

Table S1. Primers and the location of HCV fragments

Fragment	Regions covered	Genome location	Amplicon size (nt)	Forward Primer (5'-3')	Reverse Primer (5'-3')
F1	5'NTR-C-E1	20-1059	1040	GACTACTCCGCCATGAATCACT	ACCCAACACCGTGACGTATT
F2	E1-E2	815-1905	1091	GAGGACGGGGTTAATTATGCAA	TCGGTCGTGCCCACTACTA
F3	E2-p7	1672-2724	1053	CAACCGCTTTAACTCGTCA	GTGAGGCAATAGGTGGTCAA
F4	p7-NS2	2464-3497	1034	CCTCTCACCTGCTATCACAA	CCGTCATACTACCACTATG
F5	NS2-NS3	3263-4301	1039	GTGGAACCCATCATCTTCA	CATCGCATATGATGATGTCATAG
F6	NS3	4030-5063	1034	GTACTTGCATGCTCCAAC	GGGCGTCTATGTGTGTGA
F7	NS3-NS4B	4822-5890	1069	CACAGGTAGAGGAAGACA	CTTACCCAGGCCTATGCTG
F8	NS4B-NS5A	5615-6682	1068	CCCAAAGTGAACAATTTTG	CAGATTGTCAGTGGTCAGTC
F9	NS5A	6450-7507	1058	CCAACATCTCTGGCAATGT	GGCGGAACCTGTCTCTGA
F10	NS5A-NS5B	7229-8251	1023	CTCGTGGAAATCGTGGAGGA	GTACTGGAAGCCATAGGAAG
F11	NS5B	8010-8878	869	CCGTAAACCACATCAAGTC	AGGGGAGTGTCTAACTGTTT
F12	NS5B	8621-9481	861	GACCTAGTAGTCATCTCAGAA	GGAACAGTTAGCTATGGAGTGTAC
F13	NS5B-3'NTR	9237-9648	412	ATCTCTTCAATTGGGCGGTGAAG	CTCTCTGCAGTCATGCGGCTCACGGACCTT