



	OB-Fold	ExoVII_Large
<i>E. coli</i> K12	-----MLPQSPAIF-----TVSRNLQTVRLLLEH--MGQVWISGELSNFTQPA-SGHWYFTLKDDTAQVRCAM--FRNSNRRV	TFRPQHQQVLRANITLYEPRGDYQIIVESMQ-PAGEGLLQKQYELKAKLQAEGLFDQYKPLPSPAHCVGVITSKTGAALHDLHLVLRKRRDPSLPVVIYPAAVQGDAPGQIVRAIELANQ----
<i>T. maritima</i> MSB8	-----MKDYTY-----SVTEINEYIKDLIEGDPYLTNVSYGELISGVRPR--KGIHFSSVEENARLECVI--FGG--DNM	GIRLQEGRMALVEGSSVSYIIPHGTYRIFCSNRYLDQAGMYQIKFETTLLKRLLEEGLLS-RPKRTVPRFPRKIGLITSRDSAAQDQVIRTARERKAPIELIYVFTSVQGSAREELIKALRKANE-----YDLDLVMIIVRGGGSKEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>C. tepidum</i> TLS	-----MIKTAQ-----SVGELTRAIKNELES--FPFVRVKGELSNVKQHS-SGHVYLTLDKDESAQTPAVI--WKSVRARS	PLELRDGLVIAEGRLEVWPPAGRYQLICTALF-ETGEGQRALALERLIAMAKAGWDAERKPKIPRIPRRIGMITSPTGAVIRDMSDVFAARRFPAAELLLYPVQVQGERAVESTVRAIRYFNDPPKPEHKPDVLIIVRGGGSSEDLQAFNDEVAEAAYRSAPVYSVAHGHEADLQVADLRAPTPSAA
<i>L. acidophilus</i> NCFM	-----MAENKY-----LTVTDLNYYITQKFNKDPYLRKVFLOGELSNFRYRR-NSHQYFSLKDEKSKINVMV--FRSYFDKV	KFKPEEGMKVYVTVGVSVYGPQGSYQFYAENME-PAGLQALYEQLKQLQVLRKEGLFNPEHKKIPRFPDRIAVVTASGAVIHDIMVTANRRFPHAEIDLFPQVQGDAAESLVRAMQIAA--EGDKYDVMIIIGRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>B. parapertussis</i> 12822	-----MTIGLSVTNDVFARDIL-----TVAQLNQAVGQLLERS--IPSLWVRGEISNFTQAA-SGHWYFTLKDSRAAVRTVM--FRSRAAQV	GFVPRPGDQVEVRAVRSLYEPRGDYQLQADGMR-RAGVGNLYEAFRLRKAQDDEGLFDQYKPLPSPAHCVGVITSKTGAALHDLHLVLRKRRDPSLPVVIYPAAVQGDAPGQIVRAIELANQ----
<i>B. subtilis</i>	-----MGEAAY-----VTYSALTKYIKRKFVDPHLENLWIKGELSNVKIHT-RGHIYFTLKERRKGRMQSVM--FARQSERL	PFKPEGMKVLVRRGGSVSYEYPSGNYQYAKEMQ-PDGVGALYAYEELKLLKAGEGLFDDRYKQIPAFPATIGVVTSPGTAAVVDVITTLKRRYPLVKVIVLPAVVOGENASRSIVTRIEEANE--KEICDVLIVRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>M. tuberculosis</i> H37Rv	-----MTQNSAENPF-----FVRAVAIRVAGWIK--LGAVWVEGQLAQITMRPDAKTVMVLRDPAADMSLTVI--CSRDLVLSA	FVKLAEGVQVVVCGKPSFYTGRTFSLRLSEIR-AVGIGELLARIDRLRRLDAEGLFDPRIKRPYPYLPNMIGLITGRASAAERDVTVASARWPAARFAVRNVAVQGNVAVGQIVAEALRELDL--DPDQVIVIVRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>H. pylori</i> J99	-----MHVL-----SVSEINAQIKALLEAT--FLQVRVCGEVSNTLTHKVSCHAYFSLKDSQSVIRCVL--FKGNANRL	KFALKEQEMVVFVGGISVYAPRGDYQINCFEIE-PKEIGSLTLALEQLKELRLKGYFDEANKLPKPNFPKRVAIVTSQNSAAWADMKKIASKRWPMECLVCINTLQEGECVQSVVESIAYADSFYDTKNAFDAIVVARGGSMEDLWSEFNDEKIDALYLAKTFSMSAIGHESDFLLSDVADLRAPTPSAA
<i>M. capricolum</i>	-----MKTIL-----SVQELNESLKTFFIEPDYFKNIYKGEISNLTFNK-SGHVYFSLKDNAAINCMV--WKSNTQKL	SLNLEDGMQIICHGRLYYIPTGRVSEAKDIQ-IYIGDLQKIYEQRYKDLKQAGWFDQNLKPKPEFKNVGIITASSGAAIHDLITTHRRLPLINILYFPQVQQAQSEIDIANKIKQAND--FKIKLDVLIIVRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>E. canis</i> str. Jake	-----MIEPF-----TVSELTKIFQNFVHET--FTHIKVRGEISNLSQPK-SGHTYFTLKDDDAVINAVC--WNN--TKI	EFDLKNGLVFCGFLTTY--QSKYQLITESML-LAGIGNLKMILEQRKAKLEKEGLFNQSKKHLPLLPKIIIGVITSTTGAVINDLNRVRSRFPF-HIVISPVSVQNEAINQIINAIKLN--SDINRPDVIIVRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>T. denticola</i>	-----MAQTY-----SVYEITLQIKELLES--FGVYSIEGELSNFRPSA-AGHLYFILKDEKASTQAVM--FKGKTRSL	SFVPKDGMTVKAEGAISVYEQGSYQIIIEEMS-LAGEGNIKMLEERKKAEEGIFDSEKPKLPYFPKRJAVVITSPTGAAVVDVIVVVKRRNEKIGIVVLPVAVQGEAAAPVLRQKIADE--KNLGDLIIVRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>T. tengcongensis</i> MB4	-----MQLKAF-----SVSEVTEYIKKVMNDIILNRVVRGELSNLKYH--STAVYFTLKDEGAALKCVM--FNDYSRSL	EFTLDQDGMVIAITGRITVYKGGYLYVQVSVQ-MDGIQALYIAFNKLKELQKEGLFDLDRKKPIPKHPRKIAVVTSPGTAVIRDIITISRRRNPVDMVVPVIVQGSAADEISNLRILNK--RKDIDVIVRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>G. sulfurreducens</i> PCA	-----MDIFSEKRIL-----TVSQTLSLRVLVEEN--FEHVWVEGELSNLATPA-SGHLYFTLKDGAALRCVM--FRASSRAL	KFRPRDGMGLIVRGRVTVYDORGEYQLLVEYLE-PRGICALQAFIQLKEGLFADEHKRPIPLPKQIGVVTSTAGAAIHDLNLVIRRRYP-VNILLSPTIVQGSAADEISNLRILNK--RKDIDVIVRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>H. marismortui</i>	-----MGSGPELTQTSLETQLQALQTERIT-----YVPTNEDIGAVVESADQLAFDYVYQVSDYGVSS--NDHVHLDIVHEGSTIHCVL--FGYKRSAI	DATIEDGMQVAVKGSLSYEDGGNVSVIVEDIV-EVGEFTYQRIYEQRNQLDSDGLDPEHKQALPDFPERIGIATSATSARDMDIITSIHRYPDVDIVIQNTSVQGDAMMSIMGAISELDD--DPRVDVIVRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>M. maripaludis</i> C5	-----MLQLTLESAPSNLTIVSELNYYVKSLEEDYLLKRASIKGELSNCTLHK-SGHVYFTLKDENSSIDCVM--FKPYAKNL	NFSPTGEMGVILKGVSLYAKTGYQFYCNMSM-KDGIQDLIFKFEKLKELENEGLFSEKPKKIPKYPKNIGIITSPTGAAIHDLNVIRRRYP-VNILLSPTIVQGSAADEISNLRILNK--RKDIDVIVRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA
<i>M. burtonii</i> DSM 6242	-----MPAY-----TVTELNLLKNTLTNNPKLNQIIVQGEISNLTKHS-SGHYYFTLKDGKSQLCVS--FKSVNRNL	RFELESMMKVLVFGSDVYVYVRRGQYLYVQDIR-PDGVGELYKAYEQLKNELEQEGFLSDVHKRPIPGYPLRIGVVTSPGTAAIHDLNLVIRRRYP-VNILLSPTIVQGSAADEISNLRILNK--RKDIDVIVRGGGSLEDLWSEFNDEVARAIFTSRIPVVSVAHGHEADVTLDLQVADLRAPTPSAA

<i>E. coli</i> K12	EVVSRNQQLLRQVQSTRQRLEMA-----MDYYLANRTRRFTQIHR-----LQQHPQLRLARQQTMLERLQKRMSFALENQLKRTGQQQRILT--QRNLQNPQPKIHRAQTRIQQLLEYLRAETLRAQLSATREFRGNAVTHLEAVSPLST-----LARGYSVTTA-----TDGNVLKVKQVKGAGEMITRLEDGWIESEVKNIQPVKKSRRKVH---
<i>T. maritima</i> MSB8	EVVVPDASEIHEDLDSFFEKLITS-----LSNRFDMEERRLETLYFR-----LRMIGRRKLELNEFKIERVKELAAKRLKRLMDYFEHNRKQLDLSGRMLSESLNPLRP-----LERGFVIVK-----KDEKIVKESTDLRKGDVSLVFKDGTAKAQVIG--
<i>C. tepidum</i> TLS	ERAVPDREELLRLIDNLVNRQSIL--MEGLISGAQLQVDSIT-----SSYAFNRPVQMLGQFEERLALMEKEMKRAIAEKVRDREQQLTAAADRILAMLDINRT-----LKRGFALVT-----QDDRYVTSAKSLEADAKGLTFHDGQREARVTE-----
<i>L. acidophilus</i> NCFM	EYATPNLMDELAGIHQLQSRLFSS--MQTIIRKRDRLNRIONS-----IIMREPTRLYDQIETVDRKLRQLNSMKNLDSKQDYRLLN--QRLFAVNPDKQINQMQRFLAKRLSDNMQHYLKDKNRIFAQIVQQDDYSPLKT-----LERGFVYTTD-----RDGKTISSVKQVKNKNSLNLHFKDGQVAAKVVEVKEEKANEEK-----
<i>B. parapertussis</i> 12822	ELACVPRGDLAALRHTAERLARA--QRRRLQAAQRDRAA--AMLTSPAQLAHQQRERLNTLRHLASAWRPGQRRVARLDMLA--QRLAHRRPDT--GRAAERSAALLAQLGRAQARLAAARQARLDTLAAQRLALDPQHT-----LARGYAIVRD-----AAGAIYDTRLAARDREIAVARGRIGADVTDIGTDPDGTGDPALRRG
<i>B. subtilis</i>	EIAVPHTTDLIERTKTAEVRMTRA--MQHLGQEKGRIQTLQSS-----YAFRFPKRLYAQKEQQFDLAYQQFQAQLTALLDRKSRQLERET--YRLEALHPHEQLKQARTRYQEQTNRQLRKMNMIQMQLHSQQTVLGKLNALSPLQV-----MERYGSLAY-----KEDKLKSVSQIEEQDRLEIKLKGVLTCVLEKRGEEK-----
<i>M. tuberculosis</i> H37Rv	KKVVPDTAAEQRLIDDLRRRQAQ--LRNWNVSREQRAVAQLR-----SRPVLADPMTMVSVRAEEVHRARSTLRRNLTLMVAAETERIGHLAARLATLGAAT-----LARGYAIVQVAVQTPGEGGSEPEQLRSVHDAPEGTKLRVAVDAGALAAVSEGQTNGL--
<i>H. pylori</i> J99	EILLPSSDEWLQRLDGFNVKLRHS--FKTLLHQKKAHLEHLA-----ASLKRLSFENKHHNLAKLEKLTIALDNKTLEFLRLKKTLEKISTQSTSPFLQTKTERLNRLNENALKLAYANLKLPPGALV--SKNHQAIIEALKRGDKIELSNEKARASAEILSDVRD-----
<i>M. capricolum</i>	ELVSKDINEIKNKLKHYQTNKTL--ISNKLKLTNQLTDFNKENQIKFNNYLSNQYLELKLQLSAYNPNLVKKNKINSIDLKLDNDKHFIFESIKKIIILNQKEINNHSNINKQISDFLKKQITDFNFAISSFKGLISQKIKFEELSASLEKQVGLLNPLKP-----LENGFSIITN-----LNNKITSYQVKINEDLKVFLSDSKLVVTIKEVKINE-----
<i>E. canis</i> str. Jake	EIVLPKTKQLVELINSRFNKIKTI--LHYKINIKKDLRFLYL-----NNLMKTKHKIKVKLQLELHKSQIVELVKIMLLNKRQSNELYYKINQFNKEKI-----LEAGYAVIYD-----TNNHNSIKKIQSNDIISIELKDGIVAEIIK-----
<i>T. denticola</i>	ELAAPILNDIMYSIAVNRDLTQN--TENRIERINLMLNFK-----PDSLELFRNIIQQPLLARFDNAKEELSGMGERCKDLQRLLVNLKILEGANQGI-----LDRGYSIVRNA-----QGTGKTRISFSQVKEGAEALIQPSKGTIEAEVVKRVSS-----
<i>T. tengcongensis</i> MB4	ELVVDPDIKVVQRELFLKTKIMNL--MKAQVLSKKEFEGLK-----RALYLNPIKKNVQLKRVKLNKSLTKEMLSIFNQQKNELLVNEKLDLSPLKV-----LTRGYTIVLN-----KEGQVITSSRKVKTSEEVGILFSDGRATAVVKEVKEDGERI-----
<i>G. sulfurreducens</i> PCA	ELVVKSKEELAAARLEFLRHLVQ--GRQVLAERRGELDSL--RSLRDPMSLVGHLSQRVDDL SARLERTANSVRRHRGSLDLLT--TNLRLTNPAVLERARERVALAGRNETLRLRFLDHLREKTLVAAAARDTSLPLAT-----MARGYSIVLKL-----PERCLVTSARLAPGDRVELCLRGRGACCVSSSDT--
<i>H. marismortui</i>	N-IVPERTLEAELETLEERLNTAYTETAETTLTMDRLTRAY-----RRTVESDLSAFEALDRTYDTHVRD--ETDLANKLEQARTQYD-----QQR-----EREQVAHR--QRRRLILILVALGLLVVALLYIILLPL-----
<i>M. maripaludis</i> C5	ELTVYNEHELKSIIDNFERILKHR--IKIEIANRSYELDILY-----SKIEKNSPKSIEKQLHIDRIMTLNHEIKNRISEYELKRFESYSLLNAYNPLNV-----LNKGYSIID-----ENEKISSKNLKTENDVKITLKDGTVDAAHTLKE-----
<i>M. burtonii</i> DSM 6242	ELVVDPQEVKRHLATLSSRELE--VEHVISQKGRLEQIR-----KKLEPQHIMDMLIQDSQYLDLTKMLTSSMGKITVDKTFELKPHSSKLNVAISPLNT-----ILRGYSIAIDP-----VNDLSISSVTELGDNQDVIIVNDGIFECKIENIHSRRKYLHYEG--

Q-Rich Disordered CTD