

Supplemental Material

Table S1

Restriction Enzyme	Dimer digestion rate (fraction cut per min.)	±	Monomer digestion rate (fraction cut per min.)	±	Kequ	±	Ave Kequ	±
Pst I	0.02	0.001	0.059	0.009	0.3	0.1		
Pst I	0.0069	0.0008	0.031	0.006	0.2	0.1	0.3	0.08
Hind III	0.0019	0.0002	0.0038	0.0001	0.5	0.1		
Hind III	0.0010	0.0004	0.009	0.001	0.1	0.05		
Hind III	0.0006	0.0002	0.0088	0.0007	0.07	0.0	0.2	0.2
HaeIII	0.0046	0.0001	0.0009	0.0001	5.1	0.6		
HaeIII	0.0083	0.0004	0.0007	0.0002	12	3		
HaeIII	0.0062	0.0005	0.0009	0.0002	6.7	1.6	8.0	3.5
Bam HI	0.0002	0.0001	0.0001	0.00002	2.0	1.		
Bam HI	0.00005	0.00002	0.0001	0.00004	0.5	0.3		
Bam HI	0.00011	0.00003	0.00007	0.00003	1.6	0.8	1.4	0.8
Dra I	0.00007	0.00003	0.00010	0.00004	0.7	0.4		
Dra I	0.00008	0.00002	0.00016	0.00006	0.5	0.2	0.6	0.1
Sty I	0.00014	0.00005	0.00006	0.00003	2.3	1.4		
Sty I	0.00008	0.00002	0.00010	0.00003	0.8	0.3	2	1
Pml I	0.0004	0.0001	0.0007	0.0002	0.6	0.2		
Pml I	0.00046	0.00007	0.0010	0.0002	0.5	0.1	0.5	0.08

Table S2

Restriction Enzyme	17mer digestion rate (fraction cut per min.)	±	Monomer digestion rate (fraction cut per min.)	±	Kequ	±	Ave Kequ	±
PstI	0.02200	0.0060	0.08100	0.01000	0.27	0.1		
PstI	0.01200	0.0020	0.03600	0.00300	0.33	0.1	0.3	0.04
Hind III	0.00170	0.0004	0.00580	0.00050	0.29	0.1		
Hind III	0.00160	0.0005	0.00620	0.00050	0.26	0.1	0.3	0.02
Hae III	0.00340	0.0003	0.00068	0.00020	5.0	1.5		
Hae III	0.00240	0.0007	0.00084	0.00020	2.9	1.1		
Hae III	0.00180	0.0003	0.00120	0.00030	1.5	0.5	3.1	1.8
Bam HI	0.00230	0.0005	0.00063	0.00010	3.7	1.0		
Bam HI	0.00240	0.0004	0.00100	0.00030	2.4	0.8	3.0	0.9
Dra I	0.00054	0.0003	0.00013	0.00004	4.2	2.6		
Dra I	0.00100	0.0005	0.00011	0.00005	9.1	6.1	6.6	3.5
Sty I	0.00100	0.0006	0.00010	0.00005	10.00	8		
Sty I	0.00220	0.0003	0.00053	0.00010	4	1		
Sty I	0.00110	0.0005	0.00012	0.00010	9	8	7.8	3.2
Pml I	0.00240	0.0004	0.00290	0.00070	0.8	0.2		
Pml I	0.00070	0.0003	0.00160	0.00030	0.4	0.2	0.6	0.3

Table S3

Restriction Enzyme	Dimer digestion rate (fraction cut per min.)	±	DNA digestion rate (fraction cut per min.)	±	Kequ	±	Aver Kequ	±
Rsr II	0.083	0.01	0.021	0.001	4.0	0.5		
Rsr II	0.15	0.02	0.051	0.004	2.9	0.5	3.5	0.7
Sac I	0.038	0.001	0.083	0.01	0.46	0.06		
Sac I	0.045	0.002	0.058	0.001	0.78	0.04	0.6	0.2
Nsi I	0.0077	0.0002	0.18	0.01	0.04	0.003		
Nsi I	0.016	0.001	0.20	0.01	0.08	0.006	0.06	0.03

Table S4

Restriction Enzyme	17mer digestion rate (fraction cut per min.)	±	DNA digestion rate (fraction cut per min.)	±	Kequ	±	Ave Kequ	±
Rsr II	0.019	0.0007	0.0034	0.0002	5.6	0.4		
Rsr II	0.029	0.003	0.066	0.007	0.43	0.07		
Rsr II	0.0075	0.0005	0.0039	0.0002	1.9	0.2		
Rsr II	0.09	0.02	0.012	0.0003	7.5	2		
Rsr II	0.044	0.003	0.009	0.001	4.9	0.6	4	3
Sac I	0.001	0.0001	0.03	0.005	0.033	0.006		
Sac I	0.005	0.002	0.44	0.01	0.011	0.005		
Sac I	0.01	0.001	0.6	0.02	0.017	0.002	0.020	0.01
Nsi I	0.023	0.002	0.94	0.05	0.024	0.002		
Nsi I	0.015	0.001	0.67	0.04	0.022	0.002		
Nsi I	0.015	0.001	0.49	0.01	0.031	0.002	0.026	0.004