.4E-05
3647827	ATF7IP2	6.74	6.94	0.43	0.43	1.6E-03	2.5E-03
3476130	SBNO1	8.71	8.91	0.24	0.24	2.7E-06	2.1E-05
2698738	XRN1	8.42	8.62	0.42	0.40	2.0E-03	2.9E-03
3720896	CDC6	7.64	7.84	0.41	0.36	6.5E-04	1.2E-03
3066297	SRPK2	7.81	8.01	0.38	0.39	8.4E-04	1.5E-03
2796066	LOC64700	6.98	7.18	0.45	0.48	7.2E-03	7.6E-03
2821417	LNPEP	10.14	10.34	0.36	0.34	5.6E-04	1.1E-03
2562821	VPS24	7.87	8.07	0.30	0.28	5.9E-05	2.1E-04
2403470	DNAJC8	8.10	8.30	0.44	0.39	3.0E-03	4.0E-03
2884658	SLU7	8.19	8.39	0.35	0.36	7.9E-04	1.5E-03
2828856	HSPA4	9.27	9.47	0.35	0.29	1.7E-04	4.7E-04
2612625	OXNAD1	7.31	7.51	0.37	0.38	1.5E-03	2.4E-03
3758234	AARSD1	7.60	7.80	0.29	0.31	6.6E-05	2.3E-04
2491661	VAMP5	9.65	9.85	0.41	0.44	8.6E-03	8.7E-03
3326540	PDHX	7.56	7.76	0.34	0.30	1.7E-04	4.6E-04
2916952	CASP8AP2	7.07	7.27	0.42	0.41	2.3E-03	3.2E-03
3988874	UBE2A	8.28	8.49	0.38	0.37	9.2E-04	1.6E-03
2712147	PPP1R2	6.53	6.73	0.32	0.34	4.2E-04	9.2E-04
3511031	ELF1	10.24	10.44	0.24	0.19	4.0E-07	5.2E-06
3295032	AP3M1	9.03	9.23	0.25	0.22	9.8E-07	1.0E-05
3426169	NUDT4	6.53	6.73	0.42	0.40	3.3E-03	4.2E-03

AJHG, Volume 82

2960955	FLJ36868	7.16	7.36	0.36	0.41	1.5E-03	2.4E-03
3443296	M6PR	10.89	11.09	0.18	0.19	8.4E-09	2.9E-07
2685908	CLDND1	9.74	9.94	0.34	0.33	6.7E-04	1.3E-03
3458133	PRIM1	8.16	8.36	0.37	0.36	4.6E-04	9.8E-04
3994915	LOC65331	7.03	7.23	0.31	0.25	2.2E-05	1.0E-04
2830946	CTNNA1	7.92	8.13	0.34	0.30	3.5E-04	7.9E-04
2436526	LOC40264	6.68	6.89	0.34	0.33	5.3E-04	1.1E-03
2697331	DBR1	6.67	6.87	0.43	0.45	5.3E-03	6.0E-03
3270270	PTPRE	6.40	6.60	0.26	0.30	4.3E-05	1.6E-04
2652675	ECT2	7.31	7.51	0.45	0.45	5.3E-03	6.0E-03
2373842	PTPRC	9.06	9.26	0.52	0.42	8.6E-03	8.7E-03
2761285	FAM44A	7.81	8.01	0.33	0.29	2.5E-04	6.2E-04
2352106	LOC64339	7.65	7.85	0.35	0.38	1.1E-03	1.9E-03
2638017	C3orf1	8.42	8.62	0.42	0.40	1.2E-03	2.0E-03
2960010	LMBRD1	8.08	8.28	0.41	0.41	9.3E-04	1.6E-03
2794356	FBXO8	7.29	7.50	0.47	0.46	7.5E-03	7.8E-03
2829542	C5orf24	7.30	7.50	0.39	0.36	1.6E-03	2.4E-03
3157385	TOP1MT	7.14	7.35	0.26	0.26	1.3E-05	6.8E-05
3968664	HCCS	8.45	8.66	0.33	0.24	2.0E-04	5.2E-04
3243908	dJ341D10	7.47	7.67	0.45	0.41	3.2E-03	4.1E-03
3755862	ZNFN1A3	10.55	10.76	0.24	0.18	8.3E-07	9.0E-06
2703217	SCARNA7	8.98	9.18	0.37	0.36	1.5E-03	2.3E-03
2345617	PKN2	7.70	7.90	0.39	0.38	1.4E-03	2.2E-03
3629350	SPG21	9.34	9.55	0.27	0.23	3.7E-06	2.7E-05
2364438	CDCA1	7.46	7.66	0.49	0.44	8.0E-03	8.2E-03
2520069	MGC13057	6.57	6.77	0.44	0.41	4.5E-03	5.3E-03
3508696	PFAAP5	8.22	8.42	0.35	0.35	4.2E-04	9.1E-04
3177563	MAK10	8.50	8.71	0.27	0.25	2.8E-06	2.2E-05
3803194	KIAA1012	7.36	7.56	0.27	0.26	6.6E-06	4.1E-05
2930863	PCMT1	8.45	8.66	0.36	0.37	3.5E-04	7.9E-04
3759186	KIAA0553	8.06	8.26	0.26	0.23	6.9E-07	7.9E-06
3489418	SETDB2	6.92	7.13	0.38	0.31	8.4E-05	2.7E-04
3303300	CHUK	7.50	7.70	0.34	0.31	1.3E-04	3.8E-04

AJHG, Volume 82

2855578	LOC64691	6.70	6.90	0.37	0.41	1.1E-03	1.8E-03
3569374	VTIIB	6.65	6.85	0.46	0.47	8.1E-03	8.3E-03
3142519	ZFAND1	8.25	8.46	0.38	0.29	3.1E-04	7.4E-04
2350339	STXBP3	7.02	7.23	0.47	0.45	5.8E-03	6.4E-03
3024275	MKLN1	8.51	8.72	0.30	0.33	1.0E-04	3.2E-04
3742627	UNQ5783	10.91	11.11	0.45	0.43	4.4E-03	5.2E-03
3297536	ANXA11	10.32	10.52	0.40	0.32	6.0E-04	1.2E-03
2505957	PLEKHB2	7.53	7.74	0.38	0.35	8.9E-04	1.6E-03
3124333	C8orf5	6.95	7.15	0.45	0.41	3.8E-03	4.6E-03
4013359	LOC64478	9.48	9.68	0.30	0.28	3.5E-05	1.4E-04
3238761	MSRB2	8.11	8.32	0.28	0.30	7.6E-06	4.5E-05
2332566	PPCS	8.28	8.49	0.42	0.36	1.4E-03	2.3E-03
2839671	RARS	9.21	9.42	0.35	0.33	7.6E-04	1.4E-03
2697564	PIK3CB	7.40	7.61	0.37	0.40	9.1E-04	1.6E-03
3638048	MRPL46	8.15	8.36	0.25	0.26	5.3E-06	3.4E-05
3191589	LOC15830	7.41	7.62	0.38	0.32	1.5E-04	4.2E-04
3231389	ZMYND11	7.36	7.57	0.31	0.34	4.8E-05	1.8E-04
2775858	DKFZp686	7.26	7.47	0.41	0.38	2.2E-03	3.1E-03
2469711	PQLC3	7.03	7.23	0.38	0.35	1.5E-04	4.2E-04
3383138	NDUFC2	7.47	7.68	0.42	0.39	1.3E-03	2.1E-03
3608113	IQGAPI	9.50	9.70	0.27	0.26	1.3E-05	6.9E-05
3603436	CHRNA5	7.08	7.28	0.33	0.29	1.9E-04	5.1E-04
3707642	RABEP1	9.14	9.35	0.28	0.23	3.8E-06	2.7E-05
3131844	LSM1	7.65	7.86	0.25	0.24	1.8E-06	1.6E-05
2438344	GPATC4	7.09	7.30	0.34	0.32	2.6E-04	6.4E-04
2351393	LOC65321	8.38	8.58	0.21	0.27	3.2E-06	2.4E-05
2988459	LOC44125	7.18	7.39	0.39	0.40	1.5E-03	2.4E-03
3570454	C14orf11	8.11	8.32	0.47	0.38	2.0E-03	2.9E-03
3729294	LOC65374	7.91	8.11	0.38	0.35	3.5E-04	8.0E-04
2916246	LOC25402	7.02	7.23	0.42	0.47	4.8E-03	5.6E-03
3990566	UTP14A	7.29	7.50	0.37	0.37	2.5E-04	6.2E-04
2638467	GTF2E1	7.47	7.68	0.37	0.33	3.1E-04	7.4E-04
3697799	AP1G1	9.60	9.81	0.22	0.21	3.5E-08	8.5E-07

AJHG, Volume 82

2540477	ROCK2	7.32	7.53	0.41	0.41	2.9E-03	3.8E-03
2793054	CBR4	7.37	7.58	0.47	0.43	2.2E-03	3.1E-03
3407926	CMAS	7.79	8.00	0.37	0.34	2.0E-04	5.3E-04
3331730	CNTF	8.12	8.33	0.26	0.27	3.9E-06	2.8E-05
3168508	MELK	7.92	8.13	0.34	0.35	2.6E-04	6.4E-04
3687789	XTP3TPA	10.06	10.27	0.33	0.25	4.8E-05	1.8E-04
2358171	KIAA0460	8.35	8.55	0.40	0.35	1.1E-03	1.8E-03
3432438	OAS1	10.05	10.26	0.61	0.36	9.5E-03	9.3E-03
3843180	ZNF304	6.36	6.57	0.30	0.34	1.8E-04	4.9E-04
3072435	FLJ14803	8.46	8.67	0.34	0.29	7.6E-05	2.5E-04
3310757	ZNFN1A5	7.42	7.63	0.47	0.48	7.9E-03	8.1E-03
2541944	SMC6L1	7.56	7.77	0.47	0.39	4.8E-03	5.6E-03
3623320	KIAA0256	8.18	8.39	0.33	0.33	1.0E-04	3.2E-04
3991109	RP6-213H	9.69	9.90	0.29	0.29	2.6E-05	1.1E-04
3752611	C17orf75	7.89	8.10	0.31	0.27	1.0E-05	5.6E-05
3752002	CRLF3	8.20	8.41	0.29	0.26	1.6E-05	7.7E-05
2746119	SMAD1	7.20	7.41	0.53	0.51	1.0E-02	9.9E-03
3034987	CENTA1	7.52	7.73	0.40	0.41	2.4E-03	3.3E-03
2575134	WDR33	8.61	8.82	0.28	0.25	1.3E-06	1.3E-05
3252170	LOC64945	7.94	8.15	0.41	0.38	1.1E-03	1.8E-03
3560617	SNX6	8.41	8.62	0.29	0.25	1.4E-05	7.2E-05
3216969	XPA	7.58	7.79	0.29	0.30	1.6E-05	7.7E-05
3498837	PCCA	6.50	6.71	0.33	0.35	2.5E-04	6.1E-04
2619761	ABHD5	6.87	7.08	0.36	0.37	7.0E-04	1.3E-03
3982560	P2RY10	7.93	8.14	0.48	0.43	2.1E-03	3.0E-03
3624697	ARPP-19	9.77	9.98	0.28	0.24	5.9E-06	3.8E-05
2382336	FBXO28	8.24	8.45	0.31	0.33	8.9E-05	2.8E-04
2844082	RUFY1	8.01	8.22	0.28	0.20	7.1E-07	8.1E-06
3666732	CYB5B	11.25	11.46	0.24	0.25	1.7E-06	1.5E-05
2452637	NUCKS1	9.24	9.45	0.37	0.36	1.2E-03	1.9E-03
3342983	TMEM126B	6.77	6.98	0.37	0.37	8.8E-04	1.6E-03
3185522	SLC31A1	8.33	8.54	0.26	0.24	6.9E-06	4.2E-05
3460593	TMBIM4	8.41	8.62	0.39	0.36	6.2E-04	1.2E-03

AJHG, Volume 82

3629761	C15orf44	8.49	8.71	0.25	0.25	1.8E-06	1.6E-05
2649723	MFSD1	8.33	8.54	0.37	0.34	2.8E-04	6.7E-04
3100166	RAB2	8.75	8.96	0.35	0.38	2.9E-04	6.9E-04
2664288	METTL6	7.24	7.45	0.37	0.38	7.1E-04	1.3E-03
2512701	TANK	9.22	9.43	0.33	0.34	1.6E-04	4.4E-04
2812120	SDCCAG10	7.50	7.71	0.38	0.38	4.3E-04	9.2E-04
2815455	UTP15	7.18	7.40	0.43	0.46	2.8E-03	3.7E-03
2736322	KIAA0565	8.06	8.27	0.31	0.36	4.1E-04	9.0E-04
2488785	ALMS1	6.75	6.96	0.40	0.43	1.7E-03	2.6E-03
3763270	MMD	9.20	9.41	0.39	0.37	4.7E-04	9.9E-04
4017519	PSMD10	7.43	7.64	0.48	0.37	1.2E-03	1.9E-03
3598613	MGC4562	7.78	8.00	0.34	0.32	5.0E-05	1.8E-04
2544238	ITSN2	7.51	7.73	0.34	0.31	2.0E-04	5.2E-04
3857811	C19orf12	7.27	7.48	0.23	0.22	1.4E-07	2.3E-06
2784113	CCNA2	9.15	9.36	0.36	0.34	1.9E-04	5.1E-04
3441955	MRPL51	10.24	10.46	0.24	0.25	1.9E-06	1.7E-05
2525852	LOC44000	8.15	8.37	0.41	0.44	2.2E-03	3.1E-03
2428855	AP4B1	7.94	8.16	0.29	0.30	7.5E-05	2.5E-04
2651828	TLOC1	6.68	6.89	0.30	0.28	3.9E-06	2.8E-05
3544251	YLPM1	7.40	7.61	0.32	0.31	6.6E-05	2.3E-04
2822492	LOC90355	6.61	6.83	0.50	0.45	4.8E-03	5.6E-03
3468103	GNPTAB	8.42	8.64	0.38	0.31	2.1E-04	5.5E-04
3823554	RAB8A	9.36	9.57	0.29	0.28	9.7E-06	5.4E-05
2636589	ATP6V1A	9.19	9.41	0.30	0.36	2.7E-05	1.2E-04
2791063	CTSO	6.72	6.94	0.48	0.47	4.3E-03	5.2E-03
3421177	NUP107	8.35	8.56	0.36	0.29	4.5E-05	1.7E-04
2745646	SMARCA5	8.96	9.17	0.34	0.32	2.3E-04	5.9E-04
2876257	SAR1B	7.86	8.08	0.48	0.45	3.4E-03	4.3E-03
2489606	POLE4	8.18	8.40	0.34	0.35	2.8E-04	6.7E-04
2927255	PEX7	6.68	6.90	0.30	0.37	1.5E-04	4.3E-04
2651989	SKIL	7.20	7.42	0.40	0.51	4.4E-03	5.2E-03
2727913	EXOC1	7.52	7.74	0.39	0.37	3.2E-04	7.4E-04
2548274	STRN	7.73	7.94	0.33	0.32	8.0E-05	2.6E-04

AJHG, Volume 82

3511698	EPSTI1	7.93	8.15	0.58	0.49	8.3E-03	8.5E-03
3831774	ZNF383	6.91	7.12	0.44	0.37	4.9E-04	1.0E-03
2532510	TNRC15	7.47	7.69	0.36	0.34	1.1E-04	3.4E-04
2915268	DOPEY1	7.20	7.41	0.36	0.37	3.8E-04	8.6E-04
2571979	SLC35F5	7.47	7.68	0.38	0.39	6.5E-04	1.2E-03
2941784	NEDD9	7.34	7.55	0.45	0.35	3.7E-03	4.6E-03
2638676	EAF2	7.41	7.62	0.53	0.52	7.0E-03	7.4E-03
3699080	MLKL	6.96	7.18	0.30	0.32	5.2E-05	1.9E-04
3866958	CARD8	8.08	8.30	0.31	0.25	1.5E-06	1.4E-05
3623424	COPS2	9.71	9.92	0.31	0.28	1.3E-05	6.9E-05
3146565	RNF19	9.24	9.45	0.26	0.29	2.6E-06	2.0E-05
3918959	MRPS6	8.37	8.59	0.29	0.39	1.7E-04	4.6E-04
3719161	ZNF403	8.56	8.78	0.28	0.26	1.1E-05	6.1E-05
3475717	FLJ11021	7.69	7.91	0.33	0.31	6.2E-05	2.2E-04
3830353	CD22	7.97	8.19	0.43	0.45	3.9E-03	4.8E-03
2712754	PCYT1A	8.11	8.33	0.34	0.28	6.9E-05	2.4E-04
2960872	C6orf150	7.57	7.79	0.50	0.48	7.8E-03	8.0E-03
2523144	NOP5/NOP	9.50	9.72	0.35	0.29	1.2E-04	3.5E-04
2818454	XRCC4	7.57	7.79	0.42	0.34	6.5E-04	1.2E-03
3321269	MLSTD2	7.69	7.91	0.44	0.38	6.5E-04	1.2E-03
4019849	LAMP2	8.09	8.31	0.42	0.38	9.8E-04	1.7E-03
2833286	ARHGAP26	6.59	6.81	0.41	0.59	9.1E-03	9.0E-03
2342624	SNORD45A	8.94	9.16	0.39	0.36	8.0E-04	1.5E-03
2328236	ZCCHC17	7.62	7.84	0.29	0.28	4.0E-06	2.8E-05
3264326	ACSL5	8.71	8.93	0.25	0.23	8.9E-08	1.7E-06
3687342	HIRIP3	6.40	6.62	0.20	0.20	2.3E-09	1.1E-07
3917851	SOD1	9.05	9.27	0.32	0.27	5.4E-06	3.5E-05
3249587	SIRT1	7.58	7.80	0.27	0.26	1.4E-06	1.3E-05
3017206	PSMC2	8.67	8.89	0.37	0.40	3.1E-04	7.2E-04
3898126	TASP1	6.50	6.72	0.43	0.34	2.9E-04	7.0E-04
2741083	KIAA1627	7.51	7.73	0.28	0.30	8.1E-06	4.7E-05
2351572	CD53	12.25	12.47	0.20	0.13	6.7E-11	6.7E-09
3804143	P15RS	7.06	7.28	0.46	0.38	1.7E-03	2.5E-03

AJHG, Volume 82

3235461	C10orf7	9.27	9.49	0.32	0.27	1.1E-05	6.0E-05
3579546	WARS	11.10	11.32	0.33	0.29	5.7E-05	2.0E-04
3262509	GSTO1	6.40	6.62	0.31	0.31	1.8E-05	8.4E-05
2745499	USP38	8.20	8.42	0.29	0.32	2.3E-05	1.1E-04
3319997	SWAP70	9.10	9.32	0.33	0.33	6.1E-05	2.1E-04
3365487	UEV3	7.73	7.95	0.34	0.29	3.4E-05	1.4E-04
3221135	C9orf80	8.20	8.42	0.32	0.22	1.7E-06	1.5E-05
2949132	NCR3	6.46	6.68	0.35	0.38	5.4E-04	1.1E-03
2859494	P18SRP	7.39	7.61	0.30	0.30	1.3E-05	6.7E-05
3683783	LOC65170	7.08	7.30	0.33	0.29	3.5E-05	1.4E-04
3174224	SMC5L1	7.97	8.19	0.29	0.27	4.0E-06	2.8E-05
2346934	LOC64201	8.87	9.09	0.31	0.25	2.4E-06	2.0E-05
3561321	MBIP	7.96	8.18	0.28	0.23	1.2E-07	2.1E-06
2935475	QKI	7.44	7.66	0.43	0.37	5.4E-04	1.1E-03
2957700	GCLC	6.91	7.13	0.38	0.34	4.7E-04	9.9E-04
2899022	TRIM38	8.53	8.76	0.37	0.33	3.2E-04	7.4E-04
2391647	SSU72	9.25	9.47	0.29	0.25	2.8E-06	2.2E-05
2417737	LRRC40	7.63	7.85	0.49	0.49	5.5E-03	6.2E-03
3811086	LOC64218	7.40	7.62	0.34	0.32	4.1E-05	1.6E-04
3764872	PTRH2	6.92	7.15	0.39	0.42	1.8E-03	2.7E-03
3933999	U2AF1	6.99	7.21	0.37	0.35	6.2E-04	1.2E-03
3331903	FAM111B	8.26	8.48	0.34	0.34	1.3E-04	3.8E-04
2502821	DBI	9.97	10.20	0.29	0.28	8.9E-06	5.1E-05
2739160	HIGD1A	8.62	8.85	0.49	0.37	1.3E-03	2.1E-03
2348060	PTBP2	7.08	7.30	0.44	0.46	3.2E-03	4.1E-03
2425212	DBT	7.14	7.36	0.45	0.44	2.3E-03	3.2E-03
2469252	RRM2	11.61	11.83	0.40	0.32	1.7E-04	4.7E-04
3528759	ABHD4	7.93	8.15	0.31	0.31	1.4E-05	7.2E-05
3690193	ITFG1	7.73	7.96	0.39	0.36	1.9E-04	5.1E-04
3470549	CORO1C	10.74	10.96	0.27	0.20	6.7E-07	7.8E-06
2713074	NCBP2	8.55	8.78	0.36	0.32	7.8E-05	2.6E-04
3725392	CALCOCO2	8.45	8.67	0.39	0.30	1.2E-04	3.6E-04
3224437	ZBTB6	7.49	7.71	0.36	0.36	2.1E-04	5.5E-04

AJHG, Volume 82

2655650	PSMD2	8.40	8.63	0.32	0.36	1.3E-04	3.7E-04
3435490	DENR	8.45	8.67	0.31	0.28	6.4E-06	4.0E-05
2997097	LOC64691	8.41	8.63	0.55	0.48	8.3E-03	8.4E-03
3212976	ZCCHC6	8.13	8.35	0.32	0.31	1.0E-05	5.8E-05
2931683	C6orf211	7.35	7.58	0.31	0.32	2.8E-05	1.2E-04
2973168	ECHDC1	8.61	8.84	0.45	0.38	8.2E-04	1.5E-03
3996755	BRCC3	7.59	7.82	0.26	0.21	2.1E-08	6.2E-07
3237088	STAM	7.82	8.05	0.37	0.36	3.5E-04	8.0E-04
3535922	STYX	8.06	8.29	0.36	0.30	1.5E-05	7.6E-05
2735598	TIGD2	6.52	6.75	0.41	0.39	6.2E-04	1.2E-03
3284188	ITGB1	8.07	8.29	0.61	0.39	7.4E-03	7.7E-03
2954005	MRPS10	8.22	8.45	0.49	0.45	3.7E-03	4.6E-03
2620538	LARS2	7.72	7.95	0.32	0.32	2.7E-05	1.2E-04
3506431	RNF6	7.52	7.75	0.28	0.29	8.9E-07	9.5E-06
3200611	FAM29A	7.98	8.21	0.28	0.31	1.1E-05	6.1E-05
3699581	LOC12449	7.81	8.03	0.23	0.20	1.2E-09	6.9E-08
3986514	PRPS1	9.16	9.38	0.29	0.26	2.6E-06	2.0E-05
3074260	HSPC049	8.84	9.07	0.39	0.41	4.2E-04	9.2E-04
2966253	USP45	8.78	9.00	0.37	0.35	2.7E-04	6.5E-04
2681195	UBE1C	9.08	9.30	0.42	0.41	7.7E-04	1.4E-03
2817053	SCAMP1	8.54	8.76	0.33	0.33	3.4E-05	1.4E-04
3926138	C21orf91	7.80	8.02	0.44	0.36	2.5E-04	6.2E-04
3176933	C9orf103	7.32	7.55	0.32	0.35	1.3E-04	3.9E-04
2532422	EIF4E2	8.61	8.83	0.20	0.26	2.1E-07	3.2E-06
2488078	LOC64993	7.62	7.85	0.59	0.48	8.1E-03	8.3E-03
2912649	COL19A1	7.13	7.36	0.56	0.53	9.7E-03	9.4E-03
3713575	KIAA0565	8.75	8.98	0.36	0.36	1.3E-04	3.8E-04
2514122	LASS6	9.50	9.73	0.41	0.37	3.5E-04	7.9E-04
3278813	FAM107B	8.32	8.55	0.50	0.43	1.9E-03	2.8E-03
3527493	APEX1	9.48	9.70	0.38	0.37	4.0E-04	8.8E-04
2901333	ZNRD1	7.43	7.66	0.41	0.36	3.0E-04	7.2E-04
2950263	HLA-DMB	10.33	10.55	0.45	0.43	2.5E-03	3.4E-03
3089853	CHMP7	6.86	7.09	0.37	0.28	4.8E-05	1.8E-04

AJHG, Volume 82

2676518	SFMBT1	6.71	6.93	0.26	0.29	4.5E-06	3.1E-05
3800834	ABHD3	7.66	7.89	0.30	0.32	2.4E-05	1.1E-04
2981874	DYNLT1	6.91	7.14	0.37	0.42	4.7E-04	1.0E-03
3843463	ZNF587	6.86	7.09	0.32	0.34	1.4E-04	4.1E-04
2340845	MIER1	7.49	7.72	0.49	0.51	3.9E-03	4.8E-03
3835418	ZNF224	6.53	6.76	0.29	0.28	5.9E-07	7.0E-06
2407729	RRAGC	7.76	7.99	0.37	0.43	1.1E-03	1.9E-03
3332913	MGC13379	6.43	6.66	0.31	0.38	1.4E-04	4.0E-04
3249788	CCAR1	8.02	8.25	0.31	0.27	7.2E-07	8.2E-06
2427688	C1orf103	7.13	7.36	0.52	0.54	7.5E-03	7.8E-03
3864921	ZNF180	6.51	6.74	0.39	0.39	3.6E-04	8.1E-04
3986672	ATG4A	7.13	7.36	0.32	0.34	3.0E-05	1.3E-04
3982242	CXorf26	7.53	7.76	0.24	0.23	2.5E-08	7.0E-07
2893847	C6orf151	6.99	7.22	0.43	0.43	9.5E-04	1.7E-03
2730673	MOBKL1A	7.15	7.38	0.47	0.56	9.1E-03	9.0E-03
3426828	VEZT	7.20	7.43	0.38	0.35	1.4E-04	3.9E-04
2517737	PLEKHA3	6.59	6.82	0.41	0.44	3.0E-03	3.9E-03
3203382	SMU1	7.73	7.96	0.50	0.42	2.3E-03	3.2E-03
3307120	ZDHHC6	7.93	8.16	0.31	0.33	4.4E-06	3.1E-05
3556323	SUPT16H	9.88	10.11	0.23	0.16	2.0E-09	1.0E-07
2993206	MPP6	7.36	7.59	0.35	0.35	1.7E-04	4.6E-04
2540210	NOL10	6.55	6.78	0.43	0.40	2.9E-04	7.0E-04
2473784	SELI	7.69	7.92	0.35	0.35	2.1E-04	5.4E-04
3490655	CKAP2	8.45	8.69	0.31	0.29	6.0E-06	3.8E-05
2540317	PDIA6	11.57	11.80	0.28	0.22	4.0E-07	5.2E-06
2518272	ITGA4	9.49	9.72	0.57	0.43	2.1E-03	3.0E-03
2701595	DHX36	7.02	7.25	0.43	0.43	5.1E-04	1.1E-03
2379280	FLVCR	7.75	7.98	0.32	0.36	9.6E-05	3.0E-04
2654069	NDUFB5	9.21	9.44	0.38	0.36	3.4E-04	7.8E-04
2766456	UGDH	8.05	8.29	0.45	0.40	2.4E-03	3.3E-03
2919873	QRSL1	7.69	7.92	0.34	0.31	1.9E-05	8.8E-05
3943207	YWHAH	8.77	9.01	0.30	0.33	2.2E-05	1.0E-04
3017123	S100A11	7.40	7.63	0.44	0.44	1.4E-03	2.3E-03

AJHG, Volume 82

2726072	ATP10D	7.73	7.96	0.42	0.50	2.2E-03	3.1E-03
2868904	ST8SIA4	8.27	8.50	0.33	0.33	1.7E-05	8.3E-05
3590422	RTF1	7.91	8.14	0.25	0.24	5.4E-08	1.2E-06
2428796	PTPN22	7.95	8.18	0.50	0.48	2.6E-03	3.4E-03
2417528	DEPDC1	7.55	7.79	0.53	0.53	5.9E-03	6.5E-03
2788195	OTUD4	7.96	8.20	0.41	0.46	1.3E-03	2.1E-03
3603336	IREB2	8.55	8.78	0.30	0.27	2.9E-06	2.2E-05
2720251	HCAP-G	9.04	9.27	0.36	0.29	2.2E-06	1.8E-05
3365249	SAAL1	7.35	7.58	0.40	0.36	7.9E-05	2.6E-04
3422326	TBC1D15	7.99	8.23	0.36	0.31	2.4E-05	1.1E-04
3389529	KIAA1826	7.98	8.22	0.31	0.30	1.2E-05	6.2E-05
2733928	COPS4	7.22	7.45	0.39	0.45	5.5E-04	1.1E-03
3489020	RB1	9.11	9.35	0.48	0.50	2.3E-03	3.2E-03
3997738	ARSD	6.61	6.85	0.35	0.29	2.3E-05	1.0E-04
2443518	C1orf156	6.80	7.04	0.38	0.38	1.0E-04	3.1E-04
3799415	AFG3L2	8.93	9.17	0.27	0.27	7.8E-07	8.6E-06
3401704	CCND2	11.66	11.89	0.33	0.33	1.2E-05	6.2E-05
3724197	LOC65253	7.78	8.01	0.38	0.35	8.8E-06	5.0E-05
3125001	LOC65045	7.59	7.82	0.58	0.48	4.9E-03	5.7E-03
3480013	LOC64233	7.04	7.28	0.34	0.32	2.5E-05	1.1E-04
2853388	FLJ30596	6.53	6.76	0.39	0.37	4.3E-05	1.6E-04
3018309	PIK3CG	8.30	8.53	0.58	0.57	7.3E-03	7.6E-03
3260937	PEO1	6.54	6.78	0.22	0.21	2.8E-08	7.4E-07
2856044	EMB	7.96	8.19	0.55	0.52	7.1E-03	7.5E-03
3513293	SUCLA2	7.48	7.72	0.39	0.42	6.5E-04	1.2E-03
3629698	DPP8	7.87	8.11	0.34	0.33	4.6E-05	1.7E-04
3690154	NETO2	8.50	8.74	0.35	0.37	8.1E-05	2.6E-04
2587841	WASPIP	9.87	10.11	0.36	0.35	1.1E-04	3.4E-04
3145980	HRSP12	7.74	7.98	0.48	0.50	2.1E-03	3.0E-03
3563814	L2HGDH	6.77	7.01	0.44	0.36	1.9E-04	5.0E-04
3227121	C9orf78	7.41	7.65	0.21	0.24	7.7E-09	2.7E-07
2779095	LOC64734	8.07	8.31	0.27	0.39	8.5E-05	2.7E-04
3407793	FLJ22028	7.20	7.44	0.58	0.55	5.1E-03	5.8E-03

AJHG, Volume 82

3251490	CCDC109A	6.55	6.79	0.40	0.35	5.9E-05	2.1E-04
2331727	CAP1	11.28	11.52	0.22	0.22	9.3E-09	3.1E-07
3656904	FUS	9.91	10.15	0.21	0.29	2.6E-07	3.8E-06
3091628	ELP3	8.57	8.81	0.28	0.24	9.6E-08	1.8E-06
3718382	CCDC16	7.63	7.88	0.28	0.28	2.2E-06	1.8E-05
3107342	PPM2C	6.83	7.07	0.24	0.28	5.4E-08	1.2E-06
3917155	USP16	7.91	8.15	0.38	0.35	2.8E-05	1.2E-04
3548929	RIN3	7.61	7.85	0.35	0.34	4.8E-05	1.8E-04
3057955	FGL2	6.67	6.91	0.58	0.51	7.8E-03	8.1E-03
3716579	DKFZp667	8.07	8.31	0.39	0.39	3.4E-04	7.7E-04
3138414	ARMC1	8.59	8.84	0.30	0.27	2.8E-06	2.2E-05
3741075	LOC28400	7.35	7.59	0.35	0.33	2.1E-05	9.6E-05
3626704	SLTM	8.03	8.27	0.32	0.32	7.4E-07	8.2E-06
2847264	MED10	7.74	7.98	0.29	0.34	1.7E-05	8.1E-05
2837479	ICF45	8.59	8.83	0.37	0.32	8.1E-05	2.6E-04
3139580	SLCO5A1	7.92	8.16	0.54	0.49	2.0E-03	2.9E-03
2515369	HAT1	7.62	7.86	0.56	0.52	4.6E-03	5.4E-03
3755429	SNORA21	7.71	7.96	0.39	0.30	9.1E-05	2.9E-04
3992354	SLC9A6	7.82	8.06	0.30	0.34	1.6E-05	7.7E-05
3379390	SUV420H1	6.91	7.15	0.31	0.28	2.0E-06	1.7E-05
3004628	ZNF588	7.19	7.43	0.43	0.39	3.4E-04	7.7E-04
3668617	PSMD7	9.36	9.60	0.27	0.27	4.8E-08	1.1E-06
2339414	USP1	8.23	8.48	0.48	0.44	1.4E-03	2.2E-03
3426215	MRPL42	9.42	9.66	0.33	0.27	4.0E-06	2.8E-05
3513395	MED4	6.75	7.00	0.37	0.36	2.9E-05	1.2E-04
3553607	EIF5	8.91	9.15	0.28	0.31	3.1E-06	2.3E-05
3473802	TAOK3	8.80	9.04	0.32	0.27	2.6E-06	2.0E-05
3020804	LSM8	7.82	8.07	0.44	0.37	2.2E-04	5.6E-04
2694617	KIAA1160	7.53	7.78	0.39	0.32	4.0E-05	1.5E-04
3231774	LOC65001	9.02	9.27	0.20	0.23	2.9E-09	1.3E-07
3650802	COQ7	6.60	6.84	0.30	0.27	1.6E-06	1.5E-05
3047963	PSMA2	6.87	7.11	0.42	0.41	7.3E-04	1.4E-03
2481271	HTLF	7.95	8.19	0.46	0.44	5.5E-04	1.1E-03

AJHG, Volume 82

3441215	C12orf4	7.56	7.80	0.43	0.36	1.4E-04	4.1E-04
3840372	ZNF701	6.94	7.18	0.42	0.45	1.1E-03	1.8E-03
3542207	SFRS5	9.92	10.16	0.31	0.31	5.8E-06	3.7E-05
3969946	U2AF1L2	7.49	7.73	0.37	0.43	1.8E-04	4.9E-04
3352904	SC5DL	8.30	8.55	0.39	0.42	3.0E-04	7.2E-04
3277662	UPF2	7.97	8.22	0.28	0.25	2.8E-07	4.0E-06
2413153	C1orf123	8.56	8.81	0.31	0.29	4.0E-06	2.8E-05
2962383	FAM46A	7.04	7.29	0.60	0.62	1.0E-02	9.7E-03
2972310	SERINC1	8.59	8.83	0.40	0.39	5.2E-04	1.1E-03
3656223	ITGAL	8.42	8.67	0.48	0.49	3.1E-03	4.0E-03
3449910	CSF2RA	6.75	6.99	0.54	0.51	5.2E-03	5.9E-03
3468261	NUP37	8.44	8.69	0.39	0.30	1.9E-05	8.7E-05
2816030	POLK	6.90	7.15	0.52	0.48	2.3E-03	3.2E-03
3998444	HDHD1A	9.05	9.30	0.47	0.52	2.4E-03	3.3E-03
2706297	TBL1XR1	9.16	9.41	0.38	0.36	1.2E-04	3.7E-04
3944243	APOL6	7.58	7.83	0.44	0.49	1.5E-03	2.3E-03
3018420	HBP1	7.67	7.92	0.43	0.48	1.4E-03	2.2E-03
2733767	MASA	8.89	9.14	0.34	0.34	2.5E-05	1.1E-04
3872983	CHMP2A	10.24	10.49	0.23	0.25	8.7E-08	1.7E-06
3768103	FLJ25102	7.63	7.88	0.44	0.47	6.9E-04	1.3E-03
3680610	GSPT1	9.71	9.96	0.26	0.25	1.1E-07	1.9E-06
2342576	ACADM	10.42	10.67	0.33	0.27	1.3E-06	1.2E-05
3247712	C10orf70	7.25	7.50	0.44	0.40	2.0E-04	5.2E-04
2531712	PSMD1	9.07	9.32	0.35	0.31	2.1E-05	9.5E-05
2385095	ARV1	7.11	7.36	0.38	0.36	8.8E-05	2.8E-04
2417095	SLC35D1	7.72	7.97	0.50	0.48	1.4E-03	2.2E-03
2406420	LOC64298	6.59	6.84	0.44	0.41	2.0E-04	5.2E-04
2642325	ATP2C1	8.69	8.94	0.32	0.34	1.7E-05	8.2E-05
2993727	SNX10	8.02	8.27	0.43	0.49	1.5E-03	2.3E-03
4009238	SMC1L1	8.66	8.91	0.38	0.34	3.6E-05	1.4E-04
3606034	PDE8A	7.95	8.20	0.37	0.36	1.1E-04	3.4E-04
2626097	ABHD6	6.97	7.22	0.56	0.52	8.8E-03	8.8E-03
2929036	LTV1	7.53	7.78	0.42	0.36	1.1E-04	3.4E-04

AJHG, Volume 82

2756404	ZNF721	7.46	7.71	0.54	0.57	6.1E-03	6.6E-03
3940631	ADRBK2	8.68	8.93	0.37	0.32	1.1E-05	6.1E-05
3562003	TRAPPC6B	8.05	8.30	0.27	0.27	2.9E-07	4.1E-06
3818648	ZNF557	7.00	7.25	0.46	0.45	1.1E-03	1.9E-03
2862950	COL4A3BP	8.70	8.95	0.42	0.36	1.3E-05	6.8E-05
3556966	C14orf94	9.05	9.30	0.29	0.26	3.1E-07	4.3E-06
3934111	SNF1LK	7.70	7.95	0.45	0.34	1.2E-04	3.6E-04
2521446	ZNF417	8.20	8.45	0.42	0.43	1.1E-03	1.9E-03
2589929	SESTD1	6.81	7.07	0.41	0.43	6.2E-04	1.2E-03
3265494	TRUB1	6.80	7.05	0.29	0.28	6.1E-07	7.1E-06
3315549	PSMD13	7.63	7.88	0.29	0.33	1.7E-06	1.5E-05
3619326	PLCB2	7.21	7.46	0.47	0.40	8.9E-04	1.6E-03
3797015	ZFP161	6.99	7.25	0.37	0.35	5.6E-06	3.6E-05
2636483	RN7SL1	8.84	9.09	0.39	0.35	4.0E-05	1.6E-04
3991698	HPRT1	9.51	9.77	0.41	0.38	8.5E-05	2.7E-04
2347502	ABCD3	7.52	7.77	0.38	0.36	3.4E-05	1.4E-04
3089740	RHOBTB2	7.16	7.41	0.28	0.31	1.0E-07	1.9E-06
2808748	LOC64505	8.42	8.67	0.51	0.45	1.7E-03	2.6E-03
2975680	LOC65075	9.33	9.59	0.27	0.25	8.0E-08	1.6E-06
2336383	PRPF38A	9.05	9.31	0.28	0.29	1.9E-07	3.0E-06
2529421	SGPP2	9.54	9.79	0.48	0.45	2.2E-04	5.7E-04
3568108	SGPP1	8.40	8.66	0.34	0.25	1.4E-06	1.3E-05
2903285	PSMB9	11.45	11.70	0.29	0.35	9.2E-06	5.2E-05
2369557	SOAT1	8.62	8.87	0.51	0.50	1.3E-03	2.1E-03
3031181	ATP6V0E2	7.95	8.20	0.36	0.33	9.2E-05	2.9E-04
2899146	HFE	10.95	11.20	0.45	0.52	2.8E-03	3.7E-03
3545525	C14orf15	10.88	11.13	0.27	0.26	3.1E-08	7.9E-07
3659858	C16orf69	7.48	7.73	0.37	0.30	7.8E-06	4.6E-05
2319661	KIF1B	6.75	7.00	0.40	0.37	1.0E-04	3.2E-04
3235932	PRPF18	7.10	7.36	0.41	0.35	1.9E-05	8.7E-05
3898224	C20orf6	6.44	6.69	0.38	0.37	4.4E-05	1.7E-04
3106539	LOC64276	7.14	7.39	0.40	0.42	1.4E-04	3.9E-04
2531310	LOC93349	7.72	7.98	0.49	0.47	1.6E-05	7.8E-05

AJHG, Volume 82

3328069	LOC39011	8.51	8.76	0.47	0.38	2.5E-04	6.2E-04
3041519	TRA2A	7.93	8.18	0.48	0.44	1.2E-03	2.0E-03
3590014	CASC5	7.61	7.87	0.33	0.30	8.4E-07	9.1E-06
2384562	SPHAR	7.14	7.40	0.35	0.35	1.4E-05	7.2E-05
3458551	ARHGAP9	8.37	8.62	0.33	0.26	2.4E-07	3.6E-06
4022833	MOSPD1	6.46	6.72	0.44	0.37	8.7E-05	2.8E-04
3471374	PPP1CC	10.72	10.98	0.22	0.22	7.6E-10	5.2E-08
2736853	RAP1GDS1	7.67	7.92	0.48	0.46	1.1E-03	1.9E-03
3933817	WDR4	7.70	7.96	0.32	0.27	1.8E-06	1.6E-05
2950199	PSMB8	9.10	9.36	0.35	0.38	3.2E-05	1.3E-04
3214582	SPTLC1	8.31	8.57	0.29	0.28	2.9E-07	4.1E-06
3093259	RBM13	8.31	8.57	0.38	0.35	5.7E-05	2.0E-04
3447129	KIAA0528	7.57	7.83	0.31	0.31	5.2E-07	6.4E-06
2519860	ASNSD1	7.99	8.25	0.29	0.30	4.8E-07	6.0E-06
2895721	NOL7	7.87	8.13	0.42	0.53	9.0E-04	1.6E-03
2330899	UTP11L	7.80	8.06	0.39	0.38	2.0E-05	9.4E-05
2331822	ZMPSTE24	8.47	8.73	0.41	0.34	7.2E-05	2.4E-04
2584207	FAP	8.18	8.44	0.52	0.45	5.8E-04	1.1E-03
3182957	NIPSNAP3	6.65	6.91	0.42	0.44	5.2E-04	1.1E-03
3385175	PICALM	7.68	7.94	0.35	0.35	1.1E-05	5.9E-05
3571347	NUMB	8.76	9.02	0.32	0.29	9.5E-08	1.8E-06
3236448	LOC64488	7.15	7.41	0.29	0.26	1.3E-07	2.2E-06
3010082	PHTF2	7.24	7.50	0.45	0.42	7.1E-05	2.4E-04
3368748	FBXO3	7.28	7.54	0.27	0.26	5.3E-09	2.1E-07
3504392	LOC22114	7.17	7.43	0.28	0.35	2.2E-06	1.8E-05
2735362	HERC6	7.30	7.56	0.54	0.52	3.6E-03	4.5E-03
3484641	BRCA2	7.04	7.30	0.45	0.42	3.9E-04	8.6E-04
2469910	LPIN1	7.96	8.23	0.54	0.40	1.2E-03	1.9E-03
3494706	FLJ30046	8.26	8.52	0.52	0.42	7.1E-04	1.3E-03
2946208	HIST1H4B	10.82	11.08	0.46	0.57	4.1E-03	5.0E-03
3344861	C11orf54	7.97	8.23	0.40	0.32	2.6E-05	1.1E-04
3765059	ABC1	6.87	7.14	0.33	0.31	3.6E-06	2.6E-05
2604254	DKFZp762	8.61	8.87	0.37	0.32	4.6E-06	3.1E-05

AJHG, Volume 82

3681705	RRN3	9.00	9.26	0.22	0.26	3.3E-09	1.4E-07
2421782	LOC64542	7.33	7.59	0.44	0.43	2.6E-04	6.4E-04
2921374	BXDC1	8.60	8.86	0.40	0.42	2.2E-04	5.7E-04
3513549	RCBTB2	7.69	7.95	0.36	0.37	7.6E-05	2.5E-04
3973839	CYBB	10.32	10.58	0.63	0.33	3.6E-03	4.5E-03
2730531	SAS10	7.58	7.84	0.23	0.26	3.5E-09	1.5E-07
3228097	TTF1	6.86	7.12	0.36	0.32	1.6E-05	8.0E-05
2740005	HDCMA18P	6.70	6.97	0.53	0.52	2.0E-03	2.9E-03
3706219	LOC64403	7.02	7.29	0.37	0.32	1.6E-05	7.8E-05
3413067	FAM113B	6.56	6.83	0.50	0.47	3.1E-03	4.0E-03
2659560	PIGX	8.34	8.60	0.37	0.36	2.7E-05	1.2E-04
2700500	COMMD2	7.87	8.13	0.38	0.35	7.3E-05	2.5E-04
3365437	TSG101	8.12	8.39	0.40	0.35	2.6E-05	1.1E-04
3252382	MYST4	7.92	8.19	0.30	0.27	1.5E-07	2.5E-06
2402068	SYF2	7.15	7.42	0.40	0.36	6.5E-05	2.2E-04
3401804	RAD51AP1	8.12	8.39	0.45	0.38	1.3E-04	3.8E-04
3364119	CYP2R1	6.82	7.08	0.39	0.32	3.2E-05	1.3E-04
2831932	IK	8.00	8.26	0.47	0.44	8.0E-04	1.5E-03
3141809	MRPS28	7.07	7.34	0.46	0.42	1.6E-04	4.4E-04
3407824	GOLT1B	8.41	8.68	0.44	0.37	1.5E-04	4.1E-04
2649532	RSRC1	8.44	8.71	0.34	0.34	6.2E-06	3.9E-05
2421271	15-Sep	9.56	9.83	0.43	0.39	8.4E-05	2.7E-04
3256074	BMPR1A	7.44	7.71	0.66	0.30	1.5E-03	2.3E-03
3326842	TRIM44	8.26	8.53	0.28	0.26	8.6E-08	1.7E-06
3096428	LOC64704	7.60	7.87	0.32	0.40	5.5E-05	2.0E-04
2423597	DNTTIP2	7.96	8.22	0.44	0.41	1.6E-04	4.4E-04
3766334	CCDC47	8.75	9.02	0.32	0.28	3.5E-07	4.7E-06
3734379	CD300A	9.71	9.98	0.45	0.46	2.2E-04	5.7E-04
2743370	LOC13232	6.77	7.04	0.42	0.41	8.8E-05	2.8E-04
3988435	DOCK11	7.66	7.93	0.42	0.35	5.1E-05	1.9E-04
2520225	NAB1	6.67	6.94	0.42	0.47	1.8E-04	4.8E-04
2529782	MRPL44	7.94	8.21	0.47	0.46	2.1E-04	5.4E-04
3890218	C20orf43	8.67	8.94	0.32	0.28	1.5E-06	1.4E-05

AJHG, Volume 82

3431318	TCHP	6.60	6.87	0.27	0.27	6.3E-09	2.4E-07
3594825	PIGB	6.86	7.13	0.37	0.37	5.8E-06	3.7E-05
3005266	LOC44124	7.65	7.92	0.42	0.39	4.7E-05	1.8E-04
3573261	SNW1	8.34	8.61	0.36	0.28	1.9E-06	1.6E-05
2638789	CD86	7.42	7.69	0.71	0.59	9.9E-03	9.5E-03
3092276	LEPROTL1	8.00	8.27	0.30	0.28	1.1E-07	1.9E-06
2737069	METAP1	9.45	9.73	0.34	0.31	1.1E-06	1.1E-05
3130211	PPP2CB	6.96	7.23	0.41	0.46	7.3E-05	2.5E-04
2860614	KENAE	6.71	6.98	0.32	0.33	2.2E-07	3.3E-06
2899437	BTN2A1	7.52	7.79	0.35	0.35	1.3E-06	1.3E-05
3849267	ZNF558	6.56	6.83	0.53	0.50	1.1E-03	1.9E-03
2921456	KIAA1919	7.78	8.05	0.31	0.40	3.4E-05	1.4E-04
2790570	PLRG1	9.68	9.96	0.37	0.33	6.7E-06	4.1E-05
3518977	C13orf7	7.86	8.13	0.36	0.28	8.5E-07	9.1E-06
3528115	C14orf92	8.64	8.91	0.22	0.18	1.0E-11	2.0E-09
3515009	VPS36	7.74	8.01	0.31	0.33	1.1E-07	2.0E-06
3531479	ARHGAP5	7.28	7.56	0.44	0.27	3.2E-06	2.4E-05
3793588	C18orf55	6.88	7.15	0.44	0.48	2.0E-04	5.2E-04
3089401	PPP3CC	8.04	8.32	0.28	0.31	1.1E-07	2.0E-06
2518428	SSFA2	8.19	8.47	0.51	0.49	5.0E-04	1.0E-03
3485863	EXOSC8	7.65	7.92	0.57	0.55	1.6E-03	2.4E-03
3379644	CPT1A	7.01	7.28	0.40	0.44	2.0E-04	5.2E-04
3568667	MAX	6.80	7.08	0.30	0.32	1.2E-07	2.1E-06
2326286	PDIK1L	7.55	7.82	0.40	0.49	2.5E-04	6.3E-04
3088544	ATP6V1B2	9.57	9.84	0.31	0.36	4.0E-06	2.8E-05
2812273	PPWD1	7.39	7.66	0.37	0.35	1.2E-05	6.3E-05
3755714	PPARBP	8.40	8.67	0.26	0.25	1.6E-09	8.3E-08
3218067	MRPL50	7.46	7.74	0.39	0.34	1.5E-05	7.5E-05
2793951	HMGB2	8.86	9.13	0.40	0.44	2.0E-04	5.3E-04
2894711	LOC64520	10.71	10.99	0.23	0.31	2.0E-08	5.8E-07
2945645	TTRAP	9.34	9.62	0.29	0.29	2.4E-07	3.6E-06
3490504	ALG11	6.91	7.19	0.36	0.32	3.5E-07	4.7E-06
3617830	FLJ20582	7.57	7.85	0.45	0.43	2.3E-04	5.8E-04

AJHG, Volume 82

3240095	RAB18	8.10	8.37	0.34	0.29	1.3E-06	1.3E-05
2928690	LOC64448	8.15	8.42	0.47	0.40	4.7E-05	1.7E-04
3597977	TRIP4	7.37	7.65	0.23	0.23	4.3E-09	1.8E-07
2547386	LOC84661	8.22	8.50	0.47	0.45	3.5E-04	8.0E-04
2677653	C3orf63	8.71	8.99	0.44	0.36	1.2E-05	6.5E-05
2775965	COQ2	7.93	8.21	0.34	0.33	1.2E-06	1.2E-05
3994100	FMR1	7.06	7.34	0.34	0.31	7.4E-07	8.3E-06
2363808	FCGR2B	7.50	7.78	0.56	0.52	2.1E-03	3.0E-03
3197318	AK3	8.69	8.97	0.41	0.37	3.1E-05	1.3E-04
2929168	UTRN	7.07	7.35	0.50	0.44	9.5E-04	1.7E-03
2514441	PPIG	6.48	6.77	0.40	0.41	6.3E-06	3.9E-05
3189311	PBX3	7.76	8.05	0.57	0.55	1.3E-03	2.1E-03
3426917	METAP2	8.35	8.63	0.42	0.30	4.5E-06	3.1E-05
3828162	C19orf2	8.91	9.19	0.30	0.24	1.9E-08	5.7E-07
2750527	KLHL2	6.91	7.20	0.32	0.34	1.4E-06	1.3E-05
3383164	ALG8	8.20	8.49	0.35	0.28	3.3E-08	8.0E-07
2816298	IQGAP2	7.98	8.26	0.50	0.34	2.0E-04	5.4E-04
3665116	CBFB	9.54	9.82	0.28	0.20	2.0E-11	3.3E-09
2688717	BTLA	9.03	9.31	0.54	0.48	3.0E-04	7.2E-04
2765865	LOC25398	7.36	7.64	0.33	0.34	1.5E-07	2.5E-06
2868131	LOC64271	8.94	9.22	0.43	0.40	3.3E-05	1.3E-04
2774971	ANTXR2	7.03	7.31	0.48	0.42	4.5E-04	9.7E-04
2452667	RAB7L1	7.96	8.24	0.50	0.39	3.2E-04	7.4E-04
4043943	SF3A3	9.13	9.41	0.30	0.29	5.3E-08	1.2E-06
3432090	ALDH2	8.00	8.28	0.65	0.53	4.6E-03	5.4E-03
3965102	RP1-29C1	6.55	6.83	0.35	0.36	2.6E-05	1.1E-04
3878429	POLR3F	6.52	6.80	0.31	0.30	1.6E-08	4.7E-07
3041294	DRCTNNB1	8.42	8.71	0.46	0.43	5.8E-05	2.1E-04
3129149	PBK	7.34	7.63	0.46	0.40	5.1E-05	1.9E-04
3173748	C9orf42	7.26	7.55	0.35	0.33	1.2E-07	2.0E-06
3841076	MYADM	7.70	7.99	0.69	0.51	5.7E-03	6.4E-03
3126087	CCDC98	9.41	9.70	0.44	0.40	2.8E-05	1.2E-04
3784602	GALNT1	7.80	8.09	0.41	0.37	2.2E-06	1.9E-05

AJHG, Volume 82

3757970	PSMC3IP	7.18	7.47	0.37	0.32	1.7E-06	1.5E-05
3014855	ZFP95	6.97	7.26	0.19	0.22	1.9E-12	7.1E-10
3345107	ANKRD49	8.15	8.44	0.29	0.26	2.6E-08	7.2E-07
3983105	CXorf33	7.56	7.85	0.36	0.29	1.8E-07	2.8E-06
3592054	RNF36	6.91	7.20	0.64	0.48	1.8E-03	2.6E-03
3236786	PTER	8.00	8.29	0.32	0.27	2.9E-08	7.6E-07
3752709	MYO1D	7.76	8.05	0.79	0.50	9.5E-03	9.3E-03
2895244	EDN1	6.70	7.00	0.50	0.56	9.7E-04	1.7E-03
3283991	KIF5B	7.67	7.96	0.56	0.62	5.0E-03	5.8E-03
3101153	BHLHB5	7.43	7.72	0.65	0.61	3.9E-03	4.7E-03
3389745	CWF19L2	6.53	6.82	0.36	0.38	2.2E-06	1.9E-05
2601287	AP1S3	6.95	7.24	0.68	0.51	5.2E-03	5.9E-03
2468351	RSAD2	6.79	7.08	0.62	0.52	2.8E-03	3.7E-03
3365525	SPTY2D1	7.75	8.04	0.34	0.34	2.7E-06	2.1E-05
3549220	C14orf13	8.03	8.32	0.36	0.35	2.5E-06	2.0E-05
3591400	76P	7.94	8.23	0.30	0.29	3.3E-08	8.1E-07
2427720	TMEM77	9.22	9.51	0.43	0.40	1.9E-05	8.9E-05
3489708	DLEU1	6.90	7.19	0.36	0.30	2.8E-06	2.2E-05
3517793	KLF12	7.67	7.97	0.65	0.40	5.9E-04	1.2E-03
3776193	SMCHD1	8.63	8.93	0.43	0.38	7.3E-06	4.4E-05
3382948	CLNS1A	8.58	8.88	0.35	0.33	1.2E-06	1.2E-05
3753500	SLFN11	7.07	7.37	0.79	0.63	4.6E-03	5.4E-03
2413578	TMEM59	8.97	9.26	0.35	0.27	3.1E-07	4.3E-06
2766359	RFC1	8.57	8.87	0.45	0.36	6.1E-06	3.8E-05
2514566	SSB	9.76	10.06	0.34	0.45	6.4E-05	2.2E-04
3061651	BET1	8.38	8.68	0.40	0.43	4.2E-05	1.6E-04
2440295	CD84	6.85	7.14	0.53	0.53	3.3E-03	4.2E-03
2403261	IFI6	10.53	10.82	0.61	0.53	8.9E-04	1.6E-03
3817984	SAFB	8.00	8.30	0.47	0.46	1.7E-04	4.6E-04
3252534	SAMD8	8.57	8.87	0.26	0.22	7.9E-10	5.2E-08
3396736	PUS3	6.65	6.95	0.32	0.30	1.3E-07	2.3E-06
2696379	ANAPC13	8.61	8.91	0.29	0.30	5.1E-08	1.1E-06
3682135	C16orf63	6.75	7.05	0.43	0.42	6.2E-06	3.9E-05

AJHG, Volume 82

2899243	HIST1H4F	9.33	9.63	0.63	0.65	8.0E-03	8.2E-03
3651639	LOC57146	6.92	7.22	0.56	0.52	6.7E-04	1.3E-03
2814527	BDP1	7.21	7.51	0.41	0.33	1.7E-06	1.5E-05
2746269	LSM6	9.17	9.47	0.39	0.37	8.0E-06	4.6E-05
2350287	PRPF38B	7.75	8.05	0.35	0.30	3.2E-07	4.4E-06
2792420	FLJ38482	7.01	7.31	0.39	0.33	2.3E-06	1.9E-05
3740304	MYO1C	9.24	9.54	0.33	0.29	1.5E-07	2.4E-06
2858793	DKFZP686	8.10	8.40	0.42	0.41	2.4E-05	1.1E-04
3182781	SMC2L1	8.01	8.31	0.41	0.36	2.7E-06	2.1E-05
2358153	MRPS21	7.53	7.83	0.66	0.70	4.6E-03	5.4E-03
3764384	SUPT4H1	8.58	8.89	0.27	0.28	7.1E-09	2.6E-07
3603408	PSMA4	10.30	10.60	0.30	0.27	2.5E-09	1.2E-07
2656569	DNAJB11	8.84	9.14	0.48	0.34	2.2E-05	1.0E-04
2366490	BLZF1	6.98	7.29	0.48	0.50	1.4E-04	4.0E-04
2410470	PIK3R3	8.04	8.35	0.40	0.46	3.4E-05	1.4E-04
2350840	GNAI3	9.01	9.31	0.34	0.33	3.8E-07	5.1E-06
3293998	FLJ25102	7.78	8.08	0.38	0.37	1.9E-06	1.6E-05
3403140	EMG1	7.27	7.57	0.35	0.45	3.0E-05	1.3E-04
3095719	GOLGA7	8.29	8.60	0.31	0.32	3.1E-08	7.7E-07
3811459	FVT1	8.13	8.44	0.36	0.33	6.0E-07	7.1E-06
2423175	FAM69A	7.44	7.75	0.66	0.58	7.5E-04	1.4E-03
3139950	LACTB2	6.67	6.98	0.50	0.42	1.4E-05	6.9E-05
3166844	CHMP5	6.96	7.27	0.60	0.47	1.6E-04	4.3E-04
2562867	RNF103	6.88	7.19	0.57	0.61	2.5E-04	6.3E-04
3442427	OACT5	9.02	9.33	0.31	0.29	3.2E-08	8.0E-07
3791482	PHLPP	7.18	7.50	0.53	0.41	1.2E-04	3.7E-04
3869339	ZNF350	6.57	6.88	0.38	0.40	1.8E-05	8.7E-05
2875419	KIF3A	6.71	7.03	0.57	0.59	1.9E-03	2.8E-03
3429754	KIAA1033	9.13	9.44	0.33	0.29	8.1E-09	2.8E-07
2580955	NMI	8.28	8.59	0.53	0.50	1.8E-04	4.8E-04
3701384	C16orf61	9.03	9.35	0.24	0.27	5.2E-11	5.7E-09
2749699	RAPGEF2	8.48	8.79	0.78	0.55	5.8E-03	6.4E-03
3235516	CAMK1D	7.68	8.00	0.48	0.37	1.4E-04	4.0E-04

AJHG, Volume 82

2657981	CCDC50	9.44	9.75	0.45	0.44	5.2E-05	1.9E-04
2924898	RNF146	7.23	7.54	0.37	0.35	1.3E-06	1.2E-05
2806256	DNAJA5	7.94	8.26	0.52	0.47	3.1E-04	7.3E-04
3434393	DYNLL1	9.91	10.23	0.41	0.48	1.3E-05	6.6E-05
4006416	FUNDC1	7.86	8.17	0.35	0.32	2.8E-08	7.4E-07
3264948	CASP7	8.32	8.64	0.36	0.34	8.1E-08	1.6E-06
3114600	TRMT12	6.29	6.61	0.28	0.30	8.2E-09	2.8E-07
3949017	FLJ20699	7.45	7.77	0.24	0.34	3.9E-08	9.1E-07
3766373	FTSJ3	8.32	8.64	0.26	0.26	1.2E-09	6.9E-08
3153328	FAM49B	8.48	8.80	0.50	0.44	2.7E-05	1.2E-04
3013952	ACN9	7.89	8.21	0.53	0.46	6.9E-05	2.3E-04
3440998	ENST0000	7.25	7.57	0.34	0.27	9.1E-09	3.0E-07
2871176	REEP5	8.72	9.04	0.49	0.40	8.0E-06	4.6E-05
3607275	ISG20	7.63	7.95	0.45	0.36	3.7E-06	2.7E-05
2439554	AIM2	7.63	7.95	0.62	0.49	2.7E-04	6.6E-04
3108648	C8orf47	6.51	6.83	0.36	0.45	4.8E-06	3.2E-05
3286975	ANUBL1	7.63	7.95	0.54	0.48	1.4E-04	4.0E-04
3896370	RP5-1022	8.98	9.31	0.41	0.35	1.6E-06	1.4E-05
2732611	MRPL1	7.44	7.76	0.49	0.52	7.5E-05	2.5E-04
2487478	GMCL1	7.09	7.41	0.46	0.43	2.4E-06	1.9E-05
2503200	RALB	8.47	8.80	0.33	0.35	5.4E-07	6.6E-06
3133479	RNF170	6.63	6.95	0.37	0.33	2.2E-08	6.3E-07
3628923	FAM96A	8.71	9.04	0.56	0.50	3.9E-04	8.7E-04
3111530	ENY2	7.91	8.23	0.43	0.36	2.1E-06	1.8E-05
3096368	HOOK3	7.64	7.97	0.35	0.34	2.6E-07	3.8E-06
2772566	IGJ	11.84	12.17	0.77	0.53	1.0E-03	1.8E-03
3555461	OSGEP	7.78	8.11	0.26	0.27	1.1E-09	6.3E-08
2657025	RTP4	7.61	7.94	0.35	0.36	1.2E-07	2.0E-06
2823551	MAN2A1	7.28	7.60	0.58	0.59	2.7E-04	6.5E-04
2705706	TNFSF10	7.14	7.47	0.47	0.52	1.6E-04	4.4E-04
2480589	CRIP1	6.69	7.02	0.50	0.60	1.7E-04	4.7E-04
2921402	SLC16A10	7.26	7.59	0.70	0.64	4.2E-03	5.0E-03
3367183	LIN7C	7.07	7.40	0.47	0.36	4.5E-06	3.1E-05

AJHG, Volume 82

2654394	FXR1	7.63	7.96	0.68	0.75	6.7E-03	7.2E-03
2328868	HDAC1	9.82	10.15	0.33	0.25	6.2E-09	2.4E-07
3110171	ATP6V1C1	7.39	7.73	0.45	0.38	8.6E-07	9.2E-06
3212848	GOLPH2	6.78	7.11	0.64	0.53	5.7E-04	1.1E-03
3956290	PITPNB	8.68	9.01	0.41	0.40	2.7E-06	2.1E-05
2899298	BTN3A2	8.00	8.33	0.58	0.45	3.2E-04	7.4E-04
2781813	ELOVL6	6.60	6.93	0.51	0.41	1.4E-05	7.2E-05
2829488	DDX46	7.32	7.65	0.44	0.41	1.5E-05	7.5E-05
3768412	SLC16A6	7.26	7.59	0.52	0.41	1.8E-05	8.7E-05
3433843	SUDS3	8.02	8.35	0.44	0.38	3.1E-06	2.3E-05
2779823	SLC39A8	9.23	9.57	0.38	0.37	1.0E-06	1.1E-05
3020444	CAPZA2	7.99	8.32	0.45	0.47	2.6E-05	1.1E-04
2729667	BRDG1	6.72	7.05	0.61	0.50	3.6E-04	8.2E-04
3025500	BPGM	8.11	8.44	0.48	0.55	9.6E-05	3.0E-04
2772017	YTHDC1	8.48	8.82	0.32	0.28	3.9E-09	1.6E-07
2867443	MCTP1	7.08	7.41	0.74	0.60	4.6E-04	9.8E-04
3269587	C10orf13	8.38	8.71	0.39	0.40	9.4E-07	9.9E-06
3909395	DPM1	8.73	9.07	0.41	0.40	6.3E-07	7.4E-06
3392996	KIAA0999	7.05	7.39	0.40	0.33	3.0E-08	7.6E-07
2638962	DTX3L	9.44	9.78	0.46	0.44	5.2E-06	3.4E-05
2692060	PARP9	10.16	10.50	0.51	0.44	6.3E-06	3.9E-05
2651782	TLOC1	8.46	8.80	0.47	0.45	4.5E-06	3.1E-05
3270840	MGMT	6.61	6.95	0.55	0.41	8.8E-05	2.8E-04
3488985	ITM2B	8.11	8.45	0.38	0.46	6.9E-06	4.2E-05
2984500	T	6.68	7.02	0.56	0.77	1.4E-03	2.2E-03
2836451	MFAP3	7.05	7.39	0.39	0.40	1.4E-07	2.3E-06
3412008	PPHLN1	8.40	8.74	0.35	0.28	1.4E-09	7.8E-08
3951768	CECR1	7.79	8.14	0.52	0.50	7.8E-05	2.6E-04
2483451	VRK2	7.94	8.28	0.42	0.47	7.5E-06	4.4E-05
3841574	LILRB1	8.82	9.17	0.48	0.42	5.3E-05	1.9E-04
2909020	ENPP4	6.89	7.25	0.61	0.49	3.7E-04	8.3E-04
3178952	SYK	8.94	9.29	0.68	0.44	2.9E-04	7.0E-04
3503976	PSPC1	8.34	8.69	0.26	0.24	2.2E-12	7.4E-10

AJHG, Volume 82

3212277	C9orf64	7.42	7.77	0.45	0.39	5.7E-07	6.9E-06
3293537	PCBD1	7.73	8.09	0.47	0.43	5.8E-06	3.7E-05
3959918	TST	7.44	7.80	0.43	0.44	4.9E-06	3.3E-05
2442858	BRP44	8.30	8.66	0.45	0.49	3.7E-06	2.7E-05
3183111	SLC44A1	8.20	8.56	0.73	0.73	1.2E-03	2.0E-03
2601341	WDFY1	8.87	9.23	0.51	0.38	7.1E-06	4.3E-05
2719656	CD38	9.00	9.36	0.78	0.78	8.7E-03	8.7E-03
2336585	SCP2	7.24	7.60	0.53	0.32	2.4E-06	1.9E-05
3971806	SAT	7.91	8.27	0.68	0.72	3.6E-03	4.5E-03
2477302	CCDC75	8.34	8.70	0.36	0.43	1.4E-07	2.3E-06
3747522	TNFRSF13	8.80	9.16	0.39	0.30	1.4E-08	4.3E-07
3309215	EIF3S10	9.32	9.68	0.36	0.29	7.5E-09	2.7E-07
3781082	SNRPD1	7.23	7.59	0.39	0.37	9.4E-08	1.8E-06
2628260	KBTD8	6.88	7.24	0.56	0.50	6.9E-05	2.3E-04
3512769	ZC3H13	6.68	7.04	0.50	0.54	7.4E-05	2.5E-04
3778372	LOC64560	8.62	8.98	0.61	0.39	2.5E-04	6.1E-04
3619991	NDUFAF1	7.96	8.32	0.40	0.32	1.5E-08	4.6E-07
2832081	ZMAT2	6.77	7.13	0.40	0.40	2.5E-06	2.0E-05
3536905	KTN1	8.17	8.53	0.44	0.39	8.4E-08	1.6E-06
3763687	COIL	7.67	8.04	0.24	0.27	1.8E-12	7.1E-10
3569814	HMG1	7.57	7.94	0.85	0.89	9.0E-03	8.9E-03
3130161	GSR	9.53	9.90	0.28	0.37	3.1E-09	1.4E-07
2963407	SYNCRIP	7.60	7.97	0.37	0.37	2.8E-07	4.0E-06
3533435	PNN	7.06	7.43	0.76	0.84	6.7E-03	7.1E-03
2412529	NRD1	8.49	8.86	0.38	0.36	5.9E-09	2.3E-07
3529156	C14orf12	7.25	7.62	0.32	0.32	8.7E-10	5.3E-08
2574646	BIN1	8.10	8.47	0.50	0.38	2.5E-06	2.0E-05
2370433	CACNA1E	6.82	7.19	0.76	0.62	2.3E-03	3.2E-03
3562721	FKBP3	7.23	7.60	0.56	0.52	1.7E-05	8.0E-05
3573152	SPTLC2	8.65	9.03	0.31	0.29	1.2E-09	7.0E-08
4021469	PDCD8	7.50	7.87	0.44	0.39	5.9E-07	7.0E-06
3925473	SAMSN1	7.00	7.38	0.88	0.79	9.0E-03	8.9E-03
2405893	LOC11344	8.30	8.67	0.30	0.45	6.9E-07	7.9E-06

AJHG, Volume 82

3364095	CYP2R1	6.81	7.18	0.55	0.48	2.7E-05	1.2E-04
2491676	VAMP8	7.96	8.34	0.39	0.41	7.8E-08	1.6E-06
3345142	PIWIL4	6.63	7.01	0.34	0.48	1.4E-06	1.3E-05
2724472	HIP2	9.21	9.59	0.29	0.37	4.8E-09	2.0E-07
3175119	OSTF1	9.32	9.70	0.29	0.30	5.5E-11	5.7E-09
2434319	ANP32E	8.56	8.94	0.42	0.37	8.8E-08	1.7E-06
3540353	CHURC1	6.81	7.19	0.42	0.44	7.3E-06	4.4E-05
3744965	GAS7	6.81	7.19	0.50	0.59	1.9E-05	9.0E-05
2717049	MRFAP1	8.47	8.85	0.34	0.27	2.9E-10	2.3E-08
2413180	MAGOH	7.64	8.02	0.45	0.50	4.2E-06	3.0E-05
3243708	LOC64432	8.44	8.83	0.33	0.29	5.2E-10	3.8E-08
2933175	ZDHHC14	7.00	7.39	0.57	0.64	2.4E-04	6.1E-04
3718791	TAF15	8.57	8.96	0.37	0.36	2.2E-08	6.3E-07
3429857	LOC38788	8.78	9.16	0.42	0.51	2.3E-06	1.9E-05
3249738	HNRPH3	7.75	8.14	0.42	0.33	1.3E-08	4.1E-07
3959411	APOL2	6.84	7.23	0.44	0.55	8.2E-06	4.7E-05
2775909	PLAC8	10.82	11.21	0.62	0.60	1.1E-04	3.4E-04
3573994	C14orf14	6.78	7.17	0.45	0.39	8.0E-08	1.6E-06
3763656	TRIM25	9.34	9.73	0.32	0.23	1.3E-13	1.3E-10
3464000	CCDC59	7.82	8.22	0.44	0.46	1.0E-06	1.1E-05
3570049	ERH	9.90	10.29	0.38	0.48	1.1E-06	1.1E-05
2619323	SS18L2	8.82	9.21	0.30	0.38	8.5E-10	5.3E-08
3354227	NRGN	7.21	7.60	0.60	0.43	1.4E-05	7.2E-05
3727712	PCTP	6.76	7.16	0.32	0.35	3.3E-10	2.5E-08
2974469	STX7	8.47	8.87	0.43	0.40	1.5E-07	2.4E-06
3874751	PRNP	7.40	7.79	0.71	0.58	2.4E-04	6.0E-04
3040967	RAPGEF5	6.65	7.05	0.62	0.58	8.9E-05	2.8E-04
2638077	PLA1A	8.26	8.66	0.98	0.83	5.0E-03	5.8E-03
3289235	LOC65348	7.41	7.81	0.54	0.48	5.0E-06	3.3E-05
3026988	LUC7L2	8.50	8.90	0.30	0.27	3.6E-13	2.6E-10
3877776	SNRPB2	6.81	7.21	0.53	0.48	2.1E-06	1.8E-05
3443868	CD69	9.24	9.65	0.72	0.58	1.0E-04	3.2E-04
2871685	PGGT1B	7.78	8.19	0.49	0.40	1.1E-06	1.1E-05

AJHG, Volume 82

3684039	CRYM	6.82	7.23	0.58	0.58	7.0E-05	2.4E-04
2351632	CEPT1	9.23	9.64	0.43	0.33	5.8E-08	1.2E-06
3560403	EGLN3	7.60	8.01	1.06	0.88	1.0E-02	9.6E-03
3114365	FAM91A2	8.75	9.16	0.43	0.35	3.6E-08	8.6E-07
2547716	FAM98A	8.62	9.03	0.45	0.35	2.9E-08	7.6E-07
3795942	YES1	7.20	7.61	0.50	0.49	1.9E-06	1.6E-05
3764738	FAM33A	9.72	10.14	0.32	0.26	2.6E-12	7.8E-10
2977510	FUCA2	7.70	8.12	0.42	0.42	3.8E-08	9.1E-07
2365119	MGST3	8.41	8.83	0.54	0.43	1.7E-07	2.7E-06
3263555	ADD3	8.12	8.54	0.53	0.49	5.1E-06	3.4E-05
2409613	PRNPIP	7.10	7.52	0.45	0.50	5.7E-07	6.9E-06
3624362	LEO1	7.75	8.16	0.36	0.33	2.5E-11	3.4E-09
2946369	HIST1H3G	9.01	9.43	0.55	0.42	4.5E-07	5.7E-06
3042610	SCAP2	8.15	8.57	0.43	0.46	3.5E-07	4.8E-06
2328273	SERINC2	8.28	8.71	0.74	0.73	6.0E-04	1.2E-03
3802129	SS18	8.73	9.16	0.33	0.33	1.6E-11	2.7E-09
3503224	UPF3A	7.45	7.88	0.43	0.41	1.3E-08	4.1E-07
2783473	LOC40115	7.77	8.20	0.61	0.71	1.7E-04	4.7E-04
2420958	C1orf181	7.43	7.86	0.59	0.47	1.3E-05	6.6E-05
3645626	IL32	8.73	9.16	0.89	0.79	3.1E-03	4.0E-03
2933331	SNX9	7.39	7.82	0.61	0.58	4.4E-05	1.7E-04
3629243	RBPMS2	7.59	8.03	0.72	0.85	6.1E-04	1.2E-03
3320301	CTR9	8.67	9.10	0.35	0.30	4.1E-12	1.1E-09
2973995	LOC40122	7.99	8.43	0.60	0.52	1.1E-05	6.1E-05
3354443	SLC37A2	7.45	7.89	0.69	0.52	2.5E-06	2.0E-05
2827057	GRAMD3	7.11	7.55	0.55	0.57	1.3E-05	6.7E-05
3032017	NYREN18	9.05	9.50	0.39	0.33	4.1E-11	4.8E-09
3549575	IFI27	6.66	7.11	0.64	0.82	1.1E-04	3.3E-04
3716337	CCDC55	6.99	7.44	0.34	0.32	5.7E-13	2.9E-10
2867836	GLRX	7.26	7.71	0.52	0.62	3.5E-06	2.6E-05
2517408	AGPS	8.16	8.61	0.43	0.36	8.2E-10	5.2E-08
3173673	PIP5K1B	7.36	7.82	0.73	0.47	2.4E-05	1.1E-04
3009959	PTPN12	6.79	7.25	0.50	0.45	7.0E-08	1.5E-06

AJHG, Volume 82

2366422	ATP1B1	8.66	9.12	0.98	0.96	1.9E-03	2.8E-03
2477073	CRIM1	8.30	8.77	1.07	0.87	1.8E-03	2.7E-03
4002741	ACOT9	7.25	7.72	0.39	0.34	5.4E-11	5.7E-09
4003895	CXorf21	7.91	8.38	0.65	0.58	6.4E-06	4.0E-05
3538087	DACT1	7.28	7.75	0.97	0.81	8.4E-04	1.5E-03
3944404	APOL1	7.60	8.09	0.74	0.70	4.3E-05	1.6E-04
3982612	GPR174	7.98	8.46	0.98	0.77	8.1E-04	1.5E-03
2396009	LZIC	7.19	7.69	0.40	0.39	4.1E-11	4.8E-09
2779638	PPP3CA	8.01	8.50	0.62	0.49	7.6E-07	8.4E-06
2372858	RGS2	7.45	7.95	1.15	1.03	6.0E-03	6.6E-03
3257246	IFIT1	8.78	9.28	1.05	0.76	9.7E-04	1.7E-03
2438892	FCRL5	7.86	8.37	0.94	0.88	9.1E-04	1.6E-03
3447863	KRAS	7.57	8.09	0.47	0.44	1.4E-09	7.8E-08
2759303	MRFAP1L1	6.59	7.12	0.56	0.53	2.9E-08	7.6E-07
2421883	LOC40075	7.58	8.12	0.57	0.65	1.6E-06	1.4E-05
3243262	LOC64281	7.11	7.66	0.68	0.63	5.2E-06	3.4E-05
2487412	GMCL1	8.23	8.79	0.55	0.56	8.4E-08	1.6E-06
2980449	PIP3-E	8.57	9.13	0.92	0.67	3.6E-05	1.4E-04
3220673	LTB4DH	6.76	7.32	0.67	0.74	6.2E-06	3.9E-05
2495881	EIF5B	7.94	8.52	0.55	0.46	2.7E-09	1.2E-07
2860178	CD180	8.45	9.07	0.89	0.65	4.4E-06	3.0E-05
3772719	LGALS3BP	6.93	7.55	0.48	0.84	5.4E-07	6.6E-06
3150844	LOC64498	6.91	7.53	0.63	0.57	5.0E-08	1.1E-06
2945882	CMAH	6.43	7.06	0.50	0.49	9.2E-12	2.0E-09
3895118	CPXM	7.67	8.30	1.02	0.85	3.7E-05	1.4E-04
3724858	TBX21	6.70	7.34	0.51	0.53	5.9E-12	1.5E-09
2914070	MYO6	7.66	8.30	0.91	0.77	5.7E-06	3.6E-05
4011989	CXCR3	7.37	8.02	0.62	0.55	5.7E-09	2.2E-07
3621692	MFAP1	7.21	7.88	0.46	0.34	5.1E-15	7.7E-12
2939034	SERPINB9	9.95	10.62	0.77	0.54	3.2E-09	1.4E-07
3718555	SLFN5	8.01	8.70	1.20	1.17	2.9E-03	3.8E-03
2671101	TMEM16K	7.19	7.89	0.87	0.79	8.0E-07	8.8E-06
2938972	SERPINB1	7.60	8.31	0.86	0.75	7.6E-08	1.6E-06

2936657	CCR6	7.75	8.46	1.04	0.93	2.2E-05	1.0E-04
2939014	SERPINB1	7.20	7.94	0.61	0.61	8.9E-12	2.0E-09
3404436	CLEC2D	9.03	9.79	0.86	0.43	7.3E-09	2.6E-07
3581637	LOC39071	8.16	8.94	1.06	0.85	1.8E-05	8.4E-05
2708855	C11orf72	7.24	8.08	0.71	0.61	2.6E-10	2.1E-08
2563785	LOC65150	10.08	11.10	2.27	1.56	8.6E-04	1.5E-03

^a denotes the average expression level of genes (\log_2 transformed).

^b denotes the standard deviation of expression level of genes.

^c denotes the p values using a general linear model.

^d indicates the q-values reported by software QVALUE (see Methods).

Table S3. Local and Distant eQTLs Associated with Expression of the Differential Genes between the CEU and YRI Samples

<i>Affymetrix Transcript Cluster ID</i>	<i>Chr</i>	<i>Symbol</i>	<i>eQTL^a</i>	<i>eQTL Chr^a</i>	<i>eQTL Gene^a</i>	<i>r^{2b}</i>	<i>P^b</i>	<i>Mode</i>	<i>Fst^c</i>
2405893	1	C1orf212	rs4733983	8	ADAM32	0.36	9.00E-09	CEU_distant	NA
3404436	12	CLEC2D	rs7208345	17		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.12
2405893	1	C1orf212	rs2570037	17	PITPNC1	0.33	1.00E-08	CEU_distant	0.12
2829171	5	TCF7	rs7390885	9		0.36	2.00E-09	CEU_distant	0.07
2576554	2	LOC646836	rs623861	6	C6orf146	0.41	1.00E-10	CEU_distant	0.07
2405893	1	C1orf212	rs2456337	1	LOC127602	0.37	1.00E-09	CEU_distant	0.05
3726569	17	SPATA20	rs4700264	5		0.35	7.00E-09	CEU_distant	0.05
2904000	6	HMGA1 /// LOC442205	rs1281008	1	C1orf127	0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.05
2405893	1	C1orf212	rs624549	18	GNAL	0.35	1.00E-08	CEU_distant	0.05
2405893	1	C1orf212	rs7704557	5	RARS	0.33	2.00E-08	CEU_distant	0.04
4011989	X	CXCR3	rs2121598	1		0.35	3.00E-09	CEU_distant	0.04
2550325	2	OXER1	rs16995039	4	TMEM156	0.33	1.00E-08	CEU_distant	0.03
2576554	2	LOC646836	rs7627538	3		0.36	4.00E-09	CEU_distant	0.03
4011989	X	CXCR3	rs12028543	1		0.38	6.00E-10	CEU_distant	0.03
4011989	X	CXCR3	rs12030529	1		0.38	5.00E-10	CEU_distant	0.03
3404436	12	CLEC2D	rs643831	7	SDK1	0.35	2.00E-08	CEU_distant	0.03
3704376	16	FAM38A	rs3914907	12		0.32	1.00E-08	CEU_distant	0.03
3872983	19	CHMP2A	rs11139442	9		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.03
3404436	12	CLEC2D	rs873690	6	KCNK5	0.32	1.00E-08	CEU_distant	0.03
3404436	12	CLEC2D	rs1568098	3	MDS1	0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.03
3404436	12	CLEC2D	rs11230968	11		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.03
3704495	16	APRT	rs13325716	3		0.34	4.00E-09	CEU_distant	0.03
3704495	16	APRT	rs17235757	3		0.34	4.00E-09	CEU_distant	0.03
3404436	12	CLEC2D	rs16853325	3	MDS1	0.33	2.00E-08	CEU_distant	0.03
3404436	12	CLEC2D	rs17746143	4		0.37	8.00E-10	CEU_distant	0.03
3704495	16	APRT	rs9817200	3		0.33	1.00E-08	CEU_distant	0.02
3404436	12	CLEC2D	rs2220392	3	MDS1	0.34	6.00E-09	CEU_distant	0.02

AJHG, Volume 82

3726569	17	SPATA20	rs10053213	5		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.02
3726569	17	SPATA20	rs2409009	5		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.02
2576554	2	LOC646836	rs10485172	6	C6orf146	0.42	2.00E-10	CEU_distant	0.02
3704495	16	APRT	rs9842692	3		0.34	4.00E-09	CEU_distant	0.02
2405893	1	C1orf212	rs1808692	17	PITPNC1	0.33	1.00E-08	CEU_distant	0.01
2328868	1	HDAC1	rs471045	1	C1orf184	0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.01
3726569	17	SPATA20	rs10069996	5		0.36	7.00E-09	CEU_distant	0.01
3726569	17	SPATA20	rs10068496	5		0.33	2.00E-08	CEU_distant	0.01
3704495	16	APRT	rs9881237	3		0.34	4.00E-09	CEU_distant	0.01
4011989	X	CXCR3	rs2981614	17		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.01
3404436	12	CLEC2D	rs7614678	3	WDR52	0.33	2.00E-08	CEU_distant	0.01
3404436	12	CLEC2D	rs7650500	3	WDR52	0.33	1.00E-08	CEU_distant	0.01
2405893	1	C1orf212	rs7576634	2		0.44	6.00E-12	CEU_distant	0.01
3404436	12	CLEC2D	rs10471186	4		0.40	4.00E-10	CEU_distant	0.01
2871685	5	PGGT1B	rs7650879	3		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.00
3604287	15	IL16	rs1344367	5		0.35	2.00E-09	CEU_distant	0.00
2394361	1	NPHP4	rs17356003	1		0.37	2.00E-08	CEU_distant	0.00
2405893	1	C1orf212	rs1111058	10	CAMK1D	0.35	9.00E-09	CEU_distant	0.00
2400793	1	HSPG2	rs2117359	5		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.00
2489071	2	MGC22014	rs4473237	17		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.00
3726569	17	SPATA20	rs2194192	5		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.00
3726569	17	SPATA20	rs4700265	5		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.00
3726569	17	SPATA20	rs10066944	5		0.33	2.00E-08	CEU_distant	0.00
3404436	12	CLEC2D	rs17618794	12		0.34	1.00E-08	CEU_distant	0.00
3503976	13	PSPC1	rs10025097	4		0.32	2.00E-08	CEU_distant	0.00
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs504816	1	ZYG11A	0.32	1.00E-08	CEU_local	NA
2576554	2	LOC646836	rs10196582	2		0.49	5.00E-13	CEU_local	NA
2576554	2	LOC646836	rs10205714	2		0.50	2.00E-13	CEU_local	NA
2576554	2	LOC646836	rs7561542	2	TUBA4A /// TUBA3D	0.47	4.00E-12	CEU_local	NA
2946215	6	HIST1H3B	rs1150660	6		0.54	1.00E-15	CEU_local	NA
3757602	17	LGP2	rs2277621	17	LGP2 /// GCN5L2	0.37	1.00E-09	CEU_local	0.53

AJHG, Volume 82

3757602	17	LGP2	rs2074154	17	LGP2	0.38	5.00E-10	CEU_local	0.52
3757602	17	LGP2	rs2074166	17	GCN5L2	0.39	2.00E-10	CEU_local	0.50
3757602	17	LGP2	rs2074164	17	GCN5L2	0.37	8.00E-10	CEU_local	0.50
3757602	17	LGP2	rs3744484	17	LGP2 /// GCN5L2	0.38	6.00E-10	CEU_local	0.50
3757602	17	LGP2	rs11079033	17	LGP2	0.45	3.00E-11	CEU_local	0.49
3757602	17	LGP2	rs739636	17	RAB5C	0.37	1.00E-09	CEU_local	0.46
3757602	17	LGP2	rs8072215	17	GCN5L2	0.37	1.00E-09	CEU_local	0.46
3757602	17	LGP2	rs2074158	17	LGP2	0.37	4.00E-10	CEU_local	0.43
3757602	17	LGP2	rs12603327	17	RAB5C	0.37	4.00E-10	CEU_local	0.38
3757602	17	LGP2	rs7214921	17	RAB5C	0.37	6.00E-10	CEU_local	0.38
3757602	17	LGP2	rs2240009	17	RAB5C	0.38	6.00E-10	CEU_local	0.37
3757602	17	LGP2	rs11079034	17	RAB5C	0.37	4.00E-10	CEU_local	0.37
3757602	17	LGP2	rs7224737	17	RAB5C	0.37	7.00E-10	CEU_local	0.37
3757602	17	LGP2	rs739637	17	RAB5C	0.37	7.00E-10	CEU_local	0.37
3757602	17	LGP2	rs8070446	17	RAB5C	0.37	4.00E-10	CEU_local	0.37
3757602	17	LGP2	rs8074708	17	RAB5C	0.37	4.00E-10	CEU_local	0.37
3757602	17	LGP2	rs9903204	17	RAB5C	0.37	4.00E-10	CEU_local	0.37
3757602	17	LGP2	rs12603330	17	RAB5C	0.35	1.00E-08	CEU_local	0.36
3757602	17	LGP2	rs9915255	17	RAB5C	0.37	4.00E-10	CEU_local	0.32
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs499195	1	ZYG11A	0.37	5.00E-10	CEU_local	0.29
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs512723	1	ZYG11A	0.37	5.00E-10	CEU_local	0.29
3726569	17	SPATA20	rs8076470	17	SPATA20	0.54	6.00E-15	CEU_local	0.28
2946215	6	HIST1H3B	rs1165176	6	SLC17A1	0.32	2.00E-08	CEU_local	0.27
2946215	6	HIST1H3B	rs1165178	6	SLC17A1	0.32	2.00E-08	CEU_local	0.27
2946215	6	HIST1H3B	rs1165182	6		0.32	2.00E-08	CEU_local	0.27
2946215	6	HIST1H3B	rs1185568	6		0.32	2.00E-08	CEU_local	0.27
2946215	6	HIST1H3B	rs3799352	6	SLC17A1	0.32	2.00E-08	CEU_local	0.27
2946215	6	HIST1H3B	rs1165160	6	SLC17A3	0.34	1.00E-08	CEU_local	0.27
3757602	17	LGP2	rs1122326	17	HSPB9	0.37	4.00E-10	CEU_local	0.27
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs10888759	1	SCP2	0.37	5.00E-10	CEU_local	0.27

AJHG, Volume 82

2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs1242330	1	SCP2	0.37	5.00E-10	CEU_local	0.27
2946215	6	HIST1H3B	rs1165207	6	SLC17A3	0.32	2.00E-08	CEU_local	0.27
2946215	6	HIST1H3B	rs1184804	6	SLC17A3	0.34	2.00E-08	CEU_local	0.27
2946215	6	HIST1H3B	rs942379	6	SLC17A3	0.32	2.00E-08	CEU_local	0.27
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs1242317	1	SCP2	0.37	5.00E-10	CEU_local	0.26
2946215	6	HIST1H3B	rs3757131	6	SLC17A1	0.33	2.00E-08	CEU_local	0.25
2946215	6	HIST1H3B	rs1165196	6	SLC17A1	0.32	2.00E-08	CEU_local	0.25
2946215	6	HIST1H3B	rs2762353	6	SLC17A1	0.35	6.00E-09	CEU_local	0.23
2576554	2	LOC646836	rs7424438	2	TUBA4A /// TUBA3D	0.47	1.00E-12	CEU_local	0.21
2576554	2	LOC646836	rs6724844	2		0.56	3.00E-16	CEU_local	0.21
2576554	2	LOC646836	rs7583920	2	TUBA4A /// TUBA3D	0.56	3.00E-16	CEU_local	0.21
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs11585570	1	SCP2	0.47	4.00E-13	CEU_local	0.20
2576554	2	LOC646836	rs6731616	2	TUBA4A /// TUBA3D	0.56	3.00E-16	CEU_local	0.20
2576554	2	LOC646836	rs6430826	2		0.52	2.00E-14	CEU_local	0.20
2576554	2	LOC646836	rs16856655	2	TUBA4A /// TUBA3D	0.56	3.00E-16	CEU_local	0.20
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs6588446	1	SCP2	0.37	5.00E-10	CEU_local	0.19
2946215	6	HIST1H3B	rs198834	6		0.43	1.00E-11	CEU_local	0.19
3726569	17	SPATA20	rs8076632	17	SPATA20	0.60	2.00E-18	CEU_local	0.19
2946215	6	HIST1H3B	rs10425	6	HIST1H1C	0.50	2.00E-13	CEU_local	0.19
3726569	17	SPATA20	rs6504675	17		0.54	6.00E-15	CEU_local	0.18
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs1241980	1	ZYG11B	0.35	2.00E-09	CEU_local	0.18
2576554	2	LOC646836	rs16848770	2	LOC646836	0.49	2.00E-13	CEU_local	0.18
2946215	6	HIST1H3B	rs807214	6		0.51	4.00E-14	CEU_local	0.18
2946215	6	HIST1H3B	rs1540275	6		0.60	6.00E-18	CEU_local	0.17
2946215	6	HIST1H3B	rs2213284	6	HIST1H3B /// HIST1H2AB	0.60	6.00E-18	CEU_local	0.17

AJHG, Volume 82

2946215	6	HIST1H3B	rs2230655	6	HIST1H2AB	0.60	5.00E-18	CEU_local	0.17
3726569	17	SPATA20	rs989128	17	CACNA1G	0.57	1.00E-16	CEU_local	0.17
2946215	6	HIST1H3B	rs9467664	6	HIST1H4A	0.59	2.00E-17	CEU_local	0.17
2946215	6	HIST1H3B	rs1540276	6		0.60	5.00E-18	CEU_local	0.16
2946215	6	HIST1H3B	rs12346	6	HFE	0.53	1.00E-14	CEU_local	0.16
2946215	6	HIST1H3B	rs199750	6	HIST1H1A	0.58	3.00E-17	CEU_local	0.16
2946215	6	HIST1H3B	rs199751	6	HIST1H1A	0.58	3.00E-17	CEU_local	0.16
2946215	6	HIST1H3B	rs4401650	6		0.60	2.00E-17	CEU_local	0.16
2946215	6	HIST1H3B	rs807212	6		0.60	6.00E-18	CEU_local	0.16
2946215	6	HIST1H3B	rs115810	6	TRIM38	0.57	1.00E-16	CEU_local	0.16
2946215	6	HIST1H3B	rs198820	6	HIST1H2BC	0.43	2.00E-11	CEU_local	0.16
					///				
					HIST1H2AC				
2946215	6	HIST1H3B	rs199752	6		0.59	3.00E-17	CEU_local	0.15
2946215	6	HIST1H3B	rs199753	6		0.56	7.00E-16	CEU_local	0.15
2336585	1	LOC653511 ///	rs11206043	1	SCP2	0.43	8.00E-12	CEU_local	0.15
		SCP2							
2336585	1	LOC653511 ///	rs1672913	1	SCP2	0.43	7.00E-12	CEU_local	0.15
		SCP2							
2336585	1	LOC653511 ///	rs7552139	1	ECHDC2	0.37	5.00E-10	CEU_local	0.15
		SCP2							
2336585	1	LOC653511 ///	rs1775540	1	SCP2	0.46	2.00E-12	CEU_local	0.14
		SCP2							
2946215	6	HIST1H3B	rs199739	6		0.53	1.00E-14	CEU_local	0.14
2946215	6	HIST1H3B	rs199737	6		0.53	2.00E-15	CEU_local	0.14
2946215	6	HIST1H3B	rs198845	6	HIST1H1T	0.42	3.00E-11	CEU_local	0.13
2946215	6	HIST1H3B	rs198848	6	HIST1H1T	0.43	1.00E-11	CEU_local	0.11
2336585	1	LOC653511 ///	rs511599	1	ECHDC2	0.43	7.00E-12	CEU_local	0.11
		SCP2							
2336585	1	LOC653511 ///	rs576891	1	ECHDC2	0.43	7.00E-12	CEU_local	0.11
		SCP2							
2946215	6	HIST1H3B	rs198815	6		0.45	2.00E-10	CEU_local	0.10
2576554	2	LOC646836	rs7591223	2		0.48	1.00E-12	CEU_local	0.10
2336585	1	LOC653511 ///	rs480299	1	ZYG11A	0.37	7.00E-10	CEU_local	0.10
		SCP2							

AJHG, Volume 82

2946215	6	HIST1H3B	rs198852	6	HIST1H4C	0.41	2.00E-10	CEU_local	0.10
2946215	6	HIST1H3B	rs198853	6	HIST1H4C	0.54	1.00E-15	CEU_local	0.09
2946215	6	HIST1H3B	rs6905614	6		0.36	2.00E-09	CEU_local	0.06
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs1535273	10		0.37	2.00E-09	CEU_local	0.05
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2295647	10		0.35	8.00E-09	CEU_local	0.05
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs7906186	10		0.34	1.00E-08	CEU_local	0.05
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs1535272	10		0.37	2.00E-09	CEU_local	0.05
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs1242198	1	ZYG11A	0.39	1.00E-10	CEU_local	0.03
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs10740945	10		0.40	9.00E-10	CEU_local	0.03
2946215	6	HIST1H3B	rs2051541	6		0.34	1.00E-08	CEU_local	0.03
2946215	6	HIST1H3B	rs7749342	6	SLC17A2	0.37	7.00E-10	CEU_local	0.03
2946215	6	HIST1H3B	rs9393676	6		0.34	1.00E-08	CEU_local	0.03
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs1321963	10		0.37	2.00E-09	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs1998160	10		0.37	2.00E-09	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs4141861	10		0.37	2.00E-09	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs9418273	10		0.37	2.00E-09	CEU_local	0.02
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs475969	1		0.35	2.00E-09	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2504128	10		0.38	6.00E-10	CEU_local	0.02
2946215	6	HIST1H3B	rs199726	6		0.54	6.00E-15	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2474582	10		0.39	3.00E-10	CEU_local	0.02
2946215	6	HIST1H3B	rs9295678	6		0.33	1.00E-08	CEU_local	0.02
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs514881	1	ZYG11A	0.35	2.00E-09	CEU_local	0.02

AJHG, Volume 82

3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs766362	10	ZNF25	0.41	5.00E-10	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2472153	10	ZNF33A	0.43	1.00E-09	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs1208578	10		0.39	3.00E-10	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2472159	10	ZNF33A	0.39	3.00E-10	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs677565	10		0.39	3.00E-10	CEU_local	0.02
2946215	6	HIST1H3B	rs199736	6		0.54	1.00E-15	CEU_local	0.02
2946215	6	HIST1H3B	rs442601	6		0.54	1.00E-15	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs176831	10		0.40	3.00E-10	CEU_local	0.02
2946215	6	HIST1H3B	rs129129	6		0.61	3.00E-16	CEU_local	0.02
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs7895468	10	ZNF25	0.38	9.00E-10	CEU_local	0.01
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs567880	1	ZYG11A	0.43	9.00E-12	CEU_local	0.01
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs176832	10		0.39	3.00E-10	CEU_local	0.01
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2472170	10	LOC340947	0.39	3.00E-10	CEU_local	0.01
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs481440	1	ZYG11A	0.43	7.00E-12	CEU_local	0.01
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2504137	10		0.39	5.00E-10	CEU_local	0.01
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2224371	10		0.37	2.00E-09	CEU_local	0.01
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs4245001	10		0.37	2.00E-09	CEU_local	0.01
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs16937569	10		0.34	1.00E-08	CEU_local	0.01
2576554	2	LOC646836	rs7572535	2		0.48	4.00E-13	CEU_local	0.01
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2384732	10		0.34	8.00E-09	CEU_local	0.01

AJHG, Volume 82

3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs10508859	10		0.34	1.00E-08	CEU_local	0.01
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs10734027	10		0.34	1.00E-08	CEU_local	0.01
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs200909	10		0.39	3.00E-10	CEU_local	0.01
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs4934878	10		0.34	8.00E-09	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs200907	10		0.41	2.00E-10	CEU_local	0.00
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs551591	1		0.32	1.00E-08	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2472160	10	ZNF33A	0.34	1.00E-08	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs1740753	10		0.42	7.00E-11	CEU_local	0.00
2946215	6	HIST1H3B	rs7756117	6	HIST1H3C	0.60	2.00E-17	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs12413083	10	ZNF33A	0.34	1.00E-08	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs9340346	10		0.46	3.00E-12	CEU_local	0.00
2946215	6	HIST1H3B	rs2032447	6	HIST1H3C /// HIST1H2BB	0.60	5.00E-17	CEU_local	0.00
2946215	6	HIST1H3B	rs9358901	6		0.59	2.00E-17	CEU_local	0.00
2946215	6	HIST1H3B	rs9393672	6		0.32	2.00E-08	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs7082875	10		0.46	3.00E-12	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs10508861	10		0.37	2.00E-09	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs12243792	10		0.37	2.00E-09	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs10827807	10		0.34	1.00E-08	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2996607	10		0.46	3.00E-12	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 ///	rs10508864	10		0.36	2.00E-09	CEU_local	0.00

AJHG, Volume 82

		LOC728924							
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs289642	10		0.34	1.00E-08	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs6482048	10		0.34	1.00E-08	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs911176	10		0.34	1.00E-08	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs176890	10	ZNF37A	0.43	3.00E-11	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2804669	10		0.46	3.00E-12	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs12265979	10		0.36	2.00E-09	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2997786	10		0.39	7.00E-10	CEU_local	0.00
2336585	1	LOC653511 /// SCP2	rs7548389	1	SCP2	0.39	1.00E-10	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs1854562	10		0.43	3.00E-11	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs2754369	10		0.41	9.00E-11	CEU_local	0.00
3243262	10	HSD17B7P2 /// LOC728924	rs7088655	10		0.43	3.00E-11	CEU_local	0.00
2832081	5	ZMAT2	rs1331974	9	APBA1	0.34	2.00E-08	YRI_distant	NA
2946215	6	HIST1H3B	rs12652658	5	WDR70	0.34	2.00E-08	YRI_distant	NA
3150844	8	SNTB1	rs2397199	6		0.40	6.00E-09	YRI_distant	NA
3150844	8	SNTB1	rs2745746	6		0.32	2.00E-08	YRI_distant	NA
3150844	8	SNTB1	rs2843539	6		0.33	2.00E-08	YRI_distant	NA
3150844	8	SNTB1	rs2843541	6		0.33	9.00E-09	YRI_distant	NA
3150844	8	SNTB1	rs6911711	6		0.32	1.00E-08	YRI_distant	NA
3757602	17	LGP2	rs1216783	1		0.32	9.00E-09	YRI_distant	NA
2946215	6	HIST1H3B	rs7034728	9	C9orf106	0.34	7.00E-09	YRI_distant	0.45
2946215	6	HIST1H3B	rs12152831	5	WDR70	0.38	8.00E-10	YRI_distant	0.38
3820727	19	QTRT1	rs858524	17	FXR2	0.36	1.00E-08	YRI_distant	0.34
2757347	4	TMEM129	rs2823663	21	C21orf34	0.34	5.00E-09	YRI_distant	0.34

2757347	4	TMEM129	rs2823665	21	C21orf34	0.34	5.00E-09	YRI_distant	0.34
2757347	4	TMEM129	rs2823666	21	C21orf34	0.34	5.00E-09	YRI_distant	0.34
3766373	17	FTSJ3	rs10018879	4	FLJ31033	0.34	3.00E-09	YRI_distant	0.31
2946215	6	HIST1H3B	rs2088077	5	WDR70	0.37	8.00E-10	YRI_distant	0.31
3840058	19	PPP2R1A	rs10796820	11		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.24
3243708	10	BMS1L	rs7934469	11		0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.22
3150844	8	SNTB1	rs2745747	6		0.33	9.00E-09	YRI_distant	0.22
3597977	15	TRIP4	rs825081	12	MYBPC1	0.34	4.00E-09	YRI_distant	0.21
3597977	15	TRIP4	rs1697485	12	MYBPC1	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.21
3597977	15	TRIP4	rs1697486	12	MYBPC1	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.21
3373724	11	SSRP1	rs3950981	2		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.20
3150844	8	SNTB1	rs4299832	6		0.35	4.00E-09	YRI_distant	0.20
3774635	17	FASN	rs16946	1	ABCD3	0.33	2.00E-08	YRI_distant	0.20
3150844	8	SNTB1	rs4341007	6		0.36	1.00E-09	YRI_distant	0.19
2946215	6	HIST1H3B	rs7095198	10		0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.19
3774635	17	FASN	rs2296382	1	ABCD3	0.33	2.00E-08	YRI_distant	0.19
3528115	14	KIAA0737	rs7208703	17		0.33	6.00E-09	YRI_distant	0.18
3528115	14	KIAA0737	rs4883992	13	TBC1D4	0.32	7.00E-09	YRI_distant	0.17
3644057	16	MAPK8IP3	rs13357936	5		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.17
3764738	17	FAM33A	rs1514389	4	LNX1	0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.16
3133345	8	SLC20A2	rs10778557	12	BTBD11	0.35	1.00E-08	YRI_distant	0.16
2676009	3	TWF2	rs1196137	2	PPP1R1C	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.15
3528115	14	KIAA0737	rs2290861	17	RSAD1	0.33	6.00E-09	YRI_distant	0.15
3150844	8	SNTB1	rs2009726	6		0.33	9.00E-09	YRI_distant	0.15
3430552	12	PWP1	rs11077447	17	MAP2K6	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.14
3528115	14	KIAA0737	rs2290862	17	RSAD1	0.41	3.00E-11	YRI_distant	0.13
3138414	8	ARMC1	rs17043258	2		0.33	2.00E-08	YRI_distant	0.13
3138414	8	ARMC1	rs328516	2		0.33	1.00E-08	YRI_distant	0.12
3430552	12	PWP1	rs2365493	17	MAP2K6	0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.12
3528115	14	KIAA0737	rs2826692	21	NCAM2	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.12
3528115	14	KIAA0737	rs2826706	21	NCAM2	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.11
2676009	3	TWF2	rs10497591	2	PPP1R1C	0.33	4.00E-09	YRI_distant	0.10
2676009	3	TWF2	rs16822446	2	PPP1R1C	0.33	4.00E-09	YRI_distant	0.10

AJHG, Volume 82

2676009	3	TWF2	rs7588817	2	PPP1R1C	0.33	4.00E-09	YRI_distant	0.10
3119945	8	GRINA	rs2170824	16	LOC729847	0.34	6.00E-09	YRI_distant	0.10
2676009	3	TWF2	rs16822397	2	PPP1R1C	0.33	7.00E-09	YRI_distant	0.10
3119945	8	GRINA	rs8059443	16	LOC729847	0.35	2.00E-09	YRI_distant	0.10
3119945	8	GRINA	rs8062108	16	LOC729847	0.35	2.00E-09	YRI_distant	0.10
2696379	3	ANAPC13	rs6433829	2		0.38	3.00E-09	YRI_distant	0.09
3119945	8	GRINA	rs7187760	16	LOC729847	0.35	3.00E-09	YRI_distant	0.09
3373724	11	SSRP1	rs2337094	18		0.34	7.00E-09	YRI_distant	0.09
3131844	8	LSM1	rs16902016	5		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.08
3755862	17	IKZF3	rs791135	10	SORCS3	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.08
3755862	17	IKZF3	rs791134	10	SORCS3	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.08
3088544	8	ATP6V1B2	rs10438088	14		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.07
2924898	6	RNF146	rs2545445	8		0.34	9.00E-09	YRI_distant	0.07
2946215	6	HIST1H3B	rs17725839	16	MBTPS1	0.38	6.00E-10	YRI_distant	0.07
3528115	14	KIAA0737	rs17325351	13	TBC1D4	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.06
3597977	15	TRIP4	rs4955166	3		0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.06
3755862	17	IKZF3	rs6992174	8	ST18	0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.06
3755862	17	IKZF3	rs6992299	8	ST18	0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.06
3726569	17	SPATA20	rs7934970	11		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.06
2946215	6	HIST1H3B	rs11879090	19	BCKDHA	0.35	4.00E-09	YRI_distant	0.06
3757602	17	LGP2	rs6460843	7	THSD7A	0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.06
3840058	19	PPP2R1A	rs4863771	4	SLC7A11	0.34	5.00E-09	YRI_distant	0.05
2461891	1	B3GALNT2	rs10990879	9		0.35	2.00E-08	YRI_distant	0.05
3766373	17	FTSJ3	rs2662424	5		0.33	5.00E-09	YRI_distant	0.05
3150844	8	SNTB1	rs2240200	4	SORCS2	0.38	1.00E-08	YRI_distant	0.05
3269587	10	C10orf137 /// LOC728011	rs16941330	16		0.33	5.00E-09	YRI_distant	0.05
3528115	14	KIAA0737	rs17441683	1	CACNA1E	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.04
2830861	5	EGR1	rs16962687	15		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.04
2830861	5	EGR1	rs16962690	15		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.04
2830861	5	EGR1	rs16962694	15		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.04
2830861	5	EGR1	rs7182851	15		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.04
2830861	5	EGR1	rs8033054	15		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.04

AJHG, Volume 82

2830861	5	EGR1	rs962813	11		0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.04
3260937	10	PEO1	rs7014670	8	LOC727725	0.32	9.00E-09	YRI_distant	0.04
3840058	19	PPP2R1A	rs11100834	4	SLC7A11	0.33	6.00E-09	YRI_distant	0.04
3850278	19	TYK2	rs7759538	6	LOC729658 /// PACRG	0.34	2.00E-08	YRI_distant	0.04
2946215	6	HIST1H3B	rs7211329	17	LYK5	0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.04
3489708	13	DLEU1 /// FLJ31945 /// LOC647154	rs6669720	1	CNIH3	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.04
2946215	6	HIST1H3B	rs7171280	15		0.40	9.00E-11	YRI_distant	0.03
2946215	6	HIST1H3B	rs10165336	2	FBXO36	0.41	3.00E-10	YRI_distant	0.03
2413578	1	TMEM59	rs6969432	7	IQCE	0.33	1.00E-08	YRI_distant	0.03
3726569	17	SPATA20	rs2611512	10		0.33	6.00E-09	YRI_distant	0.03
3726569	17	SPATA20	rs2843560	10		0.33	6.00E-09	YRI_distant	0.03
2946215	6	HIST1H3B	rs10171278	2	DNER	0.36	1.00E-09	YRI_distant	0.03
2946215	6	HIST1H3B	rs11917917	3	MYRIP	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.03
3528115	14	KIAA0737	rs12346129	9	AKAP2 /// PALM2	0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.03
3528115	14	KIAA0737	rs16971572	16		0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.03
3130161	8	GSR	rs11016107	10		0.33	9.00E-09	YRI_distant	0.03
2946215	6	HIST1H3B	rs6474070	8		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.03
2676009	3	TWF2	rs12723766	1		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.02
3850278	19	TYK2	rs7046031	9		0.33	2.00E-08	YRI_distant	0.02
3557666	14	JPH4	rs1579095	9		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.02
2946215	6	HIST1H3B	rs17031697	3	CADPS	0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.02
2757347	4	TMEM129	rs12436216	14		0.33	1.00E-08	YRI_distant	0.02
3816611	19	THOP1	rs9683082	3		0.33	1.00E-08	YRI_distant	0.02
3624362	15	LEO1	rs12416292	10		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.02
2560141	2	MRPL53	rs13117343	4		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.02
2342576	1	ACADM	rs2139036	2		0.35	1.00E-09	YRI_distant	0.01
2342576	1	ACADM	rs9677637	2		0.35	1.00E-09	YRI_distant	0.01
2405893	1	C1orf212	rs17094375	14	C14orf37	0.35	2.00E-09	YRI_distant	0.01
2830861	5	EGR1	rs4770103	13		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.01
3681705	16	RRN3	rs4847370	1		0.37	5.00E-09	YRI_distant	0.00

AJHG, Volume 82

3528115	14	KIAA0737	rs11924580	3		0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.00
3528115	14	KIAA0737	rs11924138	3		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.00
2946215	6	HIST1H3B	rs17182166	2	ACVR1	0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.00
2830861	5	EGR1	rs4770102	13		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.00
3528115	14	KIAA0737	rs11916357	3		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.00
3528115	14	KIAA0737	rs918757	16		0.33	2.00E-08	YRI_distant	0.00
3150844	8	SNTB1	rs375396	5	SLC36A3	0.34	4.00E-09	YRI_distant	0.00
3675430	16	RPUSD1	rs1619436	10		0.31	2.00E-08	YRI_distant	0.00
3528115	14	KIAA0737	rs918754	16		0.34	3.00E-09	YRI_distant	0.00
3181240	9	TMOD1	rs10408112	19	RHPN2	0.33	1.00E-08	YRI_distant	0.00
2945645	6	TTRAP	rs6891095	5	IL7R	0.32	1.00E-08	YRI_distant	0.00
3850278	19	TYK2	rs10811869	9		0.34	9.00E-09	YRI_distant	0.00
3701384	16	C16orf61	rs1027531	3		0.33	1.00E-08	YRI_distant	0.00
3597977	15	TRIP4	rs1153183	12		0.35	2.00E-09	YRI_distant	0.00
3766373	17	FTSJ3	rs7305015	12		0.35	5.00E-09	YRI_distant	0.00
3850278	19	TYK2	rs10738653	9		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.00
3138414	8	ARMC1	rs1406749	2		0.34	2.00E-08	YRI_distant	0.00
3096368	8	HOOK3	rs17456562	10		0.32	2.00E-08	YRI_distant	0.00
2576554	2	LOC646836	rs9287523	2		0.48	7.00E-14	YRI_local	NA
2946215	6	HIST1H3B	rs6922788	6		0.37	1.00E-09	YRI_local	NA
2576554	2	LOC646836	rs6727153	2	LOC646836	0.52	5.00E-15	YRI_local	0.36
2576554	2	LOC646836	rs7565383	2	LOC646836	0.52	3.00E-15	YRI_local	0.36
2927722	6	HEBP2	rs6919872	6	HEBP2	0.59	9.00E-18	YRI_local	0.29
3726569	17	SPATA20	rs8076470	17	SPATA20	0.34	5.00E-09	YRI_local	0.28
2927722	6	HEBP2	rs6570232	6	HEBP2	0.58	1.00E-17	YRI_local	0.27
2927722	6	HEBP2	rs7752490	6		0.35	8.00E-09	YRI_local	0.26
2927722	6	HEBP2	rs17053774	6		0.56	7.00E-17	YRI_local	0.24
2927722	6	HEBP2	rs9484152	6		0.55	3.00E-16	YRI_local	0.22
2927722	6	HEBP2	rs9495064	6		0.55	3.00E-16	YRI_local	0.22
2576554	2	LOC646836	rs7424438	2	TUBA4A /// TUBA3D	0.63	4.00E-20	YRI_local	0.21
2927722	6	HEBP2	rs9495054	6		0.48	3.00E-12	YRI_local	0.21
2927722	6	HEBP2	rs9495065	6		0.49	5.00E-13	YRI_local	0.21

AJHG, Volume 82

2576554	2	LOC646836	rs6724844	2		0.61	5.00E-18	YRI_local	0.21
2576554	2	LOC646836	rs7583920	2	TUBA4A /// TUBA3D	0.64	6.00E-19	YRI_local	0.21
2927722	6	HEBP2	rs9495052	6		0.33	9.00E-09	YRI_local	0.20
2927722	6	HEBP2	rs9495066	6		0.47	2.00E-13	YRI_local	0.20
2576554	2	LOC646836	rs6731616	2	TUBA4A /// TUBA3D	0.61	3.00E-19	YRI_local	0.20
2576554	2	LOC646836	rs6430826	2		0.58	1.00E-17	YRI_local	0.20
2576554	2	LOC646836	rs16856655	2	TUBA4A /// TUBA3D	0.63	5.00E-20	YRI_local	0.20
2927722	6	HEBP2	rs2076272	6		0.49	4.00E-14	YRI_local	0.20
2927722	6	HEBP2	rs3756890	6	LOC645371 /// HEBP2	0.42	2.00E-11	YRI_local	0.19
2927722	6	HEBP2	rs9495063	6		0.44	2.00E-12	YRI_local	0.19
3726569	17	SPATA20	rs8076632	17	SPATA20	0.48	5.00E-14	YRI_local	0.19
2927722	6	HEBP2	rs7765991	6		0.46	3.00E-12	YRI_local	0.19
3726569	17	SPATA20	rs6504675	17		0.41	4.00E-11	YRI_local	0.18
2927722	6	HEBP2	rs9495070	6		0.38	2.00E-10	YRI_local	0.18
2576554	2	LOC646836	rs16848770	2	LOC646836	0.61	4.00E-19	YRI_local	0.18
2927722	6	HEBP2	rs9495068	6		0.38	3.00E-10	YRI_local	0.18
2927722	6	HEBP2	rs11966257	6		0.38	2.00E-10	YRI_local	0.17
2927722	6	HEBP2	rs2076273	6		0.37	1.00E-09	YRI_local	0.17
2927722	6	HEBP2	rs6918995	6		0.38	2.00E-10	YRI_local	0.17
3726569	17	SPATA20	rs989128	17	CACNA1G	0.49	2.00E-14	YRI_local	0.17
2946215	6	HIST1H3B	rs198820	6	HIST1H2BC /// HIST1H2AC	0.35	3.00E-09	YRI_local	0.16
2676009	3	TWF2	rs4082828	3		0.31	2.00E-08	YRI_local	0.13
2676009	3	TWF2	rs11715391	3	PPM1M	0.33	5.00E-09	YRI_local	0.12
2946215	6	HIST1H3B	rs537581	6		0.36	2.00E-09	YRI_local	0.11
3726569	17	SPATA20	rs1122634	17		0.40	4.00E-11	YRI_local	0.10
3726569	17	SPATA20	rs2306002	17	EPN3	0.38	1.00E-10	YRI_local	0.10
2946215	6	HIST1H3B	rs531750	6	SLC17A3	0.36	2.00E-09	YRI_local	0.09
3726569	17	SPATA20	rs3785915	17	EPN3	0.32	9.00E-09	YRI_local	0.06

2676009	3	TWF2	rs11717018	3	TMEM113	0.35	1.00E-09	YRI_local	0.06
2676009	3	TWF2	rs1769	3	TMEM113	0.34	4.00E-09	YRI_local	0.05
2676009	3	TWF2	rs352143	3	TWF2	0.33	6.00E-09	YRI_local	0.03

^a SNP position information was from dbSNP version 126

^b r^2 and p values were calculated by the QTDT software (see Methods).

^c F_{st} was calculated for each SNP of interest using allele frequencies estimated from the unrelated individuals for each population used.