

Supporting information

Stat et al. 10.1073/pnas.0801328105

Table S1. Corrected maximum-likelihood pairwise genetic distances between *Symbiodinium* clades and other dinoflagellates

	Clade A	Clade B	Clade C	Clade D	Clade E	<i>G. beii</i>	<i>G. simplex</i>	<i>P. glacialis</i>	<i>T. heimii</i>
Clade A	0.026								
Clade B	0.115	0.012							
Clade C	0.115	0.057	0.051						
Clade D	0.099	0.047	0.061	0.023					
Clade E	0.107	0.102	0.115	0.100	0.009				
<i>G. beii</i>	0.061	0.071	0.068	0.072	0.091				
<i>G. simplex</i>	0.064	0.071	0.072	0.067	0.088	0.030			
<i>P. glacialis</i>	0.081	0.090	0.093	0.089	0.105	0.034	0.043		
<i>T. heimii</i>	0.153	0.137	0.140	0.124	0.157	0.105	0.091	0.093	
<i>C. halii</i>	0.163	0.142	0.145	0.129	0.154	0.098	0.097	0.096	0.036