

Table S3. Primers used for PCR amplification in mutation scanning by direct sequencing and DHPLC.

Direct sequencing approach		
Locus Name	F-primer	R-primer
339-1461	GGTTAGGAGCTTGAATAGG	CGCGGTTATTGATTAAGTGGC
1005-1930	GGAGGACTACCCCATTTTTAGG	GTCCTAGAATTGAAGAAATTCC
1852-2827	CGGAGCTGGAACAGGATGAACTG	GTTGATCCAATAGTAGACAC
2783-3647	GGATTAGCTGGAATACCTCG	CCATAAAATAAACCTGGTGC
3593-4528	GAACAGTTCCCGCTTTAGGAG	GCAGTTAATCGGACAGCTAATGTCCC
4463-5442	GCTCACTTAGTCCCTCAAGG	CATGCAGCTGCTTCAAATCC
5314-6195	GCTCCATTTACTATTGCGGACTC	CATTAACAGTGATACGCCTC
6143-6969	GAAGCGATTGATTGCAGTTAGTTTCG	CTGGGGATTTAAATTGTGG
6946-7674	AGTATAATTCAACTTTCATC	TACAAAATGAATTTGAAATG
8780-9672	GAGCAACAGATGAATAAGC	GAGTATGTGAGGGAGCTTTAGG
10641-11573	CCAGCTCCAATTAATATCTC	GGTTCTTCGACTGGTCGAGCTCC
11355-12329	GCTAATCCTTTAGTTACACCTGC	GCTGGTTGATCTTCTAATTC
12312-13356	GAGCTACAGCTCGTAAACCTCC	GCCGCAGTATTTTACTGTGC
13321-14251	CGTCCAACCATTTCATTCCAGC	ATGTACACATCGCCCGTCGC
14226-14787	CCAGTACATCTACTATGTTACG	CCAAATTGGTGCCAGCAGTCGCGG
DHPLC approach		
Locus Name	F-primer	R-primer
NADH2a	TGATAAAAAGGATTACCTTG	AATTTTCGTAAAGAAGTTTG
COIa	CGAGCTGAATTAGGACATCC	GAGAACCAAAAGTTTCCTTTTTTCC
COIb	TTTATGCTATATTAGCTATTG	TTCAGAATATCTATGTTTCAG
COII	ATTAATTTCTAATATGGCAG	GGTATAAATCTATGATTAGC
ATPase 6-8	GGTTTATTTTATGGTCAATG	TGTTCTTGTA AAAAATATATGG
ATPase6	TACACAACATATATTTGCTC	TTTGAAATGGATTAAATGAG
COIII	AGCTATTTTATTAGCTTCAG	AATTATAGGTAGAATTAATGC
NADH3	ATTGGATTATACCATGAATG	TTAAGA ACTTTTTTAGGGTC
NADH5a	AGTATAATTCAACTTTCATC	TACAAAATGAATTTGAAATG
NADH5b	GAAAGAAGTAAAGCTACATC	CTGCTTATACTTTATATTTATATTC
NADH4	AATTAATATTCTTCGACTTC	TTGTTGATTTTAACTTTTTTC

NADH4L bis	TGAAAATAATCATTACCATGAGTACG	TCATTAGAGGCTAAAGATGTTACG
NADH6	CAATTTTTGTATGTTACTAAC	CATAATCCAAGTAATGATCC
Cytb1	ATTTTGGATCATTACTTGGATTATG	AAAATATCATTCTGGTTGAATATGG
NADH1a	TAATTTAAGAAAATTCCGAG	TTATTTTATTTCCCTATAGCTTTAG
NADH1b	AGCATAATTAGAATTAGACG	GATTAAAAAATTAAGTTACTTTAGG
ribosome 2	AAAAATTACGCTGTTATCCCTAAAG	AGGCTGGAATGAATGGTTGG
ARegion1	CTAACTCAATTTATATTGATTTGC	CGCGGTTATACCATTAATAC
