

Table S6: Association of genes on chromosome 8 with systemic progression using Gene Set Enrichment Analysis (GSEA).

Location	Number of genes on panels	Enrichment score (ES)	Normalized ES	Nominal p-value	False discovery rate q-value
8p	15	-0.32	-0.85	0.65	1.00
8p23	2	0.77	1.15	0.30	0.36
8p22	3	0.59	0.99	0.53	0.55
8p21	7	-0.67	-1.43	0.10	0.27
8p12	2	-0.81	-1.22	0.21	0.51
8p11	1	0.73	0.95	0.59	0.54
8q	75	0.68	1.92	3.94E-03	2.09E-03
8q11	1	-0.51	-0.69	0.98	1.00
8q12	3	-0.38	-0.67	0.87	0.87
8q13	1	0.92	1.21	0.18	0.37
8q21	5	0.60	1.20	0.27	0.33
8q22	4	0.90	1.57	8.72E-03	4.63E-02
8q23	4	0.76	1.34	0.13	0.20
8q24	57	0.69	1.90	2.97E-03	1.80E-03
8q24.1	28	0.85	2.00	2.00E-04	9.77E-04
